

(19)



**Евразийское
патентное
ведомство**

(11) **047519**

(13) **B1**

(12) ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К ЕВРАЗИЙСКОМУ ПАТЕНТУ

(45) Дата публикации и выдачи патента
2024.07.31

(21) Номер заявки
202291812

(22) Дата подачи заявки
2020.12.14

(51) Int. Cl. **C12N 15/113** (2010.01)
A61K 31/713 (2006.01)
A61P 1/16 (2006.01)

(54) КОМПОЗИЦИИ, СОДЕРЖАЩИЕ ИРНК БЕЛКА 3, СОДЕРЖАЩЕГО ПАТАТИНПОДОБНЫЙ ФОСФОЛИПАЗНЫЙ ДОМЕН (PNPLA3), И СПОСОБЫ ИХ ПРИМЕНЕНИЯ

(31) 62/948,445; 63/040,602

(32) 2019.12.16; 2020.06.18

(33) US

(43) 2022.11.29

(86) PCT/US2020/064776

(87) WO 2021/126734 2021.06.24

(71)(73) Заявитель и патентовладелец:
**ЭЛНИЛЭМ ФАРМАСЬЮТИКАЛЗ,
ИНК. (US)**

(72) Изобретатель:
**Тремблэй Фредерик, Макиннич
Джеймс Д., Касторено Адам, Шлегель
Марк К., Каиттанис Чараламбос (US)**

(74) Представитель:
Медведев В.Н. (RU)

(56) WO-A2-2016130806
WO-A2-2019118638
US-A1-2017349903

H.-K. MIN ET AL.: "Metabolic profiling reveals that PNPLA3 induces widespread effects on metabolism beyond triacylglycerol remodeling in Huh-7 hepatoma cells", AMERICAN JOURNAL OF PHYSIOLOGY - GASTROINTESTINAL AND LIVER PHYSIOLOGY, vol. 307, no. 1, 24 April 2014 (2014-04-24), pages G66-G76, XP55270530, US, ISSN: 0193-1857, DOI: 10.1152/ajpgi.00335.2013, page G67, left-hand column; figure 2

KOVALIC ALEXANDER J. ET AL.: "Genetic and Epigenetic Culprits in the Pathogenesis of Nonalcoholic Fatty Liver Disease", JOURNAL OF CLINICAL AND EXPERIMENTAL HEPATOLOGY, vol. 8, no. 4, 25 April 2018 (2018-04-25), pages 390-402, XP055775939, ISSN: 0973-6883, DOI: 10.1016/j.jceh.2018.04.001, tables 1, 2
WO-A1-2017048620

(57) Изобретение относится к РНКи агентам (агентам РНК-интерференции), например агентам на основе двухцепочечной РНК (дсРНК), нацеленным на ген белка 3, содержащего пататин-подобной фосфолипазный домен (PNPLA3). Изобретение также относится к способам применения таких РНКи агентов (агентов РНК-интерференции) для ингибирования экспрессии гена PNPLA3 и к способам профилактики и лечения расстройств, ассоциированных с PNPLA3, например неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).

B1

047519

047519 B1

Родственные заявки

По этой заявке испрашивается приоритет временной заявки на патент США № 62/948445, поданной 16 декабря 2019 г., и временной заявки на патент США № 63/040602, поданной 18 июня 2020 г. Полное содержание каждой из указанных выше заявок включены в настоящее описание в качестве ссылки.

Список последовательностей

Настоящая заявка содержит Список последовательностей, представленный в электронном виде в формате ASCII, содержание которого полностью включено в настоящее описание посредством ссылки. Упомянутая копия ASCII, созданная 3 декабря, имеет название 121301-10620_SL.txt и размер 1 097 169 байт.

Предпосылки к созданию изобретения

Накопление избыточных триглицеридов в печени известно как стеатоз печени (или жировая дистрофия печени) и связано с неблагоприятными метаболическими последствиями, включая резистентность к инсулину и дислипидемию. Жировая печень часто обнаруживается у лиц, злоупотребляющих алкоголем, а также у лиц, страдающих ожирением, диабетом или гиперлипидемией. Однако даже при отсутствии чрезмерного употребления алкоголя (>10 г/сут) может развиваться неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD). NAFLD относится к широкому спектру заболеваний печени, способных прогрессировать от простого жирового гепатоза (стеатоза) до неалкогольного стеатогепатита (NASH) и цирроза (необратимое прогрессирующее рубцевание печени). Общим для всех стадий NAFLD является накопление жиров (жировая инфильтрация) в клетках печени (гепатоцитах).

Спектр NAFLD начинается и прогрессирует, начиная с самой простой стадии, называемой простой жировой дистрофией печени (стеатозом). Простая жировая дистрофия печени включает накопление жира (триглицеридов) в клетках печени без воспаления (гепатит) или рубцевания (фиброз). Следующей стадией и степенью тяжести в спектре NAFLD является NASH, включающая как накопление жира в клетках печени, так и воспаление печени. Воспалительные клетки разрушают клетки печени (гепатоцеллюлярный некроз), и NASH в конечном итоге приводит к рубцеванию печени (фиброзу), за которым следует необратимое прогрессирующее рубцевание (цирроз). Цирроз, вызванный NASH, является последней и наиболее тяжелой стадией в спектре NAFLD.

В 2008 году в рамках полногеномного ассоциативного исследования людей с помощью протонной магнитно-резонансной спектроскопии печени для оценки содержания жира в печени была выявлена значительная связь между содержанием жира в печени и геном белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3) (см., например, Romeo et al. (2008) Nat. Genet., 40(12): 1461-1465). Исследования на нокаут-ин мышах показали, что экспрессия полиморфной последовательности (rs738409, P148M) PNPLA3 вызывает NAFLD и что накопление каталитически неактивного PNPLA3 на поверхности липидных капель связано с накоплением триглицеридов в печени (Smagris et al. (2015)) Hepatology, 61:108-118). В частности, вариант P148M PNPLA3 связан со стимулированием развития фиброгенеза путем активации сигнального пути hedgehog (Hh), что приводит к активации и пролиферации звездчатых клеток печени и чрезмерному образованию и отложению внеклеточного матрикса (Chen et al. (2015) World J. Gastroenterol., 21(3):794-802).

В настоящее время лечение NAFLD направлено на снижение массы тела и лечение любых вторичных состояний, таких как резистентность к инсулину или дислипидемия. На сегодняшний день не существует апробированных фармакологических методов лечения NAFLD. Следовательно, существует потребность в терапии субъектов, страдающих NAFLD.

Сущность изобретения

Изобретение относится к композициям иРНК, которые воздействуют на расщепление РНК-транскриптов гена, кодирующего белок 3, содержащий пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), опосредованное РНК - индуцируемым комплексом сайленсинга (RISC). Белок 3, содержащий пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), может находиться внутри клетки, например, клетки субъекта, такого как человек.

В одном аспекте изобретение относится к средству на основе двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, где средство на основе дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 1, и где антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2. В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК содержит по меньшей мере одну термически дестабилизирующую модификацию нуклеотида, например абазическую модификацию; мисматч (несовпадение) с противоположным нуклеотидом в дуплексе; дестабилизирующую модификацию сахара, 2'-дезоксимодификацию, ациклический нуклеотид, разблокированную нуклеиновую кислоту (UNA) или глицериновую нуклеиновую кислоту (GNA), то есть смысловая цепь содержит по меньшей мере одну термодестабилизирующую модификацию нуклеотида.

В другом аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной рибонуклеиновой кислоте (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3), в клетке, где указанная дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, при этом антисмысловая цепь содержит область комплементарности к мРНК, кодирующей белок 3, содержащий пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3), и при этом область комплементарности содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличающиеся не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых нуклеотидных последовательностей в любой из таблиц 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной рибонуклеиновой кислоте (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3), в клетке, где указанная дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например, 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличающаяся не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из нуклеотидных последовательностей нуклеотидов 677-721; 683-721; 773-817; 1185-1295; 1185-1241; 1202-1295; 1202-1241; 1255-1295; 1738-1792; 1901-1945; 1920-1945; 2108-2208; 2108-2166; 2108-2136, 2121-2166; 2121-2208; 2169-2208; 2176-2208; или 2239-2265 нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 1, и где антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 19 смежных нуклеотидов из соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной рибонуклеиновой кислоте (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3), в клетке, где указанная дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличающаяся не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из нуклеотидных последовательностей нуклеотидов 574-596; 677-699; 683-705; 699-721; 773-795; 795-817; 1185-1207; 1192-1214; 1202-1224; 1208-1230; 1209-1231; 1210-1232; 1211-1233; 1212-1234; 1213-1233; 1214-1234; 1214-1236; 1215-1237; 1216-1238; 1219-1237; 1219-1241; 1255-1275; 1256-1276; 1257-1275; 1257-1277; 1258-1278; 1259-1279; 1260-1278; 1260-1280; 1261-1281; 1262-1282; 1263-1283; 1264-1282; 1264-1284; 1265-1285; 1267-1285; 1266-1286; 1266-1288; 1267-1285; 1267-1287; 1268-1290; 1269-1289; 1270-1290; 1271-1291; 1272-1292; 1273-1293; 1274-1294; 1275-1295; 1631-1653; 1738-1760; 1739-1761; 1740-1760; 1740-1762; 1741-1763; 1744-1766; 1746-1766; 1750-1772; 1751-1773; 1752-1774; 1753-1775; 1754-1776; 1755-1777; 1756-1778; 1757-1779; 1758-1780; 1759-1781; 1760-1782; 1761-1783; 1762-1782; 1762-1784; 1763-1785; 1764-1786; 1765-1787; 1766-1786; 1766-1788; 1767-1787; 1768-1788; 1767-1789; 1769-1789; 1770-1788; 1770-1790; 1771-1791; 1772-1792; 1815-1837; 1901-1923, 1920-1942, 1923-1945; 2112-2130; 2169-2191; 2171-2191; 2176-2198, 2177-2199, 2178-2200; 2179-2201, 2180-2202; 2181-2203; 2183-2205; 2184-2206; 2186-2208; 2239-2261; 2241-2263; 2242-2264; или 2243-2265 нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 1, а антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 19 смежных нуклеотидов из соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например, 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличающаяся не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса, выбранного из группы, состоящей из AD-517197.2; AD-517258.2; AD-516748.2; AD-516851.2; AD-519351.2; AD-519754.2; AD-519828.2; AD-520018.2; AD-520035.2; AD-520062.2; AD-520064.2; AD-520065.2; AD-520067.2; AD-75289.2; AD-520069.2; AD-520099.2; AD-67575.7; AD-520101.2; AD-67605.7; AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; и AD-1193481.1.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличающаяся не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса, выбранного из группы, состоящей из AD-519345.1, AD-519346.1, AD-519347.1, AD-67554.7, AD-519752.3, AD-1010731.1, AD-1010732.1, AD-519343.1, AD-519344.1, AD-519349.1, AD-519350.1, AD-519753.2, AD-519932.1, AD-519935.2, AD-520018.6, AD-517837.2, AD-805635.2, AD-519329.2, AD-520063.2, AD-519757.2, AD-805631.2, AD-516917.2, AD-516828.2, AD-518983.2, AD-805636.2, AD-519754.7, AD-520062.2, AD-67575.9, AD-518923.3, AD-520053.4, AD-519667.2, AD-519773.2, AD-519354.2, AD-520060.4, AD-520061.4, AD-1010733.2, AD-1010735.2; AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; и AD-1193481.1.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной рибонуклеиновой кислоте (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3), в клетке, где дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15 последовательных нуклеотидов, отличающаяся не более чем на три нуклеотида от любой из последовательностей нуклеотидов 1200-1250, 1205-1250, 11210-1250, 1200-1245, 1200-1240, 1200-1235, 1200-1237, 1205-1237, 1210-1232, 1212-1237,

1212-1234, 1250-1300, 1255-1300, 1260-1300, 1250-1295, 1250-1390, 1250-1285, 1250-1282, 1255-1282, 1260-1282, 1262-1300, 1262-1295, 1262-1390 и 1262-1282 SEQ ID NO: 1, а антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15 смежных нуклеотидов из соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидных последовательностей дуплекса, выбранной из группы, состоящей из AD-519345, AD-1193350, AD-1193365, AD-1193437 и AD-519347.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности антисмысловой цепи дуплекса AD-519351.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности антисмысловой цепи дуплекса AD-1193350.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности антисмысловой цепи дуплекса AD-1193365.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности антисмысловой цепи дуплекса AD-1193437.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличающихся не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности антисмысловой цепи дуплекса AD-519347.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК содержит по меньшей мере один модифицированный нуклеотид.

В одном варианте осуществления по существу все нуклеотиды смысловой цепи; по существу все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию; или по существу все нуклеотиды смысловой цепи и по существу все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию.

В одном варианте осуществления все нуклеотиды смысловой цепи содержат модификацию; все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию; или все нуклеотиды смысловой цепи и все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию.

В одном варианте осуществления по меньшей мере один из модифицированных нуклеотидов выбран из группы, состоящей из дезоксинуклеотида, 3'-концевого дезокситиминового (dT) нуклеотида, 2'-О-метилмодифицированного нуклеотида, 2'-фтормодифицированного нуклеотида, 2'-дезоксимодифицированного нуклеотида, заблокированного нуклеотида, разблокированного нуклеотида, конформационно-ограниченного нуклеотида, ограниченного (недоступного) этилового нуклеотида, абазического нуклеотида, 2'-аминомодифицированного нуклеотида, 2'-О-аллилмодифицированного нуклеотида, 2'-С-алкилмодифицированного нуклеотида, 2'-гидроксимодифицированного нуклеотида, 2'-метоксиэтилмодифицированного нуклеотида, 2'-О-алкилмодифицированного нуклеотида, морфолинонуклеотида, фосфорамидата, нуклеотида с неприродным основанием, тетрагидропиранимодифицированного нуклеотида, 1,5-ангидрогекситол-модифицированного нуклеотида, циклогексенилмодифицированного нуклеотида, нуклеотида, содержащего фосфоротиоатную группу, нуклеотида, содержащего метилфосфонатную группу, нуклеотида, содержащего 5'-фосфат, нуклеотида, содержащего миметик 5'-фосфата, термически дестабилизирующего нуклеотида, гликольмодифицированного нуклеотида (GNA), и 2'-О-(N-метилацетамид)модифицированного нуклеотида; и комбинации таковых.

В одном варианте модификации нуклеотидов выбирают из группы, состоящей из LNA, HNA, CeNA, 2'-метоксиэтила, 2'-О-алкила, 2'-О-аллила, 2'-С-аллила, 2'-О-аллила, 2'-фтора, 2'-дезокси, 2'-гидроксил и гликоля; и комбинаций таковых.

В одном варианте осуществления по меньшей мере один из модифицированных нуклеотидов выбран из группы, состоящей из дезоксинуклеотида, 2'-О-метилмодифицированного нуклеотида, 2'-фтормодифицированного нуклеотида, 2'-дезоксимодифицированного нуклеотида, нуклеотида, модифицированный гликолем (GNA), например, Ggn, Cgn, Tgn или Agn, и винилфосфонатного нуклеотида; и комбинаций таковых.

В другом варианте осуществления по меньшей мере одна из модификаций нуклеотидов является термически дестабилизирующей модификацией нуклеотидов.

В одном варианте осуществления термически дестабилизирующая модификация нуклеотида выбрана из группы, состоящей из абазической модификации; мисматча (несовпадения) с противоположным нуклеотидом в дуплексе; и дестабилизирующей модификации сахара, 2'-дезоксимодификации, ациклического нуклеотида, разблокированных нуклеиновых кислот (UNA) и глицириновой нуклеиновой кислоты (GNA).

В некоторых вариантах осуществления модифицированный нуклеотид содержит короткую последовательность 3'-концевых дезокситиминовых нуклеотидов (dT).

В некоторых вариантах осуществления модификации нуклеотидов представляют собой модификации 2'-О-метил, GNA и 2'-фторо.

В некоторых вариантах осуществления средство на основе дсРНК дополнительно содержит по меньшей мере одну фосфоротиоатную межнуклеотидную связь. В некоторых вариантах осуществления средство на основе дсРНК содержит 6-8 фосфоротиоатных межнуклеотидных связей. В одном варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 3'-конце одной из цепей. Необязательно цепь представляет собой антисмысловую цепь. В другом варианте осуществления цепь представляет собой смысловую цепь. В родственном варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 5'-конце одной из цепей. Необязательно цепь представляет собой антисмысловую цепь. В другом варианте осуществления цепь представляет собой смысловую цепь. В другом варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится как на 5'-, так и на 3'-конце одной из цепей. Необязательно цепь представляет собой антисмысловую цепь. В другом варианте осуществления цепь представляет собой смысловую цепь.

Двухцепочечный участок может иметь длину 19-30 пар нуклеотидов, длину 19-25 пар нуклеотидов, длину 19-23 пар нуклеотидов; 23-27 пар нуклеотидов; или 21-23 пары нуклеотидов.

В одном варианте осуществления каждая цепь независимо имеет длину не более 30 нуклеотидов.

В одном варианте осуществления смысловая цепь имеет длину в 21 нуклеотид, а антисмысловая цепь имеет длину в 23 нуклеотида.

Область комплементарности может иметь длину не менее 17 нуклеотидов; длину от 19 до 23 нуклеотидов; или длину в 19 нуклеотидов.

В одном варианте осуществления по меньшей мере одна из цепей содержит выступающий 3'-конец по меньшей мере из 1 нуклеотида. В другом варианте осуществления по меньшей мере одна из цепей содержит выступающий 3'-конец по меньшей мере из 2 нуклеотидов.

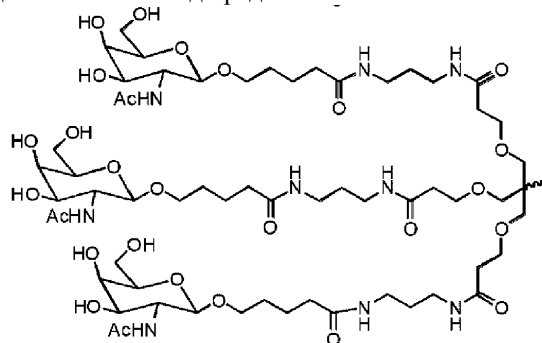
В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК дополнительно содержит лиганд.

В одном варианте осуществления лиганд конъюгирован с 3'-концом смысловой цепи средства на основе дсРНК.

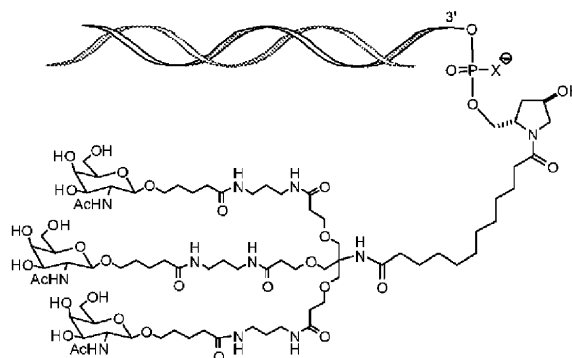
В одном варианте осуществления лиганд представляет собой производное N-ацетилгалактозамина (GalNAc).

В одном варианте осуществления лиганд представляет собой одно или более производных GalNAc, присоединенных через одновалентный, двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер.

В одном варианте осуществления лиганд представляет собой



В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК конъюгирован с лигандом, как показано на следующей схеме.



где X представляет собой O или S.

В одном варианте осуществления X представляет собой O.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК дополнительно содержит по меньшей мере одну фосфоротиоатную или метилфосфонатную межнуклеотидную связь.

В одном варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 3'-конце одной из цепей, например антисмысловой цепи или смысловой цепи.

В другом варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 5'-конце одной из цепей, например антисмысловой цепи или смысловой цепи.

В одном варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится как на 5'-, так и на 3'-конце одной из цепей. В одном варианте осуществления цепь представляет собой антисмысловую цепь.

В одном варианте осуществления пара оснований в положении 1 5'-конца антисмысловой цепи дуплекса представляет собой пару оснований AU.

Настоящее изобретение также относится к клеткам, содержащим любой из средств на основе дсРНК по изобретению и фармацевтическим композициям, содержащим любой из средств на основе дсРНК по изобретению.

Фармацевтическая композиция по изобретению может включать средство на основе дсРНК в незабуферном растворе, например, физиологическом растворе или воде, или фармацевтическая композиция по изобретению может включать средство на основе дсРНК в буферном растворе, например в буферном растворе, содержащем ацетат, цитрат, проламин, карбонат или фосфат или любую комбинацию таковых; или в фосфатно-солевом буфере (PBS).

В одном аспекте настоящее изобретение относится к способу ингибирования экспрессии гена белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке. Способ включает приведение клетки в контакт с любой из дсРНК по изобретению или с любой из фармацевтических композиций по изобретению, ингибирующих экспрессию гена PNPLA3 в клетке.

В одном варианте осуществления клетка находится внутри субъекта, например, человека, например, субъекта, страдающего расстройством, связанным с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), таким как заболевание, ассоциированное с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), и выбранное из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения или неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).

В одном варианте осуществления контакт клетки с агентом дсРНК ингибирует экспрессию PNPLA3 по меньшей мере на 50, 60, 70, 80, 90 или 95%.

В одном варианте ингибирование экспрессии PNPLA3 снижает уровень белка PNPLA3 в сыворотке субъекта по меньшей мере на 50, 60, 70, 80, 90 или 95%.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к способу лечения субъекта, страдающего расстройством, при котором было бы полезно снижение экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3). Способ включает введение субъекту терапевтически эффективного количества любой из двухцепочечных РНК (дсРНК) по изобретению или любой из фармацевтических композиций по изобретению, что тем самым способствует излечению субъекта, страдающего расстройством, для которого было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3.

В другом аспекте настоящее изобретение относится к способу предотвращения по меньшей мере одного симптома у субъекта, страдающего заболеванием, при котором было бы полезно снижение экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3). Способ включает введение субъекту профилактически эффективного количества любой из двухцепочечных РНК (дсРНК) по изобретению или любой из фармацевтических композиций по изобретению, что тем самым предотвращает по меньшей мере один симптом у субъекта, страдающего расстройством, при котором было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3.

В одном варианте осуществления расстройство представляет собой расстройство, связанное с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), например, расстройство, связанное с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), выбранное из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения или неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).

В одном варианте осуществления расстройство, связанное с PNPLA3, представляет собой NAFLD.

В одном варианте осуществления субъектом является человек.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК вводят субъекту в дозе от примерно 0,01 мг/кг до примерно 50 мг/кг.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК вводят субъекту подкожно.

В одном варианте осуществления способы по изобретению включают дополнительное определение уровня PNPLA3 в образце(ах) субъекта.

В одном варианте осуществления уровень белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3) в образце(ах) субъекта, представляет собой уровень белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3) в образце(ах) крови или сыворотки.

В некоторых вариантах осуществления способы по изобретению дополнительно включают введе-

ние субъекту дополнительного терапевтического агента. В другом варианте осуществления дополнительное терапевтическое средство выбран из группы, состоящей из ингибитора HMG-CoA-редуктазы, фибрата, секвестранта желчных кислот, ниацина, антитромбоцитарного средства, ингибитора ангиотензин-превращающего фермента, антагониста рецептора ангиотензина II, ингибитора ацил-КоА холестерин-ацетилтрансферазы (АСАТ), ингибитора абсорбции холестерина, ингибитора белка-переносчика эфира холестерина (СЕТР), ингибитора микросомального белка-переносчика триглицеридов (МТТР), модулятора холестерина, модулятора желчных кислот, агониста рецептора, активируемого пролиферацией пероксисом (PPAR), генной терапии, комплексного васкулярного протектанта, ингибитора гликопротеина IIb/IIIa, аспирина- или аспириноподобного соединения, ингибитора IBAT, ингибитора скваленсаинтазы, ингибитора моноцитарного хемоаттрактантного белка (MCP)-I или рыбьего жира.

Настоящее изобретение также относится к наборам, включающим любую из дсРНК по изобретению или любую из фармацевтических композиций по изобретению, и, необязательно, инструкции по применению.

Краткое описание чертежей

Фиг. 1 представляет собой график, показывающий уровни человеческой мРНК PNPLA3 у мышей (n=3 в группе), которым подкожно вводили разовую дозу 3 мг/кг или 10 мг/кг указанных дуплексов дсРНК на 7-й или 14-й день после введения дозы. Уровни человеческой мРНК PNPLA3 показаны относительно контрольных уровней, обнаруженных при обработке PBS.

Фиг. 2 представляет собой график, показывающий уровни человеческой мРНК PNPLA3 у мышей (n=3 в группе), которым подкожно вводили разовую дозу указанных дуплексов дсРНК на 7-й день после введения дозы, как описано в примере 3. Уровни человеческой мРНК PNPLA3 показаны относительно контрольных уровней, обнаруженных при обработке PBS.

Фиг. 3 представляет собой график, показывающий уровни человеческой мРНК PNPLA3 у мышей (n=3 в группе), которым подкожно вводили разовую дозу 10 мг/кг указанных дуплексов дсРНК на 7-й день после введения дозы. Уровни человеческой мРНК PNPLA3 показаны относительно контрольных уровней, обнаруженных при обработке PBS.

Фиг. 4 представляет собой график, показывающий уровни человеческой мРНК PNPLA3 у мышей (n=3 в группе), которым подкожно вводили одну дозу 10 мг/кг или несколько доз 10 мг/кг указанных дуплексов дсРНК на 7-й день после введения дозы, как описано в примере 3. Уровни человеческой мРНК PNPLA3 показаны относительно контрольных уровней, обнаруженных при обработке PBS.

Фиг. 5 представляет собой график, показывающий уровни человеческой мРНК PNPLA3 у мышей (n=3 в группе), которым подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг указанных дуплексов дсРНК на 7-й день после введения дозы. Уровни мРНК PNPLA3 человека показаны относительно контрольных уровней, обнаруженных при обработке PBS.

Фиг. 6 представляет собой график, показывающий уровни человеческой мРНК PNPLA3 у мышей (n=3 в группе), которым подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг указанных дуплексов дсРНК на 7-й день после введения дозы. Уровни человеческой мРНК PNPLA3 показаны относительно контрольных уровней, обнаруженных при обработке PBS.

Фиг. 7 представляет собой график, показывающий уровни человеческой мРНК PNPLA3 у мышей (n=3 в группе), которым подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг указанных дуплексов дсРНК на 7-й день после введения дозы. Уровни мРНК PNPLA3 показаны относительно контрольных уровней, обнаруженных при обработке PBS.

Подробное описание изобретения

Настоящее изобретение относится к композициям иРНК, воздействующих на расщепление РНК-транскриптов гена белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3) опосредованное РНК-индуцируемым комплексом сайленсинга (RISC). Ген может находиться внутри клетки, например, клетки субъекта, такого как человек. Использование этих иРНК обеспечивает целенаправленную деградацию мРНК соответствующего гена (гена белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3)) у млекопитающих.

иРНК по изобретению были разработаны для нацеливания на ген белка 3 человека, содержащего патин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), включая части гена, консервативные в ортологах белка 3 человека, содержащего патин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), принадлежащих другим видам млекопитающих. Без ограничения теорией считается, что комбинация или субкомбинация вышеуказанных свойств и конкретных сайтов-мишеней или специфических модификаций в этих иРНК придают иРНК по изобретению повышенную эффективность, стабильность, активность, долговечность, и безопасность.

Соответственно, настоящее изобретение относится к способам лечения и профилактики заболеваний, связанных с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3), например, таких как жировой гепатоз (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD) с использованием композиций иРНК, воздействующих на расщепление РНК-транскриптов гена PNPLA3, опосредованное РНК-индуцированным комплексом сай-

ленсинга (RISC).

иРНК по изобретению включают цепь РНК (антисмысловую цепь), имеющую участок длиной примерно до 30 нуклеотидов или меньше, например, 19-30, 19-29, 19-28, 19-27, 19-26, 19-25, 19-24, 19-23, 19-22, 19-21, 19-20, 20-30, 20-29, 20-28, 20-27, 20-26, 20-25, 20-24, 20-23, 20-22, 20-21, 21-30, 21-29, 21-28, 21-27, 21-26, 21-25, 21-24, 21-23 или 21-длиной 22 нуклеотида, причем эта область по существу комплементарна по меньшей мере части транскрипта мРНК гена PNPLA3.

В некоторых вариантах осуществления одна или обе цепи двухцепочечных RNAi агентов по изобретению имеют длину до 66 нуклеотидов, например, 36-66, 26-36, 25-36, 31-60, 22-43, 27-53 нуклеотида в длину, с областью, состоящей по меньшей мере из 19 последовательных нуклеотидов, которая по существу комплементарна по меньшей мере части транскрипта мРНК гена PNPLA3. В некоторых вариантах осуществления такие иРНК агенты, имеющие более длинные антисмысловые цепи, предпочтительно могут включать вторую цепь РНК (смысловую цепь) длиной 20-60 нуклеотидов, где смысловая и антисмысловая цепи образуют дуплекс из 18-30 смежных нуклеотидов.

Использование иРНК по изобретению делает возможным целенаправленную деградацию мРНК соответствующего гена (гена PNPLA3) у млекопитающих. Используя анализы *in vitro*, авторы настоящего изобретения продемонстрировали, что иРНК, нацеленные на ген PNPLA3, могут эффективно регулировать RNAi, что приводит к значительному ингибированию экспрессии гена PNPLA3. Таким образом, способы и композиции, включающие эти иРНК, применимы для лечения субъекта, имеющего расстройство, связанное с PNPLA3, например, жировой гепатоз (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD).

Соответственно, настоящее изобретение относится к способам и комбинированной терапии для лечения субъекта, страдающего заболеванием, при котором было бы полезно ингибировать или снижать экспрессию гена PNPLA3, например, заболеванием, ассоциированным с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипазный домен, (PNPLA3), такого как жировая дистрофия печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD) при использовании композиций иРНК, влияющих на расщепление РНК-транскриптов гена PNPLA3 опосредованное РНК-индуцированным комплексом сайленсинга (RISC).

Настоящее изобретение также относится к способам для предотвращения по меньшей мере одного симптома у субъекта, страдающего заболеванием, при котором было бы полезно ингибировать или снижать экспрессию гена PNPLA3, таким как, например, жировая дистрофия печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD). Например, у субъекта, страдающего NAFLD, способы по настоящему изобретению могут уменьшить по меньшей мере один симптом, например усталость, слабость, потерю веса, потерю аппетита, тошноту, боль в животе, появление паукообразных кровеносных сосудов, пожелтение кожи и глаз (желтуха), зуд, скопление жидкости и отек ног (отек), вздутие живота (асцит) и спутанность сознания.

Следующее подробное описание раскрывает способы получения и применения композиций, содержащих иРНК, для ингибирования экспрессии гена PNPLA3, а также сами композиции, применения таковых и способы лечения субъектов, которым было бы полезно ингибирование и/или снижение экспрессии гена PNPLA3, например, субъектов, предрасположенные к расстройству, связанному с PNPLA3, или диагностированных таким заболеванием.

I. Определения.

Для облегчения понимания настоящего изобретения вначале даются определения некоторых терминов. Кроме того, следует отметить, что всякий раз, когда указывается значение или диапазон значений параметра, подразумевается, что значения и диапазоны, промежуточные по отношению к указанным значениям, также являются частью настоящего изобретения.

Формы единственного числа используются здесь для обозначения одного или более чем одного (т.е. по меньшей мере одного) грамматического объекта. Например, "элемент" означает один элемент или более одного элемента, например множество элементов.

Термин "включая" используется здесь для обозначения фразы "включая, без ограничения таковым" и используется взаимозаменяемо с таковой.

Термин "или" используется здесь для обозначения "и/или", и используется взаимозаменяемо с термином "и/или", если контекст явно не указывает иное. Например, "смысловая цепь или антисмысловая цепь" понимается как "смысловая цепь или антисмысловая цепь или смысловая цепь и антисмысловая цепь".

Термин "примерно/приблизительно" используется здесь для обозначения допусков в пределах типичных диапазонов в данной области техники. Например, "примерно/приблизительно" можно понимать как около 2 стандартных отклонений от среднего значения. В некоторых вариантах осуществления "приблизительно" означает +10%. В некоторых вариантах осуществления "примерно" означает +5%. Когда "примерно/приблизительно" присутствует перед рядом чисел или диапазоном, подразумевается, что

"примерно/приблизительно" может модифицировать каждое из чисел в ряду или диапазоне.

Термин "по меньшей мере" перед числом или серией чисел понимается как включающий число, соседнее с термином "по меньшей мере", и все последующие числа или целые числа, которые могут быть включены логически, как понимается из контекста. Например, количество нуклеотидов в молекуле нуклеиновой кислоты должно быть целым числом. Например, "по меньшей мере 19 нуклеотидов из 21-нуклеотидной молекулы нуклеиновой кислоты" означает, что 19, 20 или 21 нуклеотид обладают указанным свойством. Когда "по меньшей мере" присутствует перед рядом чисел или диапазоном, подразумевается, что "по меньшей мере" может модифицировать каждое из чисел в ряду или диапазоне.

Используемые здесь термины "не более чем" или "менее" понимаются как значение, следующее за данной фразой, и означает логические меньшие значения или целые числа, по логике вытекающие из контекста, вплоть до нуля. Например, дуплекс с выступающим элементом "не более 2 нуклеотидов" имеет выступающий конец длиной в 2, 1 или 0 нуклеотидов. Когда "не более чем" присутствует перед рядом чисел или диапазоном, подразумевается, что "не более чем" может изменить каждое из чисел в ряду или диапазоне. Используемые здесь диапазоны включают как верхний, так и нижний предел.

Используемые здесь методы обнаружения могут включать определение того, что количество присутствующего анализируемого вещества ниже уровня обнаружения метода.

В случае конфликта между указанным сайтом-мишенью и нуклеотидной последовательностью смысловой или антисмысловой цепи указанная последовательность имеет приоритет.

В случае конфликта между последовательностью и ее указанным сайтом в транскрипте или другой последовательности приоритет имеет нуклеотидная последовательность, указанная в описании.

Используемый здесь термин "белок 3, содержащий пататин-подобный фосфолипазный домен", используемый взаимозаменяемо с термином "PNPLA3", относится к хорошо известному гену, кодирующему триацилглицероллипазу, опосредующую гидролиз триацилглицерина в адипоцитах.

Типовые нуклеотидные и аминокислотные последовательности PNPLA3 можно найти, например, в GenBank, следующим образом: номер доступа NM_025225.2 (Homo sapiens PNPLA3; SEQ ID NO: 1; комплементарная цепь: SEQ ID NO: 2); номер доступа GenBank NM_054088.3 (Mus musculus PNPLA3; SEQ ID NO: 3; комплементарная цепь: SEQ ID NO: 4); номер доступа GenBank NM_001282324.1 (Rattus norvegicus PNPLA3; SEQ ID NO: 5; комплементарная цепь: SEQ ID NO: 6); номер доступа GenBank XM_005567051.1 (Macaca fascicularis PNPLA3, SEQ ID NO: 7; комплементарная цепь: SEQ ID NO: 8); Номер доступа GenBank XM_001109144.2 (Macaca mulatta PNPLA3, SEQ ID NO: 9; комплементарная цепь: SEQ ID NO: 10); и номер доступа GenBank XM_005567052.1 (Macaca fascicularis PNPLA3, SEQ ID NO: 11; комплементарная цепь: SEQ ID NO: 12).

Дополнительные примеры последовательностей мРНК PNPLA3 легко получить в общедоступных базах данных, например, GenBank, UniProt, OMIM и на веб-сайте проекта генома Макасы.

Дополнительную информацию о PNPLA3 можно найти, например, на сайте www.ncbi.nlm.nih.gov/gene/?term=pnpla3.

Полное содержание каждого из вышеуказанных регистрационных номеров доступа GenBank и номеров базы данных Gene database включено в настоящее описание посредством ссылки на дату подачи настоящей заявки.

Используемый здесь термин PNPLA3 также относится к вариациям гена PNPLA3, включая варианты, представленные в базе данных SNP. Были идентифицированы многочисленные вариации последовательностей в гене PNPLA3, которые можно найти, например, в NCBI dbSNP и UniProt (см., например, www.ncbi.nlm.nih.gov/snp/?term=pnpla3, полное содержание которых включено в настоящее описание посредством ссылки, на дату подачи настоящей заявки).

Используемый здесь термин "последовательность-мишень" относится к непрерывной части нуклеотидной последовательности молекулы мРНК, образованной во время транскрипции гена PNPLA3, включая мРНК, которая является продуктом процессинга РНК первичного продукта транскрипции. Целевая часть последовательности должна быть, по меньшей мере, достаточно длинной, чтобы служить субстратом для направленного иРНК расщепления на той части нуклеотидной последовательности молекулы мРНК, которая образуется во время транскрипции гена PNPLA3, или рядом с таковой. В одном варианте осуществления целевая последовательность находится в кодирующей белок области PNPLA3.

Последовательность-мишень может иметь длину приблизительно 19-36 нуклеотидов, например предпочтительно приблизительно 19-30 нуклеотидов. Например, целевая последовательность может состоять приблизительно из 19-30 нуклеотидов, 19-30, 19-29, 19-28, 19-27, 19-26, 19-25, 19-24, 19-23, 19-22, 19-21, 19-20, 20-30, 20-29, 20-28, 20-27, 20-26, 20-25, 20-24, 20-23, 20-22, 20-21, 21-30, 21-29, 21-28, 21-27, 21-26, 21-25, 21-24, 21-23 или 21-22 нуклеотидов в длину. В некоторых вариантах осуществления целевая последовательность имеет длину 19-23 нуклеотида, необязательно 21-23 нуклеотида. Диапазоны и длины, промежуточные по отношению к указанным выше диапазонам и длинам, также рассматриваются как часть раскрытия.

Используемый здесь термин "цепь, содержащая последовательность" относится к олигонуклеотиду, содержащему цепь нуклеотидов, которая описывается последовательностью, на которую предоставлена ссылка, с использованием стандартной номенклатуры нуклеотидов.

"G", "C", "A", "T" и "U" обычно обозначают нуклеотид, содержащий в качестве основания гуанин, цитозин, аденин, тимидин и урацил соответственно. Однако следует понимать, что термин "рибонуклеотид" или "нуклеотид" может также относиться к модифицированному нуклеотиду, как более подробно описано ниже, или к суррогатной замещающей части (см., например, табл. 1). Специалисту в данной области техники хорошо известно, что гуанин, цитозин, аденин и урацил могут быть заменены другими фрагментами без существенного изменения свойств спаривания оснований олигонуклеотида, содержащего нуклеотид, несущий такой фрагмент замены. Например, без ограничения, нуклеотид, содержащий в качестве основания инозин, может образовывать пару оснований с нуклеотидами, содержащими аденин, цитозин или урацил. Следовательно, нуклеотиды, содержащие урацил, гуанин или аденин, могут быть заменены в нуклеотидных последовательностях двухцепочечной РНК, представленных в изобретении, нуклеотидом, содержащим, например, инозин. В другом примере аденин и цитозин в любом месте олигонуклеотида могут быть заменены гуанином и урацилом, соответственно, с формированием спаривания Wobble G-U пары оснований с мРНК-мишенью. Последовательности, содержащие такие замещающие фрагменты, подходят для композиций и способов, представленных в изобретении.

Термины "иРНК", "агент РНКи", "агент иРНК", "агент РНК-интерференции", используемые здесь взаимозаменяемо, относятся к агенту, содержащему РНК, как этот термин определен в настоящем изобретении, который опосредует направленное расщепление РНК транскрипта с помощью РНК-индуцированного комплекса сайленсинга (RISC). иРНК направляет специфичную для последовательности деградацию мРНК посредством процесса, известного как РНК-интерференция (РНКи). иРНК модулирует, например, ингибирует экспрессию гена PNPLA3 в клетке, например, в клетке субъекта, такого как субъект-млекопитающее.

В одном варианте осуществления агент РНК-интерференции по изобретению включает одноцепочечную РНК, которая взаимодействует с последовательностью РНК-мишени, например, последовательностью мРНК-мишени PNPLA3, чтобы направлять расщепление РНК-мишени. Без ограничения теорией, полагают, что длинная двухцепочечная РНК, введенная в клетки, расщепляется на siРНК эндонуклеазой типа III, известной как Dicer (Sharp et al. (2001) *Genes Dev.* 15:485). Dicer, фермент, подобный рибонуклеазе-III, процессирует dsРНК в короткие интерферирующие РНК из 19-23 пар оснований с характерными 3'-выступами из двух оснований (Bernstein, et al., (2001) *Nature* 409:363). Затем эти siРНКs включаются в РНК-индуцируемый комплекс сайленсинга (RISC), где одна или несколько геликаз раскручивают дуплекс siРНКs, позволяя комплементарной антисмысловой цепи управлять распознаванием мишени (Nykanen, et al., (2001) *Cell* 107:309). При связывании с соответствующей мРНК-мишенью одна или несколько эндонуклеаз RISC расщепляют мишень, обеспечивая сайленсинг (Elbashir, et al., (2001) *Genes Dev.* 15:188). Таким образом, в одном аспекте изобретение относится к одноцепочечной РНК (siРНК), генерируемой в клетке и способствующей образованию комплекса RISC для осуществления сайленсинга гена-мишени, т.е. гена PNPLA3. Соответственно, термин "siРНК" также используется в настоящем документе для обозначения иРНК, как описано выше.

В некоторых вариантах осуществления РНКи агент может представлять собой одноцепочечную siРНК (ssРНКи, single-stranded siRNA), которую вводят в клетку или организм для ингибирования мРНК-мишени. Агенты одноцепочечной РНКи связываются с эндонуклеазой RISC, Argonaute 2, которая затем расщепляет мРНК-мишень. Одноцепочечные siРНК обычно состоят из 15-30 нуклеотидов и являются химически модифицированными. Дизайн и тестирование одноцепочечных siРНКs описаны в патенте США № 8101348 и в Lima et al, (2012) *Cell* 150:883-894, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание посредством ссылки. Любая из антисмысловых нуклеотидных последовательностей, описанных в настоящем изобретении, может быть использована в виде одноцепочечной siРНК, как описано в настоящем изобретении, или может быть химически модифицирована способами, описанными в Lima et al, (2012) *Cell* 150:883-894.

В некоторых вариантах осуществления "иРНК" для использования в композициях, применениях и способах по изобретению представляет собой двухцепочечную РНК и упоминается в настоящем изобретении как "средство на основе двухцепочечной РНК", "молекула двухцепочечной РНК (dsРНК)", "средство на основе dsРНК" или "dsРНК". Термин "dsРНК" относится к комплексу молекул рибонуклеиновой кислоты, имеющих дуплексную структуру, состоящую из двух антипараллельных по существу комплементарных цепей нуклеиновой кислоты, имеющих "смысловую" и "антисмысловую" ориентацию по отношению к РНК-мишени, то есть гену PNPLA3. В некоторых вариантах осуществления изобретения двухцепочечная РНК (dsРНК) запускает деградацию РНК-мишени, например, мРНК, посредством механизма посттранскрипционного подавления генов, называемого в настоящем изобретении РНК-интерференцией или РНКи.

Как правило, большинство нуклеотидов каждой цепи молекулы двухцепочечной РНК представляют собой рибонуклеотиды, но, как подробно описано в настоящем изобретении, каждая или обе цепи могут также включать один или более "нерибонуклеотидов", таких как, например, дезоксирибонуклеотид или модифицированный нуклеотид. Кроме того, в рамках изобретения, "иРНК" может включать рибонуклеотиды с химическими модификациями; иРНК может включать существенные модификации нескольких нуклеотидов. Используемый здесь термин "модифицированный нуклеотид" относится к нуклеотиду,

имеющему независимо модифицированный сахарный фрагмент, модифицированную межнуклеотидную связь или модифицированное азотистое основание, или любую комбинацию таковых. Таким образом, термин "модифицированный нуклеотид" включает замены, добавления или удаления, например, функциональных групп или атомов в межнуклеозидных связях, фрагментах сахара или азотистых основаниях. Модификации, подходящие для использования в агентах по изобретению, включают все типы модификаций, раскрытые в настоящем изобретении или известных в данной области техники. Любые такие модификации, используемые в молекуле типа siРНК, охватываются термином "иРНК" или "агент РНК-интерференции" для целей настоящего описания и формулы изобретения.

В некоторых вариантах осуществления настоящего изобретения включение дезокси-нуклеотида, если он присутствует в агенте РНК-интерференции, может рассматриваться как включение модифицированного нуклеотида.

Участок дуплекса может иметь любую длину, которая обеспечивает специфическую деградацию желаемой РНК-мишени посредством пути RISC, и может иметь длину от приблизительно 19 до 36 пар оснований, например, длину приблизительно 19-30 пар оснований, например, около 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35 или 36 пар оснований, например, приблизительно 19-30, 19-29, 19-28, 19-27, 19-26, 19-25, 19-24, 19-23, 19-22, 19-21, 19-20, 20-30, 20-29, 20-28, 20-27, 20-26, 20-25, 20-24, 20-23, 20-22, 20-21, 21-30, 21-29, 21-28, 21-27, 21-26, 21-25, 21-24, 21-23 или 21-22 пары оснований. В некоторых вариантах осуществления длина дуплексной области составляет 19-21 пару оснований, например, 21 пару оснований. Диапазоны и длины, промежуточные по отношению к указанным выше диапазонам и длинам, также являются частью раскрытия.

Две цепи, образующие дуплексную структуру, могут быть разными частями одной большей молекулы РНК или отдельными молекулами РНК. Если две цепи являются частью одной большей молекулы и, следовательно, связаны непрерывной цепочкой нуклеотидов между 3'-концом одной нити и 5'-концом соответствующей другой нити, образуя дуплексную структуру, соединительная цепь РНК называется "петля-шпилька". Петля-шпилька может содержать по меньшей мере один неспаренный нуклеотид. В некоторых вариантах осуществления петля-шпилька может содержать по меньшей мере 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 20, 23 или более неспаренных нуклеотидов. В некоторых вариантах осуществления петля-шпилька может состоять из 10 или менее нуклеотидов. В некоторых вариантах петля-шпилька может состоять из 8 или менее неспаренных нуклеотидов. В некоторых вариантах осуществления петля-шпилька может состоять из 4-10 неспаренных нуклеотидов. В некоторых вариантах осуществления петля-шпилька может состоять из 4-8 нуклеотидов.

Когда две по существу комплементарные нити dsРНК состоят из отдельных молекул РНК, эти молекулы не обязательно должны быть ковалентно связаны, но могут быть ковалентно связаны. Если две цепи соединены ковалентно другими способами, кроме непрерывной цепи нуклеотидов между 3'-концом одной цепи и 5'-концом соответствующей другой цепи, образующей дуплексную структуру, такую соединительную структуру называют "линкер". Цепи РНК могут иметь одинаковое или разное количество нуклеотидов. Максимальное количество пар оснований равно количеству нуклеотидов в самой короткой цепи dsРНК за вычетом любых выступов, присутствующих в дуплексе. В дополнение к дуплексной структуре РНКи может содержать один или более выступающих нуклеотидов. В одном варианте осуществления агента РНК-интерференции по меньшей мере одна цепь содержит 3'-выступ по меньшей мере из 1 нуклеотида. В другом варианте осуществления по меньшей мере одна цепь содержит 3'-выступ по меньшей мере из 2 нуклеотидов, например 2, 3, 4, 5, 6, 7, 9, 10, 11, 12, 13, 14 или 15 нуклеотидов. В других вариантах осуществления по меньшей мере одна цепь агента РНК-интерференции содержит 5'-выступ по меньшей мере из 1 нуклеотида. В некоторых вариантах осуществления по меньшей мере одна цепь содержит 5'-выступ по меньшей мере из 2 нуклеотидов, например 2, 3, 4, 5, 6, 7, 9, 10, 11, 12, 13, 14 или 15 нуклеотидов. В других вариантах осуществления как 3'-, так и 5'-концы одной цепи агента РНК-интерференции содержат выступ по меньшей мере из 1 нуклеотида.

В некоторых вариантах осуществления иРНК агент по изобретению представляет собой dsРНК, каждая цепь которого содержит 19-23 нуклеотида, которые взаимодействуют с последовательностью РНК-мишени, например, гена PNPLA3, для направления расщепления РНК-мишени.

В некоторых вариантах осуществления иРНК по изобретению представляет собой dsРНК из 24-30 нуклеотидов, которая взаимодействует с последовательностью РНК-мишени, например, последовательностью mРНК-мишени PNPLA3, направляя расщепление РНК-мишени.

Используемый здесь термин "нуклеотидный выступ" относится по меньшей мере к одному неспаренному нуклеотиду, выступающему из дуплексной структуры двухцепочечной иРНК. Например, если 3'-конец одной цепи dsРНК выходит за пределы 5'-конца другой цепи или наоборот, то возникает нуклеотидный выступ (выступающий нуклеотид). dsРНК может содержать выступ по меньшей мере из одного нуклеотида; альтернативно выступающий конец может содержать по меньшей мере два нуклеотида, по меньшей мере три нуклеотида, по меньшей мере четыре нуклеотида, по меньшей мере пять нуклеотидов или более. Выступающий нуклеотид может содержать или состоять из аналога нуклеотида/нуклеозида, включая дезокси-нуклеотид/нуклеозид. Выступающий(ие) конец(цы) может находиться на смысловой цепи, антисмысловой цепи или любой комбинации таковых. Более того, нуклеотид(ы) высту-

пающего конца могут находиться на 5'-конце, 3'-конце или на обоих концах либо антисмысловой, либо смысловой цепи дсРНК.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь дсРНК имеет 1-10 нуклеотидов, например 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 или 10 нуклеотидов, выступающих на 3'-конце или 5'-конце. В одном варианте смысловая цепь дсРНК имеет 1-10 нуклеотидов, например 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 или 10 нуклеотидов, выступающих на 3'-конце или 5'-конце. В другом варианте осуществления один или более нуклеотидов на выступающем конце заменены нуклеозидтиофосфатом.

В некоторых вариантах осуществления антисмысловая цепь дсРНК имеет 1-10 нуклеотидов, например 0-3, 1-3, 2-4, 2-5, 4-10, 5-10, например 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 или 10 нуклеотидов, выступающие на 3'-конце или на 5'-конце. В одном варианте смысловая цепь дсРНК имеет 1-10 нуклеотидов, например 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 или 10 нуклеотидов, выступающих на 3'-конце или 5'-конце. В другом варианте осуществления один или более нуклеотидов на выступающем конце заменены нуклеозидтиофосфатом.

В некоторых вариантах осуществления антисмысловая цепь дсРНК имеет 1-10 нуклеотидов, например 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9 или 10 нуклеотидов, выступающих на 3'-конце или 5'-конце. В некоторых вариантах осуществления выступающий конец на смысловой или антисмысловой цепи, или на обеих, может включать удлиненные участки длиной более 10 нуклеотидов, например 1-30 нуклеотидов, 2-30 нуклеотидов, 10-30 нуклеотидов, 10-25 нуклеотидов, 10-20 нуклеотидов, или 10-15 нуклеотидов в длину. В некоторых вариантах осуществления удлиненный выступ находится на смысловой нити дуплекса. В некоторых вариантах осуществления на 3'-конце смысловой нити дуплекса присутствует удлиненный выступ. В некоторых вариантах осуществления на 5'-конце смысловой нити дуплекса присутствует удлиненный выступ. В некоторых вариантах осуществления удлиненный выступ находится на антисмысловой цепи дуплекса. В некоторых вариантах осуществления на 3'-конце антисмысловой цепи дуплекса присутствует удлиненный выступ. В некоторых вариантах осуществления на 5'-конце антисмысловой цепи дуплекса присутствует удлиненный выступ. В некоторых вариантах осуществления один или более нуклеотидов в удлиненном выступе заменены нуклеозидным тиофосфатом. В некоторых вариантах осуществления выступ включает самодополняющую часть, так что выступ способен образовывать структуру шпильки, стабильной в физиологических условиях.

Термин "тупой" или "тупой конец" означает, что на этом конце двухцепочечного РНК-агента нет неспаренных нуклеотидов, т.е. нет выступающих нуклеотидов. Двухцепочечный РНК-агент с "тупыми концами" является двухцепочечным по всей своей длине, то есть на обоих концах молекулы нет выступающих нуклеотидов. РНК-агенты по изобретению включают РНК-агенты без выступающих (липких) нуклеотидов на одном конце (т.е. агенты с одним выступающим (липким) концом и одним тупым концом) или без липких нуклеотидов на любом конце. Чаще всего такая молекула будет двухцепочечной по всей своей длине.

Термин "антисмысловая цепь" или "направляющая цепь" относится к цепи иРНК, например, дсРНК РНК, которая включает область, по существу комплементарную последовательности-мишени, например мРНК PNPLA3.

Используемый в настоящем изобретении термин "участок комплементарности" относится к участку антисмысловой цепи, который по существу комплементарен последовательности, например последовательности-мишени, например, нуклеотидной последовательности PNPLA3, как определено в настоящем изобретении. Если область комплементарности не полностью комплементарна целевой последовательности, несовпадения могут быть во внутренних или концевых областях молекулы. Как правило, наиболее допустимые несовпадения находятся в терминальных областях, например, в пределах 5, 4 или 3 нуклеотидов от 5'- или 3'-конца иРНК. В некоторых вариантах осуществления двухцепочечный РНК-агент по изобретению включает несовпадающие нуклеотиды в антисмысловой цепи. В некоторых вариантах осуществления антисмысловая цепь двухцепочечного РНК-агента по изобретению включает не более 4 несовпадений с мРНК-мишенью, например антисмысловая цепь включает 4, 3, 2, 1 или 0 несовпадений с мРНК-мишенью. В некоторых вариантах осуществления двухцепочечный РНК-агент антисмысловой цепи по изобретению включает не более 4 несовпадений со смысловой цепью, например антисмысловая цепь включает 4, 3, 2, 1 или 0 несовпадений со смысловой цепью. В некоторых вариантах осуществления двухцепочечный РНК-агент по изобретению включает несовпадение нуклеотидов в смысловой цепи. В некоторых вариантах осуществления смысловая цепь двухцепочечного РНК-агента по изобретению включает не более 4 несовпадений с антисмысловой цепью, например, смысловая цепь включает 4, 3, 2, 1 или 0 несовпадений с антисмысловой цепью. В некоторых вариантах осуществления несовпадение нуклеотидов находится, например, в пределах 5, 4, 3 нуклеотидов от 3'-конца иРНК. В другом варианте осуществления несовпадение нуклеотидов происходит, например, в 3'-концевом нуклеотиде иРНК агента. В некоторых вариантах осуществления несовпадение(я) находится не в основной области.

Таким образом, агент РНК-интерференции, описанный в настоящем изобретении, может содержать одно или более несовпадений с последовательностью-мишенью. В одном варианте осуществления агент РНК-интерференции, описанный в настоящем изобретении, содержит не более 3 несовпадений (т.е. 3, 2, 1 или 0 несовпадений). В одном варианте осуществления агент РНК-интерференции, описанный в настоящем изобретении, содержит не более 2 несовпадений. В одном варианте осуществления агент РНК-

интерференции, описанный в настоящем изобретении, содержит не более 1 несовпадения. В одном варианте осуществления агент РНК-интерференции, описанный в настоящем изобретении, содержит 0 несовпадений. В некоторых вариантах осуществления, если антисмысловая цепь агента РНКи содержит несовпадения с последовательностью-мишенью, это несовпадение может быть необязательно ограничено последними 5 нуклеотидами либо с 5'-, либо с 3'-конца области комплементарности. Например, в таких вариантах осуществления для агента РНК-интерференции из 23 нуклеотидов цепь, комплементарная области гена PNPLA3, обычно не содержит каких-либо несовпадений в пределах центральных 13 нуклеотидов. Способы, описанные в настоящем изобретении, или способы, известные в данной области, могут быть использованы для определения того, эффективен ли агент РНК-интерференции, содержащий несовпадение с последовательностью-мишенью, для ингибирования экспрессии гена PNPLA3. Рассмотрение эффективности агентов РНК-интерференции с несовпадениями в ингибировании экспрессии гена PNPLA3 важно, особенно если известно, что конкретная область комплементарности в гене PNPLA3 имеет полиморфную изменчивость последовательности в пределах популяции.

Термин "смысловая цепь" или "цепь-пассажи́р", используемый в настоящем изобретении, относится к цепи иРНК, которая включает область, которая по существу комплементарна области антисмысловой цепи, как этот термин определен в настоящем изобретении.

Используемый здесь термин "по существу все нуклеотиды модифицированы" означает, что значительное количество нуклеотидов (но не все) модифицированы, и может включать не более 5, 4, 3, 2 или 1 немодифицированного нуклеотида.

Используемый здесь термин "область расщепления" относится к области, расположенной непосредственно рядом с сайтом расщепления. Сайт расщепления представляет собой сайт мишени, по которому происходит расщепление. В некоторых вариантах осуществления область расщепления содержит три основания на каждом конце сайта расщепления и непосредственно прилежащих к таковому. В некоторых вариантах осуществления область расщепления содержит два основания на каждом конце сайта расщепления и непосредственно прилежащих к таковому. В некоторых вариантах осуществления, сайт расщепления конкретно находится в сайте, связанном с нуклеотидами 10 и 11 антисмысловой цепи, а область расщепления содержит нуклеотиды 11, 12 и 13.

Используемый здесь термин "комплементарный", если не указано иное, используемый для описания первой нуклеотидной последовательности по отношению ко второй нуклеотидной последовательности, относится к способности олигонуклеотида или полинуклеотида, включающего первую нуклеотидную последовательность, гибридизоваться и образовывать дуплексную структуру при определенных условиях с олигонуклеотидом или полинуклеотидом, включающим вторую нуклеотидную последовательность, как будет понятно специалисту в данной области техники. Такими условиями могут быть, например, строгие условия, где строгие условия могут включать: 400 mM NaCl, 40 mM PIPES pH 6,4, 1 mM EDTA, 50°C или 70°C в течение 12-16 ч с последующей промывкой (см., например, "Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Sambrook, et al. (1989) Cold Spring Harbor Laboratory Press). Могут применяться и другие условия, такие как физиологически значимые условия, которые могут наблюдаться внутри организма. Специалист в данной области сможет определить набор условий, наиболее подходящих для проверки комплементарности двух последовательностей в соответствии с конечным применением гибридизованных нуклеотидов.

Комплементарные последовательности в пределах иРНК, например, в дсРНК, как описано в настоящем изобретении, включают спаривание оснований олигонуклеотида или полинуклеотида, содержащего первую нуклеотидную последовательность, с олигонуклеотидом или полинуклеотидом, содержащим вторую нуклеотидную последовательность, по всей длине одной или обеих нуклеотидных последовательностей. Такие последовательности могут называться здесь "полностью комплементарными" по отношению друг к другу. Однако если первая последовательность упоминается здесь как "по существу комплементарная" по отношению ко второй последовательности, две последовательности могут быть полностью комплементарными, или они могут образовывать одну или более, но обычно не более 5, 4, 3 или 2 несовпадающих пар оснований при гибридизации дуплекса до 30 пар оснований, сохраняя при этом способность к гибридизации в условиях, наиболее подходящих для их конечного применения, например для ингибирования экспрессии генов с помощью сигнального пути RISC. Однако, если два олигонуклеотида предназначены для образования при гибридизации одного или более одноцепочечных выступов, такие выступы не должны рассматриваться как несовпадения в отношении определения комплементарности. Например, дсРНК, содержащая один олигонуклеотид длиной 21 нуклеотид и другой олигонуклеотид длиной 23 нуклеотида, причем более длинный олигонуклеотид содержит последовательность из 21 нуклеотида, которая полностью комплементарна более короткому олигонуклеотиду, все же может называться "полностью комплементарным" для целей, описанных здесь.

"Комплементарные" последовательности, используемые в настоящем изобретении, могут также включать или полностью образовываться из пар оснований, отличных от пар оснований Уотсона-Крика, или пар оснований, образованных из неприродных и модифицированных нуклеотидов, в той мере, в какой удовлетворяются вышеприведенные требования в отношении их способности к гибридизации. Такие пары оснований, отличные от пар Уотсона-Крика, включают, без ограничения таковыми, пары основа-

ний G:U Wobble или Hoogstein.

Термины "комплементарный", "полностью комплементарный" и "по существу комплементарный" в настоящем изобретении могут использоваться в отношении совпадения оснований между смысловой цепью и антисмысловой цепью дсРНК или между антисмысловой цепью двухцепочечного РНК-агента и целевых последовательностей, как будет понятно в контексте их использования.

Используемый в настоящем изобретении полинуклеотид, который "в значительной степени комплементарен по меньшей мере части" матричной РНК (мРНК), относится к полинуклеотиду, который в значительной степени комплементарен непрерывной части представляющей интерес мРНК (например, мРНК, кодируемая геном PNPLA3). Например, полинуклеотид комплементарен по меньшей мере части мРНК PNPLA3, если последовательность в значительной степени комплементарна непрерываемой части мРНК, кодируемой геном PNPLA3.

Соответственно, в некоторых вариантах осуществления антисмысловые полинуклеотиды, раскрытые в настоящем изобретении, полностью комплементарны целевой последовательности PNPLA3. В других вариантах осуществления антисмысловые полинуклеотиды, раскрытые в настоящем изобретении, по существу комплементарны целевой последовательности PNPLA3 и содержат непрерывную нуклеотидную последовательность, которая по меньшей мере на 80% комплементарна по всей своей длине эквивалентному участку нуклеотидной последовательности любой из SEQ ID NO: 1, 3, 5, 7, 9 или 11, или фрагменту любой из SEQ ID NO: 1, 3, 5, 7, 9 или 11, например, комплементарна на приблизительно 85%, приблизительно 90%, приблизительно 91%, приблизительно 92%, приблизительно 93%, приблизительно 94%, приблизительно 95%, приблизительно 96%, приблизительно 97%, приблизительно 98% или приблизительно 99%.

В некоторых вариантах осуществления антисмысловые полинуклеотиды, раскрытые в настоящем изобретении, по существу комплементарны фрагменту целевой последовательности PNPLA3 и содержат непрерывную нуклеотидную последовательность, которая по меньшей мере на 80% комплементарна по всей своей длине фрагменту SEQ ID NO: 1, выбранному из группы нуклеотидов 677-721; 683-721; 773-817; 1185-1295; 1185-1241; 1202-1295; 1202-1241; 1255-12 95; 1738-1792; 1901-1945; 1920-1945; 2108-2208; 2108-2166; 2108-2136, 2121-2166; 2121-2208; 2169-2208; 2176-2208; или 2239-2265 SEQ ID NO: 1, например, имеет приблизительно 85%, приблизительно 90%, приблизительно 91%, приблизительно 92%, приблизительно 93%, приблизительно 94%, приблизительно 95%, приблизительно 96%, приблизительно 97%, приблизительно 98% или около 99% комплементарности.

В некоторых вариантах осуществления антисмысловые полинуклеотиды, раскрытые в настоящем изобретении, по существу комплементарны фрагменту целевой последовательности PNPLA3 и содержат непрерывную нуклеотидную последовательность, которая по меньшей мере на 80% комплементарна по всей своей длине фрагменту SEQ ID NO: 1, выбранному из группы нуклеотидов 574-596; 677-699; 683-705; 699-721; 773-795; 795-817; 1185-1207; 1192-1214; 1202-1224; 1208-1230; 1209-1231; 1210-1232; 1211-1233; 1212-1234; 1213-1233; 1214-1234; 1214-1236; 1215-1237; 1216-1238; 1219-1237; 1219-1241; 1255-1275; 1256-1276; 1257-1275; 1257-1277; 1258-1278; 1259-1279; 1260-1278; 1260-1280; 1261-1281; 1262-1282; 1263-1283; 1264-1282; 1264-1284; 1265-1285; 1267-1285; 1266-1286; 1266-1288; 1267-1285; 1267-1287; 1268-1290; 1269-1289; 1270-1290; 1271-1291; 1272-1292; 1273-1293; 1274-1294; 1275-1295; 1631-1653; 1738-1760; 1739-1761; 1740-1760; 1740-1762; 1741-1763; 1744-1766; 1746-1766; 1750-1772; 1751-1773; 1752-1774; 1753-1775; 1754-1776; 1755-1777; 1756-1778; 1757-1779; 1758-1780; 1759-1781; 1760-1782; 1761-1783; 1762-1782; 1762-1784; 1763-1785; 1764-1786; 1765-1787; 1766-1786; 1766-1788; 1767-1787; 1768-1788; 1767-1789; 1769-1789; 1770-1788; 1770-1790; 1771-1791; 1772-1792; 1815-1837; 1901-1923, 1920-1942, 1923-1945; 2112-2130; 2169-2191; 2171-2191; 2176-2198, 2177-2199, 2178-2200; 2179-2201, 2180-2202; 2181-2203; 2183-2205; 2184-2206; 2186-2208; 2239-2261; 2241-2263; 2242-2264; или 2243-2265 SEQ ID NO: 1, например, имеет приблизительно 85%, приблизительно 90%, приблизительно 91%, приблизительно 92%, приблизительно 93%, приблизительно 94%, приблизительно 95%, приблизительно 96%, приблизительно 97%, приблизительно 98% или около 99% комплементарности.

В некоторых вариантах осуществления антисмысловые полинуклеотиды, раскрытые в настоящем изобретении, по существу комплементарны фрагменту целевой последовательности PNPLA3 и содержат непрерывную нуклеотидную последовательность, которая по меньшей мере на 80% комплементарна по всей своей длине фрагменту SEQ ID NO: 1, выбранному из группы нуклеотидов 1200-1250, 1205-1250, 11210-1250, 1200-1245, 1200-1240, 1200-1235, 1200-1237, 1205-1237, 1210-1232, 1212-1237, 1200-12034, 3 1255-1300, 1260-1300, 1250-1295, 1250-1390, 1250-1285, 1250-1282, 1255-1282, 1260-1282, 1262-1300, 1262-1295, 1262-1390-1 Q1 1262 SE ID NO: 1, например, имеет приблизительно 85%, приблизительно 90%, приблизительно 91%, приблизительно 92%, приблизительно 93%, приблизительно 94%, приблизительно 95%, приблизительно 96%, приблизительно 97%, приблизительно 98% или приблизительно 99% комплементарности.

В других вариантах осуществления антисмысловые полинуклеотиды, описанные в настоящем изобретении, по существу комплементарны целевой последовательности PNPLA3 и содержат непрерывную нуклеотидную последовательность, которая по меньшей мере приблизительно на 80% комплементарна по всей своей длине любой из нуклеотидных последовательностей смысловой цепи в любой из табл.

2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, или фрагменту любой из последовательностей нуклеотидов смысловой цепи в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, например имеет приблизительно 85%, приблизительно 90%, приблизительно 91%, приблизительно 92%, приблизительно 93%, приблизительно 94%, приблизительно 95%, приблизительно 96%, приблизительно 97%, приблизительно 98%, приблизительно 99% или 100% комплементарности.

В одном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит смысловую цепь, которая по существу комплементарна антисмысловому полинуклеотиду, который, в свою очередь, является таким же, как последовательность-мишень PNPLA3, и при этом полинуклеотид смысловой цепи содержит непрерывную нуклеотидную последовательность, которая по меньшей мере приблизительно на 80% комплементарна по всей своей длине эквивалентному участку нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2, 4, 6, 8, 10 или 12 или фрагменту любой из SEQ ID NO: 2, 4, 6, 8, 10 или 12, например, имеет приблизительно 85%, приблизительно 90%, приблизительно 91%, приблизительно 92%, приблизительно 93%, приблизительно 94%, приблизительно 95%, приблизительно 96%, приблизительно 97%, приблизительно 98%, приблизительно 99% или 100% комплементарности.

В некоторых вариантах осуществления иРНК по изобретению содержит смысловую цепь, которая по существу комплементарна антисмысловому полинуклеотиду, который, в свою очередь, комплементарен последовательности-мишени PNPLA3, и при этом полинуклеотид смысловой цепи содержит непрерывную нуклеотидную последовательность, которая по меньшей мере приблизительно на 80% комплементарна по всей своей длине любой из нуклеотидных последовательностей антисмысловой цепи, представленных в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, или фрагменту любой из нуклеотидных последовательностей антисмысловой цепи, представленных в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, например, имеет приблизительно 85%, приблизительно 90%, приблизительно 91%, около 92%, около 93%, около 94%, около 95%, около 96%, около 97%, около 98%, около 99% или 100% комплементарности.

В некоторых вариантах осуществления смысловая и антисмысловая цепи выбраны из любого из дуплексов AD-517197.2; AD-517258.2; AD-516748.2; AD-516851.2; AD-519351.2; AD-519754.2; AD-519828.2; AD-520018.2; AD-520035.2; AD-520062.2; AD-520064.2; AD-520065.2; AD-520067.2; AD-75289.2; AD-520069.2; AD-520099.2; AD-67575.7; AD-520101.2; AD-67605.7, AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; и AD-1193481.1

В некоторых вариантах осуществления смысловая и антисмысловая цепи выбраны из любого из дуплексов AD-519345.1, AD-519346.1, AD-519347.1, AD-67554.7, AD-519752.3, AD-1010731.1, AD-1010732.1, AD-519343.1, AD-519344.1, AD-519349.1, AD-519350.1, AD-519753.2, AD-519932.1, AD-519935.2, AD-520018.6, AD-517837.2, AD-805635.2, AD-519329.2, AD-520063.2, AD-519757.2, AD-805631.2, AD-516917.2, AD-516828.2, AD-518983.2, AD-805636.2, AD-519754.7, AD-520062.2, AD-67575.9, AD-518923.3, AD-520053.4, AD-519667.2, AD-519773.2, AD-519354.2, AD-520060.4, AD-520061.4, AD-1010733.2, AD-1010735.2, AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; и AD-1193481.1.

В некоторых вариантах осуществления смысловая и антисмысловая цепи выбраны из любого из дуплексов AD-519345.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193437.1; и AD-519347.1.

В некоторых вариантах осуществления смысловая и антисмысловая цепи происходят из дуплекса AD-519351.

В одном варианте смысловая и антисмысловая цепи происходят из дуплекса AD-1193350.

В одном варианте смысловая и антисмысловая цепи происходят из дуплекса AD-1193365.

В одном варианте смысловая и антисмысловая цепи происходят из дуплекса AD-1193437.

В одном варианте смысловая и антисмысловая цепи происходят из дуплекса AD-519347.

Как правило, "иРНК" включает рибонуклеотиды с химическими модификациями. Такие модификации могут включать все типы модификаций, раскрытых в настоящем изобретении или известных в данной области техники. Любые такие модификации, используемые в молекуле двухцепочечной РНК, охватываются термином "иРНК" для целей настоящего описания и формулы изобретения.

В некоторых вариантах осуществления настоящего изобретения включение дезокси-нуклеотида, если он присутствует в агенте РНК-интерференции, может рассматриваться как включение модифицированного нуклеотида.

В одном аспекте изобретения агент для применения в способах и композициях по изобретению представляет собой молекулу одноцепочечного антисмыслового олигонуклеотида, которая ингибирует мРНК-мишень посредством антисмыслового механизма ингибирования. Молекула одноцепочечного антисмыслового олигонуклеотида комплементарна последовательности мРНК-мишени. Одноцепочечные антисмысловые олигонуклеотиды могут ингибировать трансляцию стехиометрическим образом за счет спаривания оснований с мРНК и физического блокирования механизма трансляции, см. Dias, N. et al, (2002) Mol Cancer Ther 1:347-355. Молекула одноцепочечного антисмыслового олигонуклеотида может иметь длину от приблизительно 14 до приблизительно 30 нуклеотидов и иметь последовательность, ком-

плементарную целевой последовательности. Например, молекула одноцепочечного антисмыслового олигонуклеотида может содержать последовательность, которая представляет собой по меньшей мере приблизительно 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20 или более смежных нуклеотидов любой из описанных здесь антисмысловых последовательностей.

Фраза "контактирование клетки с иРНК", такой как дсРНК, используемая в настоящем изобретении, включает контактирование клетки любым возможным способом. Контактирование клетки с иРНК включает контактирование клетки *in vitro* с иРНК или контактирование клетки *in vivo* с иРНК. Контакт может осуществляться прямо или косвенно. Таким образом, например, иРНК может быть приведена в физический контакт с клеткой специалистом, осуществляющим способ, или, альтернативно, иРНК может быть использована в ситуации, позволяющей или вызывающей последующий контакт таковой с клеткой.

Контактирование клетки *in vitro* может осуществляться, например, путем инкубации клетки с иРНК. Контакт с клеткой *in vivo* может быть осуществлен, например, путем инъекции иРНК в ткань или рядом с тканью, в которой расположена клетка, или путем инъекции иРНК в другую область, например в кровоток или подкожное пространство, так что агент будет способен впоследствии достигнуть ткани, где расположена клетка-мишень. Например, иРНК может содержать лиганд или быть связанным с таковым, например, лиганд GalNAc, направляющий иРНК в представляющий интерес сайт, например, находящийся в печени. Также возможны комбинации методов контактирования *in vitro* и *in vivo*. Например, клетка также может быть приведена в контакт с иРНК *in vitro* и впоследствии трансплантирована субъекту.

В некоторых вариантах осуществления контактирование клетки с иРНК включает "введение" или "доставку иРНК в клетку" путем облегчения или осуществления захвата или поглощения клеткой. Поглощение или осуществление захвата иРНК может происходить посредством диффузии без посторонней помощи или активных клеточных процессов, или с помощью вспомогательных агентов или устройств. Введение иРНК в клетку может осуществляться *in vitro* или *in vivo*. Например, для введения *in vivo*, иРНК можно инъецировать в участок ткани или вводить системно. Введение *in vitro* в клетку включает способы, известные в данной области техники, такие как электропорация и липофекция. Дополнительные подходы описаны ниже или известны в данной области техники. Термин "липидная наночастица" или "LNP" обозначает везикулу, содержащую липидный слой, инкапсулирующий фармацевтически активную молекулу, такую как молекула нуклеиновой кислоты, например, иРНК или плазмиду, с которой транскрибируется иРНК. LNP описаны, например, в патентах США № 6858225, 6815432, 8158601 и 8058069, полное содержание которых включено в настоящее описание посредством ссылки.

Используемый здесь термин "субъект" представляет собой животное, такое как млекопитающее, включая приматов (например, человека, примата, отличного от человека, например, обезьяну и шимпанзе), непримата (например, такого как корова, свинья, лошадь, коза, кролик, овца, хомяк, морская свинка, кошка, собака, крыса или мышь) или птиц, которые экспрессируют целевой ген эндогенно или гетерологично. В одном варианте осуществления субъект представляет собой человека, например, человека, подлежащего лечению или диагностике в связи с заболеванием или расстройством, при котором было бы полезным снижение экспрессии PNPLA3; человека с риском заболевания или расстройства, для которого было бы полезным снижение экспрессии PNPLA3; человека, страдающего заболеванием или расстройством, при котором может помочь снижение экспрессии PNPLA3; или человека, которого лечили от заболевания или расстройства, при котором было бы полезным снижение экспрессии PNPLA3, как описано в настоящем изобретении. В некоторых вариантах осуществления субъектом является женщина. В других вариантах осуществления субъектом является мужчина. В одном варианте осуществления субъект является взрослым субъектом. В другом варианте осуществления субъектом является педиатрический субъект.

Используемые здесь термины "лечение" или "обработка" относятся к полезному или желаемому результату, такому как уменьшение по меньшей мере одного признака или симптома расстройства, связанного с PNPLA3, у субъекта. Лечение также включает уменьшение одного или более признаков или симптомов, связанных с нежелательной экспрессией PNPLA3; уменьшение степени нежелательной активации или стабилизации PNPLA3; улучшение или смягчение нежелательной активации или стабилизации PNPLA3. "Лечение" также может означать увеличение выживаемости по сравнению с ожидаемой выживаемостью при отсутствии лечения. Термин "более низкий" в контексте уровня PNPLA3 у субъекта или маркера или симптома заболевания относится к статистически значимому снижению уровня такового. Снижение может составлять, например, не менее 10, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95% или более. В некоторых вариантах осуществления снижение составляет по меньшей мере 20%. В некоторых вариантах осуществления снижение маркера заболевания, например уровня экспрессии белка или гена, составляет по меньшей мере 50%. "Ниже" в контексте уровня PNPLA3 у субъекта означает "предпочтительно ниже уровня, принятого в пределах нормы для индивидуума без такого нарушения". В некоторых вариантах осуществления "снижение" представляет собой уменьшение разницы между уровнем маркера или симптома у субъекта, страдающего заболеванием, и уровнем, приемлемым в диапазоне нормы для индивидуума, например, уровнем снижения массы тела у тучного индивидуума по сравнению с индивидуумом, вес которого находится в пределах нормы.

Используемый здесь термин "профилактика" или "предупреждение" применительно к заболеванию,

нарушению или состоянию, которое можно лечить или улучшить путем снижения экспрессии гена PNPLA3, относится к снижению вероятности того, что у субъекта разовьется симптом, связанный с таким заболеванием, расстройством или состоянием, например симптом нежелательной или чрезмерной экспрессии PNPLA3, такой как наличие повышенных уровней белков сигнального пути hedgehog, ожирение печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD). Вероятность развития, например, NAFLD, снижается, например, когда у человека, имеющего один или более факторов риска NAFLD, либо не развивается NAFLD, либо развивается NAFLD с меньшей степенью тяжести по сравнению с популяцией, имеющей те же факторы риска и не получающей лечения, как описано здесь. Отсутствие развития заболевания, расстройства или состояния или уменьшение развития симптома, связанного с таким заболеванием, расстройством или состоянием (например, по меньшей мере приблизительно на 10% по клинически принятой шкале для этого заболевания или расстройства), или проявление отсроченных симптомов с задержкой (например, на дни, недели, месяцы или годы) считается эффективной профилактикой.

Используемый в настоящем изобретении термин "заболевание, ассоциированное с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипидный домен" или "заболевание, ассоциированное с PNPLA3" представляет собой заболевание или нарушение, вызванное или связанное с экспрессией гена PNPLA3 или продукцией белка PNPLA3. Термин "заболевание, связанное с PNPLA3" включает заболевание, расстройство или состояние, при котором может помочь снижение экспрессии, репликации или активности белка гена PNPLA3. Неограничивающие примеры заболеваний, связанных с PNPLA3, включают, например, жировую дистрофию печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольную жировую болезнь печени (NAFLD). В другом варианте осуществления заболевание, связанное с PNPLA3, представляет собой неалкогольную жировую болезнь печени (NAFLD). В другом варианте осуществления заболевание, связанное с PNPLA3, представляет собой неалкогольный стеатогепатит (NASH). В другом варианте осуществления заболевание, связанное с PNPLA3, представляет собой цирроз печени. В другом варианте осуществления заболевание, связанное с PNPLA3, представляет собой резистентность к инсулину. В другом варианте осуществления заболевание, связанное с PNPLA3, не является резистентностью к инсулину. В одном варианте осуществления заболевание, связанное с PNPLA3, представляет собой ожирение.

В одном варианте осуществления заболевание, связанное с PNPLA3, представляет собой неалкогольную жировую болезнь печени (NAFLD). Используемый здесь термин "неалкогольная жировая болезнь печени", используемый взаимозаменяемо с термином "NAFLD", относится к заболеванию, определяемому наличием макрососудистого стеатоза при приеме внутрь менее 20 г алкоголя в день. NAFLD является наиболее распространенным заболеванием печени в Соединенных Штатах и обычно ассоциируется с резистентностью к инсулину/сахарным диабетом 2-го типа и ожирением. NAFLD проявляется стеатозом, стеатогепатитом, циррозом печени и иногда гепатоцеллюлярной карциномой. Обзор NAFLD см. в Tolman and Dalpiaz (2007) *Ther. Clin. Risk. Manage* 3(6):1153-1163, полное содержание которого включено сюда в качестве ссылки.

"Терапевтически эффективное количество", как используется в настоящем изобретении, включает количество агента РНК-интерференции, которое при введении субъекту, имеющему заболевание, связанное с PNPLA3, является достаточным для эффективного лечения заболевания (например, за счет уменьшения, улучшения, или сохранения (без прогрессирования) существующего заболевания или одного или более симптомов заболевания). "Терапевтически эффективное количество" может варьироваться в зависимости от РНКи агента, способа введения агента, заболевания и его тяжести, а также анамнеза, возраста, веса, семейного анамнеза, генетического состава, типов предшествующего или сопутствующего лечения, если таковые имеются, и других индивидуальных особенностей субъекта, подлежащего лечению.

"Профилактически эффективное количество", используемое в настоящем изобретении, включает количество агента РНК-интерференции, которое при введении субъекту, имеющему расстройство, связанное с PNPLA3, является достаточным для предотвращения или облегчения заболевания или одного или более симптомов заболевания. Облегчение заболевания включает замедление течения заболевания или уменьшение тяжести развивающегося позднее заболевания. "Профилактически эффективное количество" может варьироваться в зависимости от агента РНК-интерференции, способа введения агента, степени риска заболевания и анамнеза, возраста, веса, семейного анамнеза, генетического состава, типов предшествующего или сопутствующего лечения, если таковые имеются, и других индивидуальных особенностей субъекта, подлежащего лечению.

"Терапевтически эффективное количество" или "профилактически эффективное количество" также включает количество агента РНК-интерференции, которое оказывает некоторый желаемый эффект при разумном соотношении польза/риск, применимом к любому лечению. иРНК, используемая в способах по настоящему изобретению, может быть введена в количестве, достаточном для получения приемлемого соотношения польза/риск, применимого к такому лечению.

Фраза "фармацевтически приемлемый" используется здесь для обозначения тех соединений, материалов, композиций или лекарственных форм, которые, в рамках здравого медицинского суждения, подходят для использования в контакте с тканями людей и животных при отсутствии чрезмерной токсичности, раздражения, аллергической реакции или других проблем или осложнений, и соответствующих разумному соотношению польза/риск.

Фраза "фармацевтически приемлемый носитель", используемая в настоящем изобретении, означает фармацевтически приемлемый материал, композицию или носитель, такой как жидкий или твердый наполнитель, разбавитель, эксципиент, технологическую добавку (например, лубрикант, тальк магния, стеарат кальция или цинка, или стеариновую кислоту), или инкапсулирующий материал растворителя, участвующий в переносе или транспортировке рассматриваемого соединения из одного органа или части тела в другой орган или часть тела субъекта. Каждый носитель должен быть "приемлемым" в том смысле, что он совместим с другими ингредиентами препарата и не вреден для субъекта, подлежащего лечению. Такие носители известны в данной области техники. Фармацевтически приемлемые носители включают носители для введения путем инъекции.

Используемый здесь термин "образец" включает набор подобных жидкостей, клеток или тканей, выделенных у субъекта, а также жидкостей, клеток или тканей, присутствующих у субъекта. Примеры биологических жидкостей включают кровь, сыворотку и серозные жидкости, плазму, спинномозговую жидкость, глазные жидкости, лимфу, мочу, слюну и т.п. Образцы тканей могут включать образцы тканей, органов или определенных областей таковых. Например, образцы могут быть получены из определенных органов, частей органов или жидкостей или клеток внутри этих органов. В некоторых вариантах осуществления образцы могут быть получены из печени (например, цельной печени или определенных сегментов печени или определенных типов клеток печени, таких как, например, гепатоциты). В некоторых вариантах осуществления "образец, полученный от субъекта" относится к моче, полученной от субъекта. "Образец, полученный от субъекта" может относиться к крови или полученной из крови сыворотке или плазме субъекта.

II. иРНК по изобретению.

Настоящее изобретение относится к иРНК, которые ингибируют экспрессию гена PNPLA3. В предпочтительных вариантах осуществления иРНК включает молекулы двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии гена PNPLA3 в клетке, такой как клетка субъекта, например млекопитающего, такого как человек, восприимчивого к развитию PNPLA3-сопутствующего расстройства, например, гипертриглицеридемии. Средство дсРНК включает антисмысловую цепь, имеющую область комплементарности, которая комплементарна по меньшей мере части мРНК, образованной при экспрессии гена PNPLA3. Область комплементарности имеет длину около 19-30 нуклеотидов (например, около 30, 29, 28, 27, 26, 25, 24, 23, 22, 21, 20 или 19 нуклеотидов в длину). При контакте с клеткой, экспрессирующей ген PNPLA3, иРНК ингибирует экспрессию гена PNPLA3 (например, гена PNPLA3 человека, примата, неprimата или крысы) по меньшей мере приблизительно на 50%, по данным анализа, например, методом на основе ПЦР или методом разветвленной ДНК (bDNA), или методом на основе белков, например, иммунофлуоресцентным анализом, с использованием, например, методов вестерн-блоттинга или проточной цитометрии. В предпочтительных вариантах осуществления ингибирование экспрессии определяют с помощью метода количественной ПЦР, представленного в примерах настоящего документа, с siРНК, например, в концентрации 10 нМ, в соответствующей клеточной линии организма, обозначенного в настоящем изобретении. В предпочтительных вариантах ингибирование экспрессии *in vivo* определяется по нокдауну человеческого гена у грызунов, экспрессирующих человеческий ген, например, у мыши или у мыши, инфицированной AAV, экспрессирующей человеческий целевой ген, например, при введении в виде однократной дозы, например, в дозе 3 мг/кг на пике экспрессии РНК.

дсРНК включает две цепи РНК, которые являются комплементарными и гибридизуются с образованием дуплексной структуры в условиях, при которых будет использоваться дсРНК. Одна цепь дсРНК (антисмысловая цепь) включает область комплементарности, которая по существу комплементарна, причем как правило, полностью комплементарна последовательности-мишени. Последовательность-мишень может быть получена из последовательности мРНК, образованной во время экспрессии гена PNPLA3. Другая цепь (смысловая цепь) включает область, комплементарную антисмысловой цепи, так что две цепи гибридизуются и образуют дуплексную структуру при объединении в подходящих условиях. Как описано в другом месте настоящего документа и как известно в данной области техники, комплементарные последовательности дсРНК также могут содержаться в виде самокомплементарных областей одной молекулы нуклеиновой кислоты, а не только в виде отдельных олигонуклеотидов.

Как правило, дуплексная структура имеет длину от 15 до 30 пар оснований, например 15-29, 15-28, 15-27, 15-26, 15-25, 15-24, 15-23, 15-22, 15-21, 15-20, 15-19, 15-18, 15-17, 18-30, 18-29, 18-28, 18-27, 18-26, 18-25, 18-24, 18-23, 18-22, 18-21, 18-20, 19-30, 19-29, 19-28, 19-27, 19-26, 19-25, 19-24, 19-23, 19-22, 19-21, 19-20, 20-30, 20-29, 20-28, 20-27, 20-26, 20-25, 20-24, 20-23, 20-22, 20-21, 21-30, 21-29, 21-28, 21-27, 21-26, 21-25, 21-24, 21-23 или 21-22 пары оснований в длину. В некоторых предпочтительных вариантах осуществления дуплексная структура имеет длину от 18 до 25 пар оснований, например 18-25, 18-24, 18-

23, 18-22, 18-21, 18-20, 19-25, 19-24, 19-23, 19-22, 19-21, 19-20, 20-25, 20-24, 20-23, 20-22, 20-21, 21-25, 21-24, 21-23, 21-22, 22-25, 22-24, 22-23, 23-25, 23-24 или 24-25 пар оснований в длину, например, 19-21 пар оснований в длину. Диапазоны и длины, промежуточные по отношению к указанным выше диапазонам и длинам, также являются частью раскрытия.

Точно так же область комплементарности целевой последовательности имеет длину от 15 до 30 нуклеотидов, например, 15-29, 15-28, 15-27, 15-26, 15-25, 15-24, 15-23, 15-25, 22, 15-21, 15-20, 15-19, 15-18, 15-17, 18-30, 18-29, 18-28, 18-27, 18-26, 18-25, 18-24, 18-23, 18-22, 18-21, 18-20, 19-30, 19-29, 19-28, 19-27, 19-26, 19-25, 19-24, 19-23, 19-22, 19-21, 19-20, 20-30, 20-29, 20-28, 20-27, 20-26, 20-25, 20-24, 20-23, 20-22, 20-21, 21-30, 21-29, 21-28, 21-27, 21-26, 21-25, 21-24, 21-23 или 21-22 нуклеотида в длину, например 19-23 нуклеотида в длину или 21 -23 нуклеотида в длину. Диапазоны и длины, промежуточные по отношению к указанным выше диапазонам и длинам, также являются частью раскрытия.

В некоторых вариантах осуществления дуплексная структура имеет длину от 19 до 30 пар оснований. Точно так же область комплементарности целевой последовательности имеет длину от 19 до 30 нуклеотидов.

В некоторых вариантах осуществления дсРНК имеет длину от приблизительно 19 до приблизительно 23 нуклеотидов или от приблизительно 25 до приблизительно 30 нуклеотидов. В общем, дсРНК обладает достаточной длиной, чтобы служить субстратом для фермента Dicer. Например, в данной области техники хорошо известно, что дсРНК длиной более 21-23 нуклеотидов могут служить субстратами для Dicer. Также обычный специалист поймет, что область РНК, предназначенная для расщепления, чаще всего будет частью более крупной молекулы РНК, часто молекулы мРНК. В соответствующих случаях "часть" мРНК-мишени представляет собой непрерывную последовательность мРНК-мишени достаточной длины, которая позволяет таковой служить субстратом для РНК-интерференционного расщепления (т.е. расщепления по сигнальному пути/каскаду RISC).

Специалисту в данной области техники также будет понятно, что дуплексная область является основной функциональной частью дсРНК, например, дуплексная область размером от приблизительно 19 до приблизительно 30 пар оснований, например, приблизительно 19-30, 19-29, 19-28, 19-27, 19-26, 19-25, 19-24, 19-23, 19-22, 19-21, 19-20, 20-30, 20-29, 20-28, 20-27, 20 -26, 20-25, 20-24, 20-23, 20-22, 20-21, 21-30, 21-29, 21-28, 21-27, 21-26, 21-25, 21-24, 21-23 или 21-22 пары оснований. Таким образом, в одном варианте осуществления, в той мере, в какой область дуплекса становится преобразованной в функциональный дуплекс, например, из 15-30 пар оснований, нацеленный на желаемую РНК для расщепления, молекула РНК или комплекс молекул РНК, имеющий дуплексный участок более 30 пар оснований представляет собой дсРНК. Таким образом, обычному специалисту в данной области будет понятно, что в одном варианте осуществления тиРНК представляет собой дсРНК. В другом варианте осуществления дсРНК не является встречающейся в природе тиРНК. В другом варианте осуществления иРНК-агент, пригодный для нацеливания на экспрессию гена PNPLA3, не образуется в клетке-мишени путем расщепления более крупной дсРНК.

дсРНК, как описано в настоящем изобретении, может дополнительно включать один или более одноцепочечных выступающих нуклеотидов, например 1-4, 2-4, 1-3, 2-3, 1, 2, 3 или 4 нуклеотида. дсРНКs, имеющие по меньшей мере один выступающий нуклеотид, могут обладать лучшими ингибиторными свойствами по сравнению с аналогами таковых с тупыми концами. Выступающий нуклеотид может содержать или состоять из аналога нуклеотида/нуклеозида, включая дезоксинуклеотид/нуклеозид. Выступающий(е) конец(цы) может находиться на смысловой цепи, антисмысловой цепи или любой комбинации таковых. Кроме того, нуклеотид(ы) выступающего конца могут находиться на 5'-конце, 3'-конце или на обоих концах антисмысловой или смысловой цепей дсРНК.

дсРНК можно синтезировать стандартными методами, известными в данной области. Соединения двухцепочечного агента РНК-интерференции по изобретению могут быть получены с использованием двухстадийной процедуры. Сначала, отдельные цепи двухцепочечной молекулы РНК получают отдельно. Затем составляющие цепи отжигают. Отдельные цепи соединения siРНК могут быть получены с использованием жидко- или твердофазного органического синтеза или того и другого. Преимущество органического синтеза заключается в том, что олигонуклеотидные цепи, содержащие неприродные или модифицированные нуклеотиды, могут быть легко получены. Аналогичным образом, одноцепочечные олигонуклеотиды по изобретению могут быть получены с использованием жидко- или твердофазного органического синтеза или того и другого.

В одном аспекте дсРНК по изобретению включает по меньшей мере две нуклеотидные последовательности, смысловую последовательность и антисмысловую последовательность. Смысловая цепь выбрана из группы последовательностей, представленных в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, и соответствующая антисмысловая цепь для смысловой цепи представляет собой выбранной из группы последовательностей любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50. В этом аспекте одна из двух последовательностей комплементарна другой из двух последовательностей, причем одна из последовательностей в значительной степени комплементарна последовательности мРНК, полученной при экспрессии гена PNPLA3. Таким образом, в этом аспекте дсРНК будет включать два олигонуклеотида, где один олигонуклеотид описан как смысловая цепь в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32,

33, 36, 37, 49 или 50, а второй олигонуклеотид описан как соответствующая антисмысловая цепь смысловой цепи в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50.

В некоторых вариантах осуществления по существу комплементарные последовательности дсРНК содержатся в отдельных олигонуклеотидах. В других вариантах осуществления по существу комплементарные последовательности дсРНК содержатся в одном олигонуклеотиде.

В некоторых вариантах осуществления смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи любого из дуплексов AD-517197.2; AD-517258.2; AD-516748.2; AD-516851.2; AD-519351.2; AD-519754.2; AD-519828.2; AD-520018.2; AD-520035.2; AD-520062.2; AD-520064.2; AD-520065.2; AD-520067.2; AD-75289.2; AD-520069.2; AD-520099.2; AD-67575.7; AD-520101.2; AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; AD-1193481.1 или AD-67605.7.

В некоторых вариантах осуществления смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи любого из дуплексов AD-519345.1, AD-519346.1, AD-519347.1, AD-67554.7, AD-519752.3, AD-1010731.1, AD-1010732.1, AD-519343.1, AD-519344.1, AD-519349.1, AD-519350.1, AD-519753.2, AD-519932.1, AD-519935.2, AD-520018.6, AD-517837.2, AD-805635.2, AD-519329.2, AD-520063.2, AD-519757.2, AD-805631.2, AD-516917.2, AD-516828.2, AD-518983.2, AD-805636.2, AD-519754.7, AD-520062.2, AD-67575.9, AD-518923.3, AD-520053.4, AD-519667.2, AD-519773.2, AD-519354.2, AD-520060.4, AD-520061.4, AD-1010733.2, AD-1010735.2, AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; или AD-1193481.1.

В некоторых вариантах осуществления смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи любого из дуплексов AD-519345.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193437.1; and AD-519347.1.

В некоторых вариантах осуществления смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи дуплекса AD-519351.

В одном варианте смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи дуплекса AD-1193350.

В одном варианте смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи дуплекса AD-1193365.

В одном варианте смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи дуплекса AD-1193437.

В одном варианте смысловая или антисмысловая цепь выбрана из смысловой или антисмысловой цепи дуплекса AD-519347.

Следует понимать, что хотя последовательности, представленные, например, в табл. 3, 5, 7, 9, 11, 21, 24, 27, 30, 32, 36 и 50 не описаны как модифицированные или конъюгированные последовательности, РНК представленная как иРНК по изобретению, например, дсРНК по изобретению, может содержать любую из последовательностей, представленных в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, которая является немодифицированной, неконъюгированной или модифицированной или конъюгированной иначе, чем описано в настоящем изобретении. Другими словами, изобретение охватывает дсРНК из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, которые являются немодифицированными, неконъюгированными, или модифицированными или конъюгированными, как описано здесь.

Специалисту в данной области техники хорошо известно, что дсРНК, имеющие дуплексную структуру приблизительно из 20-23 пар оснований, например, из 21 пары оснований, признаны особенно эффективными в индукции РНК-интерференции (Elbashir et al, EMBO 2001, 20:6877-6888). Однако другие исследователи обнаружили, что более короткие или более длинные дуплексные структуры РНК также могут быть эффективными (Chu and Rana (2007) RNA 14:1714-1719; Kim et al. (2005) Nat Biotech 23:222-226). В вариантах осуществления, описанных выше, по своей природе последовательности олигонуклеотидов, представленных в любой из таблиц 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, дсРНК, описанные в настоящем изобретении, могут включать по меньшей мере одну цепь длиной не менее 21 нуклеотида. Можно ожидать, что более короткие дуплексы, имеющие любую из последовательностей, представленных в любой из таблиц 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, за исключением нескольких нуклеотидов на одном или обоих концах могут быть одинаково эффективны по сравнению с описанными выше дсРНК. Следовательно, дсРНК, имеющие последовательность из по меньшей мере 19, 20 или более последовательных нуклеотидов, полученных из любой из последовательностей любой из таблиц 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, и отличающиеся своей способностью ингибировать экспрессию гена PNPLA3 не более чем приблизительно на 5, 10, 15, 20, 25 или 30% ингибирования от дсРНК, содержащей полную последовательность, рассматриваются как входящие в объем настоящего изобретения.

Кроме того, РНК, представленные в таблицах 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, показывают сайт(ы) в транскрипте PNPLA3, восприимчивые к RISC-опосредованному расщеплению. Таким образом, настоящее изобретение дополнительно включает иРНК, нацеленные на один из этих сайтов. Как описано в настоящем изобретении, иРНК считается нацеленной на конкретный сайт транскрипта

РНК, если иРНК способствует расщеплению транскрипта в любом месте этого конкретного сайта. Такая иРНК обычно включает по меньшей мере около 19 последовательных нуклеотидов из любой из последовательностей, представленных в любой из таблиц 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50, и соединенных с дополнительными нуклеотидными последовательностями взятыми из области, примыкающей к выбранной последовательности в гене PNPLA3.

III. Модифицированные иРНК по изобретению.

В некоторых вариантах осуществления РНК, принадлежащая к иРНК по изобретению, например, дсРНК, является немодифицированной и не содержит, например, химических модификаций или конъюгации, известных в данной области техники и описанных в настоящем изобретении. В других вариантах осуществления РНК, принадлежащую к иРНК по изобретению, например дсРНК, химически модифицирована для повышения стабильности или приобретения других полезных характеристик. В некоторых вариантах осуществления изобретения по существу все нуклеотиды иРНК по изобретению модифицированы. В других вариантах осуществления изобретения все нуклеотиды иРНК или по существу все нуклеотиды иРНК модифицированы, т.е. в цепи иРНК присутствует не более 5, 4, 3, 2 или 1 немодифицированных нуклеотидов.

Нуклеиновые кислоты, представленные в изобретении, могут быть синтезированы или модифицированы способами, хорошо зарекомендовавшими себя в данной области, такими как описанные в "Current protocols in nucleic acid chemistry, "Beaucage, S.L. et al. (Edrs.), John Wiley & Sons, Inc., New York, NY, USA", содержание которого включено в настоящее описание посредством ссылки. Модификации включают, например, модификации концов, например, модификации 5'-конца (фосфорилирование, конъюгация, инвертированные связи) или модификации 3'-конца (конъюгация, ДНК-нуклеотиды, инвертированные связи и т.д.); модификации оснований, например замена стабилизирующими основаниями, дестабилизирующими основаниями или основаниями, образующими пары с расширенным репертуаром партнеров, удаленные основания (абазические нуклеотиды) или конъюгированные основания; модификации сахара (например, в 2'-положении или 4'-положении) или замену сахара; или модификации остова (скелета) соединения, включая модификацию или замену фосфодиэфирных связей. Конкретные примеры соединений иРНК, применимых в вариантах осуществления, описанных в настоящем изобретении, включают, без ограничения таковыми, РНК, содержащие модифицированные остовы или не содержащие природных межнуклеозидных связей. РНК с модифицированным остовом включают, помимо прочего, те, которые не имеют атома фосфора в остове. Для целей настоящего описания и как иногда упоминается в данной области техники, модифицированные РНК, не имеющие атома фосфора в своем межнуклеозидном остове, также могут считаться олигонуклеозидами. В некоторых вариантах осуществления модифицированная иРНК имеет атом фосфора в своем межнуклеозидном остове.

Модифицированные остовы РНК включают, например, фосфоротиоаты, хиральные фосфоротиоаты, фосфородитиоаты, фосфотриэфиры, аминоалкилфосфотриэфиры, метил-и другие алкилфосфонаты, включая 3'-алкиленфосфонаты и хиральные фосфонаты, фосфинаты, фосфорамидаты, включая 3'-аминофосфорамидат и аминоалкилфосфорамидаты, тионофосфорамидаты, тиоалкилфосфонаты, тиоалкилфосфотриэфиры и боронофосфаты, имеющие нормальные связи 3'-5', аналог таковых с 2'-5'-связями, а также соединения с обратной полярностью, в которых соседние пары нуклеозидных звеньев связаны 3'-5' с 5'-3' или 2'-5' с 5'-2'. Также сюда включены различные соли, смешанные соли и формы свободных кислот. В некоторых вариантах осуществления изобретения агенты дсРНК по изобретению находятся в форме свободной кислоты. В других вариантах осуществления изобретения агенты дсРНК по изобретению находятся в форме соли. В одном варианте осуществления агенты дсРНК по изобретению находятся в форме натриевой соли. В некоторых вариантах осуществления, когда агенты дсРНК по изобретению находятся в форме натриевой соли, ионы натрия присутствуют в агенте в качестве противоионов практически для всех фосфодиэфирных и/или фосфоротиотатных групп, присутствующих в агенте. Агенты, в которых практически все фосфодиэфирные и/или тиофосфатные связи имеют противоион натрия, включают не более 5, 4, 3, 2 или 1 фосфодиэфирной и/или тиофосфатной связи без противоиона натрия. В некоторых вариантах осуществления, когда агенты дсРНК по изобретению находятся в форме натриевой соли, ионы натрия присутствуют в агенте в качестве противоионов для всех фосфодиэфирных и/или тиофосфатных групп, присутствующих в агенте.

Репрезентативные патенты США, в которых описывается получение вышеуказанных фосфорсодержащих соединений, включают, без ограничения таковыми, патенты США № 3687808; 4469863; 4476301; 5023243; 5177195; 5188897; 5264423; 5276019; 5278302; 5286717; 5321131; 5399676; 5405939; 5453496; 5455233; 5466677; 5476925; 5519126; 5536821; 5541316; 5550111; 5563253; 5571799; 5587361; 5625050; 6028188; 6124445; 6160109; 6169170; 6172209; 6239265; 6277603; 6326199; 6346614; 6444423; 6531590; 6534639; 6608035; 6683167; 6858715; 6867294; 6878805; 7015315; 7041816; 7273933; 7321029; и патент США RE39464, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание в качестве ссылки.

Модифицированные скелеты/остовы РНК, не включающие в себя атом фосфора, имеют остовы (скелеты), сформированные короткоцепочечными алкильными или циклоалкильными межнуклеозидными связями, смешанными гетероатомами и алкильными или циклоалкильными межнуклеозидными свя-

зиями или одной или несколькими короткоцепочечными гетероатомными или гетероциклическими межнуклеозидными связями. К ним относятся соединения, имеющие морфолиновые связи (частично образованные из сахарной части нуклеозида); силоксановые скелеты; сульфидные, сульфоксидные и сульфоно-вые скелеты; формацетильные и тиоформацетильные скелеты; метиленформацетильные и тиоформацетильные скелеты; алкенодержащие скелеты; сульфаматные скелеты; метиленимино- и метиленигидрази-но-скелеты; сульфонатные и сульфаниламидные скелеты; амидные скелеты; и другие скелеты, содержа-щие смешанные компоненты N, O, S и CH₂.

Репрезентативные патенты США, в которых описывается получение вышеуказанных олигонуклео-зидов, включают, без ограничения таковыми, патенты США № 5034506; 5166315; 5185444; 5214134; 5216141; 5235033; 5,64,562; 5264564; 5405938; 5434257; 5466677; 5470967; 5489677; 5541307; 5561225; 5596086; 5602240; 5608046; 5610289; 5618704; 5623070; 5663312; 5633360; 5677437; и 5677439, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание посредством ссылки.

Предполагается, что подходящие миметики РНК, в которых как сахар, так и межнуклеозидная связь, т.е. скелет нуклеотидных единиц заменены новыми группами можно использовать в представлен-ных здесь иРНК. Базовые звенья сохраняют для гибридизации с соответствующим целевым соединением нуклеиновой кислоты. Одно такое олигомерное соединение, в котором миметик РНК, обладающий пре-восходящими свойствами к гибридизации, называется пептидной нуклеиновой кислотой (PNA). В соеди-нениях PNA сахарный остов РНК заменен остовом, содержащим амид, в частности, остовом аминоэтил-глицина. Ануклеиновые основания сохраняются и связаны прямо или косвенно с атомами аза-азота амид-ной части основной цепи. Репрезентативные патенты США, в которых рассказывается о получении со-единений PNA, включают, без ограничения таковыми, патенты США № 5539082; 5714331; и 5719262, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание посредством ссылки. Дополни-тельные соединения PNA, подходящие для использования в иРНК по изобретению, описаны, например, в Nielsen et al., Science, 1991, 254, 1497-1500.

Некоторые варианты осуществления, представленные в изобретении, включают РНК с фосфоро-триатными скелетами и олигонуклеозиды с гетероатомными скелетами и, в частности, -CH₂-NH-CH₂-, -CH₂-N(CH₃)-O-CH₂- [известными в качестве метилен-(метилямино) или MMI-скелетов], -CH₂-O-N(CH₃)-CH₂-, -CH₂-N(CH₃)-N(CH₃)-CH₂- и -N(CH₃)-CH₂-CH₂- [где нативная фосфодиэфирная цепь представлена как -O-P-O-CH₂-] в упомянутом выше патенте США № 5489677, и амидные цепи представлены в соот-ветствии с упомянутым выше патентом США № 5602240. В некоторых вариантах осуществления РНК, представленные в настоящем изобретении, имеют структуры морфолинового скелета из упомянутого выше патента США № 5034506.

Модифицированные РНК также могут содержать один или более фрагментов замещенного сахара. иРНКs, например, дсРНКs, представленные в настоящем изобретении, могут включать один из следую-щих элементов в 2'-положении: OH; F; O-, S-, или N-алкил; O-, S- или N-алкенил; O-, S- или N-алкинил; или O-алкил-O-алкил, где алкил, алкенил и алкинил могут представлять собой замещенный или незаме-щенный C₁-C₁₀-алкил или C₂-C₁₀-алкенил и алкинил. Примеры подходящих модификаций включают O[(CH₂)_nO]_mCH₃, O(CH₂)_nOCH₃, O(CH₂)_nNH₂, O(CH₂)_nCH₃, O(CH₂)_nONH₂, и O(CH₂)_nON[(CH₂)_nCH₃]₂, где n и m составляют от 1 до приблизительно 10. В других вариантах осуществления дсРНК включают один из следующих элементов в положении 2': C₁-C₁₀ низший алкил, замещенный низший алкил, алкарил, аралкил, O-алкарил или O- аралкил, SH, SCH₃, OCN, Cl, Br, CN, CF₃, OCF₃, SOCH₃, SO₂CH₃, ONO₂, NO₂, N₃, NH₂, гетероциклоалкил, гетероциклоалкарил, аминоалкиламино, полиалкиламино, замещенный си-лил, группу для расщепления РНК, репортерную группу, интеркалятор, группу для улучшения фармако-кинетических свойств иРНК или группу для улучшения фармакодинамических свойств иРНК, а также другие заместители, обладающие подобными свойствами. В некоторых вариантах осуществления моди-фикация включает 2'-метоксиэтокси (2'-O-CH₂CH₂OCH₃, также известную как 2'-O-(2'-метоксиэтил) или 2'-МОЕ)) (Martin et al., Helv. Chim. Acta, 1995, 78:486-504), то есть алкокси-алкоксигруппу. Другой ти-пичной модификацией является 2'-диметиламинооксиэтокси, т.е. группа O(CH₂)₂ON(CH₃)₂, также из-вестная как 2'-DMAOE, как описано в приведенных ниже примерах, и 2'-диметиламиноэтоксиэтокси (также известная в данной области техники как 2'-O-диметиламиноэтоксиэтил или 2'-DMAEOE), т.е. 2'-O-CH₂-O-CH₂-N(CH₃)₂.

Дополнительные иллюстративные модификации включают: 5'-Me-2'-F нуклеотиды, 5'-Me-2'-OMe нуклеотиды, 5'-Me-2'-дезоксинуклеотиды (R- и S-изомеры в этих трех семействах); 2'-алкоксиалкил; и 2'-NMA (N-метилацетамид).

Другие модификации включают 2'-метокси (2'-OCH₃), 2'-аминопропокси (2'-OCH₂CH₂CH₂NH₂) и 2'-фтор (2'-F). Подобные модификации также могут быть сделаны в других положениях РНК, относящейся к иРНК, в частности, в 3'-положении сахара на 3'-концевом нуклеотиде или в 2'-5'-связанных дсРНК и в 5'-положении 5'-концевого нуклеотида. иРНК также могут включать миметики сахара, такие как цикло-бутильные фрагменты, вместо пентофуранозилового сахара. Репрезентативные патенты США, в которых рассказывается о получении таких структур модифицированного сахара, включают, без ограничения та-ковыми, патенты США № 4981957; 5118800; 5319080; 5359044; 5393878; 5446137; 5466786; 5514785; 5519134; 5567811; 5576427; 5591722; 5597909; 5610300; 5627053; 5639873; 5646265; 5658873; 5670633;

и5700920, некоторые из которых, как правило, включены в настоящее описание. Полное содержание каждого из вышеперечисленных включено в настоящее описание посредством ссылки.

иРНК также может включать модификации или замены азотистых оснований (часто называемых в данной области просто "основаниями"). Используемый здесь термин "немодифицированные" или "природные" нуклеосаждения включает пуриновые основания аденин (А) и гуанин (G) и пиримидиновые основания тимин (Т), цитозин (С) и урацил (U). Модифицированные азотистые основания включают другие синтетические и природные азотистые основания, такие как дезокситимин (dT), 5-метилцитозин (5-me-C), 5-гидроксиметилцитозин, ксантин, гипоксантин, 2-аминоаденин, 6-метил и другие алкильные производные аденина и гуанина, 2-пропил и другие алкилпроизводные аденина и гуанина, 2-тиоурацил, 2-тиотимин и 2-тиоцитозин, 5-галорацил и цитозин, 5-пропинилурацил и цитозин, 6-азоурацил, цитозин и тимин, 5-урацил (псевдоурацил), 4-тиоурацил, 8-галоген, 8-амино, 8-тиол, 8-тиоалкил, 8-гидроксил и другие 8-замещенные аденины и гуанины, 5-галоген, особенно 5-бром, 5-трифторметил и другие 5-замещенные урацилы и цитозины, 7-метилгуанин и 7-метиладенин, 8-азагуанин и 8-азааденин, 7-деазагуанин и 7-деазааденин, 3-деазагуанин и 3-деазааденин. Дополнительные азотистые основания включают основания, раскрытые в патенте США № 3687808, раскрытые в Modified Nucleosides in Biochemistry, Biotechnology and Medicine, Herdewijn, P. ed. Wiley-VCH, 2008; раскрытые в The Concise Encyclopedia Of Polymer Science And Engineering, pages 858-859, Kroschwitz, J.L., ed. John Wiley & Sons, 1990, раскрытые Englisch et al., Angewandte Chemie, International Edition, 1991, 30, 613, и раскрытые Sanghvi, Y.S., Chapter 15, дсРНК Research and Applications, pages 289-302, Crooke, S.T. and Lebleu, B., Ed., CRC Press, 1993. Некоторые из этих азотистых оснований особенно полезны для повышения аффинности связывания олигомерных соединений, представленных в изобретении. К ним относятся 5-замещенные пиримидины, 6-азапиримидины и N-2, N-6 и O-6 замещенные пурины, включая 2-аминопропиладенин, 5-пропинилурацил и 5-пропинилцитозин. Было показано, что замены 5-метилцитозином повышают стабильность дуплекса нуклеиновой кислоты на 0,6-1,2°C (Sanghvi, Y.S., Croke, S.T. и Lebleu, B., Eds., дсРНК Research and Applications, CRC Press, Boca Raton, 1993, pp. 276-278) и являются типичными заменами оснований, особенно в сочетании с модификациями 2'-О-метоксиэтилсахара.

Репрезентативные патенты США, в которых описано получение некоторых из указанных выше модифицированных азотистых оснований, а также других модифицированных азотистых оснований, включают, без ограничения таковыми, указанные выше патенты США № 3687808, 4845205; 513030; 5134066; 5175273; 5367066; 5432272; 5457187; 5459255; 5484908; 5502177; 5525711; 5552540; 5587469; 5594121; 5596091; 5614617; 5681941; 5750692; 6015886; 6147200; 6166197; 6222025; 6235887; 6380368; 6528640; 6639062; 6617438; 7045610; 7427672; и 7495088, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание посредством ссылки.

РНК, принадлежащая иРНК также может быть модифицирована для включения одной или нескольких заблокированных нуклеиновых кислот (LNA, locked nucleic acids). Заблокированная нуклеиновая кислота представляет собой нуклеотид, имеющий модифицированную часть рибозы, в которой часть рибозы содержит дополнительный мостик, соединяющий 2'- и 4'-углероды. Эта структура эффективно "запирает" рибозу в 3'-эндоструктурной конформации. Было показано, что добавление заблокированных нуклеиновых кислот к siРНК увеличивает стабильность siРНК в сыворотке и снижает побочные эффекты (Elmen, J. et al., (2005) Nucleic Acids Research 33(1):439-447; Mook OR et al., (2007) Mol Canc Ther 6(3):833-843, Grunweller A. et al., (2003) Nucleic Acids Research 31(12):3185-3193).

В некоторых вариантах осуществления РНК иРНК также может быть модифицирована для включения одной или нескольких фрагментов бициклического сахара. "Бициклический сахар" представляет собой фуранозильное кольцо, модифицированное мостиковым соединением двух атомов. "Бициклический нуклеозид" ("BNA") представляет собой нуклеозид, имеющий сахарный фрагмент, содержащий мостик, соединяющий два атома углерода сахарного кольца, таким образом образуя бициклическую кольцевую систему. В некоторых вариантах мостик соединяет 4'-углерод и 2'-углерод сахарного кольца. Таким образом, в некоторых вариантах осуществления агент по изобретению может включать одну или более заблокированных нуклеиновых кислот (LNA). Заблокированная нуклеиновая кислота представляет собой нуклеотид, имеющий модифицированную часть рибозы, в которой часть рибозы содержит дополнительный мостик, соединяющий 2'- и 4'-углероды. Другими словами, LNA представляет собой нуклеотид, содержащий фрагмент бициклического сахара, содержащий мостик 4'-CH₂-O-2'. Эта структура эффективно "запирает" рибозу в 3'-эндо структурной конформации. Было показано, что добавление заблокированных нуклеиновых кислот к siРНК увеличивает стабильность siРНК в сыворотке и снижает побочные эффекты (Elmen, J. et al., (2005) Nucleic Acids Research 33(1):439-447; Mook OR et al., (2007) Mol Canc Ther 6(3):833-843, Grunweller A. et al., (2003) Nucleic Acids Research 31(12):3185-3193). Примеры бициклических нуклеозидов для применения в полинуклеотидах по изобретению включают без ограничения нуклеозиды, содержащие мостик между 4'- и 2'-атомами рибозильного кольца. В некоторых вариантах осуществления антисмысловые полинуклеотидные агенты по изобретению включают один или более бициклических нуклеозидов, содержащих мостик с 4'-2'. Примеры таких бициклических нуклеозидов, соединенных мостиком 4'-2', включают, без ограничения таковыми, 4'-(CH₂)-O-2' (LNA); 4'-(CH₂)-S-2'; 4'-(CH₂)₂-O-2' (ENA); 4'-CH(CH₃)-O-2' (также обозначаемый как "ограниченный этил" или "cEt") и 4'-

CH(CH₂OCH₃)-O-2' (и аналоги такового; см., например, патент США № 7399845); 4'-C(CH₃)(CH₃)-O-2' (и аналоги такового; см., например, патент США № 8278283); 4'-CH₂-N(OCH₃)-2' (и аналоги такового; см., например, патент США № 8278425); 4'-CH₂-O-N(CH₃)-2' (см., например, публикацию патента США № 2004/0171570); 4'-CH₂-N(R)-O-2', где R представляет собой H, C₁-C₁₂ алкил или защитную группу (см., например, патент США № 7427672); 4'-CH₂-C(H)(CH₃)-2' (см., например, Chattopadhyaya et al., J. Org. Chem., 2009, 74, 118-134); и 4'-CH₂-C(=CH₂)-2' (и аналоги такового; см., например, патент США № 8,278,426). Полное содержание каждого из вышеперечисленных включено в настоящее описание посредством ссылки.

Дополнительные репрезентативные патенты США и публикации патентов США, в которых рассказывается о получении закрытых нуклеотидов нуклеиновых кислот, включают, без ограничения таковыми, следующие: патенты США № 6268490; 6525191; 6670461; 6770748; 6794499; 6998484; 7053207; 7034133; 7084125; 7399845; 7427672; 7569686; 7741457; 8022193; 8030467; 8278425; 8278426; 8278283; США 2008/0039618; и US 2009/0012281, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание посредством ссылки.

Любой из указанных выше бициклических нуклеозидов может быть получен с одной или несколькими стереохимическими конфигурациями сахаров, включая, например, α-L-рибофуранозу и β-D-рибофуранозу (см. WO 99/14226).

РНК, принадлежащая иРНК, также может быть модифицирована для включения одного или более ограниченных этиловых нуклеотидов. Используемый здесь термин "ограниченный этиловый нуклеотид" или "сEt" представляет собой заблокированную нуклеиновую кислоту, содержащую фрагмент бициклического сахара, включающий мостик 4'-CH(CH₃)-O-2'. В одном варианте осуществления ограниченный этиловый нуклеотид находится в S-конформации, именуемой здесь "S-сEt".

иРНК по изобретению может также включать один или более "конформационно ограниченных нуклеотидов" ("CRN"). CRN представляют собой аналоги нуклеотидов с линкером, соединяющим атомы углерода C2' и C4' рибозы или атомы углерода C3' и C5' рибозы. CRN фиксирует кольцо рибозы в стабильной конформации и увеличивает сродство при гибридизации с мРНК. Линкер имеет достаточную длину, чтобы поместить кислород в оптимальное положение для стабильности и сродства, что приводит к меньшему искажению кольца рибозы.

Репрезентативные публикации, в которых рассказывается о получении некоторых из указанных выше CRN, включают, без ограничения таковыми, патентную публикацию США № 2013/0190383; и публикации PCT WO 2013/036868, полное содержание каждой из которых включено в настоящее описание посредством ссылки.

В некоторых вариантах осуществления иРНК по изобретению содержит один или более мономеров, представляющих собой нуклеотиды UNA (разблокированная нуклеиновая кислота). UNA представляет собой разблокированную ациклическую нуклеиновую кислоту, в которой любая из связей сахара была удалена, в результате чего образуется разблокированный "сахарный" остаток. В одном примере UNA также включает мономер с удаленными связями между C1'-C4' (т.е. ковалентная связь углерод-кислород-углерод между атомами углерода C1' и C4'). В другом примере связь C2'-C3' (т.е. ковалентная углерод-углеродная связь между атомами углерода C2' и C3') сахара удалена (см. Nuc. Acids Symp. Series, 52, 133-134 (2008).) и Fluiter et al., Mol. Biosyst, 2009, 10, 1039, содержание которого включено в настоящее описание посредством ссылки).

Типичные публикации США, в которых рассказывается о подготовке UNA, включают, без ограничения таковыми, патент США № 8314227; и публикации патентов США № 2013/0096289; 2013/0011922; и 2011/0313020, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание посредством ссылки.

Потенциально стабилизирующие модификации концов молекул РНК могут включать N-(ацетиламинокапроил)-4-гидроксипролинол (Нур-С6-ННАс), N-(капроил-4-гидроксипролинол (Нур-С6), N-(ацетил-4-гидроксипролинол (Нур-ННАс), тимидин-2'-0-дезокситимидин (эфир), N-(аминокапроил)-4-гидроксипролинол (Нур-С6-амино), 2-докозаноилуридин-3'-фосфат, инвертированное основание dT(idT) и др. Описание данной модификации можно найти в публикации PCT № WO 2011/005861.

Другие модификации нуклеотидов иРНК по изобретению включают 5'-фосфат или 5'-имитатор фосфата, например, 5'-концевой фосфат или фосфатный имитатор на антисмысловой цепи иРНК. Подходящие имитаторы фосфатов раскрыты, например, в публикации патента США № 2012/0157511, полное содержание которого включено в настоящее описание посредством ссылки.

А. Модифицированные иРНК, содержащие мотивы изобретения.

В некоторых аспектах изобретения двухцепочечные РНК-агенты по изобретению включают агенты с химическими модификациями, как описано, например, в WO 2013/075035, полное содержание которого включено в настоящее описание посредством ссылки. В WO 2013/075035 представлены мотивы трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов в смысловой цепи или антисмысловой цепи агента дсРНКи, в частности, в сайте расщепления или рядом с ним. В некоторых вариантах осуществления смысловая цепь и антисмысловая цепь агента дсРНКи могут быть полностью модифицированы. Введение этих мотивов прерывает паттерн модификации, если он присутствует, в смысловой или анти-

смысловой нити. дсРНКи агент может быть необязательно конъюгирован с лигандом, производным Gal-NAc, например, на смысловой цепи.

Более конкретно, когда смысловая цепь и антисмысловая цепь двухцепочечного РНК-агента полностью модифицированы для получения один или более мотивов из трех идентичных модификаций на трех последовательных нуклеотидах в сайте расщепления по меньшей мере одной цепи дсРНКи-агента или рядом с ним, то наблюдается активный сайленсинг генов дсРНКи агентом.

Соответственно, изобретение относится к двухцепочечным РНК-агентам, способным ингибировать экспрессию гена-мишени (т.е. гена PNPLA3) *in vivo*. РНКи агент содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь. Каждая цепь агента РНКи может иметь, например, длину 17-30 нуклеотидов, длину 25-30 нуклеотидов, длину 27-30 нуклеотидов, длину 19-25 нуклеотидов, длину 19-23 нуклеотида, длину 19-21 нуклеотида, длину 21-25 нуклеотидов или длину 21-23 нуклеотида.

Смысловая цепь и антисмысловая цепь обычно образуют дуплексную двухцепочечную РНК ("дсРНК"), также называемую в настоящем изобретении "дсРНКи агентом". Дуплексная область дсРНКи агента может иметь длину 27-30 пар нуклеотидов, длину 19-25 пар нуклеотидов, длину 19-23 пар нуклеотидов, длину 19-21 пар нуклеотидов, длину 21-25 пар нуклеотидов или длину 21-23 пары нуклеотидов. В другом примере длина дуплексной области выбрана из 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26 и 27 нуклеотидов.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент может содержать одну или более выступающих областей или экзипирующих групп на 3'-конце, 5'-конце или на обоих концах одной или обеих цепей. Выступ может иметь длину независимо от 1 до 6 нуклеотидов, например, от 2 до 6 нуклеотидов, от 1 до 5 нуклеотидов, от 2 до 5 нуклеотидов, от 1 до 4 нуклеотидов, от 2 до 4 нуклеотидов, 1-3 нуклеотида в длину, 2-3 нуклеотида в длину или 1-2 нуклеотида в длину. В некоторых вариантах осуществления выступления могут включать удлиненные выступления, как указано выше. Выступления могут быть результатом того, что одна цепь длиннее другой, или результатом расположения двух цепей одинаковой длины в шахматном порядке. Выступ может образовывать несовпадение с мРНК-мишенью, или может быть комплементарным последовательности целевого гена, или может быть другой последовательностью. Первая и вторая цепи также могут быть соединены, например, дополнительными основаниями для образования шпильки или другими линкерами, не содержащими оснований.

В некоторых вариантах осуществления каждый из нуклеотидов в выступающей области дсРНКи агента может независимо представлять собой модифицированный или немодифицированный нуклеотид, включающий, помимо прочего, модифицированный 2'-сахар, такой как 2'-F, 2'-O-метил тимидин (Т), 2'-O-метоксиэтил-5-метилуридин (Тео), 2'-O-метоксиэтиладенозин (Аео), 2'-O-метоксиэтил-5-метилцитидин (m5Ceo) и любые комбинации таковых.

Например, ТТ может представлять собой выступающую последовательность для любого конца любой цепи. Выступ может формировать несовпадение с мРНК-мишенью, или он может быть комплементарным последовательности целевого гена, или может быть другой последовательностью.

5'- или 3'-выступы смысловой цепи, антисмысловой цепи или обеих цепей дсРНКи агента могут быть фосфорилированы. В некоторых вариантах осуществления выступающий(е) участок(ки) содержит два нуклеотида, содержащих фосфориоат между двумя нуклеотидами, и два нуклеотида могут быть одинаковыми или разными. В некоторых вариантах осуществления выступающий конец присутствует на 3'-конце смысловой цепи, антисмысловой цепи или обеих цепей. В некоторых вариантах осуществления этот 3'-концевой выступ присутствует в антисмысловой цепи. В некоторых вариантах осуществления этот 3'-концевой выступ присутствует в смысловой цепи.

дсРНКи агент может содержать только один выступ, что может усиливать интерференционную активность РНКи, не влияя на ее общую стабильность. Например, одноцепочечный концевой выступ может быть расположен на 3'-конце смысловой цепи или, альтернативно, на 3'-конце антисмысловой цепи. РНКи также может иметь тупой конец, расположенный на 5'-конце антисмысловой цепи (или на 3'-конце смысловой цепи) или наоборот. Как правило, антисмысловая цепь дсРНКи агента имеет выступающий нуклеотид на 3'-конце, а 5'-конец является тупым. Без привязки к теории, асимметричный тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи и выступающий 3'-конец антисмысловой цепи способствуют участию направляющей цепи в RISC-обусловленном процессе.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент представляет собой элемент с двумя тупыми концами длиной 19 нуклеотидов, где смысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех модификаций 2'-F на трех последовательных нуклеотидах в положениях 7, 8, 9 от 5'-конца. Антисмысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех 2'-O-метил- модификаций на трех последовательных нуклеотидах в положениях 11, 12, 13 от 5'-конца.

В других вариантах осуществления дсРНКи агент представляет собой элемент с двумя тупыми концами длиной 20 нуклеотидов, где смысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех модификаций 2'-F на трех последовательных нуклеотидах в положениях 8, 9, 10 от 5'-конца. Антисмысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех 2'-O-метил- модификаций на трех последовательных нуклеотидах в положениях 11, 12, 13 от 5'-конца.

В других вариантах осуществления дсРНКи агент представляет собой элемент с двумя тупыми концами длиной в 21 нуклеотид, где смысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех моди-

фикаций 2'-F на трех последовательных нуклеотидах в положениях 9, 10, 11 от 5'-конца. Антисмысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех 2'-О-метил- модификаций трех последовательных нуклеотидах в положениях 11, 12, 13 от 5'-конца.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент содержит смысловую цепь из 21 нуклеотида и антисмысловую цепь из 23 нуклеотидов, где смысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех модификаций 2'-F на трех последовательных нуклеотидах в положениях 9, 10, 11 от 5'-конца; антисмысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех 2'-О-метил- модификаций на трех последовательных нуклеотидах в положениях 11, 12, 13 от 5'-конца, при этом один конец РНКи-агента тупой, а другой конец содержит 2 выступающих нуклеотида. Предпочтительно концевой выступ из 2 нуклеотидов находится на 3'-конце антисмысловой цепи.

Когда 2 выступающих нуклеотида находятся на 3'-конце антисмысловой цепи, между тремя концевыми нуклеотидами могут находиться две фосфоротиоатные межнуклеотидные связи, где два из трех нуклеотидов являются выступающими нуклеотидами, а третий нуклеотид представляет собой спаренный нуклеотид, прилежащий к выступающему нуклеотиду. В одном варианте осуществления РНКи агент дополнительно имеет две фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между тремя концевыми нуклеотидами как на 5'-конце смысловой цепи, так и на 5'-конце антисмысловой цепи. В некоторых вариантах осуществления каждый нуклеотид в смысловой цепи и антисмысловой цепи дсРНКи агента, включая нуклеотиды, являющиеся частью мотивов, представляют собой модифицированный нуклеотид. В некоторых вариантах осуществления каждый остаток независимо модифицирован 2'-О-метилом или 3'-фтором, например, в чередующемся мотиве. Необязательно дсРНКи агент дополнительно содержит лиганд (предпочтительно GalNAc3).

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент содержит смысловую и антисмысловую цепи, где смысловая цепь имеет длину 25-30 нуклеотидных остатков, причем, начиная с 5'-концевого нуклеотида (положение 1), положения с 1 по 23 первой цепи содержат по меньшей мере 8 рибонуклеотидов; антисмысловая цепь имеет длину 36-66 нуклеотидных остатков и, начиная с 3'-концевого нуклеотида, содержит не менее 8 рибонуклеотидов в положениях, спаренных с положениями 1-23 смысловой цепи с образованием дуплекса; где по меньшей мере 3'-концевой нуклеотид антисмысловой цепи не спарен со смысловой цепью, и до 6 последовательных 3'-концевых нуклеотидов не спарены со смысловой цепью, тем самым образуя 3'-концевой концевой выступ из 1-6 нуклеотидов; при этом 5'-конец антисмысловой цепи содержит от 10 до 30 последовательных нуклеотидов, которые не спарены со смысловой цепью, тем самым образуя одноцепочечный 5'-выступ из 10-30 нуклеотидов; где по меньшей мере 5'-концевые и 3'-концевые нуклеотиды смысловой цепи спарены по основаниям с нуклеотидами антисмысловой цепи, при условии, что смысловая и антисмысловая цепи выровнены для максимальной комплементарности, и тем самым образуют по существу дуплексную область между смысловой и антисмысловой цепями; также антисмысловая цепь достаточно комплементарна РНК-мишени, что обеспечивается по меньшей мере 19 рибонуклеотидами длины антисмысловой цепи, с целью снижения экспрессии гена-мишени при введении двухцепочечной нуклеиновой кислоты в клетку млекопитающего; и при этом смысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех модификаций 2'-F на трех последовательных нуклеотидах, где, по меньшей мере, один из мотивов находится в сайте расщепления или непосредственно рядом с ним. Антисмысловая цепь содержит по меньшей мере один мотив из трех 2'-О-метил-модификаций на трех последовательных нуклеотидах в сайте расщепления или непосредственно рядом с ним.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент содержит смысловую и антисмысловую цепи, при этом дсРНКи агент содержит первую цепь длиной не менее 25 и не более 29 нуклеотидов и вторую цепь длиной не более 30 нуклеотидов, имеющую не менее одного мотива из трех 2'-О-метил-модификаций на трех последовательных нуклеотидах в положениях 11, 12, 13 от 5'-конца; при этом 3'-конец первой цепи и 5'-конец второй цепи образуют тупой конец, а вторая цепь на 3'-конце длиннее на 1-4 нуклеотида, чем первая цепь, при этом дуплексная область составляет не менее 25 нуклеотидов в длину, а вторая цепь достаточно комплементарна целевой мРНК (что обеспечивается по меньшей мере 19 нуклеотидами второй цепи), чтобы уменьшить экспрессию гена-мишени при введении РНКи агента в клетку млекопитающего, и при этом расщепление дсРНКи агента ферментом Dicer предпочтительно приводит к siРНК, содержащей 3'-конец второй цепи, таким образом уменьшая экспрессию гена-мишени млекопитающего. Необязательно, дсРНКи агент дополнительно содержит лиганд.

В некоторых вариантах осуществления смысловая цепь агента дсРНКи содержит по меньшей мере один мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов, где один из мотивов находится в сайте расщепления в смысловой цепи.

В некоторых вариантах осуществления антисмысловая цепь дсРНКи агента также может содержать по меньшей мере один мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов, где один из мотивов находится в сайте расщепления или вблизи него в антисмысловой цепи.

Для дсРНКи агента, имеющего дуплексную область длиной 19-23 нуклеотида, сайт расщепления антисмысловой цепи обычно находится в положениях 10, 11 и 12 от 5'-конца. Таким образом, мотивы трех одинаковых модификаций могут находиться в 9, 10, 11 положениях; 10, 11, 12 положениях; 11, 12, 13 положениях; 12, 13, 14 положениях; или 13, 14, 15 положениях антисмысловой цепи, где отсчет начи-

нается с первого нуклеотида 5'-конца антисмысловой цепи, или с первого спаренного нуклеотида в области дуплекса 5'-конца антисмысловой цепи. Сайт расщепления в антисмысловой цепи также может изменяться в зависимости от длины дуплексной области дсРНК агента от 5'-конца.

Смысловая цепь дсРНК агента может содержать по меньшей мере один мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов в сайте расщепления; а антисмысловая цепь может иметь по меньшей мере один мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов в сайте расщепления цепи или рядом с ним. Когда смысловая цепь и антисмысловая цепь образуют дсРНК дуплекс, смысловая цепь и антисмысловая цепь могут быть выровнены таким образом, что один мотив из трех нуклеотидов смысловой цепи и один мотив из трех нуклеотидов антисмысловой цепи имеют по меньшей мере перекрывание в один нуклеотид, то есть по меньшей мере один из трех нуклеотидов мотива в смысловой цепи образует пару оснований по меньшей мере с одним из трех нуклеотидов мотива в антисмысловой цепи. Альтернативно, по меньшей мере два нуклеотида могут перекрываться или все три нуклеотида могут перекрываться.

В некоторых вариантах осуществления смысловая цепь дсРНК агента может содержать более одного мотива из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов. Первый мотив может встречаться в сайте расщепления цепи или рядом с ним, а другие мотивы могут быть модификацией прилегающей области. Термин "модификация прилегающей области" в настоящем изобретении относится к мотиву, находящемуся на другом участке цепи, отделенному от мотива в сайте расщепления той же цепи или рядом с ним. Модификация прилегающей области либо прилегает к первому мотиву, либо отделена по меньшей мере одним или более нуклеотидами. Если мотивы непосредственно примыкают друг к другу, то химический состав мотивов отличается друг от друга, а если мотивы разделены одним или более нуклеотидами, то химический состав таковых может быть одинаковым или разным. Могут присутствовать две или более модификации прилегающей области. Например, когда присутствуют две модификации прилегающей области, каждая модификация прилегающей области может происходить с одной стороны по отношению к первому мотиву, находящемуся в сайте расщепления или вблизи него, или по обе стороны от ведущего мотива.

Подобно смысловой цепи, антисмысловая цепь дсРНК агента может содержать более одного мотива из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов, при этом по меньшей мере один из мотивов находится в сайте расщепления цепи или рядом с ним. Такая антисмысловая цепь может также содержать одну или более модификаций прилежащих областей в положениях, аналогичном модификациям прилежащих областей, которые могут присутствовать на смысловой цепи.

В некоторых вариантах осуществления модификация прилегающей области на смысловой или антисмысловой цепи дсРНК агента обычно не включает первые один или два концевых нуклеотида на 3'-конце, 5'-конце или на обоих концах цепи.

В других вариантах осуществления модификация прилегающей области на смысловой или антисмысловой цепи дсРНК агента обычно не включает первые один или два спаренных нуклеотида в области дуплекса на 3'-конце, 5'-конце или обоих концах цепи.

Если смысловая цепь и антисмысловая цепь дсРНК агента содержат по меньшей мере одну модификацию прилегающей области, то модификации прилегающей области могут приходиться на один и тот же конец дуплексной области и иметь перекрывающиеся один, два или три нуклеотида.

Если смысловая цепь и антисмысловая цепь дсРНК агента содержат по меньшей мере две модификации крыла, то смысловая цепь и антисмысловая цепь могут быть выровнены таким образом, что две модификации каждой из цепей попадают на один конец дуплексной области, формируя перекрывания из одного, двух или трех нуклеотидов; две модификации каждой из цепей попадают на другой конец дуплексного участка, формируя перекрывания в один, два или три нуклеотида; две модификации одной цепи приходятся на каждую сторону ведущего мотива, формируя перекрывание в один, два или три нуклеотида в области дуплекса.

В некоторых вариантах осуществления каждый нуклеотид в смысловой цепи и антисмысловой цепи дсРНК агента, включая нуклеотиды, являющиеся частью мотивов, может быть модифицирован. Каждый нуклеотид может быть модифицирован одной и той же или отличной модификацией, которая может включать одно или более изменений одного или обоих несвязывающих атомов кислорода фосфата или одного или более связывающих атомов кислорода фосфата; изменение компонента рибозного сахара, например, 2'-гидроксила рибозного сахара; полная замена фосфатного фрагмента линкерами "дефосфо"; модификация или замена природного основания; и замена или модификация рибозо-фосфатного остова.

Поскольку нуклеиновые кислоты представляют собой полимеры субъединиц, многие из модификаций происходят в позиции, которая повторяется внутри нуклеиновой кислоты, например, модификация основания или фосфатного фрагмента, или несвязывающего О (кислорода) фосфатного фрагмента. В некоторых случаях модификация будет происходить во всех позициях в нуклеиновой кислоте, но во многих случаях этого не происходит. Например, модификация может происходить только в 3'- или 5'-концевом положении, может происходить только в концевой области, например, в позиции концевого нуклеотида или в последних 2, 3, 4, 5, или 10 нуклеотидов цепи. Модификация может происходить в области двухцепочечной, одноцепочечной области или в обеих областях. Модификация может происхо-

дить только в двухцепочечной области РНК или только в одноцепочечной области РНК. Например, тиофосфатная модификация в несвязывающем положении О (кислорода) может происходить на одном или обоих концах, может происходить только в концевой области, например, в позиции на концевом нуклеотиде или в последних 2, 3, 4, 5, или 10 нуклеотидов в цепи, или может встречаться в двухцепочечных и одноцепочечных областях, особенно на концах. 5'-конец или оба конца могут быть фосфорилированы.

Возможно, например, повысить стабильность, включая определенные основания в выступы или включая модифицированные нуклеотиды или заменители нуклеотидов в одноцепочечные выступы, например, в 5'- или 3'-выступы, или в оба концевых выступа. Например, может быть желательно включить пуриновые нуклеотиды в выступы. В некоторых вариантах осуществления все или некоторые основания 3'- или 5'-выступа могут быть модифицированы, например, с помощью модификации, описанной в настоящем изобретении. Модификации могут включать, например, модификации в 2'-позиции сахара рибозы и модификации, известные в данной области техники, например, при использовании дезоксирибонуклеотидов, использовании 2'-дезоксидеокси-2'-фтор (2'-F) или 2'-О-метил- модификации вместо модификации рибосахара азотистого основания, и модификации фосфатной группы, например, фосфоротиоатные модификации. Выступы необязательно должны быть гомологичны целевой последовательности.

В некоторых вариантах осуществления каждый остаток смысловой и антисмысловой цепей независимо модифицирован LNA, CRN, cET, UNA, HNA, CeNA, 2'-метоксиэтилом, 2'-О-метилом, 2'-О-аллилом, 2'-С-аллил, 2'-дезоксидеокси, 2'-гидрокси или 2'-фтором. Цепи могут содержать более одной модификации. В одном варианте осуществления каждый остаток смысловой и антисмысловой цепей независимо модифицирован 2'-О-метилом или 2'-фтором.

Как правило, на смысловой и антисмысловой цепях присутствуют по меньшей мере две различные модификации. Этими двумя модификациями могут быть 2'-О-метил или 2'-фтор модификациями или другие.

В некоторых вариантах осуществления N_a или N_b содержат модификации чередующегося паттерна. Используемый здесь термин "чередующийся мотив" относится к мотиву, имеющему одну или более модификаций, причем каждая модификация происходит на чередующихся нуклеотидах одной цепи. Чередующийся нуклеотид может приходиться на каждый второй нуклеотид или на каждые три нуклеотида или чередоваться по аналогичной схеме. Например, если каждый из А, В и С представляет один тип модификации нуклеотида, чередующийся мотив может быть "АВАВАВАВАВАВАВ...", "ААВВААВВААВВ...", "ААВААВААВААВ...", "АААВВАААВВВ..." или "АВСАВСАВСАВС..." и т.д.

Тип модификаций, содержащихся в чередующемся мотиве, может быть одинаковым или разным. Например, если каждый из А, В, С, D представляет один тип модификации нуклеотида, схема чередования, т.е. порядка модификаций каждого другого нуклеотида, может быть одинаковой, но может быть выбрана для каждой из смысловых или антисмысловых цепей из нескольких возможных модификаций в чередующемся мотиве, таких как "АВАВАВ...", "АСАСАС...", "ВДВДВД..." или "СДСДСД..." и т.д.

В некоторых вариантах осуществления дсРНК агент по изобретению содержит паттерн модификации чередующегося мотива на смысловой цепи, сдвинутый по отношению к паттерну модификации чередующегося мотива на антисмысловой цепи. Сдвиг может быть таким, что модифицированная группа нуклеотидов смысловой цепи соответствует другой модифицированной группе нуклеотидов антисмысловой цепи и наоборот. Например, для смысловой цепи в паре с антисмысловой цепью в дуплексе дсРНК чередующийся мотив в смысловой цепи может начинаться с "АВАВАВ" от 5' до 3' цепи, а чередующийся мотив в антисмысловой цепи может начинаться с "ВАВАВА" от 5' до 3' цепи в области дуплекса. В качестве другого примера, чередующийся мотив в смысловой цепи может начинаться с "ААВВААВВ" от 5' до 3' цепи, а чередующийся мотив в антисмысловой цепи может начинаться с "ВВААВВАА" от 5' до 3' цепи внутри дуплексной области, при этом происходит полный или частичный сдвиг паттернов модификации между смысловой цепью и антисмысловой цепью.

В некоторых вариантах осуществления дсРНК агент содержит паттерн чередующегося мотива 2'-О-метильной модификации и 2'-F-модификации на смысловой цепи, который изначально имеет сдвиг относительно паттерна чередующегося мотива 2'-О-метильной модификации и 2'-F модификации на антисмысловой цепи, т.е. 2'-О-метил модифицированный нуклеотид на смысловой цепи спаривается с 2'-F модифицированным нуклеотидом на антисмысловой цепи и наоборот. Положение 1 смысловой цепи может начинаться с модификации 2'-F, а положение 1 антисмысловой цепи может начинаться с 2'-О-метил модификации.

Введение одного или более мотивов трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов в смысловую цепь или антисмысловую цепь прерывает исходный паттерн модификации, присутствующий в смысловой цепи или антисмысловой цепи. Это прерывание паттерна модификации смысловой или антисмысловой цепи путем введения одного или более мотивов из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов в смысловую или антисмысловую цепь может усиливать активность подавления гена-мишени.

В некоторых вариантах осуществления, если мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов вводится в любую из цепей, то модификация нуклеотида, следующего за мо-

тивом, представляет собой модификацию, отличную от модификации мотива. Например, часть последовательности, содержащая мотив, может представлять собой "...N_aY₁Y₂N_b, ...", где "Y" представляет собой модификацию мотива из трех идентичных модификаций на трех последовательных нуклеотидах, а "N_a" и "N_b", "представляют собой модификацию нуклеотида рядом с мотивом "Y₁Y₂Y₃", которая отличается от модификации Y, где "N_a" и "N_b," могут быть одинаковыми или различными модификациями. Альтернативно, "N_a" и "N_b," могут присутствовать или отсутствовать, если присутствует модификация прилежащей области.

иРНК может дополнительно содержать по меньшей мере одну фосфоротиоатную или метилфосфонатную межнуклеотидную связь. Модификация фосфоротиоатной или метилфосфонатной межнуклеотидной связи может происходить на любом нуклеотиде смысловой цепи, антисмысловой цепи или на обеих цепях в любом положении. Например, модификация межнуклеотидной связи может происходить на каждом нуклеотиде смысловой или антисмысловой цепи; каждая модификация межнуклеотидной связи может происходить в чередующемся порядке на смысловой или антисмысловой цепи; или смысловая цепь или антисмысловая цепь могут содержать обе модификации межнуклеотидной связи в чередующемся порядке. Чередующийся паттерн модификации межнуклеотидной связи на смысловой цепи может быть таким же или отличным от паттерна антисмысловой цепи, а чередующийся паттерн модификации межнуклеотидной связи в смысловой цепи может иметь сдвиг относительно чередующегося паттерна модификации межнуклеотидной связи на антисмысловой цепи. В одном варианте осуществления агент двухцепочечной РНК-интерференции содержит 6-8 фосфоротиоатных межнуклеотидных связей. В некоторых вариантах осуществления антисмысловая цепь содержит две тиофосфатные межнуклеотидные связи на 5'-конце и две тиофосфатные межнуклеотидные связи на 3'-конце, а смысловая цепь содержит по меньшей мере две тиофосфатные межнуклеотидные связи либо на 5'-конце, либо на 3'-конце.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент содержит модификацию фосфоротиоатной или метилфосфонатной межнуклеотидной связи в выступающей области. Например, выступающий участок может содержать два нуклеотида, имеющих фосфоротиоатную или метилфосфонатную межнуклеотидную связь между ними. Модификации межнуклеотидной связи также могут быть сделаны для связывания выступающих нуклеотидов с концевыми спаренными нуклеотидами в области дуплекса.

Например, по меньшей мере 2, 3, 4 или все выступающие нуклеотиды могут быть связаны посредством фосфоротиоатной или метилфосфонатной межнуклеотидной связи, и необязательно могут существовать дополнительные фосфоротиоатные или метилфосфонатные межнуклеотидные связи, связывающие выступающий нуклеотид со спаренным нуклеотидом, находящимся рядом с выступающим нуклеотидом. Например, могут существовать по меньшей мере две фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между тремя концевыми нуклеотидами, в которых два из трех нуклеотидов являются выступающими нуклеотидами, а третий является спаренным нуклеотидом рядом с выступающим нуклеотидом. Эти концевые три нуклеотида могут находиться на 3'-конце антисмысловой цепи, 3'-конце смысловой цепи, 5'-конце антисмысловой цепи или 5'-конце антисмысловой цепи.

В некоторых вариантах осуществления концевой выступ из 2 нуклеотидов находится на 3'-конце антисмысловой цепи, и между тремя концевыми нуклеотидами имеются две фосфоротиоатные межнуклеотидные связи, где два из трех нуклеотидов являются выступающими нуклеотидами, а третий нуклеотид представляет собой спаренный нуклеотид рядом с выступающим нуклеотидом. Необязательно, дсРНКи агент может дополнительно иметь две фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между тремя концевыми нуклеотидами как на 5'-конце смысловой цепи, так и на 5'-конце антисмысловой цепи.

В одном варианте осуществления дсРНКи агент содержит мисматч (несоответствие(я)) с мишенью или в пределах дуплекса или комбинацию таковых. несоответствие может возникнуть в области выступа или области дуплекса. Пара оснований может быть ранжирована на основе их склонности способствовать диссоциации или плавлению (например, по свободной энергии ассоциации или диссоциации) конкретной пары, и самый простой подход состоит в анализе индивидуальных конкретных пар, хотя "соседи (таких пар)" тоже могут быть использованы (или применен аналогичный анализ). С точки зрения стимуляции диссоциации A:U является предпочтительнее чем G:C; G:U предпочтительнее G:C; и I:C предпочтительнее G:C (I=инозин). несоответствия, например неканонические или отличные от канонического спаривания (как описано в другом месте настоящего документа), предпочтительнее канонических (A:T, A:U, G:C) пар; и пары, включающие универсальное основание, предпочтительнее канонических пар.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент содержит по меньшей мере одну из первых 1, 2, 3, 4 или 5 пар оснований в областях дуплекса от 5'-конца антисмысловой цепи, которая независимо выбрана из группы, включающей A:U, G:U, I:C и несоответствующие пары, например, неканонические или отличные от канонических пары или пары, включающие универсальное основание, чтобы способствовать диссоциации антисмысловой цепи на 5'-конце дуплекса.

В некоторых вариантах осуществления нуклеотид в положении 1 в области дуплекса от 5'-конца антисмысловой цепи выбран из A, dA, dU, U и dT. Альтернативно, по меньшей мере одна из первых 1, 2 или 3 пар оснований в области дуплекса от 5'-конца антисмысловой цепи представляет собой пару оснований AU. Например, первая пара оснований в области дуплекса от 5'-конца антисмысловой цепи представляет собой пару оснований AU.

В других вариантах осуществления нуклеотид на 3'-конце смысловой цепи представляет собой дезокситимин (dT) или нуклеотид на 3'-конце антисмысловой цепи представляет собой дезокситимин (dT). Например, на 3'-конце смысловой, антисмысловой цепи или обеих цепей присутствует короткая последовательность дезокситиминовых нуклеотидов, например, два нуклеотида dT.

В некоторых вариантах осуществления последовательность смысловой цепи может быть представлена формулой (I)



в которой каждый из i и j независимо равен 0 или 1;

каждый из p и q независимо равен 0-6;

каждый N_a независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-25 модифицированных нуклеотидов, причем каждая последовательность содержит по меньшей мере два по-разному модифицированных нуклеотида;

каждый N_b независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10 модифицированных нуклеотидов;

каждый n_p и n_q независимо представляет собой выступающий нуклеотид;

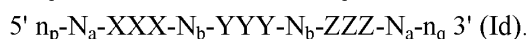
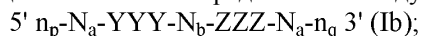
где N_b и Y не имеют одинаковых модификаций; а также

XXX , YYY и ZZZ , каждый независимо друг от друга, представляют один мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов. Предпочтительно YYY представляет собой мотив, где все нуклеотиды имеют 2'-F- модификацию.

В некоторых вариантах осуществления N_a и N_b содержат модификации с чередующимся паттерном.

В некоторых вариантах осуществления мотив YYY находится в сайте расщепления смысловой цепи или рядом с ним. Например, если дсРНКи агент имеет дуплексную область длиной 17-23 нуклеотида, то мотив YYY может встречаться в сайте расщепления или вблизи от него (например, может встречаться в положениях 6, 7, 8; 7, 8, 9; 8, 9, 10; 9, 10, 11; 10, 11, 12 или 11, 12, 13) на смысловой цепи, где отсчет начинается с первого нуклеотида, с 5'-конца; или, необязательно, отсчет начинается с первого спаренного нуклеотида в области дуплекса с 5'-конца.

В одном варианте осуществления i равно 1, a j равно 0, или i равно 0, и j равно 1, или оба i и j равны 1. Таким образом, смысловая цепь может быть представлена следующими формулами:



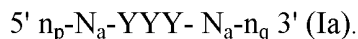
Когда смысловая цепь представлена формулой (Ib), N_b представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Каждый N_a независимо может представлять собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Когда смысловая цепь представлена формулой (Ic), N_b представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10, 0-7, 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Каждый N_a может независимо представлять собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Когда смысловая цепь представлена формулой (Id), каждая N_b представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Предпочтительно N_b равен 0, 1, 2, 3, 4, 5 или 6. Каждый N_a может независимо представлять собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

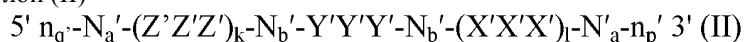
Каждый из X , Y и Z может быть одинаковым или отличным друг от друга.

В других вариантах осуществления i равно 0, a j равно 0, и смысловая цепь может быть представлена формулой



Когда смысловая цепь представлена формулой (Ia), каждый N_a независимо может представлять собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

В одном варианте осуществления последовательность антисмысловой цепи РНКи может быть представлена формулой (II)



в которой

k и l каждый независимо равен 0 или 1;

p' и q' каждый независимо равен 0-6;

каждый $N_{a'}$ независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-25 модифицированных нуклеотидов, причем каждая последовательность содержит по меньшей мере два по-разному модифицированных нуклеотида;

каждый $N_{b'}$ независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую

0-10 модифицированных нуклеотидов;

каждый pr' и nq' независимо представляет собой выступающий нуклеотид;

где N_b' и Y' не имеют одинаковой модификации; а также

Каждый из $X'X'X'$, $Y'Y'Y'$ и $Z'Z'Z'$ независимо представляет один мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов.

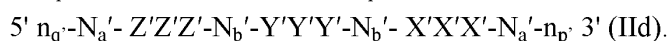
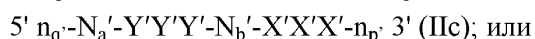
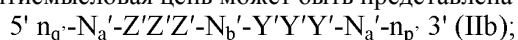
В некоторых вариантах осуществления N_a' или N_b' содержит модификации с чередующимся паттерном.

Мотив $Y'Y'Y'$ встречается в сайте расщепления антисмысловой цепи или рядом с ним. Например, когда дсРНК агент имеет дуплексную область длиной 17-23 нуклеотида, мотив $Y'Y'Y'$ может встречаться в положениях 9, 10, 11; 10, 11, 12; 11, 12, 13; 12, 13, 14; или 13, 14, 15 антисмысловой цепи, начиная отсчет с первого нуклеотида с 5'-конца; или, необязательно, отсчет начинается с первого спаренного нуклеотида в области дуплекса с 5'-конца. Предпочтительно мотив $Y'Y'Y'$ находится в положениях 11, 12, 13.

В некоторых вариантах осуществления мотив $Y'Y'Y'$ представляет собой мотв, где все нуклеотиды модифицированы 2'-Оме.

В некоторых вариантах осуществления k равно 1 и l равно 0, или k равно 0 и l равно 1, или оба k и l равны 1.

Таким образом, антисмысловая цепь может быть представлена следующими формулами:

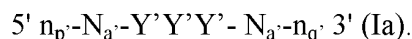


Если антисмысловая цепь представлена формулой (IIb), то N_b' представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10, 0-7, 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Каждый N_a' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Если антисмысловая цепь представлена формулой (IIc), то N_b' представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10, 0-7, 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Каждый N_a' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Если антисмысловая цепь представлена формулой (IId), то каждый N_b' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10, 0-7, 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Каждый N_a' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов. Предпочтительно N_b равен 0, 1, 2, 3, 4, 5 или 6.

В других вариантах осуществления k равно 0 и l равно 0, и антисмысловая цепь может быть представлена формулой



Когда антисмысловая цепь представлена формулой (Ia), каждый N_a' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Каждый из X' , Y' и Z' может быть одинаковым или отличным друг от друга.

Каждый нуклеотид смысловой цепи и антисмысловой цепи может быть независимо модифицирован LNA, CRN, UNA, сEt, HNA, CeNA, 2'-метоксиэтилом, 2'-О-метилом, 2'-О-аллилом, 2'-С-аллилом, 2'-гидрокси или 2'-фтором. Например, каждый нуклеотид смысловой цепи и антисмысловой цепи независимо модифицирован 2'-О-метилом или 2'-фтором. В частности, каждый X , Y , Z , X' , Y' и Z' может представлять собой 2'-О-метил- или 2'-фтор-модификацию.

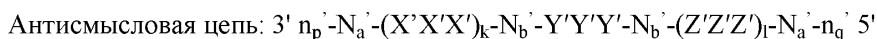
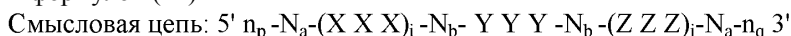
В некоторых вариантах осуществления смысловая цепь дсРНК агента может содержать мотив $Y'Y'Y'$, встречающийся в положениях 9, 10 и 11 цепи, если дуплексная область составляет 21 нуклеотид, отсчет начинается с первого нуклеотида с 5'-конца, или, необязательно, отсчет может начинаться с первого спаренного нуклеотида в области дуплекса с 5'-конца; Y' представляет собой модификацию 2'-F. Смысловая цепь может дополнительно содержать мотив XXX или мотивы ZZZ в качестве модификаций прилегающей области на противоположном конце дуплексной области; и XXX и ZZZ , каждый независимо, представляет собой модификацию 2'-Оме или модификацию 2'-F.

В некоторых вариантах осуществления антисмысловая цепь может содержать мотив $Y'Y'Y'$, расположенный в положениях 11, 12, 13 цепи, где отсчет начинается с первого нуклеотида с 5'-конца, или, необязательно, с первого парного нуклеотида в области дуплекса с 5'-конца; и Y' представляет собой 2'-О-метильную модификацию. Антисмысловая цепь может дополнительно содержать мотив $X'X'X'$ или мотивы $Z'Z'Z'$ в качестве модификаций прилегающей области на противоположном конце дуплексной области; $X'X'X'$ и $Z'Z'Z'$, каждый независимо, представляет собой модификацию 2'-Оме или модификацию 2'-F.

Смысловая цепь, представленная любой из приведенных выше формул (Ia), (Ib), (Ic) и (Id), образует

дуплекс с антисмысловой цепью, представленной любой из формул (IIIa), (IIIb), (IIIc) и (IIIд) соответственно.

Соответственно, дсРНК агенты для применения в способах по изобретению могут содержать смысловую цепь и антисмысловую цепь, каждая из которых имеет от 14 до 30 нуклеотидов, и дуплекс иРНК, представленный формулой (III)



(III)

где каждый из i , j , k и l независимо равен 0 или 1;

каждый из p , p' , q и q' независимо равен 0-6;

каждый N_a и N_a' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-25 модифицированных нуклеотидов, причем каждая последовательность содержит по меньшей мере два по-разному модифицированных нуклеотида;

каждый N_b , и N_b' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 0-10 модифицированных нуклеотидов;

где каждый из n_p , n_p' , n_q , и n_q' может присутствовать или не присутствовать, и независимо представляет собой выступающий нуклеотид; а также

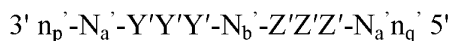
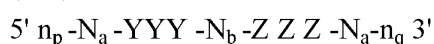
где каждый из XXX, YYY, ZZZ, X'X'X', Y'Y'Y' и Z'Z'Z', независимо, представляет собой один мотив из трех идентичных модификаций трех последовательных нуклеотидов.

В одном варианте осуществления i равно 0 и j равно 0; или i равно 1 и j равно 0; или i равно 0 и j равно 1; или оба i и j равны 0; или оба i и j равны 1. В другом варианте осуществления k равно 0 и l равно 0; или k равно 1 и l равно 0; k равно 0 и l равно 1; или оба k и l равны 0; или оба k и l равны 1.

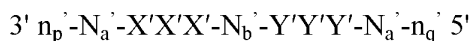
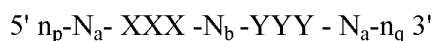
Примеры комбинаций смысловой цепи и антисмысловой цепи, образующих дуплекс иРНК, включают следующие формулы:



(IIIa)



(IIIb)



(IIIc)



(IIIд)

Когда дсРНК агент представлен формулой (IIIa), каждый N_a независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Когда дсРНК агент представлен формулой (IIIb), каждый N_b независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 1-10, 1-7, 1-5 или 1-4 модифицированных нуклеотида. Каждый N_a независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Когда дсРНК агент представлен формулой (IIIc), каждый N_b , N_b' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, включающую 0-10, 0-7, 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Каждый N_a независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов.

Когда дсРНК агент представлен формулой (IIIд), каждый N_b , N_b' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, включающую 0-10, 0-7, 0-10, 0-7, 0-5, 0-4, 0-2 или 0 модифицированных нуклеотидов. Каждый N_a , N_a' независимо представляет собой олигонуклеотидную последовательность, содержащую 2-20, 2-15 или 2-10 модифицированных нуклеотидов. Каждый из N_a , N_a' , N_b и N_b' независимо содержит модификации с чередующимся паттерном.

Каждый из X, Y и Z в формулах (III), (IIIa), (IIIb), (IIIc) и (IIIд) может быть одинаковым или отличаться друг от друга.

Когда дсРНК агент представлен формулой (III), (IIIa), (IIIb), (IIIc) и (IIIд), по меньшей мере один из нуклеотидов Y может образовывать пару оснований с одним из нуклеотидов Y'. Альтернативно, по меньшей мере два нуклеотида Y образуют пары оснований с соответствующими нуклеотидами Y'; или

все три нуклеотида Y образуют пары оснований с соответствующими нуклеотидами Y'.

Когда дсРНКи агент представлен формулой (IIIb) или (IIIд), по меньшей мере один из нуклеотидов Z может образовывать пару оснований с одним из нуклеотидов Z'. Альтернативно, по меньшей мере, два нуклеотида Z образуют пары оснований с соответствующими нуклеотидами Z'; или все три нуклеотида Z образуют пары оснований с соответствующими нуклеотидами Z'.

Когда дсРНКи агент представлен формулой (IIIc) или (IIIд), по меньшей мере один из нуклеотидов X может образовывать пару оснований с одним из нуклеотидов X'. Альтернативно, по меньшей мере, два нуклеотида X образуют пары оснований с соответствующими нуклеотидами X'; или все три нуклеотида X образуют пары оснований с соответствующими нуклеотидами X'.

В некоторых вариантах осуществления модификация нуклеотида Y отличается от модификации нуклеотида Y', модификация нуклеотида Z отличается от модификации нуклеотида Z' или модификация нуклеотида X отличается от модификации нуклеотида X'.

В некоторых вариантах осуществления, когда дсРНКи агент представлен формулой (IIIд), модификации N_a представляют собой модификации 2'-О-метил или 2'-фтор. В других вариантах осуществления, когда агент РНК-интерференции представлен формулой (IIIд), модификации N_a представляют собой модификации 2'-О-метил или 2'-фтор и n_p' > 0, и по меньшей мере один n_p' связан с соседним нуклеотидом через тиофосфатную связь. В других вариантах осуществления, когда агент РНК-интерференции представлен формулой (IIIд), модификации N_a представляют собой модификации 2'-О-метил или 2'-фтор, n_p' > 0, и по меньшей мере один n_p' связан с соседним нуклеотидом через фосфоротиоатную связь, а смысловая цепь конъюгирована с одним или более производными GalNAc, присоединенными через двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер (описано ниже). В других вариантах осуществления, когда агент РНК-интерференции представлен формулой (IIIд), модификации N_a представляют собой модификации 2'-О-метил или 2'-фтор, n_p' > 0, и по меньшей мере один n_p' связан с соседним нуклеотидом через фосфоротиоатную связь, смысловая цепь содержит по меньшей мере одну фосфоротиоатную связь, и смысловая цепь конъюгирована с одним или более производными GalNAc, присоединенными через двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер.

В некоторых вариантах осуществления, когда дсРНКи агент представлен формулой (IIIa), модификации N_a представляют собой модификации 2'-О-метил или 2'-фтор, n_p' > 0, и по меньшей мере один n_p' связан с соседним нуклеотидом через фосфоротиоатную связь, смысловая цепь содержит по меньшей мере одну фосфоротиоатную связь, и смысловая цепь конъюгирована с одним или более производными GalNAc, присоединенными через двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент представляет собой мультимер, содержащий по меньшей мере два дуплекса, представленных формулами (III), (IIIa), (IIIb), (IIIc) и (IIIд), где дуплексы соединены линкером. Линкер может быть расщепляемым или нерасщепляемым. Необязательно, мультимер дополнительно содержит лиганд. Каждый из дуплексов может быть нацелен на один и тот же ген или на два разных гена; или каждый из дуплексов может нацеливаться на один и тот же ген в двух разных сайтах-мишенях.

В некоторых вариантах осуществления дсРНКи агент представляет собой мультимер, содержащий три, четыре, пять, шесть или более дуплексов, представленных формулами (III), (IIIa), (IIIb), (IIIc) и (IIIд), где дуплексы связаны линкером. Линкер может быть расщепляемым или нерасщепляемым. Необязательно, мультимер дополнительно содержит лиганд. Каждый из дуплексов может быть нацелен на один и тот же ген или на два разных гена; или каждый из дуплексов может нацеливаться на один и тот же ген в двух разных сайтах-мишенях.

В одном варианте осуществления два дсРНКи агента, представленные по меньшей мере одной из формул (III), (IIIa), (IIIb), (IIIc) и (IIIд), связаны друг с другом на 5'-конце, и на одном или обоих из 3'-концов и необязательно конъюгированы с лигандом. Каждый из агентов может быть нацелен на один и тот же ген или на два разных гена; или каждый из агентов может быть нацелен на один и тот же ген в двух разных сайтах-мишенях.

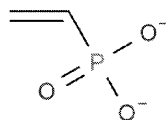
В некоторых вариантах осуществления агент РНК-интерференции по изобретению может содержать небольшое количество нуклеотидов, содержащих модификацию 2'-фтор, например, 10 или менее нуклеотидов с модификацией 2'-фтор. Например, РНКи агент может содержать 10, 9, 8, 7, 6, 5, 4, 3, 2, 1 или 0 нуклеотидов с модификацией 2'-фтор. В конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по изобретению содержит 10 нуклеотидов с модификацией 2'-фтор, например, 4 нуклеотида с модификацией 2'-фтор в смысловой цепи и 6 нуклеотидов с модификацией 2'-фтор в антисмысловой цепи. В другом конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по изобретению содержит 6 нуклеотидов с модификацией 2'-фтор, например, 4 нуклеотида с модификацией 2'-фтор в смысловой цепи и 2 нуклеотида с модификацией 2'-фтор в антисмысловой цепи.

В других вариантах осуществления агент РНК-интерференции по изобретению может содержать очень небольшое количество нуклеотидов, содержащих модификацию 2'-фтор, например, 2 или меньше нуклеотидов, содержащих модификацию 2'-фтор. Например, РНКи агент может содержать 2, 1 из 0 нуклеотидов с модификацией 2'-фтор. В конкретном варианте осуществления РНКи агент может содержать 2 нуклеотида с модификацией 2'-фтор, например, 0 нуклеотидов с модификацией 2'-фтор в смысловой

цепи и 2 нуклеотида с модификацией 2'-фтор в антисмысловой цепи.

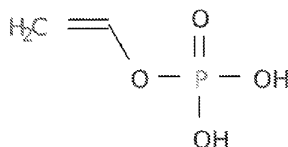
Различные публикации описывают мультимерные иРНК, которые можно использовать в способах по изобретению. Такие публикации включают WO 2007/091269, патент США № 7858769, WO 2010/141511, WO 2007/117686, WO 2009/014887 и WO 2011/031520, полное содержание каждого из которых включено в настоящее описание посредством ссылки.

В некоторых вариантах осуществления композиции и способы согласно настоящему изобретению включают винилфосфонатную (VP) модификацию агента РНК-интерференции, как описано в настоящем изобретении. В типичных вариантах осуществления винилфосфонат согласно настоящему изобретению имеет следующую структуру:



Винилфосфонат по настоящему изобретению может быть присоединен либо к антисмысловой, либо к смысловой цепи дсРНК согласно настоящему изобретению. В некоторых предпочтительных вариантах осуществления винилфосфонат по настоящему изобретению присоединен к антисмысловой цепи дсРНК, необязательно на 5'-конце антисмысловой цепи дсРНК.

Модификации винилфосфата также предусмотрены для композиций и способов согласно настоящему описанию. Типичная структура винилфосфата такова



Как более подробно описано ниже, иРНК, которая включает конъюгации одной или нескольких углеводных частей с иРНК, способна оптимизировать одно или более свойств иРНК. Во многих случаях углеводный фрагмент может быть присоединен к модифицированной субъединице иРНК. Например, рибозный сахар одной или нескольких рибонуклеотидных субъединиц иРНК может быть заменен другим фрагментом, например неуглеводным носителем (предпочтительно циклическим), к которому присоединен углеводный лиганд. Субъединица рибонуклеотида, в которой таким образом заменен рибозный сахар субъединицы, называется здесь субъединицей с модификацией замены рибозы (RRMS). Циклический носитель может представлять собой карбоциклическую кольцевую систему, т.е. в которой все атомы кольца представляют собой атомы углерода, или гетероциклическую кольцевую систему, т.е. в которой один или более кольцевых атомов могут представлять собой гетероатом, например, азот, кислород, серу. Циклический носитель может представлять собой моноциклическую систему колец или может содержать два или более колец, например сплавленные кольца. Циклический носитель может представлять собой полностью насыщенную кольцевую систему или может содержать одну или более двойных связей.

Лиганд может быть присоединен к полинуклеотиду через носитель. Носители включают (i) по меньшей мере одну "точку крепления к остову", предпочтительно две "точки крепления к остову" и (ii) по меньшей мере одну "точку крепления". Используемый здесь термин "точка крепления к остову" относится к функциональной группе, например гидроксильной группе или, в общем случае, к связи, доступной и подходящей для включения носителя в основную цепь, например фосфатную или модифицированную фосфатную, например серосодержащую, основную цепь рибонуклеиновой кислоты. "Точка присоединения" (TAP, tethering attachment point) в некоторых вариантах осуществления относится к составляющему кольцевому атому циклического носителя, например атому углерода или гетероатому (отличному от атома, который обеспечивает "точку крепления к остову"), который присоединяет выбранный фрагмент. Фрагмент может быть, например, углеводом, например моносахаридом, дисахаридом, трисахаридом, тетрасахаридом, олигосахаридом или полисахаридом. Необязательно выбранный фрагмент соединен промежуточной связью с циклическим носителем. Таким образом, циклический носитель часто будет включать функциональную группу, например аминогруппу, или, как правило, обеспечивать связь, подходящую для включения или присоединения другого химического соединения, например лиганда, к кольцу носителя.

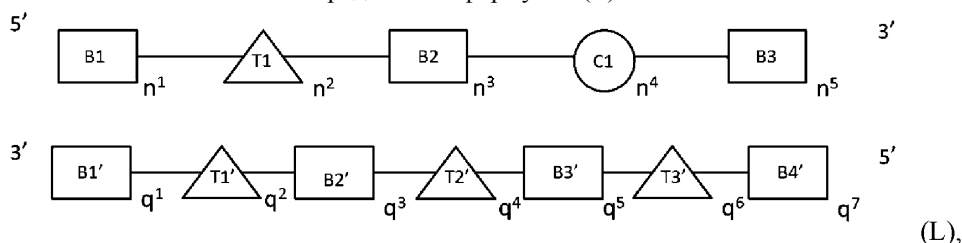
иРНК может быть конъюгирована с лигандом через носитель, где носитель может представлять собой циклическую группу или ациклическую группу; где предпочтительно циклическая группа выбрана из пирролидинила, пиразолинила, пиразолидинила, имидазолинила, имидазолидинила, пиперидинила, пиперазинила, [1,3]диоксолана, оксазолидинила, изоксазолидинила, морфолинила, тиазолидинила, изотиазолидинила, хиноксалинила, пиридазинонила, тетрагидрофурила и декалина; предпочтительно ациклическая группа представляет собой цепь серинола или цепь диэтанолamina.

i. Термически дестабилизирующие модификации.

В некоторых вариантах осуществления молекула дсРНК может быть оптимизирована для РНК-интерференции путем включения термически дестабилизирующих модификаций в исходную область антисмысловой цепи (т.е. в положениях 2-9 5'-конца антисмысловой цепи) для уменьшения или ингиби-

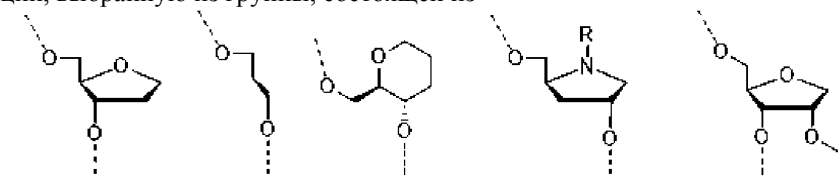
рования сайленсинга нецелевых генов. Было обнаружено, что дсРНК с антисмысловой цепью, содержащей по меньшей мере одну термически дестабилизирующую модификацию дуплекса в пределах первых 9 нуклеотидных позиций, считая с 5'-конца антисмысловой цепи, обладают сниженной активностью сайленсинга нецелевого гена. Соответственно, в некоторых вариантах осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере одну (например, одну, две, три, четыре, пять или более) термически дестабилизирующую модификацию дуплекса в пределах первых 9 нуклеотидных положений 5'-области антисмысловой цепи. В некоторых вариантах осуществления одна или несколько термодестабилизирующих модификаций дуплекса расположены в положениях 2-9 или предпочтительно в положениях 4-8 от 5'-конца антисмысловой цепи. В некоторых дополнительных вариантах осуществления термически дестабилизирующая модификация дуплекса находится(ются) в положении 6, 7 или 8 от 5'-конца антисмысловой цепи. В еще некоторых дополнительных вариантах осуществления термически дестабилизирующая модификация дуплекса расположена в положении 7 от 5'-конца антисмысловой цепи. Термин "термически дестабилизирующая(ие) модификация(и) дуплекса" включает модификацию(и), которая приводит к получению дсРНК с более низкой общей температурой плавления (T_m) (предпочтительно T_m , которая на один, два, три или четыре градуса ниже, чем T_m дсРНК без такой модификации (модификаций)). В некоторых вариантах осуществления термически дестабилизирующая модификация дуплекса расположена в положении 2, 3, 4, 5 или 9 от 5'-конца антисмысловой цепи.

иРНК агент содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, каждая из которых имеет от 14 до 40 нуклеотидов. иРНК агент может быть представлен формулой (L)

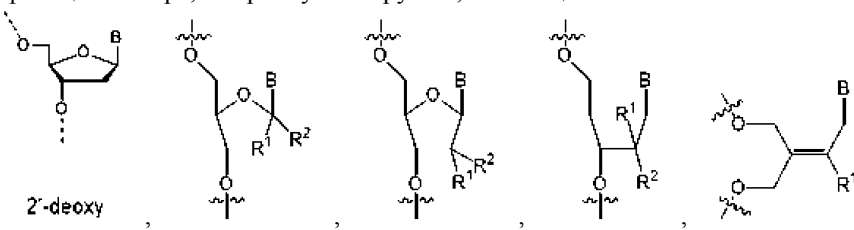


В формуле (L) каждый B1, B2, B3, B1', B2', B3' и B4' независимо представляет собой нуклеотид, содержащий модификацию, выбранную из группы, состоящей из 2'-О-алкила, 2'-замещенного алкокси, 2'-замещенного алкила, 2'-галогена, ENA и BNA/LNA. В одном варианте осуществления каждый из B1, B2, B3, B1', B2', B3' и B4' содержит модификации 2'-ОМе. В одном варианте осуществления каждый из B1, B2, B3, B1', B2', B3' и B4' содержит модификации 2'-ОМе или 2'-F. В одном варианте осуществления по меньшей мере один из B1, B2, B3, B1', B2', B3' и B4' содержит модификацию 2'-О-N-метилацетамида (2'-O-NMA).

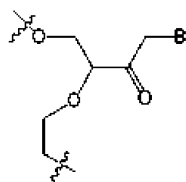
C1 представляет собой термически дестабилизирующий нуклеотид, расположенный в месте, противоположном основе-затравке (seed region) антисмысловой цепи (т.е. в положениях 2-8 5'-конца антисмысловой цепи). Например, C1 находится в положении смысловой цепи, которое спаривается с нуклеотидом в положениях 2-8 от 5'-конца антисмысловой цепи. В одном примере C1 находится в положении 15 от 5'-конца смысловой цепи. Нуклеотид C1 имеет термодестабилизирующую модификацию, которая может включать абазическую модификацию; несоответствие противоположному нуклеотиду в дуплексе; и модификацию сахара, такую как 2'-дезоксимодификация или ациклический нуклеотид, например, заблокированные нуклеиновые кислоты (UNA) или глицериновую нуклеиновую кислоту (GNA). В одном варианте осуществления C1 имеет термически дестабилизирующую модификацию, выбранную из группы, состоящей из: i) несоответствия противоположному нуклеотиду в антисмысловой цепи; ii) абазической модификации, выбранную из группы, состоящей из



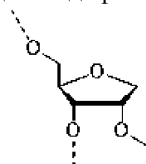
и iii) модификацию сахара, выбранную из группы, состоящей из



и



где В представляет собой модифицированное или немодифицированное азотистое основание, R^1 и R^2 независимо представляют собой H, галоген, OR_3 или алкил; и R_3 представляет собой H, алкил, циклоалкил, арил, аралкил, гетероарил или сахар. В одном варианте осуществления термически дестабилизирующая модификация в С1 представляет собой несоответствие, выбранное из группы, состоящей из G:G, G:A, G:U, G:T, A:A, A:C, C:C, C:U, C:T, U:U, T:T, и U:T; и где, необязательно, по меньшей мере одно азотистое основание в паре несоответствия представляет собой 2'-дезоксинуклеотидное основание. В одном примере термически дестабилизирующей модификацией в С1 является GNA или



Каждый из T1, T1', T2' и T3' независимо представляет собой нуклеотид, содержащий модификацию, обеспечивающую стерический объем нуклеотида, который меньше или равен стерическому объему модификации 2'-ОМе. Стерический объем относится к сумме стерических эффектов модификации. Способы определения стерических эффектов модификации нуклеотида известны специалистам в данной области техники. Модификация может находиться в 2'-положении рибозного сахара нуклеотида или быть модификацией нерибозного нуклеотида, ациклического нуклеотида или скелета нуклеотида, который аналогичен или эквивалентен 2'-положению рибозного сахара и обеспечивает нуклеотиду стерический объем, который меньше или равен стерическому объему модификации 2'-ОМе. Например, каждый из T1, T1', T2' и T3' независимо выбран из ДНК, РНК, LNA, 2'-F и 2'-F-5'-метила. В одном варианте осуществления T1 представляет собой ДНК. В одном варианте осуществления T1' представляет собой ДНК, РНК или LNA. В одном варианте осуществления T2' представляет собой ДНК или РНК. В одном варианте осуществления T3' представляет собой ДНК или РНК.

n^1, n^3 , и q^1 независимо имеют длину от 4 до 15 нуклеотидов.

n^5, q^3 , и q^7 независимо имеют длину 1-6 нуклеотидов.

n^4, q^2 , и q^6 независимо имеют длину 1-3 нуклеотида; альтернативно, n^4 равен 0.

q^5 независимо имеет длину 0-10 нуклеотидов.

n^2 и q^4 независимо имеют длину 0-3 нуклеотида(ов).

Альтернативно, n^4 имеет длину 0-3 нуклеотида(ов).

В одном варианте осуществления n^4 может быть равен 0. В одном примере n^4 равен 0, а q^2 и q^6 равны 1. В другом примере n^4 равен 0, а q^2 и q^6 равны 1, с двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1-5 смысловой цепи (считая с 5'-конца смысловой цепи), две модификации тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1 и 2 и две модификации тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 18-23 антисмысловой цепи (считая с 5'-конца антисмысловой цепи).

В одном варианте осуществления каждый из n^4, q^2 и q^6 равны 1.

В одном варианте осуществления каждый из n^2, n^4, q^2, q^4 , и q^6 равны 1.

В одном варианте осуществления С1 находится в положении 14-17 5'-конца смысловой цепи, когда длина смысловой цепи составляет 19-22 нуклеотида, а n^4 равно 1. В одном варианте осуществления С1 находится в положении 15 от 5'-конца смысловой цепи.

В одном варианте осуществления T3' начинается в положении 2 от 5'-конца антисмысловой цепи. В одном примере T3' находится в положении 2 от 5'-конца антисмысловой цепи, а q^6 равно 1.

В одном варианте осуществления T1' начинается в положении 14 от 5'-конца антисмысловой цепи. В одном примере T1' находится в положении 14 от 5'-конца антисмысловой цепи, а q^6 равно 1.

В типичном варианте осуществления T3' начинается с положения 2 с 5'-конца антисмысловой цепи, а T1' начинается с положения 14 с 5'-конца антисмысловой цепи. В одном примере T3' начинается с положения 2 с 5'-конца антисмысловой цепи, а q^6 равно 1, а T1' начинается с положения 14 с 5'-конца антисмысловой цепи, а q^2 равно 1.

В одном варианте осуществления T1' и T3' разделены длиной 11 нуклеотидов (т.е. не считая нуклеотидов T1' и T3').

В одном варианте осуществления T1' находится в положении 14 от 5'-конца антисмысловой цепи. В одном примере T1' находится в положении 14 от 5'-конца антисмысловой цепи, q^2 равно 1, и имеет модификацию в положении 2' или положениях в нерибозной, ациклической или основной цепи, которые обеспечивают меньший стерический объем чем 2'-ОМе рибоза.

В одном варианте осуществления T3' находится в положении 2 от 5'-конца антисмысловой цепи. В

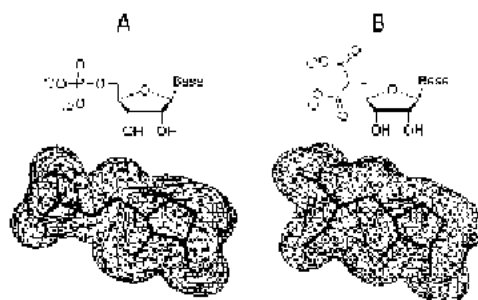
бой 7, n^4 представляет собой 0, ВЗ представляет собой 2'-ОМе, n^5 представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^1 представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q^2 представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^3 представляет собой 4, q^4 представляет собой 0, ВЗ' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^5 представляет собой 7, ТЗ' представляет собой 2'-F, q^6 представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-ОМе, и q^7 равно 1; с двумя модификациями фосфоротиоатных межнуклеотидных связей в положениях 1-5 смысловой цепи (считая с 5'-конца) и двумя модификациями фосфоротиоатных межнуклеотидных связей в положениях 1 и 2 и двумя модификациями фосфоротиоатных межнуклеотидных связей в положениях 18-23 антисмысловой цепи (считая с 5'-конца).

В одном варианте осуществления В1 представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, n^1 представляет собой 8, Т1 представляет собой 2'F, n^2 представляет собой 3, В2 представляет собой 2'-ОМе, n^3 представляет собой 7, n^4 представляет собой 0, ВЗ представляет собой 2'ОМе, n^5 представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^1 представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q^2 представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^3 представляет собой 4, Т2' представляет собой 2'-F, q^4 представляет собой 2, ВЗ' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^5 представляет собой 5, ТЗ' представляет собой 2'-F, q^6 представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-F, и q^7 равно 1.

В одном варианте осуществления В1 представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, n^1 представляет собой 8, Т1 представляет собой 2'F, n^2 представляет собой 3, В2 представляет собой 2'-ОМе, n^3 представляет собой 7, n^4 представляет собой 0, ВЗ представляет собой 2'-ОМе, n^5 представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^1 представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q^2 представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^3 представляет собой 4, Т2' представляет собой 2'-F, q^4 представляет собой 2, ВЗ' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^5 представляет собой 5, ТЗ' представляет собой 2'-F, q^6 представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-F, и q^7 равно 1; с двумя модификациями фосфоротиоатных межнуклеотидных связей в положениях 1-5 смысловой цепи (считая с 5'-конца смысловой цепи) и двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1 и 2 и две модификации тиофосфатной межнуклеотидной связи в пределах положений 18-23 антисмысловой цепи (считая от 5'-конца антисмысловой цепи).

В одном варианте осуществления В1 представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, n^1 представляет собой 8, Т1 представляет собой 2'F, n^2 представляет собой 3, В2 представляет собой 2'-ОМе, n^3 представляет собой 7, n^4 представляет собой 0, ВЗ представляет собой 2'-ОМе, n^5 представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^1 представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q^2 представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^3 представляет собой 4, q^4 представляет собой 0, ВЗ' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^5 представляет собой 7, ТЗ' представляет собой 2'-F, q^6 представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-F, и q^7 равно 1.

В одном варианте осуществления В1 представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, n^1 представляет собой 8, Т1 представляет собой 2'F, n^2 представляет собой 3, В2 представляет собой 2'-ОМе, n^3 представляет собой 7, n^4 представляет собой 0, ВЗ представляет собой 2'-ОМе, n^5 представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^1 представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q^2 представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^3 представляет собой 4, q^4 представляет собой 0, ВЗ' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q^5 представляет собой 7, ТЗ' представляет собой 2'-F, q^6 представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-F, и q^7 равно 1; с двумя модификациями фосфоротиоатной межнуклеотидной связи в пределах положений 1-5 смысловой цепи (считая от 5'-конца смысловой цепи), и двумя модификациями фосфоротиоатной межнуклеотидной связи в положениях 1 и 2 и двумя модификациями фосфоротиоатной межнуклеотидной связи в пределах положений 18-23 антисмысловой цепи (считая от 5'-конца антисмысловой цепи). Агент РНК-интерференции может содержать фосфорсодержащую группу на 5'-конце смысловой или антисмысловой цепи. 5'-концевая фосфорсодержащая группа может быть 5'-концевой фосфатной (5'-P), 5'-концевой фосфоротиоатной (5'-PS), 5'-концевой фосфородитиоатной (5'-PS₂), 5'-концевой винилфосфонатной (5'-VP), 5'-концевой метилфосфонатной (MePhos) или 5'-дезоксидезокси-5'-С-малонильной



Когда 5'-концевая фосфорсодержащая группа представляет собой 5'-концевой винилфосфонат (5'-VP), 5'-VP может быть изомером 5'-E-VP (т.е. транс-винилфосфонатом,

тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1 и 2 и двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 18-23 антисмысловой цепи (считая от 5'-конца антисмысловой цепи). РНКи агент также содержит 5'-PS и нацеливающий лиганд. В одном варианте осуществления 5'-PS находится на 5'-конце антисмысловой цепи, а нацеливающий лиганд находится на 3'-конце смысловой цепи.

В одном варианте осуществления В1 представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, n¹ представляет собой 8, Т1 представляет собой 2'F, n² представляет собой 3, В2 представляет собой 2'-ОМе, n³ представляет собой 7, n⁴ представляет собой 0, В3 представляет собой 2'-ОМе, n⁵ представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q¹ представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q² представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q³ представляет собой 4, q⁴ представляет собой 0, В3' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q⁵ представляет собой 7, Т3' представляет собой 2'-F, q⁶ представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-F, и q⁷ представляет собой 1; с двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1-5 смысловой цепи (считая от 5'-конца смысловой цепи), а также двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1 и 2 и двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 18-23 антисмысловой цепи (считая от 5'-конца антисмысловой цепи). РНКи агент также содержит 5'-VP (например, 5'-E-VP, 5'-Z-VP или комбинацию таких) и нацеливающий лиганд. В одном варианте осуществления 5'-VP находится на 5'-конце антисмысловой цепи, а нацеливающий лиганд находится на 3'-конце смысловой цепи.

В одном варианте осуществления В1 представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, n¹ представляет собой 8, Т1 представляет собой 2'F, n² представляет собой 3, В2 представляет собой 2'-ОМе, n³ представляет собой 7, n⁴ представляет собой 0, В3 представляет собой 2'-ОМе, n⁵ представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q¹ представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q² представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q³ представляет собой 4, q⁴ представляет собой 0, В3' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q⁵ представляет собой 7, Т3' представляет собой 2'-F, q⁶ представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-F, и q⁷ представляет собой 1; с двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1-5 смысловой цепи (считая от 5'-конца смысловой цепи), а также двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1 и 2 и двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 18-23 антисмысловой цепи (считая от 5'-конца антисмысловой цепи). РНКи агент также содержит 5'-PS₂ и нацеливающий лиганд. В одном варианте осуществления 5'-PS₂ находится на 5'-конце антисмысловой цепи, а нацеливающий лиганд находится на 3'-конце смысловой цепи.

В одном варианте осуществления В1 представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, n¹ представляет собой 8, Т1 представляет собой 2'F, n² представляет собой 3, В2 представляет собой 2'-ОМе, n³ представляет собой 7, n⁴ представляет собой 0, В3 представляет собой 2'-ОМе, n⁵ представляет собой 3, В1' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q¹ представляет собой 9, Т1' представляет собой 2'-F, q² представляет собой 1, В2' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q³ представляет собой 4, q⁴ представляет собой 0, В3' представляет собой 2'-ОМе или 2'-F, q⁵ представляет собой 7, Т3' представляет собой 2'-F, q⁶ представляет собой 1, В4' представляет собой 2'-F, и q⁷ представляет собой 1; с двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 1-5 смысловой цепи (считая от 5'-конца смысловой цепи), а также двумя модификациями тиофосфатной межнуклеотидной связи в положениях 18-23 антисмысловой цепи (считая от 5'-конца антисмысловой цепи). РНКи агент также содержит 5'-дезоксидезокси-5'-С-малонил и нацеливающий лиганд. В одном варианте осуществления 5'-дезоксидезокси-5'-С-малонил находится на 5'-конце антисмысловой цепи, а нацеливающий лиганд находится на 3'-конце смысловой цепи.

В конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

(i) 21 нуклеотид в длину;

(ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер; а также

(iii) модификации 2'-F в положениях 1, 3, 5, 7, 9-11, 13, 17, 19 и 21 и модификации 2'-ОМе в положениях 2, 4, 6, 8, 12, 14 до 16, 18 и 20 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

(i) 23 нуклеотида в длину;

(ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 3, 5, 9, с 11 по 13, 15, 17, 19, 21 и 23 и модификации 2'F в положениях с 2, 4, 6 по 8, 10, 14, 16, 18, 20 и 22 (считая с 5'-конца); а также

(iii) фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 21 и 22, а также между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом агенты дсРНК имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

- (i) 21 нуклеотид в длину;
- (ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;
- (iii) модификации 2'-F в положениях 1, 3, 5, 7, 9-11, 13, 15, 17, 19 и 21 и модификации 2'-ОМе в положениях 2, 4, 6, 8, 12, 14, 16, 18 и 20 (считая с 5'-конца); а также
- (iv) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

- (i) 23 нуклеотида в длину;
- (ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 3, 5, 7, 9, с 11 по 13, 15, 17, 19 и с 21 по 23 и модификации 2'F в положениях 2, 4, 6, 8, 10, 14, 16, 18 и 20 (считая с 5'-конца); а также
- (iii) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5' -конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

- (i) 21 нуклеотид в длину;
- (ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;
- (iii) модификации 2'-ОМе в положениях с 1 по 6, 8, 10 и с 12 по 21, модификации 2'-F в положениях 7 и 9 и дезоксинуклеотид (например, dT) в положении 11 (считая от 5'-конец); а также
- (iv) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющая:

- (i) 23 нуклеотида в длину;
- (ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 3, 7, 9, 11, 13, 15, 17 и с 19 по 23 и модификации 2'-F в положениях 2, 4 до 6, 8, 10, 12, 14, 16 и 18 (считая с 5'-конца); а также
- (iii) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5' -конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

- (i) 21 нуклеотид в длину;
- (ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;
- (iii) модификации 2'-ОМе в положениях с 1 по 6, 8, 10, 12, 14 и с 16 по 21 и модификации 2'-F в положениях 7, 9, 11, 13 и 15; а также
- (iv) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

- (i) 23 нуклеотида в длину;
- (ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 5, 7, 9, 11, 13, 15, 17, 19 и с 21 по 23 и модификации 2'-F в положениях со 2 по 4, 6, 8, 10, 12, 14, 16, 18 и 20 (считая с 5'-конца); а также
- (iii) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5' -конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления РНКи агент по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

- (i) 21 нуклеотид в длину;
- (ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;

водных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;

(iii) модификации 2'-ОМе в положениях с 1 по 9 и с 12 по 21 и модификации 2'-F в положениях 10 и 11; а также

(iv) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

(i) 23 нуклеотида в длину;

(ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 3, 5, 7, 9, с 11 по 13, 15, 17, 19 и с 21 по 23 и модификации 2'-F в положениях 2, 4, 6, 8, 10, 14, 16, 18 и 20 (считая с 5'-конца); а также

(iii) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления РНКи агент по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

(i) 21 нуклеотид в длину;

(ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;

(iii) модификации 2'-F в положениях 1, 3, 5, 7, 9-11 и 13 и модификации 2'-ОМе в положениях 2, 4, 6, 8, 12 и 14-21; а также

(iv) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

(i) 23 нуклеотида в длину;

(ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 3, с 5 по 7, 9, с 11 по 13, 15, с 17 по 19 и с 21 по 23, а также модификации 2'-F в положениях 2, 4, 8, 10, 14, 16 и 20 (считая с 5'-конца); а также

(iii) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

(i) 21 нуклеотид в длину;

(ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;

(iii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 2, 4, 6, 8, 12, 14, 15, 17 и с 19 по 21 и модификации 2'-F в положениях 3, 5, 7, 9-11, 13, 16 и 18; а также

(iv) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

(i) 25 нуклеотидов в длину;

(ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, 4, 6, 7, 9, с 11 по 13, 15, 17 и с 19 по 23, модификации 2'-F в положениях 2, 3, 5, 8, 10, 14, 16 и 18, и дезоксинуклеотиды (например, dT) в положениях 24 и 25 (считая с 5'-конца); а также

(iii) фосфоротиатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из четырех нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

(i) 21 нуклеотид в длину;

(ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;

(iii) модификации 2'-ОМе в положениях с 1 по 6, 8 и с 12 по 21 и модификации 2'-F в положениях

7ис9 по 11; а также

(iv) фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

(i) 23 нуклеотида в длину;

(ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, с 3 по 5, 7, 8, с 10 по 13, 15 и с 17 по 23 и модификации 2'-F в положениях 2, 6, 9, 14 и 16 (считая с 5' конца); а также

(iii) фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления агент РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

(i) 21 нуклеотид в длину;

(ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;

(iii) модификации 2'-ОМе в положениях с 1 по 6, 8 и с 12 по 21 и модификации 2'-F в положениях 7ис9 по 11; а также

(iv) фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, а также между положениями нуклеотидов 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

(i) 23 нуклеотида в длину;

(ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, с 3 по 5, 7, с 10 по 13, 15 и с 17 по 23 и модификации 2'-F в положениях 2, 6, 8, 9, 14 и 16 (считая с 5' конца); а также

(iii) фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 21 и 22 и между положениями нуклеотидов 22 и 23 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи.

В другом конкретном варианте осуществления агента РНК-интерференции по настоящему изобретению содержит:

а) смысловую цепь, имеющую:

(i) 19 нуклеотидов в длину;

(ii) лиганд ASGPR, присоединенный к 3'-концу, где указанный лиганд ASGPR содержит три производных GalNAc, присоединенных через трехвалентный разветвленный линкер;

(iii) модификации 2'-ОМе в положениях с 1 по 4, 6 и с 10 по 19 и модификации 2'-F в положениях 5 и с 7 по 9; а также

(iv) фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между нуклеотидами в положениях 1 и 2 и между нуклеотидами в положениях варианты 2 и 3 (считая с 5'-конца);

а также

(b) антисмысловую цепь, имеющую:

(i) 21 нуклеотид в длину;

(ii) модификации 2'-ОМе в положениях 1, с 3 по 5, 7, с 10 по 13, 15 и с 17 по 21 и модификации 2'-F в положениях 2, 6, 8, 9, 14 и 16 (считая с 5' конца); а также

(iii) фосфоротиоатные межнуклеотидные связи между положениями нуклеотидов 1 и 2, между положениями нуклеотидов 2 и 3, между положениями нуклеотидов 19 и 20 и между положениями нуклеотидов 20 и 21 (считая с 5'-конца);

при этом РНКи агенты имеют концевой выступ из двух нуклеотидов на 3'-конце антисмысловой цепи и тупой конец на 5'-конце антисмысловой цепи.

В некоторых вариантах осуществления иРНК для применения в способах по изобретению представляет собой агент, выбранный из агентов, перечисленных в любой из таблиц 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50. Эти агенты могут дополнительно содержать лиганд.

III. иРНК, конъюгированные с лигандами.

Другая модификация РНК, принадлежащей к иРНК по изобретению, включает химическое связывание с иРНК одного или более лигандов, фрагментов или конъюгатов, усиливающих активность, клеточное распределение или клеточное поглощение иРНК, например, перенос в клетку. Такие фрагменты включают, без ограничения таковыми, липидные фрагменты, такие как холестеринный фрагмент (Letsinger et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 1989, 86: 6553-6556). В других вариантах лигандом является

холевая кислота (Manoharan et al., *Biorg. Med. Chem. Lett.*, 1994, 4:1053-1060), тиоэфир, например, берил-S-тримитлиол (Manoharan et al., *Ann N.Y.AcadSci.*, 1992, 660:306-309; Manoharan et al., *Biorg.Med.Chem.Lett.*, 1993, 3:2765-2770), тиохолестерол (Oberhauser et al., *Nucl. Acids Res.*, 1992, 20:533-538), алифатическая цепь, например, додекандиол или ундецильные остатки (Saison-Behmoaras et al., *EMBO J*, 1991, 10:1111-1118; Kabanov et al., *FEBS Lett*, 1990), 259:327-330; Svinarchuk et al., *Biochimie*, 1993, 75:49-54), фосфолипид, например, ди-гексадецил-рац-глицерин или триэтиламмоний 1,2-ди-О-гексадецил-рац-глицеро-3-фосфонат (Manoharan et al., *Tetrahedron Lett*, 1995, 36:3651-3654; Shea et al., *Nucl. Acids Res.*, 1990, 18:3777-3783), полиаминовые или полиэтиленгликолевые цепи (Manoharan et al., *Nucleosides & Nucleotides*, 1995, 14:969-973) или адамантануксусная кислота (Manoharan et al., *Tetrahedron Lett.*, 1995, 36:3651-3654), пальмитильная составляющая (Mishra et al., *Biochim. Biophys. Acta*, 1995, 1264:229-237), или октадециламиновая или гексиламинокарбонилхлестериновая составляющая (Crooke et al., *J. Pharmacol. Exp. Ther.*, 1996, 277:923-937).

В некоторых вариантах осуществления лиганд изменяет распределение, нацеливание или продолжительность жизни иРНК агента, в который он включен. В предпочтительных вариантах осуществления лиганд обеспечивает повышенную аффинность к выбранной мишени, например молекуле, клетке или типу клеток, компартменту, например клеточному или органному компартменту, ткани, органу или области тела, например, по сравнению с агентами, к которым отсутствует такой лиганд. Предпочтительные лиганды не участвуют в спаривании дуплексов в дуплексной нуклеиновой кислоте.

Лиганды могут включать природное вещество, такое как белок (например, человеческий сывороточный альбумин (HSA), липопротеин низкой плотности (LDL) или глобулин); углевод (например, декстран, пуллулан, хитин, хитозан, инулин, циклодекстрин, N-ацетилглюкозамин, N-ацетилгалактозамин или гиалуроновую кислоту); или липид. Лиганд также может быть рекомбинантной или синтетической молекулой, такой как синтетический полимер, например, синтетическая полиаминокислота. Примеры полиаминокислот включают полиаминокислоту, представляющую собой полилизин (PLL), поли-L-аспарагиновую кислоту, поли-L-глутаминовую кислоту, сополимер стирола и малеинового ангидрида, сополимер поли(L-лактида и гликоля), сополимер дивинилового эфира и малеинового ангидрида, сополимер N-(2-гидроксипропил)метакриламида (НМРА), полиэтиленгликоль (PEG), поливиниловый спирт (PVA), полиуретан, поли(2-этилакриловую кислоту), полимеры N-изопропилакриламида или полифосфазин. Примеры полиаминов включают: полиэтиленмин, полилизин (PLL), спермин, спермидин, полиамин, псевдопептид-полиамин, пептидомиметический полиамин, дендримерный полиамин, аргинин, амидин, протамин, катионный липид, катионный порфирин, четвертичную соль полиамина или альфа-спиральный пептид.

Лиганды также могут включать группы направленного действия, например агент, направленный на клетку или ткань, например лектин, гликопротеин, липид или белок, например антитело, которое связывается с определенным типом клеток, таким как клетка почки. Целевая группа может представлять собой тиротропин, меланотропин, лектин, гликопротеин, поверхностно-активный белок А, углевод муцина, поливалентную лактозу, поливалентную галактозу, N-ацетилгалактозамин, поливалентную N-ацетилглюкозамин маннозу, поливалентную фукозу, гликозилированные полиаминокислоты, поливалентную галактозу, трансферрин, бисфосфонат, полиглутамат, полиаспартат, липид, холестерин, стероид, желчную кислоту, фолат, витамин B12, витамин А, биотин или пептид RGD или миметик пептида RGD. В некоторых вариантах осуществления лиганд представляет собой поливалентную галактозу, например N-ацетилгалактозамин.

Другие примеры лигандов включают красители, т.е. интеркалирующие агенты (например, акридины), сшивающие агенты (например, псорален, митомицин С), порфирины (ТРРС4, тексафирин, сапфирин), полициклические ароматические углеводороды (например, феназин, дигидрофеназин), искусственные эндонуклеазы (например, EDTA), липофильные молекулы, такие как, холестерин, холевая кислота, адамантануксусная кислота, 1-пиренмасляная кислота, дигидротестостерон, 1,3-бис-О(гексадецил)глицерин, геранилосигексильная группа, гексадецилглицерин, борнеол, ментол, 1,3-пропандиол, гептадецил-группа, пальмитиновая кислота, миристиновая кислота, О3-(олеоил)лихолевая кислота, О3-(олеоил)холеновая кислота, диметокситритил или феноксазин) и конъюгаты пептидов (например, пептид антеннопедии, пептид Tat), алкилирующие агенты, фосфат, аминок, меркапто, PEG (например, PEG-40K), MPEG, [MPEG]₂, полиамино, алкил, замещенный алкил, маркеры с радиоактивной меткой, ферменты, гаптены (например, биотин), облегчающие транспорт/всасывание (например, аспирин, витамин Е, фолиевая кислота), синтетические рибонуклеазы (например, имидазол, бисимидазол, гистамин, кластеры имидазола, кридин-имидазольные конъюгаты, Eu³⁺-комплексы тетраазамакроциклов), динитрофенил, НRP или AP.

Лиганды могут быть белками, например гликопротеинами, или пептидами, например молекулами, обладающими специфическим сродством к ко-лиганду, или антителами, например антителом, которое связывается с определенным типом клеток, таким как клетка печени. Лиганды могут также включать гормоны и гормональные рецепторы. Они также могут включать непептидные соединения, такие как липиды, лектины, углеводы, витамины, кофакторы, поливалентную лактозу, поливалентную галактозу, N-ацетилгалактозамин, N-ацетилглюкозамин, поливалентную маннозу или поливалентную фукозу. Ли-

ганд может представлять собой, например, липополисахарид, активатор киназы р38 MAP или активатор NF-κB.

Лиганд может быть веществом, например лекарственным средством, которое может увеличить поглощение иРНК агентом клеткой, например, путем разрушения цитоскелета клетки, например, путем разрушения клеточных микротрубочек, микрофиламентов или промежуточных филаментов. Лекарственным средством может быть, например, таксол, винкристин, винбластин, цитохалазин, нокодазол, джаплакинолид, латрункулин А, фаллоидин, свинголид А, инданоцин или миосервин.

В некоторых вариантах осуществления лиганд, присоединенный к иРНК, как описано в настоящем изобретении, действует как фармакокинетический модулятор (модулятор фармакокинетики, ФК). Модуляторы ФК включают липофилы, желчные кислоты, стероиды, аналоги фосфолипидов, пептиды, агенты, связывающие белки, ПЭГ, витамины и т.д. Примеры модуляторов ФК включают, без ограничения таковыми, холестерин, жирные кислоты, холевую кислоту, литохолевую кислоту, диалкилглицериды, диацилглицериды, фосфолипиды, сфинголипиды, напроксен, ибупрофен, витамин Е, биотин. Также известно, что олигонуклеотиды, содержащие ряд фосфоротиоатных связей, связываются с белком сыворотки, и, таким образом, короткие олигонуклеотиды, например, олигонуклеотиды приблизительно из 5, 10, 15 или 20 оснований, содержащие несколько фосфоротиоатных связей в основной цепи, также являются пригодными в настоящем изобретении в качестве лигандов (например, в качестве лигандов, модулирующих ФК). Кроме того, аптамеры, которые связывают компоненты сыворотки (например, белки сыворотки), также подходят для применения в качестве лигандов, модулирующих фармакокинетику, в вариантах осуществления, описанных в настоящем изобретении.

иРНК по изобретению, конъюгированные с лигандом, могут быть синтезированы с использованием олигонуклеотида, который несет дополнительную реактивную функциональность, например, возникающую в результате присоединения связывающей молекулы к олигонуклеотиду (описано ниже). Этот реакционноспособный олигонуклеотид может вступать в реакцию непосредственно с коммерчески доступными лигандами, лигандами, синтезированными с любой из множества защитных групп, или лигандами, к которым присоединен связывающий фрагмент.

Олигонуклеотиды, используемые в конъюгатах по настоящему изобретению, могут быть легко и рутинно получены с помощью хорошо известного метода твердофазного синтеза. Оборудование для такого синтеза продается несколькими поставщиками, включая, например, Applied Biosystems® (Foster City, Calif.). Любые другие способы такого синтеза, известные в данной области техники, могут быть использованы дополнительно или альтернативно. Также известно использование аналогичных методов для получения других олигонуклеотидов, таких как фосфоротиоаты и алкилированные производные.

В лиганд-конъюгированных иРНК и лиганд-молекулах, несущих специфичные по последовательности связанные нуклеозиды по настоящему изобретению, олигонуклеотиды и олигонуклеозиды могут быть собраны на подходящем ДНК-синтезаторе с использованием стандартных предшественников нуклеотидов или нуклеозидов, или предшественников нуклеотидов или нуклеозидных конъюгатов, уже несущих связывающий фрагмент, или предшественников лиганд-нуклеотидов или нуклеозид-конъюгатов, уже несущих молекулу лиганда, или строительных блоков, несущих нуклеозидный лиганд.

При использовании предшественников нуклеотидных конъюгатов, которые уже несут связывающий фрагмент, синтез связанных нуклеозидов, специфичных для последовательности, обычно завершается, и затем молекула лиганда реагирует со связывающим фрагментом с образованием олигонуклеотида, конъюгированного с лигандом. В некоторых вариантах осуществления олигонуклеотиды или связанные нуклеозиды по настоящему изобретению синтезируются автоматическим синтезатором с использованием фосфорамидитов, происходящих из конъюгатов лиганд-нуклеозид, в дополнение к стандартным фосфорамидитам и нестандартным фосфорамидитам, которые являются коммерчески доступными и обычно используются в синтезе олигонуклеотидов.

А. Липидные конъюгаты.

В некоторых вариантах осуществления лиганд или конъюгат представляет собой липид или молекулу на основе липида. Такой липид или молекула на основе липида предпочтительно связывается с белком сыворотки, например, сывороточным альбумином человека (HSA). Лиганд, связывающий HSA, обеспечивает распределение конъюгата в ткани-мишени, например в ткани-мишени, отличной от почки. Например, тканью-мишенью может быть печень, включая паренхиматозные клетки печени. Другие молекулы, способные связывать HSA, также могут быть использованы в качестве лигандов. Например, можно использовать напроксен или аспирин. Липид или лиганд на основе липида может (а) повышать устойчивость конъюгата к деградации, (b) усиливать нацеливание или транспорт в клетку-мишень или клеточную мембрану или (c) может быть использован для регулирования связывания с белком сыворотки, например, ХСА.

Лиганд на основе липида можно использовать для ингибирования, например для контроля связывания конъюгата с тканью-мишенью. Например, липид или лиганд на основе липида, который сильнее связывается с HSA, с меньшей вероятностью будет нацелен на почки и, следовательно, с меньшей вероятностью будет выведен из организма. Липид или лиганд на основе липида, который менее сильно связыва-

ется с HSA, может быть использован для нацеливания конъюгата на почки.

В некоторых вариантах осуществления лиганд на основе липида связывает HSA. Предпочтительно такой лиганд связывает HSA с достаточной аффинностью, так что конъюгат предпочтительно распределяется в тканях, не относящихся к почкам. Однако предпочтительно, чтобы аффинность не была настолько сильной, чтобы связывание HSA-лиганда не было необратимым.

В других вариантах осуществления лиганд на основе липида слабо связывает HSA или вообще не связывает таковой, так что конъюгат будет предпочтительно распределяться в почках. Вместо лиганда на липидной основе или в дополнение к нему можно использовать и другие фрагменты, нацеленные на клетки почек.

В другом аспекте лиганд представляет собой фрагмент, например, витамин, который поглощается клеткой-мишенью, например, пролиферирующей клеткой. Такие лиганды особенно полезны для лечения нарушений, характеризующихся нежелательной клеточной пролиферацией, например, злокачественного или незлокачественного типа, например, раковых клеток. Типичные витамины включают витамин А, Е и К. Другие иллюстративные витамины включают витамин В, например, фолиевую кислоту, В12, рибофлавин, биотин, пиридоксаль или другие витамины или питательные вещества, поглощаемые клетками-мишенями, такими как клетки печени. Также сюда включены HSA и липопротеины низкой плотности (LDL).

В. Агенты проникновения в клетки.

В другом аспекте лиганд представляет собой агент для проникновения в клетку, предпочтительно спиральный агент для проникновения в клетку. Предпочтительно агент является амфипатическим. Типичным агентом является пептид, такой как tat-пептид или пептид антеннопедия. Если агент представляет собой пептид, он можно быть модифицирован разными способами, включая пептидилмиметик, инвертомеры, непептидные или псевдопептидные связи и использование D-аминокислот. Спиральный агент предпочтительно представляет собой альфа-спиральный агент, который предпочтительно имеет липофильную и липофобную фазы.

Лиганд может представлять собой пептид или пептидомиметик. Пептидомиметик (также называемый здесь олигопептидомиметик) представляет собой молекулу, способную складываться в определенную трехмерную структуру, подобную природному пептиду. Присоединение пептидов и пептидомиметиков к иРНК агентам может влиять на фармакокинетическое распределение иРНК, например, за счет усиления клеточного распознавания и абсорбции. Пептид или пептидомиметический фрагмент может иметь длину приблизительно 5-50 аминокислот, например приблизительно 5, 10, 15, 20, 25, 30, 35, 40, 45 или 50 аминокислот.

Пептид или пептидомиметик может быть, например, проникающим в клетку пептидом, катионным пептидом, амфипатическим пептидом или гидрофобным пептидом (например, состоящим в основном из Туг, Тгр или Phe). Пептидная часть может представлять собой дендримерный пептид, ограниченный пептид или сшитый пептид. В другом варианте пептидный фрагмент может включать транслокационную последовательность гидрофобной мембраны (MTS). Примером гидрофобного MTS-содержащего пептида является RFGF, имеющий аминокислотную последовательность AAVALLPAVLLALLAP (SEQ ID NO: 14). Аналог RFGF (например, аминокислотная последовательность AALLPVLLAAP (SEQ ID NO: 15), содержащий гидрофобную MTS, также может служить фрагментом нацеливания. Пептидный фрагмент может быть пептидом "доставки", который может нести большие полярные молекулы, включая пептиды, олигонуклеотиды, и белок, проникающий сквозь клеточные мембраны. Например, было обнаружено, что последовательности HIV белка Tat (GRKKRRQRRPPQ (SEQ ID NO: 16) и белка Drosophila Antennapedia (RQIKIWFQNRMKWKK (SEQ ID NO: 17)) способны функционировать в качестве пептидов доставки. Пептид или пептидомиметик может кодироваться случайной последовательностью ДНК, например как пептид, идентифицированный из библиотеки фагового дисплея или комбинаторной библиотеки "одна гранула - одно соединение" (OBOC) (Lam et al, Nature, 354:82-84, 1991). Примеры пептида или пептидомиметика, присоединенного к средству на основе дсРНКу через встроенную мономерную единицу для нацеливания на клетку представляет собой аргинин-глицин-аспарагиновую кислоту (RGD)-пептид, или RGD-миметик. Длина пептидной части может варьироваться от приблизительно 5 аминокислот до приблизительно 40 аминокислот. Пептидные фрагменты могут иметь структурную модификацию, например, для повышения стабильности или непосредственных конформационных свойств. Любая из структурных модификаций, описанных ниже, может быть использована.

Пептид RGD для применения в композициях и способах по изобретению может быть линейным или циклическим и может быть модифицирован, например, гликозилирован или метилирован, для облегчения нацеливания на конкретную(ые) ткань(и). RGD-содержащие пептиды и пептидомиметики могут включать D-аминокислоты, а также синтетические RGD-миметики. В дополнение к RGD можно использовать другие фрагменты, нацеленные на лиганд интегрина. Предпочтительные конъюгаты этого лиганда нацелены на PECAM-1 или VEGF.

"Проникающий в клетку пептид" способен проникать в клетку, например в микробную клетку, такую как бактериальная или грибковая клетка, или в клетку млекопитающего, такую как клетка человека. Пептид, проникающий в микробную клетку, может представлять собой, например, α -спиральный линей-

ный пептид (например, LL-37 или серопин (Seropin PI)), пептид, содержащий дисульфидную связь (например, α -дефенсин, β -дефенсин или бактенецин), или пептид, содержащий только одну или две доминирующие аминокислоты (например, PR-39 или индолицидин). Пептид проникновения в клетку может также включать сигнал ядерной локализации (NLS). Например, проникающий в клетку пептид может представлять собой двухкомпонентный амфипатический пептид, такой как MPG, полученный из домена слитого пептида HIV-1 gp41 и NLS большого Т-антигена SV40 (Simeoni et al., Nucl. Acids Res. 31:2717-2724, 2003).

С. Углеводные конъюгаты.

В некоторых вариантах осуществления композиций и способов по изобретению иРНК дополнительно содержит углевод. иРНК, конъюгированная с углеводами, имеет преимущества для доставки *in vivo* нуклеиновых кислот, а также композиций, подходящих для терапевтического применения *in vivo*, как описано в настоящем изобретении. Используемый здесь термин "углевод" относится к соединению, представляющему собой либо углевод сам по себе, состоящий из одного или более моносахаридных звеньев, содержащих по меньшей мере 6 атомов углерода (которые могут быть линейными, разветвленными или циклическими) с атомом(ами) кислорода, азота или серы, связанных с каждым атомом углерода; или соединение, имеющее в качестве своей части углеводный фрагмент, состоящий из одного или более моносахаридных звеньев, каждое из которых имеет по меньшей мере шесть атомов углерода (которые могут быть линейными, разветвленными или циклическими), где каждый атом углерода связан с атомом кислорода, азота или серы. Типичные углеводы включают сахара (моно-, ди-, три- и олигосахариды, содержащие приблизительно 4, 5, 6, 7, 8 или 9 моносахаридных звеньев) и полисахариды, такие как крахмалы, гликоген, целлюлоза и полисахаридные камеди. Конкретные моносахариды включают сахара C5 и выше (например, C5, C6, C7 или C8); ди- и трисахариды включают сахара, имеющие две или три моносахаридные единицы (например, C5, C6, C7 или C8).

В некоторых вариантах осуществления углеводный конъюгат для применения в композициях и способах по изобретению представляет собой моносахарид.

В некоторых вариантах осуществления моносахарид представляет собой N-ацетилгалактозамин (GalNAc). Конъюгаты GalNAc, содержащие одно или более производных N-ацетилгалактозамина (GalNAc), описаны, например, в патенте США 8106022, полное содержание которого включено в настоящее описание в качестве ссылки. В некоторых вариантах осуществления конъюгат GalNAc служит лигандом, направляющим иРНК к конкретным клеткам. В некоторых вариантах осуществления изобретения конъюгат GalNAc нацеливает иРНК на клетки печени, например, функционируя в качестве лиганда для асиалогликопротеинового рецептора клеток печени (например, гепатоцитов).

В некоторых вариантах осуществления углеводный конъюгат содержит одно или более производных GalNAc. Производные GalNAc могут быть присоединены через линкер, например, двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер. В некоторых вариантах осуществления конъюгат GalNAc конъюгирован с 3'-концом смысловой цепи. В некоторых вариантах осуществления конъюгат GalNAc конъюгирован с агентом иРНК (например, с 3'-концом смысловой цепи) через линкер, например, линкер, описанный в настоящем изобретении. В некоторых вариантах осуществления конъюгат GalNAc конъюгирован с 5'-концом смысловой цепи. В некоторых вариантах осуществления конъюгат GalNAc конъюгирован с агентом иРНК (например, с 5'-концом смысловой цепи) через линкер, например линкер, описанный в настоящем изобретении.

В некоторых вариантах осуществления изобретения GalNAc или производное GalNAc присоединены к иРНК агенту по изобретению через моновалентный линкер. В некоторых вариантах осуществления GalNAc или производное GalNAc присоединены к иРНК агенту по изобретению через двухвалентный линкер. В других вариантах осуществления изобретения GalNAc или производное GalNAc присоединены к иРНК агенту по изобретению через трехвалентный линкер. В других вариантах осуществления изобретения GalNAc или производное GalNAc присоединены к иРНК агенту по изобретению через четырехвалентный линкер.

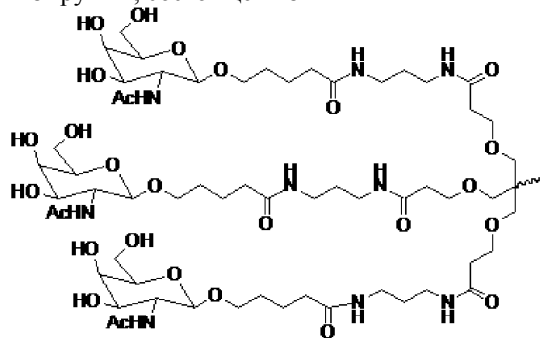
В некоторых вариантах осуществления двухцепочечной иРНК агент по изобретению содержат один GalNAc или производное GalNAc, присоединенное к средству иРНК. В некоторых вариантах осуществления двухцепочечной иРНК агент по изобретению содержат множество (например, 2, 3, 4, 5 или 6) GalNAc или производных GalNAc, каждое из которых независимо присоединено к множеству нуклеотидов двухцепочечному иРНК агенту через множество моновалентных линкеров.

В некоторых вариантах осуществления, например, когда две цепи иРНК агента по изобретению являются частью одной большей молекулы, соединенной непрерывной цепью нуклеотидов между 3'-концом одной цепи и 5'-концом соответствующей другой цепи с образованием петли-шпильки, содержащей множество неспаренных нуклеотидов, каждый неспаренный нуклеотид в петле-шпильке может независимо содержать GalNAc или производное GalNAc, присоединенное через моновалентный линкер. Петля-шпилька также может быть образована удлиненным выступом одной цепи дуплекса.

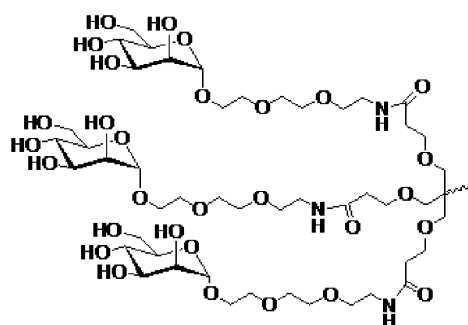
В некоторых вариантах осуществления, например, когда две цепи иРНК агента по изобретению являются частью одной большей молекулы, соединенной непрерывной цепью нуклеотидов между 3'-концом одной цепи и 5'-концом соответствующей другой цепи с образованием петли-шпильки, содер-

жащей множество неспаренных нуклеотидов, каждый неспаренный нуклеотид в петле-шпильке может независимо содержать GalNAc или производное GalNAc, присоединенное через моновалентный линкер. Петля-шпилька также может быть образована удлинненным выступом одной цепи дуплекса.

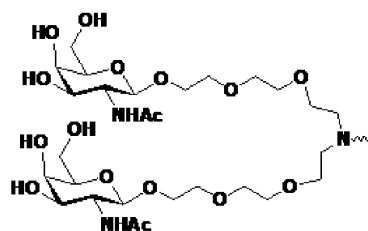
В одном варианте осуществления углеводный конъюгат для применения в композициях и способах по изобретению выбран из группы, состоящей из



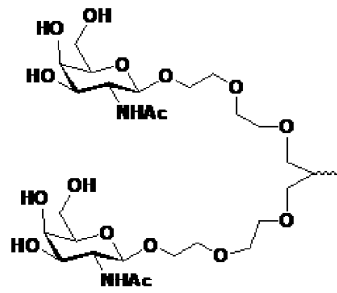
Формула II,



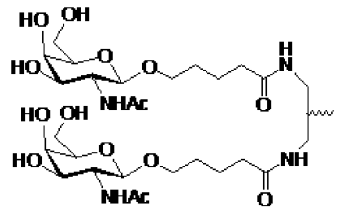
Формула III,



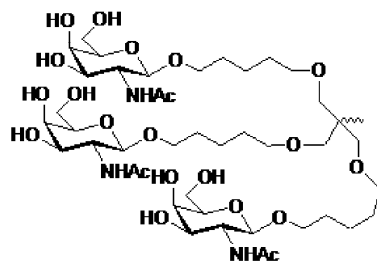
Формула IV,



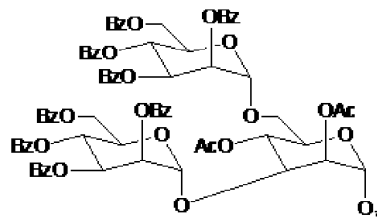
Формула V,



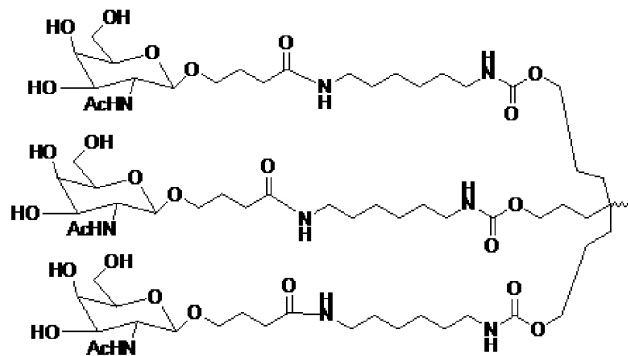
Формула VI,



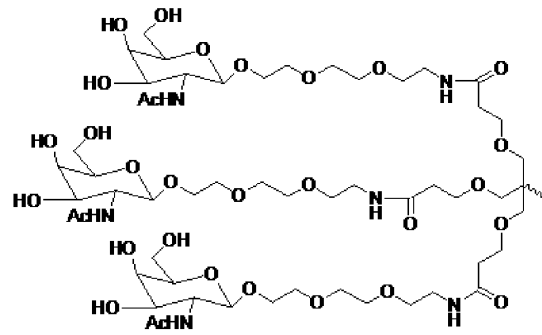
Формула VII,



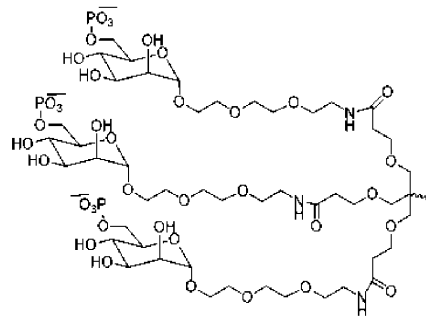
Формула VIII,



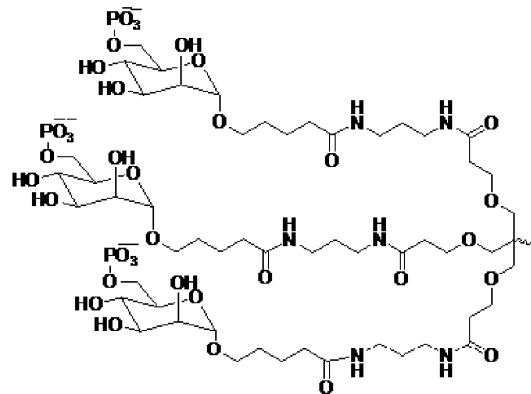
Формула IX,



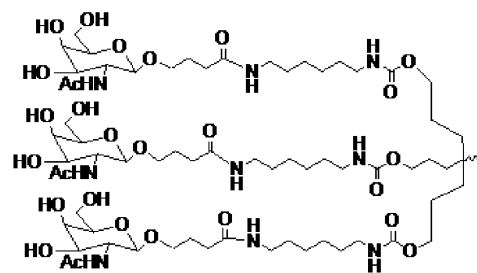
Формула X,



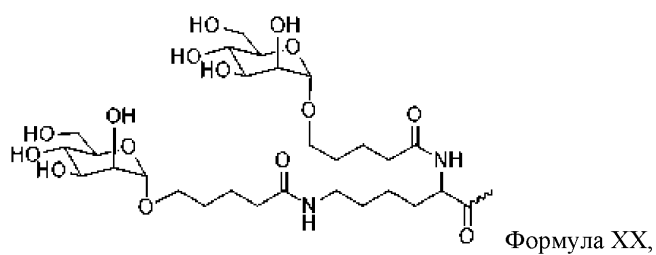
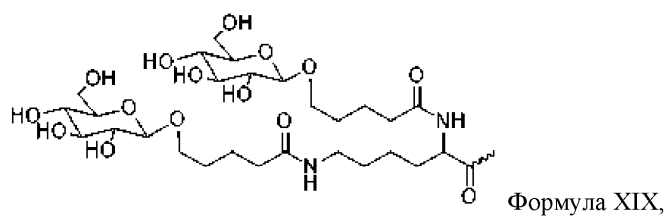
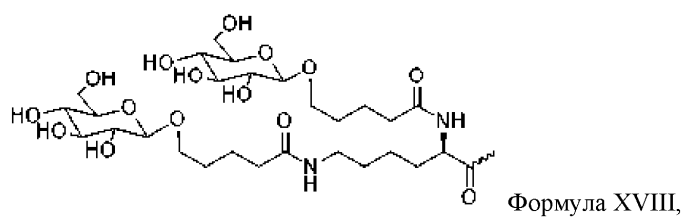
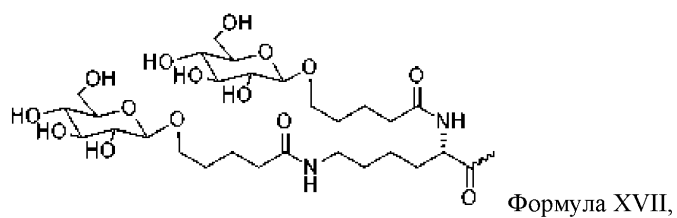
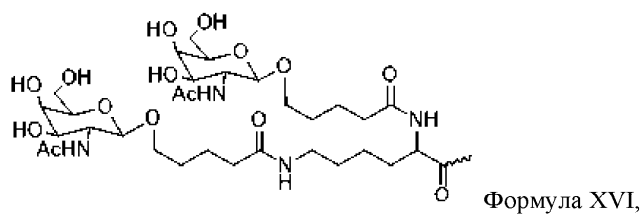
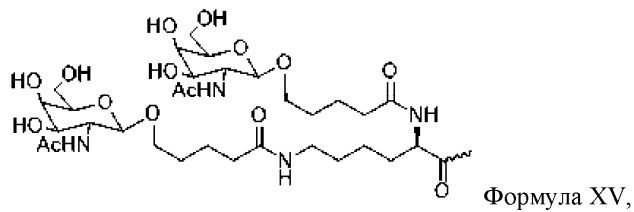
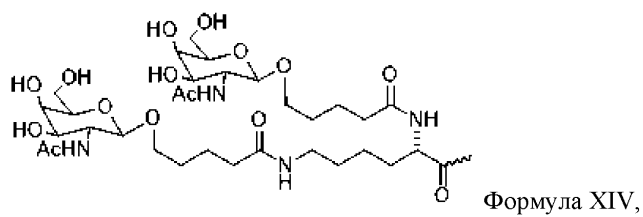
Формула XI,

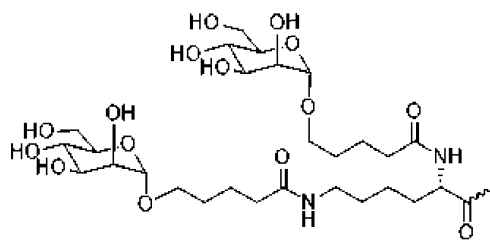


Формула XII,

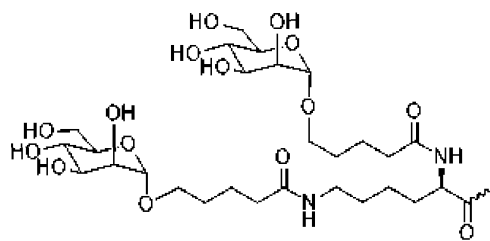


Формула XIII,

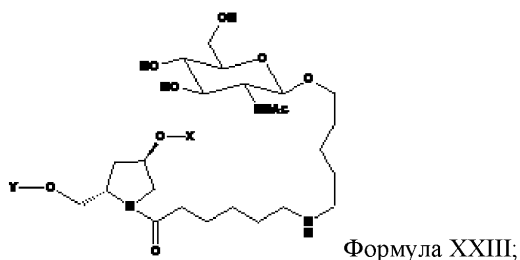




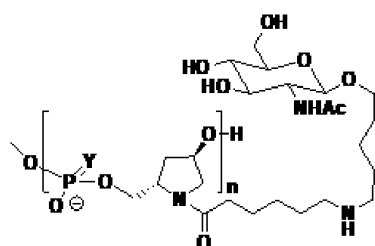
Формула XXI,



Формула XXII,

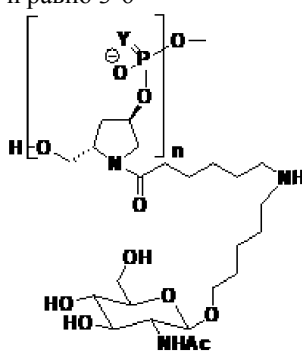


Формула XXIII;



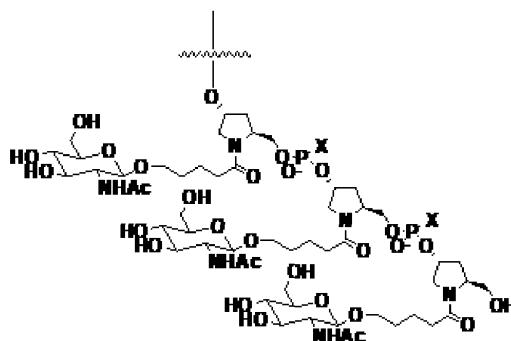
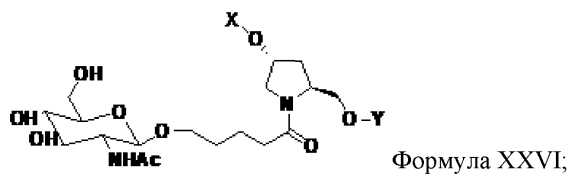
(формула XXIV);

где Y представляет собой O или S и n равно 3-6

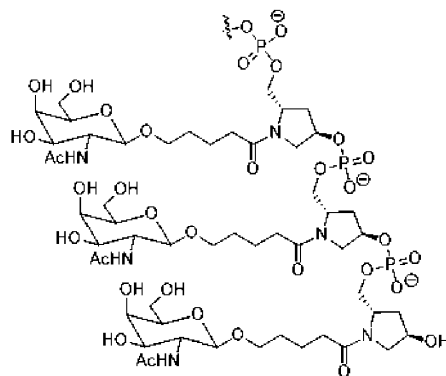
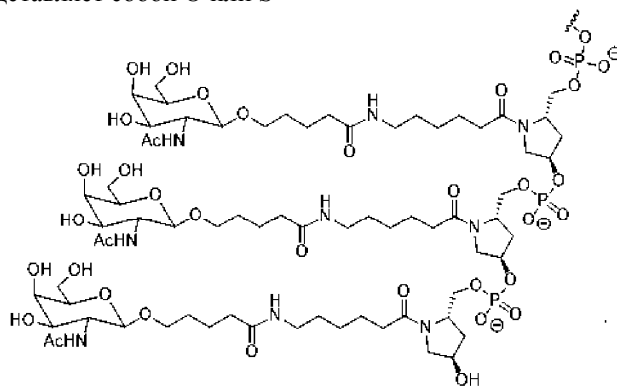


(формула XXV);

где Y представляет собой O или S и n имеет значение 3-6

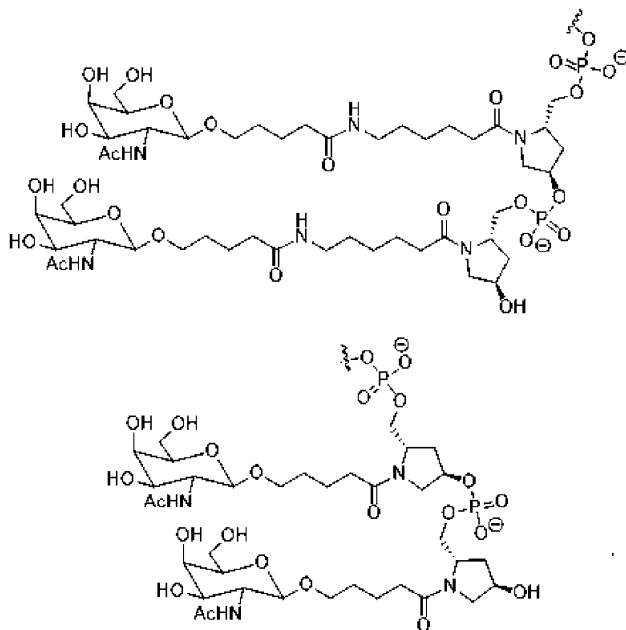


где X представляет собой O или S



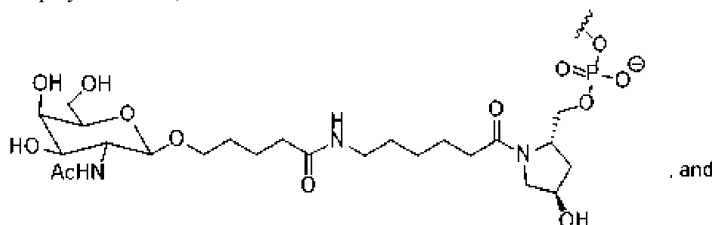
Формула XXIX;

Формула XXVII и

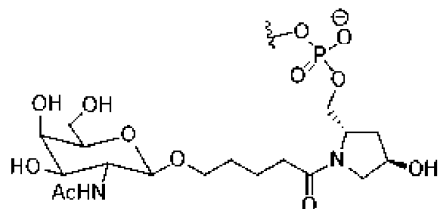


Формула XXX и

Формула XXXI;

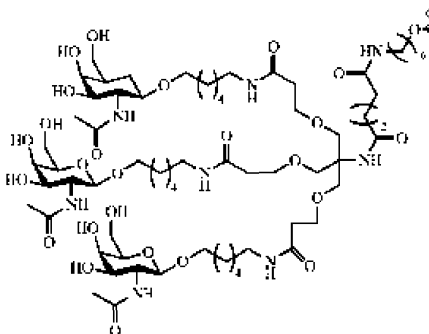


. and



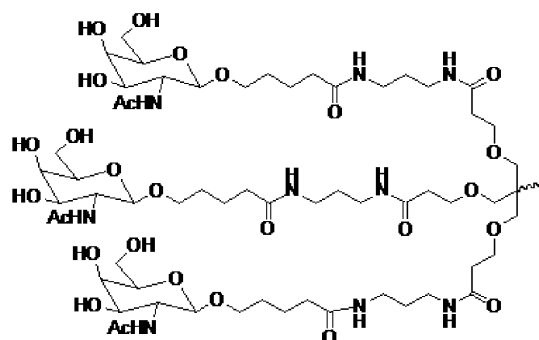
Формула XXXII и

Формула XXXIII;



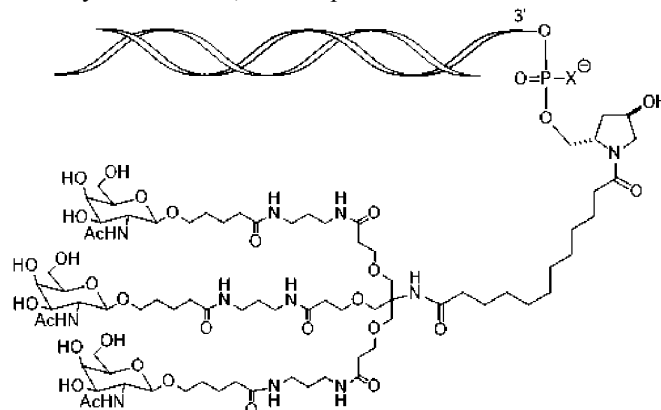
Формула XXXIV.

В другом варианте осуществления углеводный конъюгат для применения в композициях и способах по изобретению представляет собой моносахарид. В одном варианте осуществления моносахарид представляет собой N-ацетилгалактозамин, такой как

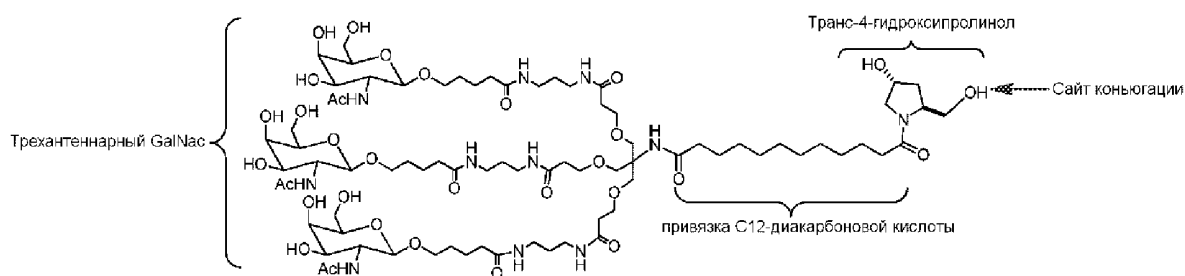


Формула 2.

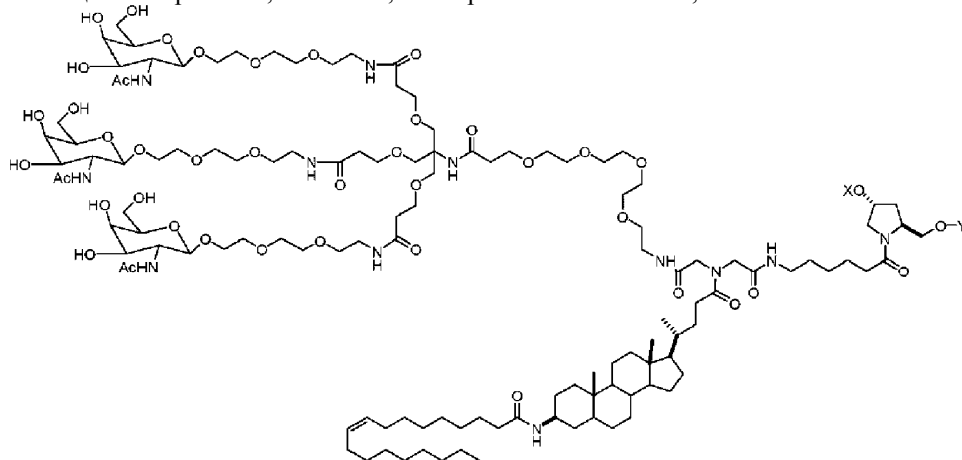
В некоторых вариантах осуществления РНКи агент присоединен к углеводному конъюгату через линкер, как показано на следующей схеме, где X представляет собой O или S



В некоторых вариантах осуществления РНКи агент конъюгирован с L96, как обозначено в табл. 1 и показано ниже:



Другой репрезентативный углеводный конъюгат для применения в вариантах осуществления, описанных в настоящем изобретении, включает, без ограничения таковым,



(Формула XXXVI),

где один из X или Y представляет собой олигонуклеотид, а другой представляет собой водород.

В некоторых вариантах осуществления подходящий лиганд представляет собой лиганд, раскрытый в WO 2019/055633, полное содержание которого включено в настоящее описание в качестве ссылки. В одном варианте осуществления лиганд имеет следующую структуру:

клетку-мишень расщепляется с высвобождением двух частей, удерживаемых вместе линкером. В предпочтительном варианте осуществления расщепляемая связующая группа расщепляется по меньшей мере приблизительно в 10 раз, 20 раз, 30 раз, 40 раз, 50 раз, 60 раз, 70 раз, 80 раз, 90 раз или более или по меньшей мере 100 раз быстрее в клетке-мишени или при первом контрольном условии (которое может, например, быть выбрано для имитации внутриклеточных условий представляет условия, обнаруженные к клетке), чем в крови субъекта, или при втором контрольном условии (которое может, например, быть выбрано для имитации или представляет условия, обнаруженные в крови или сыворотке).

Расщепляемые линкерные группы чувствительны к расщепляющим агентам, например, рН, окислительно-восстановительному потенциалу или присутствию разрушающих молекул. Как правило, расщепляющие агенты более распространены или обнаруживаются на более высоких уровнях или более активны внутри клетки, чем в сыворотке или крови. Примеры таких расщепляющих агентов включают: окислительно-восстановительные агенты, выбранные для конкретных субстратов или, наоборот, не обладающих субстратной специфичностью, включая, например, окислительные или восстановительные ферменты или восстановительные агенты, такие как меркаптаны, присутствующие в клетках, способные разрушать редокс-расщепляемую связующую группу при восстановлении; эстеразы; эндосомы или агенты, способные создавать кислую среду, например такие, которые приводят к рН, равному пяти или ниже; ферменты, способные гидролизовать или расщеплять расщепляемую кислотой связующую группу, действуя как стандартная кислота, пептидазы (которые могут быть субстрат-специфичными) и фосфатазы.

Расщепляемая связующая группа, такая как дисульфидная связь, может быть чувствительна к рН. рН сыворотки человека составляет 7,4, в то время как средний внутриклеточный рН немного ниже и колеблется приблизительно в пределах 7,1-7,3. Эндосомы имеют более кислый рН в диапазоне 5,5-6,0, а лизосомы имеют еще более кислый рН около 5,0. Некоторые линкеры будут иметь расщепляемую линкерную группу, которая расщепляется при предпочтительном рН с образованием катионного липида из лиганда внутри клетки или в нужном компартменте клетки.

Линкер может включать расщепляемую линкерную группу, расщепляемую конкретным ферментом. Тип расщепляемой линкерной группы, включенной в линкер, может зависеть от целевой клетки. Например, лиганд, нацеленный на печень, может быть связан с катионным липидом через линкер, включающим сложноэфирную группу. Клетки печени богаты эстеразами, поэтому линкер расщепляется более эффективно в клетках печени, чем в типах клеток с меньшим количеством эстераз. Другие типы клеток, богатые эстеразами, включают клетки легких, коры почек и яичек.

Линкеры, содержащие пептидные связи, могут быть использованы для нацеливания на типы клеток, богатые пептидазами, такие как клетки печени и синовиоциты.

Как правило, пригодность расщепляемой линкерной группы-кандидата можно оценить, проверив способность агента деградации (или условия) расщеплять связывающую группу-кандидат. Также будет желательно также протестировать расщепляемую связывающую группу-кандидат на способность сопротивляться расщеплению в крови или при контакте с другой тканью, не являющейся мишенью. Таким образом, можно определить относительную восприимчивость к расщеплению между первым и вторым условиями, где первое выбрано как показатель расщепления в клетке-мишени, а второе выбрано как показатель расщепления в других тканях или биологических жидкостях, например, в крови или сыворотке. Оценки можно проводить в бесклеточных системах, в клетках, в культуре клеток, в культуре органов или тканей или на животных. Может оказаться полезным провести первоначальные оценки в бесклеточных системах или культуре клеток и подтвердить дальнейшими оценками на живых животных. В предпочтительных вариантах осуществления полезные соединения-кандидаты расщепляются в клетке (или в условиях *in vitro*, выбранных для имитации внутриклеточных условий) в значительной степени по сравнению с расщеплением в крови или сыворотке (или в условиях *in vitro*, выбранных для имитации внеклеточных условий).

i. Окислительно-восстановительные расщепляемые связывающие группы.

В некоторых вариантах осуществления расщепляемая линкерная группа представляет собой расщепляемую окислительно-восстановительную линкерную группу, которая расщепляется при восстановлении или окислении. Примером восстановительно расщепляемой линкерной группы является дисульфидная линкерная группа (-S-S-). Чтобы определить, является ли потенциальная расщепляемая линкерная группа подходящей "восстановительно-расщепляемой линкерной группой" или, например, подходящей для использования с конкретной частью иРНК и конкретным нацеливающим агентом, можно обратиться к методам, описанным в настоящем изобретении. Например, кандидата можно оценить путем инкубации с дитиотреитолом (DTT) или другим восстанавливающим агентом с использованием реагентов, известных в данной области техники, которые имитируют скорость расщепления, наблюдаемую в клетке, например, клетке-мишени. Кандидаты также могут быть оценены в условиях, выбранных с целью имитации условий крови или сыворотки. В таком случае соединения-кандидаты расщепляются не более чем на 10% в крови. В других вариантах осуществления полезные соединения-кандидаты расщепляются в клетке (или в условиях *in vitro*, выбранных для имитации внутриклеточных условий) по меньшей мере приблизительно в 2, 4, 10, 20, 30, 40, 50, 60, 70, 80, 90, или 100 раз быстрее по сравнению с расщеплением в крови (или в условиях *in vitro*, выбранных для имитации внеклеточных условий). Скорость расщепления

соединений-кандидатов можно определить с помощью стандартных методов анализа ферментативной кинетики в условиях, выбранных для имитации внутриклеточной среды, и сравнить с расщеплением в условиях, выбранных для имитации внеклеточной среды.

II. Расщепляемые лигандные группы на основе фосфатов.

В других вариантах осуществления расщепляемый линкер содержит расщепляемую линкерную группу на основе фосфата. Расщепляемая линкерная группа на основе фосфата расщепляется агентами, которые расщепляют или гидролизуют фосфатную группу. Примерами агентов, расщепляющих фосфатные группы в клетках, являются такие ферменты, как фосфатазы в клетках. Примерами линкерных групп на основе фосфата являются $-O-P(O)(ORk)-O-$, $-O-P(S)(ORk)-O-$, $-O-P(S)(SRk)-O-$, $-S-P(O)(ORk)-O-$, $-O-P(O)(ORk)-S-$, $-S-P(O)(ORk)-S-$, $-O-P(S)(ORk)-S-$, $-S-P(S)(ORk)-O-$, $-O-P(O)(Rk)-O-$, $-O-P(S)(Rk)-O-$, $-S-P(O)(Rk)-O-$, $-S-P(S)(Rk)-O-$, $-S-P(O)(Rk)-S-$, $-O-P(S)(Rk)-S$. Предпочтительными вариантами осуществления являются $-O-P(O)(OH)-O-$, $-O-P(S)(OH)-O-$, $-O-P(S)(SH)-O-$, $-S-P(O)(OH)-O-$, $-O-P(O)(OH)-S-$, $-S-P(O)(OH)-S-$, $-O-P(S)(OH)-S-$, $-S-P(S)(OH)-O-$, $-O-P(O)(H)-O-$, $-O-P(S)(H)-O-$, $-S-P(O)(H)-O-$, $-S-P(S)(H)-O-$, и $-O-P(S)(H)-S-$. Предпочтительным вариантом является $-O-P(O)(OH)-O-$. Эти кандидаты могут быть оценены с использованием методов, аналогичных описанным выше.

III. Линкерные группы, расщепляемые кислотой.

В других вариантах осуществления расщепляемый линкер содержит расщепляемую кислотой линкерную группу. Расщепляемая кислотой линкерная группа представляет собой линкерную группу, которая расщепляется в кислых условиях. В предпочтительных вариантах осуществления расщепляемые кислотой линкерные группы расщепляются в кислой среде с pH приблизительно 6,5 или ниже (например, приблизительно 6,0, 5,5, 5,0 или ниже) или с помощью агентов, таких как ферменты, способных действовать как обычная кислота. В клетке специфические органеллы с низким pH, такие как эндосомы и лизосомы, могут обеспечивать расщепляющую среду для расщепляемых кислотой линкерных групп. Примеры расщепляемых кислотой линкерных групп включают, без ограничения таковыми, гидразоны, сложные эфиры и сложные эфиры аминокислот. Кислотные расщепляемые группы могут иметь общую формулу $-C=NN-$, $C(O)O$ или $-OC(O)$. В предпочтительном варианте углерод, присоединенный к кислороду сложного эфира (алкоксигруппа), представляет собой арильную группу, замещенную алкильную группу или третичную алкильную группу, такую как диметилпентил или трет-бутил. Эти кандидаты могут быть оценены с использованием методов, аналогичных описанным выше.

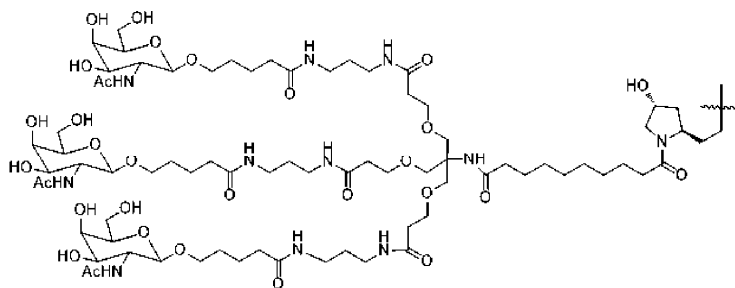
IV. Линкерные группы на основе сложных эфиров.

В других вариантах осуществления расщепляемый линкер содержит расщепляемую линкерную группу на основе сложного эфира. Расщепляемая линкерная группа на основе сложного эфира расщепляется в клетках ферментами, такими как эстеразы и амидазы. Примеры расщепляемых линкерных групп на основе сложного эфира включают, без ограничения таковыми, сложные эфиры алкиленовых, алкениленовых и алкиниленовых групп. Расщепляемые сложноэфирные линкерные группы имеют общую формулу $-C(O)O-$ или $-OC(O)-$. Эти кандидаты могут быть оценены с использованием методов, аналогичных описанным выше.

v. Расщепляемые группы на основе пептидов.

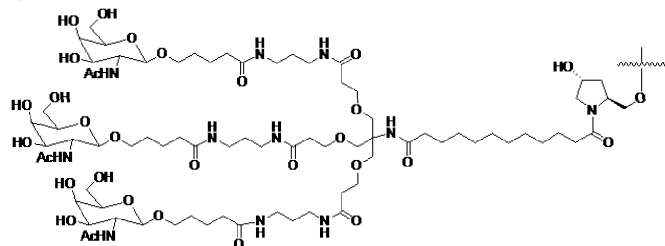
В других вариантах осуществления расщепляемый линкер содержит расщепляемую линкерную группу на основе пептида. Расщепляемая линкерная группа на основе пептида расщепляется ферментами, такими как пептидазы и протеазы в клетках. Расщепляемые линкерные группы на основе пептидов представляют собой пептидные связи, образованные между аминокислотами с образованием олигопептидов (например, дипептидов, трипептидов и т.д.) и полипептидов. Расщепляемые группы на основе пептидов не включают амидную группу ($-C(O)NH-$). Амидная группа может быть образована между любым алкиленом, алкениленом или алкиниленом. Пептидная связь представляет собой особый тип амидной связи, образующейся между аминокислотами с образованием пептидов и белков. Расщепляемая группа на основе пептида обычно ограничивается пептидной связью (т.е. амидной связью), образованной между аминокислотами, формирующими пептиды и белки, и не включает всю амидную функциональную группу целиком. Расщепляемые линкерные группы на основе пептидов имеют общую формулу $-NHCHRAC(O)NHCHRBC(O)-$, где RA и RB представляют собой R-группы двух соседних аминокислот. Эти кандидаты могут быть оценены при использовании методов, аналогичных описанным выше.

В некоторых вариантах осуществления иРНК по изобретению конъюгирована с углеводом через линкер. Неограничивающие примеры иРНК углеводных конъюгатов с линкерами композиций и способов по изобретению включают, без ограничения таковыми,

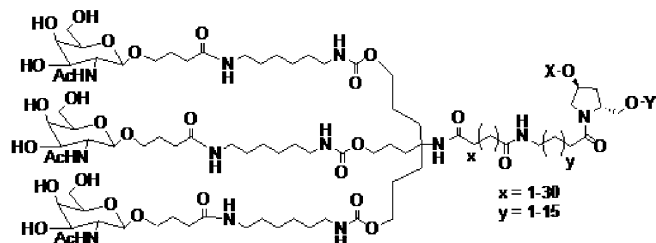


(Формула

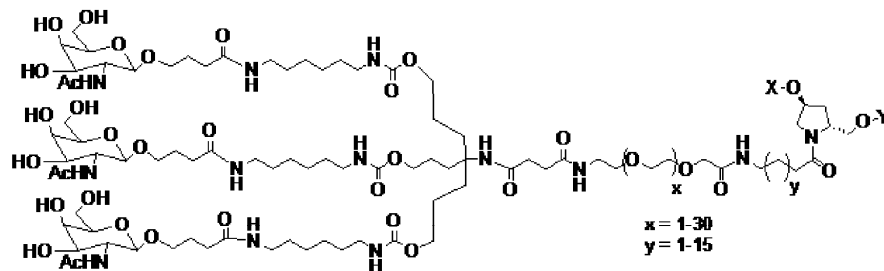
XXXVII),



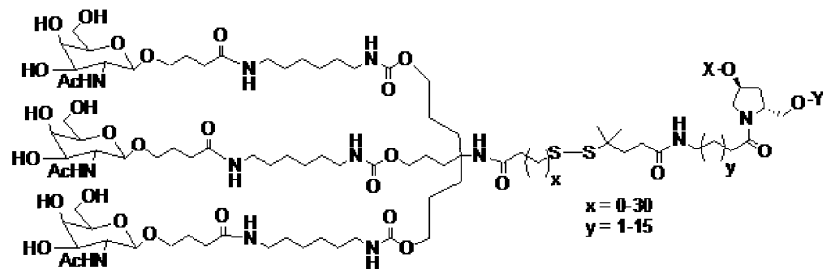
(Формула XXXVIII),



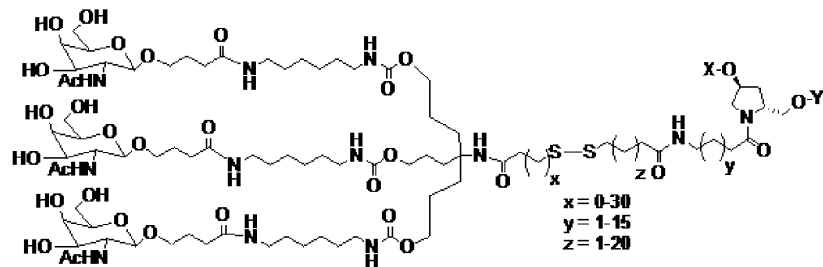
(Формула XXXIX),



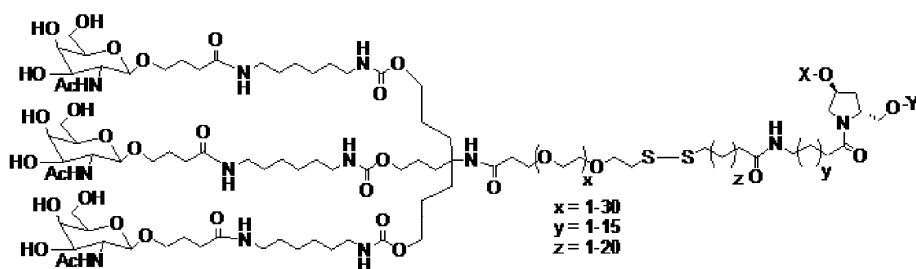
(Формула XL),



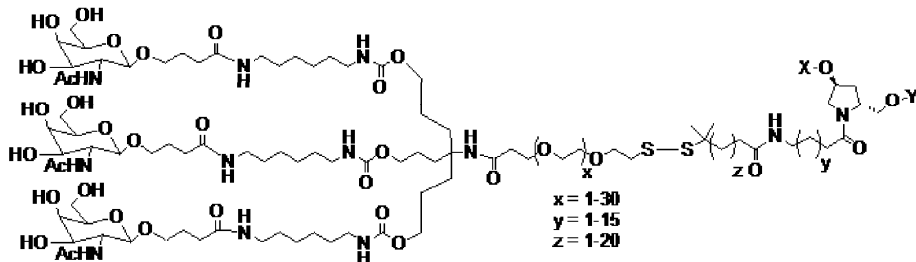
(Формула XLI),



(Формула XLII),



(Формула XLIII) и



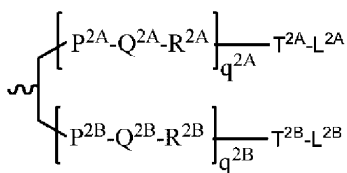
(Формула XLIV),

когда один из X или Y представляет собой олигонуклеотид, а другой представляет собой водород.

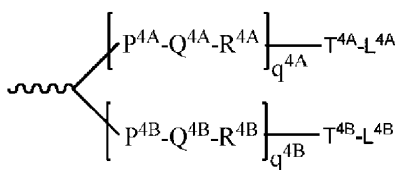
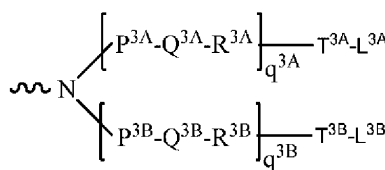
В некоторых вариантах осуществления композиций и способов по изобретению лиганд представляет собой одно или более производных "GalNAc" (N-ацетилгалактозамина), присоединенных через двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер.

В одном варианте осуществления dsРНК по изобретению конъюгирована с двухвалентным или трехвалентным разветвленным линкером, выбранным из группы структур, показанных в любой из формул (XLV)-(XLVI)

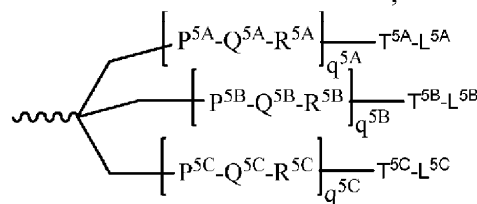
Формула XXXXV



Формула XLVI



Формула (VI)



Формула (VII)

Формула XLVII

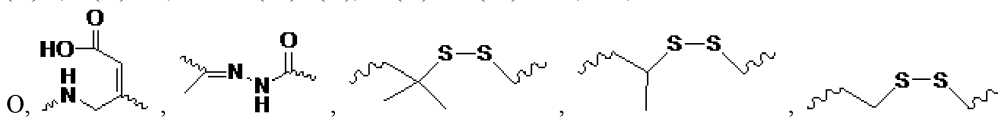
Формула XLVIII

где q^{2A} , q^{2B} , q^{3A} , q^{3B} , q^{4A} , q^{4B} , q^{5A} , q^{5B} и q^{5C} независимо для каждого случая представляют собой 0-20, причем повторяющаяся единица может быть одинаковой или разной;

P^{2A} , P^{2B} , P^{3A} , P^{3B} , P^{4A} , P^{4B} , P^{5A} , P^{5B} , P^{5C} , T^{2A} , T^{2B} , T^{3A} , T^{3B} , T^{4A} , T^{4B} , T^{5A} , T^{5B} , T^{5C} каждый независимо для каждого случая отсутствует, CO, NH, O, S, OC(O), NHC(O), CH₂, CH₂NH или CH₂O;

Q^{2A} , Q^{2B} , Q^{3A} , Q^{3B} , Q^{4A} , Q^{4B} , Q^{5A} , Q^{5B} , Q^{5C} независимо для каждого случая отсутствуют или представляют собой алкилены, замещенные алкилены, в которых один или более метиленов могут быть прерваны или оканчиваются одним или более из O, S, S(O), SO₂, N(R^N), C(R')=C(R''), C≡C или C(O);

R^{2A} , R^{2B} , R^{3A} , R^{3B} , R^{4A} , R^{4B} , R^{5A} , R^{5B} , R^{5C} каждый независимо для каждого случая отсутствует, NH, O, S, CH₂, C(O)O, C(O)NH, NHCH(R^a)C(O), -C(O)-CH(R^a)-NH-, CO, CH=N-

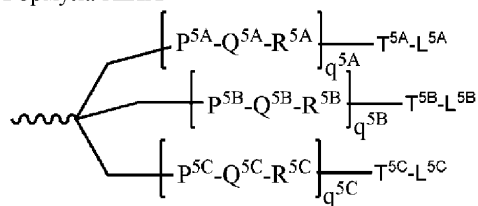


или гетероцикл;

L^{2A} , L^{2B} , L^{3A} , L^{3B} , L^{4A} , L^{4B} , L^{5A} , L^{5B} и L^{5C} представляют собой лиганд; то есть каждый независимо

для каждого случая моносахарид (такой как GalNAc), дисахарид, трисахарид, тетрасахарид, олигосахарид или полисахарид; и R^a представляет собой H или боковую цепь аминокислоты. Трехвалентные конъюгированные производные GalNAc особенно полезны для использования с РНКи агентами для ингибирования экспрессии гена-мишени, и имеют следующую формулу (XLIX):

Формула XLIX



Формула (VII)

где L^{5A}, L^{5B} и L^{5C} представляют собой моносахарид, такой как производное GalNAc.

Примеры подходящих двухвалентных и трехвалентных разветвленных линкерных групп, конъюгирующих производные GalNAc, включают, без ограничения таковыми, структуры, приведенные выше в виде формул II, VII, XI, X и XIII.

Репрезентативные патенты США, в которых рассказывается о получении конъюгатов РНК, включают, без ограничения таковыми, патенты США № 4828979; 4948882; 5218105; 5525465; 5541313; 5545730; 5552538; 5578717 5580731; 5591584; 5109124; 5118802; 5138045; 5414077; 5486603; 5512439; 5578718; 5608046; 4587044; 4605735; 4667025; 4762779; 4789737; 4824941; 4835263; 4876335; 4904582; 4958013; 5082830; 5112963; 5214136; 5082830; 5112963; 5214136; 5245022; 5254469; 5258506; 5262536; 5272250; 5292873; 5317098; 5371241 5391723; 5416203 5451463; 5510475; 5512667; 5514785; 5565552; 5567810; 5574142; 5585481; 5587371; 5595726; 5597696; 5599923; 5599928; 5688941; 6294664; 6320017; 6576752; 6783931; 6900297; 7037646; и 8106022, полное содержание каждого из которых настоящим включено в настоящее описание посредством ссылки.

Нет необходимости, чтобы все положения в конкретном соединении были модифицированы одинаково, и по факту более чем одна из вышеупомянутых модификаций может быть включена в отдельное соединение или даже в отдельный нуклеозид внутри иРНК. Настоящее изобретение также включает соединения иРНК, представляющие собой химические соединения.

"Химерные" соединения иРНК или "химеры" в контексте настоящего изобретения представляют собой соединения иРНК, предпочтительно дсРНКи агенты, содержащие две или более химически различных областей, каждая из которых состоит по меньшей мере из одного мономерного звена, т.е. нуклеотида в случае дсРНК. Эти иРНК обычно содержат по меньшей мере одну область, в которой РНК модифицирована таким образом, чтобы обеспечить иРНК повышенную устойчивость к деградации нуклеазами, повышенное поглощение клетками или повышенную аффинность связывания с нуклеиновой кислотой-мишенью. Дополнительный участок иРНК может служить субстратом для ферментов, способных расщеплять гибриды РНК:ДНК или РНК:РНК. Например, РНКазы H представляет собой клеточную эндонуклеазу, которая расщепляет цепь РНК дуплекса РНК:ДНК. Таким образом, активация РНКазы H приводит к расщеплению РНК-мишени, которое значительно повышает эффективность иРНК-ингибирования экспрессии генов. Следовательно, сопоставимые результаты часто могут быть получены с более короткими иРНК, если использовать химерные дсРНК вместо фосфоротиоат-дезоксидных дсРНК, гибридирующихся с той же областью-мишенью. Расщепление РНК-мишени можно обычным образом обнаружить с помощью гель-электрофореза и, при необходимости, с помощью методов гибридизации ассоциированных нуклеиновых кислот, известных в данной области техники.

В некоторых случаях РНК, принадлежащая иРНК, может быть модифицирована нелигандной группой. Ряд нелигандных молекул может быть конъюгирован с иРНК для усиления активности, клеточного распределения или клеточного поглощения иРНК, и процедуры для выполнения таких конъюгации доступны в научной литературе. Такие нелигандные фрагменты включают липидные фрагменты, такие как холестерин (Kubo, T. et al., *Biochem. Biophys. Res. Comm.*, 2007, 365(1):54-61; Letsinger et al., *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 1989, 86:6553), холевую кислоту (Manoharan et al., *Bioorg. Med. Chem. Lett.*, 1994, 4:1053), тиозфир, например, гексил-S-третилтиол ((Manoharan et al., *Ann. N.Y. Acad. Sci.*, 1992, 660:306; Manoharan et al., *Bioorg. Med. Chem. Lett.*, 1993, 3:2765), тиохолестерин (Oberhauser et al., *Nucl. Acids Res.*, 1992, 20:533), алифатическую цепь, например, додекандиоловые или ундецильные остатки (Saison-Behmoaras et al., *EMBO J.*, 1991, 10:111;

Kabanov et al., *FEBS Lett.*, 1990, 259). :327; Svinarchuk et al., *Biochimie*, 1993, 75:49), фосфолипид, например, ди-гексадецил-рац-глицерин или 1,2-ди-O-гексадецил-рац-глицеро-3-Н-фосфонаттриэтиламиния (Manoharan et al., *Tetrahedron Lett.*, 1995, 36:3651; Shea et al., *Nucl. Acids Res.*, 1990, 18:3777), цепь полиамина или полиэтиленгликоля (Manoharan et al., *Nucleosides & Nucleotides*, 1995, 14:969), или адмантануксусную кислоту (Manoharan et al., *Tetrahedron Lett.*, 1995, 36:3651), пальмитильную группу (Mishra et al., *Biochim. Biophys. Acta*, 1995, 1264:229), или фрагмент октадециламина или гексиламинокарбонилхлестерина (Crooke et al., *J. Pharmacol. Exp. Ther.*, 1996, 277:923). Соответствующие па-

тенты США, в которых описано получение таких конъюгатов РНК, перечислены выше. Типичные протоколы конъюгации включают синтез РНК, несущих аминокислот в одном или нескольких положениях последовательности. Затем аминокислотная группа вступает в реакцию с конъюгируемой молекулой с использованием соответствующих связывающих или активирующих реагентов. Реакцию конъюгации можно проводить либо с РНК, все еще связанной с твердой подложкой, либо после расщепления РНК в фазе раствора. Очистка конъюгата РНК с помощью HPLC (ВЭЖХ) обычно дает чистый конъюгат.

IV. Доставка иРНК по изобретению.

Доставка иРНК по изобретению в клетку, например клетку субъекта, такого как субъект-человек (например, субъект, нуждающийся в этом, такой как субъект, предрасположенный к расстройству, связанному с PNPLA3, или у которого диагностировано заболевание, связанное с PNPLA3, например, NAFLD) может быть достигнута различными способами. Например, доставка может осуществляться путем контакта клетки с иРНК по изобретению либо *in vitro*, либо *in vivo*. Доставка *in vivo* также может осуществляться непосредственно путем введения субъекту композиции, содержащей иРНК, например, дсРНК. Альтернативно, доставка *in vivo* может осуществляться косвенно путем введения одного или более векторов, кодирующих и направляющих экспрессию иРНК. Эти альтернативы обсуждаются ниже.

В общем, любой способ доставки молекулы нуклеиновой кислоты (*in vitro* или *in vivo*) может быть адаптирован для использования с иРНК по изобретению (см., например, Akhtar S. and Julian R.L. (1992) Trends Cell. Biol. 2(5): 139-144 и WO 94/02595, содержание которых полностью включено в настоящее описание посредством ссылки). Для доставки *in vivo* факторы, которые необходимо учитывать для доставки молекулы иРНК, включают, например, биологическую стабильность доставляемой молекулы, предотвращение неспецифических эффектов и накопление доставляемой молекулы в ткани-мишени. РНК-интерференция также успешна при локальной доставке в ЦНС путем прямой инъекции (Dorn, G., et al. (2004) Nucleic Acids 32:e49; Tan, PH., et al (2005) Gene Ther. 12:59-66; Makimura, H, et al (2002) BMC Neurosci. 3:18; Shishkina, GT, et al (2004) Neuroscience 129:521-528; Thakker, ER., et al (2004) Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A. 101:17270-17275; Akaneya, Y., et al (2005) J. Neurophysiol. 93:594-602). Модификация РНК или фармацевтического носителя также может обеспечить нацеливание иРНК на ткань-мишень и избежать нежелательных побочных эффектов. Молекулы иРНК могут быть модифицированы путем химической конъюгации с липофильными группами, такими как холестерин, для усиления захвата клетками и предотвращения деградации. Например, когда иРНК, нацеленная на ApoB, конъюгированная с липофильным фрагментом холестерина, систематически вводилась мышам, это приводило к нокдауну мРНК apoB как в печени, так и в тонкой кишке (Soutschek, J., et al. (2004) Nature 432:173-178).

В альтернативном варианте осуществления иРНК может быть доставлена с использованием систем доставки лекарственных средств, таких как наночастицы, дендример, полимер, липосомы или катионная система доставки. Положительно заряженные катионные системы доставки облегчают связывание молекулы иРНК (отрицательно заряженной), а также усиливают взаимодействие на отрицательно заряженной клеточной мембране, обеспечивая эффективное поглощение иРНК клеткой. Катионные липиды, дендримеры или полимеры могут либо связываться с иРНК, либо вызывать образование везикулы или мицеллы (см., например, Kim S.H., et al. (2008) Journal of Controlled Release 129(2): 107-116), содержащей в себе иРНК. Образование везикул или мицелл дополнительно предотвращает деградацию иРНК при системном введении. Способы получения и введения комплексов катион- иРНК хорошо известны специалистам в данной области техники (см., например, Sorensen, DR, et al. (2003) J. Mol. Biol. 327:761-766; Verma, U.N., et al. (2003) Clin. Cancer Res. 9:1291-1300, Arnold, A.S. et al (2007) J. Hypertens. 25:197-205, содержание которых полностью включено в настоящее описание посредством ссылки). Некоторые неограничивающие примеры систем доставки лекарственных средств, подходящих для системной доставки иРНК, включают DOTAP (Sorensen, D.R., et al. (2003), см. выше; Verma, U.N., et al. (2003), см. выше), "твердые частицы липидов нуклеиновых кислот" (Zimmermann, T.S., et al (2006) Nature 441:111-114), кардиолипин (Chien, P.Y., et al (2005) Cancer Gene Ther. 12:321-328; Pal, A., et al (2005) Int. J. Oncol. 26:1087-1091), полиэтиленимин (Bonnet M.E., et al (2008) Pharm. Res. Aug 16 Epub ahead of print; Aigner, A. (2006) J. Biomed. Biotechnol. 71659), Arg-Gly-Asp (RGD) peptides (Liu, S. (2006) Mol. Pharm. 3:472-487), и полиамидамины (Tomalia, D.A., et al (2007) Biochem. Soc. Trans. 35:61-67; Yoo, H., et al (1999) Pharm. Res. 16:1799-1804). В некоторых вариантах осуществления иРНК образует комплекс с циклодекстрином для системного введения. Способы введения и фармацевтические композиции иРНК и циклодекстринов можно найти в патенте США № 7427605, содержание которого полностью включено в настоящее описание посредством ссылки.

A. иРНК по изобретению, кодируемые вектором.

иРНК, нацеленная на ген PNPLA3, может быть экспрессирована из единиц транскрипции, встроенных в векторы ДНК или РНК (см., например, Couture, A., et al., TIG. (1996), 12:5-10; Skillern, A., et al, Международная публикация PCT № WO 00/22113, Международная публикация PCT № WO 00/22114 и патент США № 6054299). Экспрессия может быть преходящей (порядка часов или недель) или устойчивой (от недель до месяцев или дольше), в зависимости от конкретной используемой конструкции и типа ткани или клетки-мишени. Эти трансгены могут быть введены в виде линейной конструкции, кольцевой плазмиды или вирусного вектора, который может быть интегрирующимся или неинтегрирующимся век-

тором. Трансген также может быть сконструирован так, чтобы он наследовался как внехромосомная плаزمид (Gassmann, et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA (1995) 92:1292).

Вирусные векторные системы, которые можно использовать с описанными здесь способами и композициями, включают, без ограничения таковыми, (a) аденовирусные векторы; (b) ретровирусные векторы, включая, без ограничения таковыми, лентивирусные векторы, вирус мышшиного лейкоза Молони и т.д.; (c) аденоассоциированные вирусные векторы; (d) векторы вируса простого герпеса; (e) векторы SV 40; (f) векторы вируса полиомы; (g) векторы вируса папилломы; (h) пикорнавирусные векторы; (i) векторы вируса оспы, такие как ортопокс, например векторы вируса коровьей оспы или авипокс, например оспы канареек или оспы кур; и (j) хелпер-зависимый или "пустой" аденовирус. Вирусы с дефектом репликации также могут оказаться полезными. Различные векторы могут интегрироваться или не интегрироваться в геном клеток. При желании, конструкции могут включать вирусные последовательности для трансфекции. Альтернативно, конструкции могут быть включены в векторы, способные к эпизомной репликации, например векторы EPV и EBV. Конструкции для рекомбинантной экспрессии иРНК обычно требуют регуляторных элементов, например промоторов, энхансеров и т.д., для обеспечения экспрессии иРНК в клетках-мишенях. Другие аспекты, которые следует учитывать для векторов и конструкций, также известны в данной области техники.

V. Фармацевтические композиции по изобретению.

Настоящее изобретение также включает фармацевтические композиции и составы, включающие иРНК по изобретению. В одном варианте осуществления настоящее изобретение относится к фармацевтическим композициям, содержащим иРНК, как описано в настоящем изобретении, и фармацевтически приемлемый носитель. Фармацевтические композиции, содержащие иРНК, применимы для профилактики или лечения расстройств, связанных с PNPLA3, например, гипертриглицеридемии. Такие фармацевтические композиции состояются с учетом способа доставки. Одним из примеров являются композиции, составленные для системного введения путем парентеральной доставки, например, путем подкожной (SC), внутримышечной (IM) или внутривенной (IV) доставки. Фармацевтические композиции по изобретению можно вводить в дозах, достаточных для ингибирования экспрессии гена PNPLA3.

В некоторых вариантах осуществления фармацевтические композиции по изобретению являются стерильными. В другом варианте осуществления фармацевтические композиции по изобретению не содержат пирогенов.

Фармацевтические композиции по изобретению можно вводить в дозах, достаточных для ингибирования экспрессии гена PNPLA3. Как правило, подходящая доза иРНК по изобретению будет находиться в диапазоне от приблизительно 0,001 до приблизительно 200,0 мг на килограмм веса тела реципиента в день, обычно в диапазоне приблизительно от 1 до 50 мг на килограмм веса тела в день. Как правило, подходящая доза иРНК по изобретению будет находиться в диапазоне от приблизительно 0,1 мг/кг до приблизительно 5,0 мг/кг, предпочтительно приблизительно от 0,3 мг/кг до приблизительно 3,0 мг/кг. Регламент повторных доз может включать введение терапевтического количества иРНК на регулярной основе, например, каждый месяц, один раз каждые 3-6 месяцев или один раз в год. В некоторых вариантах осуществления иРНК вводят приблизительно от одного раза в месяц до приблизительно одного раза в шесть месяцев.

После осуществления начальной схемы лечения лечение можно проводить реже. Продолжительность лечения может быть определена в зависимости от тяжести заболевания.

В других вариантах осуществления однократная доза фармацевтических композиций может обладать продолжительным действием, так что дозы вводят с интервалами не более 1, 2, 3 или 4 месяцев. В некоторых вариантах осуществления изобретения разовую дозу фармацевтических композиций по изобретению вводят приблизительно один раз в месяц. В других вариантах осуществления изобретения разовую дозу фармацевтических композиций по изобретению вводят ежеквартально (т.е. приблизительно каждые три месяца). В других вариантах осуществления изобретения разовую дозу фармацевтических композиций по изобретению вводят дважды в год (т.е. приблизительно раз в шесть месяцев).

Специалисту в данной области техники будет понятно, что определенные факторы могут влиять на дозировку и сроки, необходимые для эффективного лечения субъекта, и включают, помимо прочего, мутации, присутствующие у субъекта, предшествующее лечение, общее состояние здоровья или возраст субъекта и другие присутствующие заболевания. Более того, лечение субъекта профилактически или терапевтически эффективным количеством композиции, в зависимости от ситуации, может включать однократное лечение или серию обработок.

иРНК может быть доставлена таким образом, чтобы нацеливаться на конкретную ткань (например, гепатоциты).

Фармацевтические композиции по настоящему изобретению включают, без ограничения таковыми, растворы, эмульсии и составы, содержащие липосомы. Эти композиции могут быть получены из множества компонентов, включающих, без ограничения таковыми, предварительно приготовленные жидкости, самоэмульгирующиеся твердые вещества и самоэмульгирующиеся полутвердые вещества. Фармацевтические составы включают те составы, которые нацелены на печень.

Фармацевтические составы по настоящему изобретению, которые могут быть представлены в стан-

дартной лекарственной форме, могут быть приготовлены в соответствии с обычными методами, хорошо известными в фармацевтической промышленности. Такие методики включают стадию связывания активных ингредиентов с фармацевтическим носителем (носителями) или наполнителем (наполнителями). Как правило, составы готовят путем однородной и тесной ассоциации активных ингредиентов с жидкими носителями.

А. Дополнительные составы.

i. Эмульсии.

Композиции по настоящему изобретению могут быть приготовлены и сформулированы в виде эмульсий. Эмульсии обычно представляют собой гетерогенные системы одной жидкости, диспергированной в другой в виде капель, обычно превышающих 0,1 мкм в диаметре (см., например, Ansel's Pharmaceutical Dosage Forms and Drug Delivery Systems, Allen, L.V., Popovich N.G., and Ansel H.C., 2004, Lippincott Williams & Wilkins (8th ed.), New York, NY; Idson, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume 1, p. 199; Rosoff, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., Volume 1, p. 245; Block in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume 2, p. 335; Higuchi et al, in Remington's Pharmaceutical Sciences, Mack Publishing Co., Easton, Pa., 1985, p. 301). Эмульсии часто представляют собой двухфазные системы, состоящие из двух несмешивающихся жидких фаз, тщательно перемешанных и диспергированных друг с другом. Как правило, эмульсии могут быть типа вода-в-масле (w/o) или масло-в-воде (o/w). Когда водная фаза диспергирована в виде мельчайших капель в объемной масляной фазе, полученная композиция называется эмульсией вода-в-масле (w/o). Альтернативно, когда масляная фаза тонко разделена и диспергирована в виде мельчайших капелек в объемной водной фазе, полученная композиция называется эмульсией масло-в-воде (o/w). Эмульсии могут содержать дополнительные компоненты помимо дисперсных фаз, а активное лекарственное средство может находиться в виде раствора либо в водной фазе, либо в масляной фазе, либо само по себе в виде отдельной фазы. Фармацевтические вспомогательные вещества, такие как эмульгаторы, стабилизаторы, красители и антиоксиданты, также могут присутствовать в эмульсиях по мере необходимости. Фармацевтические эмульсии также могут представлять собой множественные эмульсии, состоящие из более чем двух фаз, как, например, в случае масло-в-воде-в-масле (o/w/o) или вода-в-масле-в-воде (w/o/w) эмульсии. Такие сложные составы часто обеспечивают определенные преимущества, которых нет у простых бинарных эмульсий. Множественные эмульсии, в которых отдельные капельки масла эмульсии o/w заключают в себе небольшие капли воды, составляют эмульсию w/o/w. Точно так же система капель масла, заключенных в глобулы воды, стабилизированные в маслянистой непрерывной фазе, образует эмульсию o/w/o.

Эмульсии характеризуются малой или нулевой термодинамической стабильностью. Часто дисперсную или прерывистую фазу эмульсии хорошо диспергируют во внешней или непрерывной фазе и поддерживают в таком виде за счет эмульгаторов или вязкости состава. Другие способы стабилизации эмульсий включают использование эмульгаторов, которые могут быть включены в любую фазу эмульсии. Эмульгаторы можно разделить на четыре категории: синтетические поверхностно-активные вещества, природные эмульгаторы, абсорбирующие основы и мелкодисперсные твердые вещества (см., например Ansel's Pharmaceutical Dosage Forms and Drug Delivery Systems, Allen, L.V., Popovich N.G., and Ansel H.C., 2004, Lippincott Williams & Wilkins (8th ed.), New York, NY; Idson, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume 1, p. 199).

Синтетические сурфактанты, также известные как поверхностно-активные вещества, нашли широкое применение в составе эмульсий и были рассмотрены в литературе (см., например, Ansel's Pharmaceutical Dosage Forms and Drug Delivery Systems, Allen, L.V., Popovich N.G., and Ansel H.C., 2004, Lippincott Williams & Wilkins (8th ed), New York, NY; Rieger, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume I, p. 285; Idson, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., 1988, volume 1, p. 199). Поверхностно-активные вещества обычно являются амфифильными и содержат гидрофильную и гидрофобную части. Соотношение гидрофильной и гидрофобной природы поверхностно-активного вещества было названо гидрофильно-липофильным балансом (HLB), таковое является ценным инструментом для классификации и выбора поверхностно-активных веществ при приготовлении составов. Поверхностно-активные вещества можно разделить на различные классы в зависимости от природы гидрофильной группы: неионогенные, анионогенные, катионогенные и амфотерные (см., например, Ansel's Pharmaceutical Dosage Forms and Drug Delivery Systems, Allen, L.V., Popovich N.G., and Ansel H.C., 2004, Lippincott Williams & Wilkins (8th ed.), New York, N.Y. Rieger, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume 1, p. 285).

Большое разнообразие неэмульгирующих материалов также может включаться в рецептуры эмульсий для преобразования свойств эмульсий. К ним относятся жиры, масла, воски, жирные кислоты, жирные спирты, сложные эфиры жирных кислот, увлажнители, гидрофильные коллоиды, консерванты и антиоксиданты (Block, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume 1, p. 335; Idson, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger

and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume 1, p. 199).

Применение составов эмульсий дерматологическим, пероральным и парентеральным путями, а также способы их изготовления были рассмотрены в литературе (см., например, Ansel's Pharmaceutical Dosage Forms and Drug Delivery Systems, Allen, L.V., Popovich N.G., and Ansel H.C., 2004, Lippincott Williams & Wilkins (8th ed), New York, NY; Idson, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, N.Y., volume 1, p. 199).

II. Микроэмульсии.

В одном варианте осуществления настоящего изобретения композиции иРНК и нуклеиновых кислот готовят в виде микроэмульсий. Микроэмульсия может быть определена как система воды, масла и амфифильного соединения, представляющая собой единый оптически изотропный и термодинамически стабильный жидкий раствор (см., например, Ansel's Pharmaceutical Dosage Forms and Drug Delivery Systems, Allen, L.V., Popovich N.G., and Ansel H.C., 2004, Lippincott Williams & Wilkins (8th ed), New York, NY; Rosoff, in Pharmaceutical Dosage Forms, Lieberman, Rieger and Banker (Eds.), 1988, Marcel Dekker, Inc., New York, NY., volume 1, p. 245). Обычно микроэмульсии представляют собой системы, которые получают сначала путем диспергирования масла в водном растворе поверхностно-активного вещества, и последующего добавления достаточного количества четвертого компонента, обычно спирта со средней длиной цепи, для образования прозрачной системы. Таким образом, микроэмульсии также были описаны как термодинамически стабильные, изотропно чистые дисперсии двух несмешивающихся жидкостей, стабилизированных межфазными пленками поверхностно-активных молекул (Leung and Shah, in: Controlled Release of Drugs: Polymers and Aggregate Systems, Rosoff, M., Ed, 1989, VCH Publishers, New York, pages 185-215).

III. Микрочастицы.

иРНК по изобретению может быть включена в частицу, например микрочастицу. Микрочастицы могут быть получены распылительной сушкой или другими способами, включая лиофилизацию, выпаривание, сушку в псевдооживленном слое, вакуумную сушку или комбинацию этих методов.

IV. Усилители проникновения в клетку.

В одном варианте осуществления в настоящем изобретении используются различные усилители проникновения для осуществления эффективной доставки нуклеиновых кислот, в частности иРНК, в кожу животных. Большинство лекарств присутствуют в растворе как в ионизированной, так и в неионизированной формах. Однако, обычно только жирорастворимые или липофильные препараты легко проникают через клеточные мембраны. Было обнаружено, что даже нелипофильные лекарственные средства могут проникать через клеточные мембраны, если мембрана, которую необходимо преодолеть, обработана усилителем проникновения. Помимо содействия диффузии нелипофильных препаратов через клеточные мембраны, усилители проникновения также повышают проницаемость липофильных препаратов.

Усилители проникновения можно отнести к одной из пяти широких категорий, т.е. поверхностно-активные вещества, жирные кислоты, соли желчных кислот, хелатирующие агенты и вещества, не являющиеся хелатирующими агентами или поверхностно-активными веществами (см., например, Malmsten, M. Surfactants and polymers in drug delivery, Informa Health Care, New York, NY, 2002; Lee et al., Critical Reviews in Therapeutic Drug Carrier Systems, 1991, p.92). Каждый из вышеупомянутых классов усилителей проникновения, а также применение таковых в производстве фармацевтических композиций и доставке фармацевтических агентов хорошо известны в данной области техники.

v. Эксципиенты.

В отличие от соединения-носителя "фармацевтический носитель" или "эксципиент" представляет собой фармацевтически приемлемый растворитель, суспендирующий агент или любой другой фармакологически инертный носитель для доставки одной или нескольких нуклеиновых кислот животному. Эксципиент может быть жидким или твердым, эксципиент выбирают с учетом запланированного способа введения, чтобы обеспечить желаемый объем, консистенцию и т. д. при объединении с нуклеиновой кислотой и другими компонентами данной фармацевтической композиции. Такие агенты хорошо известны в данной области техники.

vi. Другие компоненты.

Композиции по настоящему изобретению могут дополнительно содержать другие вспомогательные компоненты, обычно присутствующие в фармацевтических композициях, в пределах их использования, установленных в данной области техники. Так, например, композиции могут содержать дополнительные, совместимые, фармацевтически активные вещества, такие как, например, противозудные средства, вяжущие средства, местные анестетики или противовоспалительные средства, или могут содержать дополнительные вещества, пригодные для физического приготовления различных лекарственных форм композиций по настоящему изобретению, такие как красители, ароматизаторы, консерванты, антиоксиданты, замутнители, загустители и стабилизаторы. Однако, такие материалы при добавлении не должны чрезмерно мешать биологической активности компонентов композиций по настоящему изобретению. Препараты можно стерилизовать и, при желании, смешивать со вспомогательными агентами, например, смазывающими веществами, консервантами, стабилизаторами, смачивающими агентами, эмульгаторами, солями для воздействия на осмотическое давление, буферами, красителями, ароматизаторами или арома-

тическими веществами и т.п., которые не приводят к нежелательному взаимодействию с нуклеиновой кислотой(ами) состава.

Водные суспензии могут содержать вещества, повышающие вязкость суспензии, включая, например, карбоксиметилцеллюлозу натрия, сорбит или декстран. Суспензия также может содержать стабилизаторы.

В некоторых вариантах осуществления фармацевтические композиции, представленные в изобретении, включают (а) одну или более иРНК и (b) один или более агентов, которые действуют по механизму, отличному от иРНК, и которые применимы для лечения расстройств, связанных с PNPLA3, например NAFLD.

Токсичность и профилактическая эффективность таких соединений могут быть определены стандартными фармацевтическими процедурами на культурах клеток или экспериментальных животных, например, для определения LD50 (доза, летальная для 50% населения) и ED50 (доза, профилактически эффективная для 50% населения). Соотношение доз между токсическим и терапевтическим эффектами является терапевтическим индексом и может быть выражено как отношение LD50/ED50. Соединения, имеющие высокие терапевтические индексы, являются предпочтительными.

Данные, полученные в результате анализа клеточных культур и исследований на животных, могут быть использованы при определении диапазона дозировок для применения у людей. Дозировка композиций, представленных здесь в изобретении, обычно находится в диапазоне циркулирующих концентраций, включающих ED50, предпочтительно ED80 или ED90, с небольшой токсичностью или без нее. Дозировка может варьироваться в пределах этого диапазона в зависимости от используемой лекарственной формы и используемого пути введения. Для любого соединения, используемого в способах, представленных в изобретении, профилактически эффективная доза может быть первоначально оценена при анализе клеточных культур. Доза может быть составлена для использования на животных моделях для достижения диапазона концентраций соединения в циркулирующей плазме или, при необходимости, концентраций полипептидного продукта целевой последовательности (например, для достижения сниженной концентрации полипептида), с учетом IC50 (т.е. концентрация испытуемого соединения, при которой достигается полумаксимальное ингибирование симптомов) или для достижения более высоких уровней ингибирования, определенных в клеточной культуре. Такая информация может быть использована для более точного определения используемых доз для человека. Уровни в плазме можно измерить, например, с помощью высокоэффективной жидкостной хроматографии.

В дополнение к способам иРНК введения, как обсуждалось выше, иРНК, представленные в изобретении, можно вводить в комбинации с другими известными агентами, используемыми для профилактики или лечения расстройства, связанного с PNPLA3, например, NAFLD. В любом случае лечащий врач может регулировать количество и время введения иРНК на основе результатов, наблюдаемых при использовании стандартных показателей эффективности, известных в данной области техники или описанных в настоящем изобретении.

VI. Способы ингибирования экспрессии PNPLA3.

Настоящее изобретение также относится к способам ингибирования экспрессии гена PNPLA3 в клетке. Способы включают приведение клетки в контакт с иРНК агентом, например агентом двухцепочечной РНК, в количестве, эффективном для ингибирования экспрессии PNPLA3 в клетке, что приводит к ингибированию экспрессии PNPLA3 в клетке.

Контактирование клетки с иРНК, например двухцепочечным РНК агентом, может осуществляться *in vitro* или *in vivo*. Контактирование клетки *in vivo* с иРНК включает контактирование клетки или группы клеток субъекта, например человека, с иРНК. Также возможны комбинации способов контакта с клеткой *in vitro* и *in vivo*. Контакт с клеткой может быть прямым или косвенным, как обсуждалось выше. Кроме того, контактирование с клеткой может быть осуществлено посредством нацеливающего лиганда, включая любой лиганд, описанный в настоящем изобретении или известный в данной области техники. В предпочтительных вариантах осуществления нацеливающий лиганд представляет собой углеводную группу, например, лиганд GalNAc3 или любой другой лиганд, направляющий иРНК агент в представляющий интерес сайт.

Используемый здесь термин "ингибирование" используется взаимозаменяемо с терминами "уменьшение", "сайленсинг", "снижение уровня регуляции", "подавление" и другими подобными терминами и включает любой уровень ингибирования.

Фраза "ингибирование экспрессии PNPLA3" предназначена для обозначения ингибирования экспрессии любого гена PNPLA3 (например, гена PNPLA3 3 мыши, гена PNPLA3 крысы, гена PNPLA3 обезьяны или гена PNPLA3 человека), а также вариантов или мутантов гена PNPLA3. Таким образом, ген PNPLA3 может быть геном PNPLA3 дикого типа, мутантным геном PNPLA3 или трансгенным геном PNPLA3 в контексте генетически модифицированной клетки, группы клеток или организма.

"Ингибирование экспрессии гена PNPLA3" включает любой уровень ингибирования гена PNPLA3, например, по меньшей мере, частичное подавление экспрессии гена PNPLA3. Экспрессию гена PNPLA3 можно оценивать на основе уровня или изменения уровня любой переменной, связанной с экспрессией гена PNPLA3, например, уровня мРНК PNPLA3 или уровня белка PNPLA3. Этот уровень можно оценить

в отдельной клетке или в группе клеток, включая, например, образец, полученный от субъекта. Понятно, что PNPLA3 экспрессируется преимущественно в печени, а также в головном мозге, желчном пузыре, сердце и почках и присутствует в кровотоке.

Ингибирование можно оценить по снижению абсолютного или относительного уровня одной или нескольких переменных, связанных с экспрессией PNPLA3, по сравнению с контрольным уровнем. Контрольный уровень может представлять собой контрольный уровень любого типа, который используется в данной области, например, исходный уровень перед введением дозы или уровень, определенный на аналогичном субъекте, клетке или образце, которые не подвергались лечению или подвергались обработке контролем (таким как, например, буфер или неактивный агент).

В некоторых вариантах осуществления способов по изобретению экспрессия гена PNPLA3 ингибируется по меньшей мере на 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90 или 95% или находится ниже уровня обнаружения анализа. В предпочтительных вариантах экспрессия PNPLA3 гена ингибируется не менее чем на 70%. Также понятно, что может быть желательным ингибирование экспрессии PNPLA3 в определенных тканях, например, в печени, без значительного ингибирования экспрессии в других тканях, например, мозге. В предпочтительных вариантах осуществления уровня экспрессии определяют с использованием метода анализа, представленного в примере 2, с концентрацией 10 нМ siРНК в клеточной линии соответствующих видов.

В некоторых вариантах осуществления ингибирование экспрессии *in vivo* определяется нокдауном человеческого гена у грызунов, экспрессирующих человеческий ген, например у мыши, инфицированной AAV, экспрессирующей человеческий целевой ген (т.е. PNPLA3), например при введении однократной дозы, например 3 мг/кг при максимуме экспрессии РНК. Нокдаун экспрессии эндогенного гена в животных моделях также можно определить, например, после введения однократной дозы, например 3 мг/кг, на самом низком уровне экспрессии РНК. Такие системы применимы, когда последовательности нуклеиновых кислот гена человека и гена модельного животного достаточно близки, так что иРНК человека обеспечивает эффективный нокдаун гена модельного животного. Экспрессию РНК в печени определяют с использованием методов ПЦР, представленных в примере 2.

Ингибирование экспрессии гена PNPLA3 может проявляться снижением количества мРНК, экспрессируемой первой клеткой или группой клеток (такие клетки могут присутствовать, например, в образце, полученном от субъекта), в котором PNPLA3 ген транскрибируется и который подвергся или подвергся лечению (например, путем контакта клетки или клеток с иРНК по изобретению или путем введения иРНК по изобретению субъекту, в котором клетки присутствуют или присутствовали), так что экспрессия гена PNPLA3 ингибируется по сравнению со второй клеткой или группой клеток, по существу идентичных первой клетке или группе клеток, но которые не подвергались обработке вообще или не подвергались конкретной обработке (контрольные клетки, не обработанные иРНК или не обработанные иРНК, нацеленной на интересующий ген). В предпочтительных вариантах осуществления ингибирование оценивают по способу, представленному в примере 2, с использованием концентрации 10 нМ siРНК в клеточной линии подходящего вида и определением уровня мРНК в обработанных клетках в процентах от уровня мРНК в контрольных клетках по следующей формуле:

$$\frac{(\text{мРНК в контрольных клетках}) - (\text{мРНК в обработанных клетках})}{(\text{мРНК в контрольных клетках})} \bullet 100\%$$

В других вариантах осуществления ингибирование экспрессии гена PNPLA3 можно оценивать по снижению параметра, функционально связанного с экспрессией гена PNPLA3, например уровня белка PNPLA3 в крови или сыворотке субъекта. Сайленсинг гена PNPLA3 можно определить в любой клетке, экспрессирующей PNPLA3, как эндогенной, так и гетерологичной, с использованием экспрессионной конструкции и с помощью любого анализа, известного в данной области техники.

Ингибирование экспрессии белка PNPLA3 может проявляться снижением уровня белка PNPLA3, который экспрессируется клеткой или группой клеток в исследуемом образце (например, уровень белка в образце крови, полученном от субъекта). Как объяснялось выше, для оценки подавления мРНК ингибирование уровня экспрессии белка в обработанной клетке или группе клеток может быть аналогичным образом выражено в процентах от уровня белка в контрольной клетке или группе клеток, или изменение в уровне белка в исследуемом образце, например крови или полученной из нее сыворотке.

Контрольная клетка, группа клеток или образец субъекта, которые можно использовать для оценки ингибирования экспрессии гена PNPLA3, включают клетку, группу клеток или образец субъекта, не контактировавшими с РНКи агентом по изобретению. Например, контрольная клетка, группа клеток или образец субъекта могут быть получены от отдельного субъекта (например, человека или животного) до лечения субъекта РНКи агентом или соответствующим образом подобранным популяционным контролем.

Уровень мРНК PNPLA3, который экспрессируется клеткой или группой клеток, может быть определен с использованием любого известного в данной области метода оценки экспрессии мРНК. В одном варианте осуществления уровень экспрессии PNPLA3 в образце определяют путем обнаружения транскрибируемого полинуклеотида или его части, например, мРНК гена PNPLA3. РНК можно экстрагировать из клеток с использованием методов выделения РНК, включая, например, экстракцию кислотным фено-

лом/гуанидинизотиоцианатом (RNAzol B; Biogenesis), или используя наборы РНК RNeasy™ (Qiagen®) или PAXgene™ (PreAnalytix™, Switzerland). Типичные форматы анализов, использующих гибридизацию рибонуклеиновой кислоты, включают ядерные анализы (nuclear run-on assays), RT-PCR, анализы защиты от РНКаз, нозерн-блоттинг, гибридизацию *in situ* и микрочиповый анализ (microarray).

В некоторых вариантах осуществления уровень экспрессии PNPLA3 определяют с помощью зонда нуклеиновой кислоты. Термин "зонд", используемый в настоящем изобретении, относится к любой молекуле, которая способна избирательно связываться со специфическим PNPLA3. Зонды могут быть синтезированы специалистом в данной области или получены из соответствующих биологических препаратов. Зонды могут быть специально разработаны для маркировки. Примеры молекул, которые можно использовать в качестве зондов, включают, без ограничения таковыми, РНК, ДНК, белки, антитела и органические молекулы.

Выделенную мРНК можно использовать в анализах гибридизации или амплификации, которые включают, помимо прочего, саузерн- или нозерн-блоттинг анализы, анализы полимеразной цепной реакции (ПЦР) и анализы с использованием наборов зондов. Один из способов определения уровней мРНК включает контактирование выделенной мРНК с молекулой нуклеиновой кислоты (зондом), способной гибридизоваться с мРНК PNPLA3. В одном варианте осуществления мРНК иммобилизуют на твердой поверхности и приводят в контакт с зондом, например, путем обработки выделенной мРНК на агарозном геле и переноса мРНК из геля на мембрану, такую как нитроцеллюлоза. В альтернативном варианте осуществления зонд(ы) иммобилизуют на твердой поверхности, и мРНК контактирует с зондом(ами), например, в матрице генных чипов Affymetrix®. Квалифицированный специалист может легко адаптировать известные способы обнаружения мРНК для использования с целью определения уровня мРНК PNPLA3.

Альтернативные методы определения уровня экспрессии PNPLA3 в образце включают процесс амплификации нуклеиновой кислоты или обратной транскриптазы (для получения кДНК) например, мРНК в образце, например, с помощью RT-PCR (экспериментальный вариант осуществления изложен в Mullis, 1987, U.S. Patent No. 4,683,202), лигазную цепную реакцию (Barany (1991) Proc. Natl. Acad. Sci. USA 88:189-193), самоподдерживающуюся репликацию последовательности (Guatelli et al. (1990) Proc. Natl. Acad. Sci. USA 87:1874-1878), систему амплификации транскрипции (Kwoh et al. (1989) Proc. Natl. Acad. Sci. USA 86:1173-1177), Q-Beta репликазу (Lizardi et al. (Lizardi et al.) 1988) Bio/Technology 6:1197), репликацию по типу катящегося кольца ((Lizardi et al., U.S. Patent No. 5854033) или любой другой метод амплификации нуклеиновых кислот с последующим обнаружением амплифицированных молекул с использованием методов, хорошо известных специалистам в данной области техники. Эти схемы обнаружения особенно полезны для обнаружения молекул нуклеиновых кислот, если такие молекулы присутствуют в очень небольшом количестве. В конкретных аспектах изобретения уровень экспрессии PNPLA3 определяют с помощью количественной флуорогенной RT-PCR (т.е. системы TaqMan™). В предпочтительных вариантах осуществления уровень экспрессии определяют способом, представленным в Примере 2, с использованием, например, концентрации 10 нМ siРНК в клеточной линии соответствующего вида.

Уровни экспрессии мРНК PNPLA3 можно контролировать с помощью мембранного блоттинга (например, используемого в анализе гибридизации, такого как нозерн, саузерн, дот (точечного) и т.п.) или микролунок, пробирок для образцов, гелей, гранул или волокон (или любой твердой подложки, содержащей связанные нуклеиновые кислоты). См. патенты США № 5770722, 5874219, 5744305, 5677195 и 5445934, содержание которых включено в настоящее описание посредством ссылки. Определение уровня экспрессии PNPLA3 также может включать использование зондов нуклеиновых кислот в растворе.

В предпочтительных вариантах осуществления уровень экспрессии мРНК оценивают с использованием анализов разветвленной ДНК (bDNA) или ПЦР в реальном времени (qPCR). Использование этих способов описано и проиллюстрировано в примерах, представленных здесь. В предпочтительных вариантах осуществления уровень экспрессии определяют способом, представленным в примере 2, с использованием концентрации 10 нМ siРНК в клеточной линии подходящего вида.

Уровень экспрессии белка PNPLA3 можно определить с использованием любого известного в данной области метода измерения уровней белка. Такие методы включают, например, электрофорез, капиллярный электрофорез, высокоэффективную жидкостную хроматографию (HPLC), тонкослойную хроматографию (TLC), гипердиффузионную хроматографию, жидкостные или гелевые реакции преципитации, абсорбционную спектроскопию, колориметрические анализы, спектрофотометрические анализы, проточную цитометрию, иммунодиффузию (одинарную или двойную), иммуноэлектрофорез, вестерн-блоттинг, радиоиммуноанализ (RIA), твердофазный иммуноферментный анализ (ELISA), иммунофлуоресцентный анализ, электрохемилюминесцентный анализ и т.п.

В некоторых вариантах осуществления эффективность способов по изобретению оценивают по снижению уровня мРНК или белка PNPLA3 (например, в биопсии печени).

В некоторых вариантах осуществления способов по изобретению иРНК вводят субъекту таким образом, что иРНК доставляется в конкретный участок внутри субъекта. Ингибирование экспрессии

PNPLA3 можно оценить с помощью измерений уровня или по изменению уровня мРНК PNPLA3 или белка PNPLA3 в образце, полученном из жидкости или ткани из определенного участка тела субъекта (например, печени или крови).

Используемые здесь термины "обнаружение или определение уровня анализируемого вещества" означают выполнение стадий для определения наличия материала, например, белка, РНК. Используемые здесь способы обнаружения или определения включают обнаружение или определение уровня аналита, который ниже уровня обнаружения для используемого метода.

VII. Способы профилактики и лечения согласно изобретению.

Настоящее изобретение также относится к способам применения иРНК по изобретению или композиции, содержащей иРНК по изобретению, для ингибирования экспрессии PNPLA3, что предотвращает или способствует лечению PNPLA3-ассоциированного заболевания, такого как жировая дистрофия печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD). В способах по изобретению клетка может контактировать с siРНК *in vitro* или *in vivo*, т.е. клетка может находиться внутри субъекта.

Клетка, подходящая для лечения с использованием способов по изобретению, может быть любой клеткой, экспрессирующей ген PNPLA3, например, клеткой печени, клеткой головного мозга, клеткой желчного пузыря, клеткой сердца или клеткой почки, но предпочтительно является клеткой печени. Клеткой, подходящей для применения в способах по изобретению, может быть клетка млекопитающего, например, клетка примата (такая как человеческая клетка, включая человеческую клетку химерного животного, отличного от человека, или клетка примата, отличного от человека, например, клетка обезьяны или клетка шимпанзе), или клетка млекопитающего, не являющегося приматом. В некоторых вариантах осуществления клетка представляет собой клетку человека, например клетку печени человека. В способах по изобретению экспрессия PNPLA3 ингибируется в клетке по меньшей мере на 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90 или 95% или до уровня ниже уровня обнаружения анализа.

Способы *in vivo* по изобретению могут включать введение субъекту композиции, содержащей иРНК, где иРНК включает нуклеотидную последовательность, комплементарную по меньшей мере части РНК-транскрипта гена PNPLA3 млекопитающего, которому вводится РНКи агент. Композицию можно вводить любыми способами, известными в данной области техники, включая, без ограничения таковыми, пероральный, внутрибрюшинный или парентеральный пути, внутрочерепной (например, желудочковый, интрапаренхиматозный и интратекальный), внутривенный, внутримышечный, подкожный, трансдермальный, дыхательный (аэрозольный) и назальный пути, а также ректальное и местное (включая трансбуккальное и подязычное) введение. В некоторых вариантах осуществления композиции вводят путем внутривенной инфузии или инъекции. В некоторых вариантах осуществления композиции вводят путем подкожной инъекции. В некоторых вариантах осуществления композиции вводят путем внутримышечной инъекции.

В одном аспекте настоящее изобретение также относится к способу ингибирования экспрессии гена PNPLA3 у млекопитающего. Способы включают введение млекопитающему композиции, содержащей dsРНК, нацеленную на ген PNPLA3 в клетке млекопитающего, и поддержание млекопитающего в течение времени, достаточного для деградации транскрипта мРНК гена PNPLA3, что приводит к ингибированию экспрессии гена PNPLA3 в клетке. Снижение экспрессии генов можно оценить любыми способами, известными в данной области техники, например, с помощью qRT-PCR, описанной здесь, например, в примере 2. Снижение продукции белка можно оценить любыми способами, известными в данной области техники, например методом ELISA. В некоторых вариантах осуществления образец пункционной биопсии печени служит тканевым материалом для мониторинга снижения экспрессии гена PNPLA3 или белка такового. В других вариантах осуществления образец крови служит образцом субъекта для мониторинга снижения экспрессии белка PNPLA3.

Настоящее изобретение дополнительно обеспечивает способы лечения нуждающегося в этом субъекта, например, субъекта, у которого диагностировано расстройство, связанное с PNPLA3, такое как жировая дистрофия печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD).

Настоящее изобретение дополнительно обеспечивает способы профилактики у субъекта, нуждающегося в этом. Способы лечения по изобретению включают введение иРНК по изобретению субъекту, например, субъекту, у которого было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3, в профилактически эффективном количестве иРНК, нацеленной на ген PNPLA3, или фармацевтической композиции, содержащей иРНК, нацеленной на ген PNPLA3.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к способам лечения субъекта, имеющего расстройство, при котором было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3, например, заболевание, связанное с PNPLA3, такое как хроническое фиброзно-воспалительное заболевание печени (например, рак, например, гепатоцеллюлярная карцинома, неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени и неалкогольная жировая болезнь печени

(NAFLD). В одном варианте осуществления хроническое фиброзно-воспалительное заболевание печени представляет собой NASH.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечную рибонуклеиновую кислоту (дсРНК) по изобретению для применения в способе лечения субъекта, имеющего расстройство, при котором было бы полезно снижение экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипидный домен (PNPLA3).

В другом аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечную рибонуклеиновую кислоту (дсРНК) по изобретению для применения в способе предотвращения по меньшей мере одного симптома у субъекта, страдающего расстройством, при котором было бы полезно уменьшить экспрессию белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипидный домен (PNPLA3).

В одном аспекте настоящее изобретение относится к применению двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) по изобретению в производстве лекарственного средства для лечения субъекта, страдающего расстройством, для которого было бы полезно снижение экспрессию белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипидный домен (PNPLA3).

В другом аспекте настоящее изобретение относится к применению двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) по изобретению в производстве лекарственного средства для предотвращения по меньшей мере одного симптома у субъекта, страдающего заболеванием, при котором было бы полезно уменьшить экспрессию белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипидный домен (PNPLA3).

В одном варианте осуществления лекарственное средство предназначено для введения в дозе от приблизительно 0,01 мг/кг до приблизительно 50 мг/кг. В одном варианте осуществления лекарственное средство предназначено для подкожного введения.

В одном варианте осуществления расстройство представляет собой PNPLA3-ассоциированное заболевание.

В одном варианте осуществления ассоциированное с PNPLA3 заболевание выбрано из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения или неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).

Используемый здесь термин "неалкогольная жировая болезнь печени", используемый взаимозаменяемо с термином "NAFLD", относится к заболеванию, определяемому наличием макрососудистого стеатоза при приеме внутрь менее 20 г алкоголя в день. NAFLD является наиболее распространенным заболеванием печени в Соединенных Штатах и обычно ассоциируется с резистентностью к инсулину/сахарным диабетом 2 типа и ожирением. NAFLD проявляется стеатозом, стеатогепатитом, циррозом печени и иногда гепатоцеллюлярной карциномой. Обзор NAFLD см. в Tolman and Dalpiaz (2007) Ther. Clin. Risk. Manag., 3(6):1153-1163, полное содержание которого включено в настоящее описание посредством ссылки.

Используемые здесь термины "стеатоз", "стеатоз печени" и "жировая болезнь печени" относятся к накоплению триглицеридов и других жиров в клетках печени.

Используемый здесь термин "неалкогольный стеатогепатит" или "NASH" относится к воспалению печени и повреждению, вызванному накоплением жира в печени. NASH принадлежит к группе заболеваний, относящихся к неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD). NASH напоминает алкогольную болезнь печени, но возникает у людей, которые употребляют мало алкоголя или вообще не употребляют его. Основным признаком NASH является накопление жира в печени, а также воспаление и повреждение таковой. Большинство людей с NASH чувствуют себя хорошо и не подозревают, что у них проблемы с печенью. Тем не менее, NASH может протекать тяжело и приводить к циррозу, при котором печень необратимо повреждена и покрыта рубцами и больше не способна нормально функционировать. NASH обычно сначала подозревают у человека, у которого обнаруживают повышение показателей печеночных тестов, включенных в рутинные анализы крови, таких как аланинаминотрансфераза (АЛТ) или аспартатаминотрансфераза (АСТ). Если дальнейшая оценка не находит очевидной причины заболевания печени (такой как прием лекарств, вирусный гепатит или чрезмерное употребление алкоголя) и если рентгенография или визуализирующие исследования печени выявляют жир, то подозревается NASH. Единственным средством подтверждения диагноза NASH и отличия его от простой жировой дистрофии печени является биопсия печени.

Используемый здесь термин "цирроз", определяемый гистологически, представляет собой диффузный печеночный процесс, характеризующийся фиброзом и преобразованием нормальной архитектуры печени в структурно аномальные узелки.

иРНК по изобретению можно вводить в виде "свободной иРНК". Свободную иРНК вводят в отсутствие фармацевтической композиции. Свободная иРНК может находиться в подходящем буферном растворе. Буферный раствор может содержать ацетат, цитрат, проламин, карбонат или фосфат или любую комбинацию таковых. В одном варианте осуществления буферный раствор представляет собой забуференный фосфатом физиологический раствор (PBS). pH и осмолярность буферного раствора, содержащего иРНК, можно отрегулировать таким образом, чтобы он подходил для введения субъекту.

Альтернативно, иРНК по изобретению можно вводить в виде фармацевтической композиции, такой

как липосомальная композиция дсРНК.

Субъекты, которым было бы полезно ингибирование экспрессии гена PNPLA3, являются субъектами, предрасположенными к PNPLA3-ассоциированному расстройству или с диагнозом такового, например, с диагнозом: жировая дистрофия печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольная жировая болезнь печени (NAFLD).

В одном варианте осуществления способ включает введение композиции, представленной в настоящем изобретении, таким образом, что экспрессия гена-мишени PNPLA3 снижается, например, приблизительно на 1, 2, 3, 4, 5, 6, 1-6, 1-3 или 3-6 месяцев после введения дозы. В некоторых вариантах осуществления композицию вводят один раз каждые 3-6 месяцев.

Предпочтительно, иРНК, пригодные для способов и композиций, описанных в настоящем изобретении, нацелены конкретно на РНК (первичные или процессированные) гена-мишени PNPLA3. Композиции и способы ингибирования экспрессии этих генов с помощью иРНК могут быть предварительно подобраны и выполнены, как описано здесь.

Введение иРНК в соответствии со способами по изобретению может привести к предупреждению или лечению PNPLA3-ассоциированного расстройства, например, жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения или неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).

Субъектам можно вводить терапевтическое количество иРНК, такое как приблизительно от 0,01 мг/кг до приблизительно 200 мг/кг.

иРНК предпочтительно вводят подкожно, т.е. путем подкожной инъекции. Для доставки желаемой дозы иРНК субъекту можно использовать одну или более инъекций. Инъекции можно повторять в течение определенного периода времени.

Введение можно повторять на регулярной основе. В некоторых вариантах осуществления после осуществления начальной схемы лечения лечение можно проводить реже. Регламент повторных доз может включать введение терапевтического количества иРНК на регулярной основе, например, от одного раза в месяц до одного раза в год. В некоторых вариантах осуществления иРНК вводят приблизительно от одного раза в месяц до приблизительно одного раза в три месяца или приблизительно от одного раза в три месяца до приблизительно одного раза в шесть месяцев.

Изобретение дополнительно обеспечивает способы и применение агента иРНК или фармацевтической композиции такового для лечения субъекта, для которого было бы полезно снижение и/или ингибирование экспрессии гена PNPLA3, например для субъекта, страдающего заболеванием, связанным с PNPLA3, в комбинации с другими фармацевтическими препаратами и/или другими терапевтическими методами, например, с использованием известных фармацевтических препаратов и/или известных терапевтических методов, таких как, например, те, которые в настоящее время применяются для лечения этих заболеваний.

Соответственно, в некоторых аспектах изобретения способы и применения, включающие только иРНК агент по изобретению, дополнительно включают введение субъекту одного или более дополнительных терапевтических средств.

Средство иРНК и дополнительное терапевтическое средство и/или лечение можно вводить одновременно и/или в одной и той же комбинации, например, парентерально, или дополнительное терапевтическое средство можно вводить как часть отдельной композиции или в разное время и/или другим способом, известным в данной области техники или описанным здесь.

Примеры дополнительных терапевтических средств включают те, которые, как известно, лечат гипертриглицеридемию и другие заболевания, которые вызваны гипертриглицеридемией, связаны с ней или являются ее следствием. Примеры таких агентов включают, без ограничения таковыми, ингибитор HMG-CoA-редуктазы (например, статины), фибрат, секвестрант желчных кислот, никотиновую кислоту, антиагрегант, ингибитор ангиотензинпревращающего фермента, антагонист рецептора ангиотензина II, например, лозартан калия, такой как Cozaar® компании Merck & Co.), ингибитор ацил-CoA-холестерин-ацетилтрансферазы (ACAT), ингибитор абсорбции холестерина, ингибитор белка-переносчика сложного эфира холестерина (СЕТР), ингибитор микросомального белка-переносчика триглицеридов (МТТР), модулятор холестерина, модулятор желчных кислот, агонист рецептора активации пролиферации пероксисом (PPAR), средства генной терапии, составной васкулярный протектант (например, AGI-1067 от Atherogenics), ингибитор гликопротеина IIb/IIIa, аспирин или аспириноподобное соединение, ингибитор ИВАТ (например, S-8921 от Shionogi), ингибитор скваленсаинтазы, ингибитор моноцитарного хемоаттрактантного белка (MCP)-I или рыбий жир. Примеры ингибиторов HMG-CoA-редуктазы включают аторвастатин (Pfizer's Lipitor®/Tahor/Sortis/Torvast/Cardyl), правастатин (Bristol-Myers Squibb's Pravachol, Sankyo's Mevalotin/Sanaprav), симвастатин (Merck's Zocor®/Sinvacor, Boehringer Ingelheim's Denan, Banyu's Lipovas), ловастатин (Merck's Mevacor/Mevinacor, Bexal's Lovastatina, Cepa; Schwarz Pharma's Liposcler), флувастатин (Novartis' Lescol®/Locol/Lochol, Fujisawa's Cranoc, Solvay's Digaril), церивастатин (Bayer's Lipo-

bay/GlaxoSmithKline's Baycol), розувастатин (Crestor® компании AstraZeneca) и питивастатин (итава-статин/рисивастатин) (Nissan Chemical, Kowa Kogyo, Sankyo и Novartis). Примеры фибратов включают, например, безафибрат (например, Befizal®/Cedur®/Bezalip® компании Roche, Bezatol компании Kissei), клофибрат (например, Atromid-S® компании Wyeth), фенофибрат (например, липидил/липантил Фурнье, Tricor® компании Abbott, липантил компании Takeda и другие), гемфиброзил (например, Лопид/Липур компании Pfizer) и ципрофибрат (Модалим® компании Санофи-Синтелабо). Типичные секвестранты желчных кислот включают, например, холестирамин (Bristol-Myers Squibb's Questran® и Questran Light™), колестипол (например, Colestid Pharmacia) и колесевелам (Genzyme/Sankyo's WelChol™). Примеры ниациновой терапии включают, например, составы с немедленным высвобождением, такие как никобид (Nicobid) от Aventis, ниакор (Niacor) от Upsher-Smith, николар (Nicolar) от Aventis и перицит (Percyt) от Sanwakagaku. Составы с пролонгированным высвобождением ниацина включают, например, ниаспан (Niaspan) от Kos Pharmaceuticals и сло-ниацин (Slo-Niacin) от Upsher-Smith. Примеры антиагрегантов включают, например, аспирин (например, аспирин Байера), клопидогрел (Sanofi-Synthelabo/Bristol-Myers Squibb's Plavix) и тиклопидин (например, Sanofi-Synthelabo's Ticlid и Daiichi's Panaldine). Другие подобные аспирину соединения, применимые в комбинации с дсРНК, нацеленной на PNPLA3, включают, например, Asacard (аспирин с медленным высвобождением, Pharmacia) и памикогрел (Kanebo/Angelini Ricerche/СЕРА). Примеры ингибиторов ангиотензинпревращающего фермента включают, например, рамиприл (например, Aventis' Altace) и эналаприл (например, Merck & Co.'s Vasotec). Примеры ингибиторов ацил-КоА-холестерин-ацетилтрансферазы (АСАТ) включают, например, авасимиб (Pfizer), эфлуцимиб (BioMerieux Pierre Fabre/Eli Lilly), CS-505 (Sankyo and Kyoto) и SMP-797 (Sumito). Примеры ингибиторов абсорбции холестерина включают, например, эзетимиб (Merck/Schering-Plough Pharmaceuticals Zetia®) и памакезид (Pfizer). Примеры ингибиторов СЕТР включают, например, Torcetrapib (также называемый CP-529414, Pfizer), JTT-705 (Japan Tobacco) и CETi-I (Avant Immunotherapy). Примеры ингибиторов микросомального белка-переносчика триглицеридов (МТТР) включают, например, имплитапид (Bayer), R-103757 (Janssen) и CP-346086 (Pfizer). Другие иллюстративные модуляторы холестерина включают, например, N0-1886 (Otsuka/TAP Pharmaceutical), CI-1027 (Pfizer) и WAY-135433 (Wyeth-Ayerst).

Примеры модуляторов желчных кислот включают, например, HBS-107 (Hisamitsu/Banyu), Btg-511 (British Technology Group), BARI-1453 (Aventis), S-8921 (Shionogi), SD-5613 (Pfizer) и AZD- 7806 (AstraZeneca). Примеры агонистов рецептора, активирующего пролиферацию пероксисом (PPAR), включают, например, тесаглитазар (AZ-242) (AstraZeneca), нетоглитазон (MCC-555) (Mitsubishi/Johnson & Johnson), GW-409544 (Ligand Pharmaceuticals/GlaxoSmithKline), GW-501516 (Ligand Pharmaceuticals/GlaxoSmithKline), LY-929 (Ligand Pharmaceuticals и Eli Lilly), LY-465608 (Ligand Pharmaceuticals и Eli Lilly), LY-518674 (Ligand Pharmaceuticals и Eli Lilly) и МК-767 (Merck и Kyorin). Примеры генной терапии включают, например, AdGWEGF 121.10 (GenVec), ApoA1 (UCB Pharma/Groupe Fournier), EG-004 (Trinam) (Ark Therapeutics) и АТФ-связывающий кассетный транспортер-А1 (ABCA1) (CV Therapeutics/Incyte, Aventis, Xenon). Примеры ингибиторов гликопротеина IIb/IIIa включают, например, роксифибан (также называемый DMP754, Bristol-Myers Squibb), гантофибан (Merck KGaA/Yamanouchi) и кромафибан (Millennium Pharmaceuticals). Примеры ингибиторов скваленсинтазы включают, например, BMS-1884941 (Bristol-Myers Squibb), CP-210172 (Pfizer), CP-295697 (Pfizer), CP-294838 (Pfizer) и ТАК-475 (Takeda). Типичным ингибитором МСР-I является, например, RS-504393 (Roche Bioscience). Антиатеросклеротическое средство ВО-653 (Chugai Pharmaceuticals) и производное никотиновой кислоты Nuclin (Yamanouchi Pharmaceuticals) также подходят для введения в комбинации с дсРНК, представленной в изобретении. Типичные комбинированные терапии, подходящие для введения с дсРНК, нацеленной на PNPLA3, включают, например, адвикор (ниацин/ловастатин от Kos Pharmaceuticals), амлодипин/аторвастатин (Pfizer) и эзетимиб/симвастатин (например, Vytorin® 10/10, 10/20, 10/40 и 10/80 таблетки от Merck/Schering-Plough Pharmaceuticals). Агенты для лечения гипертриглицеридемии, подходящие для введения в сочетании с дсРНК, нацеленной на PNPLA3, включают, например, ловастатин, Altoprev® Extended-Release Tablets (Andrx Labs), ловастатин Caduet® Tablets (Pfizer), амлодипина безилат, аторвастатин кальция Crestor® Tablets (AstraZeneca), розувастатин кальция Lescol® Capsules (Novartis), флувастатин натрия Lescol® (Reliant, Novartis), флувастатин натрия Lipitor® Tablets (Parke-Davis), аторвастатин кальция Lofibra® Capsules (Gate), ниаспан Niaspan Extended-Release Tablets (Kos), ниацин Pravachol Tablets (Bristol-Myers Squibb), правастатин натрия TriCor® Tablets (Abbott), фенофибрат Vytorin® 10/10 Tablets (Merck/Schering-Plough Pharmaceuticals), эзетимиб, симвастатин таблетки WelChol™ (Sankyo), колесевелама гидрохлорид Zetia® Tablets (Schering), эзетимиб, Zetia® Tablets (Merck/Schering-Plough Pharmaceuticals) и эзетимиб Zocor® Tablets (Merck).

В некоторых вариантах осуществления иРНК, представленная в изобретении, может быть введена, например, с пиридоксином, ингибитором АСЕ (ингибиторами ангиотензинпревращающего фермента), например, бензаприлом (лотензином); антагонистом рецептора ангиотензина II (АРВ) (например, таким как лозартан калия, Merck & Co.'s Cozaar®), например кандесартаном (Atacand); ингибитором HMG-

СоА-редуктазы (например, статином); агентами, связывающими кальций (например, таким как фосфат целлюлозы натрия (Calcibind)); диуретиками, например тиазидными диуретиками, такими как гидрохлоротиазид (микрозид); сенсibilизатором инсулина, таким как агонист PPAR γ пиоглитазон, glp-1 γ агонистом, таким как лираглулатид, витамином E, ингибитором SGLT2, ингибитором DPPIV и трансплантатом почки/печени; или с комбинацией любых из вышеперечисленных.

В одном варианте осуществления иРНК агент вводят в комбинации с комбинацией эзетимиб/симва-статин (например, Vytorin® (Merck/Schering-Plough Pharmaceuticals)). В одном варианте осуществления иРНК агент вводят пациенту, а затем дополнительно вводят терапевтический агент (или наоборот). В другом варианте осуществления иРНК агент и дополнительный терапевтический агент вводят одновременно.

иРНК агент и дополнительный терапевтический агент и/или другое средство лечения можно вводить одновременно и/или в одной и той же комбинации, например, парентерально, или дополнительный терапевтический агент можно вводить как часть отдельной композиции, в другое время и /или другим способом, известным в данной области техники или описанным здесь.

В одном варианте осуществления иРНК агент вводят в комбинации с комбинацией эзетимиб/симва-статин (например, Vytorin® (Merck/Schering-Plough Pharmaceuticals)). В одном варианте осуществления пациенту вводят иРНК агент, а затем пациенту вводят дополнительный терапевтический агент (или наоборот). В другом варианте осуществления иРНК агент и дополнительный терапевтический агент вводят одновременно.

иРНК агент и дополнительный терапевтический агент и/или другое средство лечения можно вводить одновременно и/или в одной и той же комбинации, например, парентерально, или дополнительное терапевтическое средство можно вводить как часть отдельной композиции, в другое время и /или другим способом, известным в данной области техники или описанным здесь.

VIII. Комплекты/наборы.

В некоторых аспектах настоящее изобретение относится к наборам, включающим подходящий контейнер, содержащий фармацевтический состав соединения siРНК, например, двухпочечного соединения siРНК или другого соединения siРНК (например, предшественника, например, более крупного siРНК- соединения, которое может подвергаться процессингу, образуя соединение siРНК или ДНК, кодирующую соединение siРНК, например, двухпочечное соединение siРНК или соединение ssiРНК, или предшественники таковых).

Такие наборы включают один или более средств на основе dsРНК и инструкции по применению, например инструкции по введению профилактически или терапевтически эффективного количества агента(ов) dsРНК. средство на основе dsРНК может находиться во флаконе или предварительно наполненном шприце. Наборы могут дополнительно содержать средства для введения агента dsРНК (например, устройство для инъекций, такое как предварительно заполненный шприц) или средства для измерения ингибирования PNPLA3 (например, средства для измерения ингибирования mРНК PNPLA3, белка PNPLA3 и/или активности PNPLA3). Такие средства для измерения ингибирования PNPLA3 могут включать средства для получения образца от субъекта, такого как, например, образец плазмы. Наборы по изобретению могут дополнительно включать средства для определения терапевтически эффективного или профилактически эффективного количества.

В некоторых вариантах осуществления отдельные компоненты фармацевтического состава могут поставляться в одном контейнере, например во флаконе или предварительно заполненном шприце. В качестве альтернативы может быть желательным предоставить компоненты фармацевтического состава по отдельности в двух или более контейнерах, например, один контейнер для препарата соединения siРНК и, по меньшей мере, другой контейнер для соединения-носителя. Набор может быть упакован в нескольких различных конфигурациях, например один или более контейнеров в одной коробке. Различные компоненты можно комбинировать, например, в соответствии с инструкциями, прилагаемыми к набору. Компоненты можно комбинировать в соответствии со способом, описанным в настоящем изобретении, например, для приготовления и введения фармацевтической композиции. В комплект также может входить устройство доставки.

Это изобретение дополнительно проиллюстрировано следующими неограничивающими примерами. Полное содержание всех ссылок, патентов и опубликованных патентных заявок, цитируемых в этой заявке, а также неофициальный перечень последовательностей и чертежи полностью включены в настоящее описание посредством ссылки.

Примеры

Пример 1. Синтез иРНК.

Источник реагентов.

Если источник реагента конкретно не указан в настоящем изобретении, то такой реагент может быть получен от любого поставщика реагентов для молекулярной биологии со стандартом качества/чистоты для применения в молекулярной биологии.

Разработка siРНК.

siРНК, нацеленные на ген белка 3, содержащий пататин-подобной домен фосфолипазы человека, (PNPLA3) (human: NCBI refseqID NM_025225.2; NCBI GeneID: 80339), были разработаны с использованием пользовательских сценариев R и Python. мРНК человека NM_025225.2 REFSEQ имеет длину 2805 оснований.

Подробные списки немодифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и антисмысловой цепей PNPLA3 показаны в табл. 2, 4, 6, 8 и 10. Подробные списки модифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и антисмысловой цепей PNPLA3 показаны в табл. 3, 5, 7, 9, 11, 21, 24, 27 и 30.

Следует понимать, что во всей заявке название дуплекса без десятичного знака эквивалентно названию дуплекса с десятичным знаком, необходимым для ссылки на номер партии дуплекса. Например, AD-959917 эквивалентен AD-959917.1.

Синтез siРНК.

siРНК конструировали, синтезировали и получали с использованием способов, известных в данной области техники.

Вкратце, последовательности siРНК синтезировали в масштабе 1 мкмоль с использованием синтезатора Mermade 192 (BioAutomation) с использованием фосфорамидитов на твердых носителях. Твердая подложка представляла собой стекло с контролируемыми порами (500-1000 Å), загруженное специальным лигандом GalNAc (конъюгаты 3'-GalNAc), универсальной твердой подложкой (AM Chemicals) или первым интересующим нуклеотидом. Вспомогательные реагенты для синтеза и стандартные мономеры 2-цианозтилфосфорамидита (2'-дезоксид-2'-фтор, 2'-О-метил, РНК, ДНК) были получены от Thermo-Fisher (Milwaukee, WI), HONGGENE (China), или Chemgenes (Wilmington, MA, USA). Дополнительные фосфорамидитные мономеры были закуплены у коммерческих DMF поставщиков, приготовлены собственными силами или закуплены с использованием индивидуального синтеза у различных компаний. Фосфорамидиты готовили в концентрации 100 мМ либо в ацетонитриле, либо в 9:1 смеси ацетонитрил: DMF и связывали с использованием 5-этилтио-1Н-тетразола (ETT, 0,25 М в ацетонитриле) при времени реакции 400 с. Фосфоротиоатные связи были созданы с использованием 100 мМ раствора 3-((диметиламино-метилиден)амино)-3Н-1,2,4-дигиазол-3-тиона (DDTT, полученного от Chemgenes (Wilmington, MA, USA)) в безводном растворе ацетонитрил/пиридин (9:1 по объему). Время окисления 5 мин. Все последовательности были синтезированы с окончательным удалением группы DMT ("DMT-Off").

По завершении твердофазного синтеза олигорибонуклеотиды на твердом носителе обрабатывали 300 мкл метиламина (40% водный раствор) при комнатной температуре в 96-луночных планшетах в течение приблизительно 2 часов, чтобы обеспечить отщепление от твердого носителя и последующее удаление всех дополнительных лабильных защитных основных групп. Для последовательностей, содержащих любые природные рибонуклеотидные связи (2'-ОН), защищенные трет-бутилдиметилсилильной группой (TBDMS), второй этап снятия защиты проводили с использованием TEA.3HF (триэтиламинтригидрофторид). К каждому раствору олигонуклеотида в водном метиламине добавляли 200 мкл диметилсульфоксида (DMSO) и 300 мкл TEA.3HF, и раствор инкубировали в течение приблизительно 30 мин при 60°C. После инкубации планшету давали нагреться до комнатной температуры и неочищенные олигонуклеотиды осаждали добавлением 1 мл 9:1 смеси ацетонтрила:этанол или 1:1 этанола:изопропанола. Затем планшеты центрифугировали при 4°C в течение 45 мин и надосадочную жидкость осторожно декантировали с помощью многоканальной пипетки. Осадок олигонуклеотида ресуспендировали в 20 мМ NaOAc и затем обессоливали с использованием колонки с исключением по размеру HiTrap (5 мл, GE Healthcare) в системе Agilent LC, оснащенной автоматическим пробоотборником, UV -детектором, измерителем проводимости и коллектором фракций. Обессоленные образцы собирали в 96-луночные планшеты, а затем анализировали с помощью LC-MS и UV -спектрометрии для подтверждения идентичности и количественного определения материала соответственно.

Дуплексирование одиночных нитей выполняли на роботе для работы с жидкостями Tecan (Tecan liquid handling robot). Смысловые и антисмысловые одиночные цепи объединяли в эквимольном соотношении до конечной концентрации 10 мкМ в 1x PBS в 96-луночных планшетах, планшет герметизировали, инкубировали при 100°C в течение 10 минут, а затем медленно приводили к комнатной температуре в течение 2-3-часового периода. Концентрацию и идентичность каждого дуплекса подтверждали, а затем таковые использовали для скрининговых анализов *in vitro*.

Пример 2. Методы скрининга *in vitro*.

Культура клеток Hep3B и 384-луночные трансфекции.

Клетки Hep3b (ATCC, Manassas, VA) выращивали почти до полного заполнения площади чашки (до слияния) при 37°C в атмосфере с 5% CO₂ в минимальной основной среде Игла Eagle's Minimum Essential Medium (Gibco) с добавлением 10% FBS (ATCC) перед высвобождением из чашки путем трипсинизации. Трансфекцию осуществляли путем добавления 14,8 мкл Opti-MEM плюс 0,2 мкл липофектамина РНК-Мах на лунку (Invitrogen, Carlsbad CA. cat # 13778-150) к 5 мкл каждого дуплекса siРНК в отдельную лунку в 96-луночного планшета. Затем смесь инкубировали при комнатной температуре в течение 15 минут. Затем к смеси siРНК добавляли 80 мкл полной питательной среды без антибиотика, содержащей

$\sim 2 \times 10^4$ клеток Her3В. Клетки инкубировали в течение 24 ч перед очисткой РНК. Эксперименты с однократной дозой проводили при конечной концентрации дуплекса 10 нМ и 0,1 нМ, а эксперименты доза-эффект проводили с использованием 8(восемь) 5-кратных серийных разведений в диапазоне от 10 нМ до 128 пМ.

Выделение тотальной РНК с использованием набора для выделения мРНК DYNABEADS (Invitrogen™, part #: 610-12)

Клетки лизировали в 75 мкл буфера для лизиса/связывания, содержащего 3 мкл гранул на лунку, и перемешивали в течение 10 мин на электростатическом шейкере. Этапы промывки были автоматизированы на Biotek EL406 с использованием магнитной опоры для пластин. Гранулы промывали (в 90 мкл) один раз в буфере А, один раз в буфере В и дважды в буфере Е с промежуточными этапами аспирации. После последней аспирации в каждую лунку добавляли полную 10 мкл РТ смеси, как описано ниже.

Синтез кДНК (сDNA) с использованием набора для обратной транскрипции ABI High capacity cDNA reverse transcription kit (Applied Biosystems, Foster City, CA, Cat #4368813)

В каждую лунку добавляли мастер-микс, состоящий из 1 мкл 10X буфера, 0,4 мкл 25X dNTP, 1 мкл случайных праймеров, 0,5 мкл обратной транскриптазы, 0,5 мкл ингибитора РНКазы и 6,6 мкл H₂O на реакцию. Планшеты запечатывали, встряхивали 10 минут на электростатическом шейкере, а затем инкубировали при 37°C в течение 2 ч. После этого планшеты перемешивали при 80°C в течение 8 мин.

ПЦР в реальном времени.

Два микролитра (мкл) кДНК добавляли в мастер-микс, содержащий 0,5 мкл человеческого зонда TaqMan Probe (4326317E), 0,5 мкл человеческого PNPLA3, 2 мкл воды, не содержащей нуклеаз, и 5 мкл мастер-микса Lightcycler 480 probe master mix (Roche Cat # 04887301001) и помещали в лунку 384-луночного планшета (Roche cat # 04887301001). ПЦР в реальном времени проводили в системе LightCycler480 Real Time PCR system (Roche).

Для расчета относительного кратного изменения данные анализировали с использованием метода ААСТ и нормализовали к анализам, проведенным с клетками, трансфицированными 10 нМ AD-1955, или с ложно трансфицированными клетками (mock). Значения IC₅₀ рассчитывали с использованием 4-параметрической модели с использованием XLFit и нормализовали к клеткам, трансфицированным AD-1955 или к ложно-трансфицированным клеткам. Смысловая и антисмысловая последовательности AD-1955 представляют собой: смысловую: cuuAcGcuGAGuAcuucGAdTsdT (SEQ ID NO: 18) и антисмысловую UCGAAGuACUcAGCGuAAGdTsdT (SEQ ID NO: 19).

Скрининг с двойной люциферазой и эндогенный скрининг in vitro.

Клетки Cos-7 (ATCC, Manassas, VA) выращивали почти до полного заполнения площади чашки (до слияния) при 37°C в атмосфере 5% CO₂ в среде DMEM (ATCC) с добавлением 10% FBS, а затем таковые высвобождали из планшета путем трипсинизации. Эксперименты с однократной дозой проводили при 50, 10, 1 и 0,1 нМ. Трансфекции плазмиды siРНК и psiCHECK2-PNPLA3 (GenBank Accession No. NM_025225.2) проводили с плазмидой, содержащей 3'-нетранслируемую область (UTR). Трансфекцию проводили путем добавления 5 мкл дуплексов siРНК и 5 мкл (5 нг) плазмиды psiCHECK2 на лунку вместе с 4,9 мкл Opti-MEM плюс 0,1 мкл липофектамина 2000 (Lipofectamine 2000) на лунку (Invitrogen, Carlsbad CA. cat # 13778-150) и затем инкубировали при комнатной температуре в течение 15 мин. Затем смесь добавляли к клеткам, которые ресуспендировали в 35 мкл свежей полной среды. Трансфицированные клетки инкубировали при 37°C в атмосфере 5% CO₂.

Через сорок восемь часов после трансфекции siРНКs и плазмиды psiCHECK2 измеряли уровни люциферазы Firefly (контроль трансфекции) и Renilla (слитая с последовательностью-мишенью PNPLA3). Сначала от клеток удаляли среду. Затем измеряли активность люциферазы Firefly, добавляя в каждую лунку по 20 мкл люциферазного реагента Dual-Glo® (Dual-Glo® Luciferase Reagent), равного объему культуральной среды, и перемешивали. Смесь инкубировали при комнатной температуре в течение 30 мин перед измерением люминесценции (500 нм) на Spectramax (Molecular Devices) для обнаружения сигнала люциферазы Firefly. Активность люциферазы Renilla измеряли путем добавления 20 мкл реагента Dual-Glo® Stop & Glo® (Dual-Glo® Stop & Glo® Reagent) при комнатной температуре в каждую лунку, и планшеты инкубировали в течение 10-15 мин перед повторным измерением люминесценции для определения сигнала люциферазы Renilla. Реагент Dual-Glo® Stop & Glo® гасит сигнал люциферазы светлячка (firefly) и обеспечивает устойчивую люминесценцию для реакции люциферазы Renilla. Активность siРНК определяли путем нормализации сигнала Renilla (PNPLA3) к сигналу Firefly (контроль) в каждой лунке. Затем оценивали величину активности siРНК по отношению к клеткам, которые были трансфицированы тем же вектором, но не были обработаны siРНК или были обработаны нецелевой siРНК. Все трансфекции были выполнены с n=4.

Культура клеток и трансфекции.

Клетки трансфицировали, добавляя 4,9 мкл Opti-MEM плюс 0,1 мкл РНКиМАХ на лунку (Invitrogen, Carlsbad CA. cat # 13778-150) к 5 мкл дуплексов siРНК на лунку, с 4 повторениями каждого дуплекса siРНК, в лунку 384-луночного планшета и инкубировали при комнатной температуре в течение 15 минут. Затем к смеси siРНК добавляли 40 мкл СРЕДЫ, содержащей $\sim 5 \times 10^3$ клеток. Клетки инкубиро-

вали в течение 24 ч перед очисткой РНК. Эксперименты проводились при концентрациях 50, 10, 1 и 0,1 нМ. Эксперименты по трансфекции проводили на клетках Cos7.

Выделение общей РНК с использованием набора DYNABEADS mRNA Isolation Kit.

РНК выделяли с использованием автоматизированного протокола на платформе BioTek-EL406 с использованием DYNABEAD (Invitrogen, cat#61012). Вкратце, в планшет с клетками добавляли 70 мкл лизирующего/связывающего буфера и 10 мкл лизирующего буфера, содержащего 3 мкл магнитных гранул. Планшеты инкубировали на электромагнитном шейкере в течение 10 мин при комнатной температуре, затем собирали магнитные гранулы и удаляли супернатант. Затем связанную с шариками РНК промывали 2 раза 150 мкл промывочного буфера А и один раз промывочным буфером В. Затем гранулы промывали 150 мкл элюирующего буфера, повторно собирали и удаляли надосадочную жидкость.

Синтез кДНК с использованием набора для обратной транскрипции ABI High capacity cDNA reverse transcription kit (Applied Biosystems, Foster City, CA, Cat #4368813)

Десять мкл мастер-микса, содержащего 1 мкл 10X Буфера, 0,4 мкл 25X dNTP, 1 мкл 10х случайных праймеров, 0,5 мкл обратной транскриптазы, 0,5 мкл ингибитора РНКазы и 6,6 мкл H₂O на реакцию, добавляли к РНК, выделенной выше. Планшеты запечатывали, перемешивали и инкубировали на электромагнитном шейкере в течение 10 минут при комнатной температуре, а затем инкубировали в течение 2 ч при 37°C.

ПЦР в реальном времени.

Два мкл кДНК добавляли к мастер-миксу, содержащему 0,5 мкл человеческого или мышиного зонда GAPDH TaqMan Probe (ThermoFisher cat 4352934E или 4351309), 0,5 мкл соответствующего зонда PNPLA3 (коммерчески доступен, например, от Thermo Fisher) и 5 мкл мастер-микса Lightcycler 480 probe master mix (Roche Cat # 04887301001) на лунку в 384-луночных планшетах (Roche cat # 04887301001). ПЦР в реальном времени проводили в системе LightCycler480 Real Time PCR system (Roche). Каждый дуплекс тестировали с N=4, и данные нормализовали к клеткам, трансфицированным нецелевой контрольной siРНК. Для расчета относительного кратного изменения данные ПЦР в реальном времени анализировали с использованием метода $\Delta\Delta C_t$ и нормализовали к анализам, проведенным с клетками, трансфицированными нецелевой контрольной miРНК.

Результаты скрининга средств на основе dsРНК, перечисленных в табл. 2 и 3, в клетках Cos7 показаны в табл. 12. Результаты скрининга средств на основе dsРНК, перечисленных в табл. 4 и 5, в клетках Cos7 показаны в табл. 13. Результаты скрининга средств на основе dsРНК, перечисленных в табл. 4 и 5, в клетках Нер3В показаны в табл. 14. Результаты скрининга средств на основе dsРНК, перечисленных в табл. 6 и 7, в клетках Cos7 показаны в табл. 15. Результаты скрининга средств на основе dsРНК, перечисленных в табл. 8 и 9, в клетках Cos7 показаны в табл. 16. Результаты скрининга средств на основе dsРНК, перечисленных в табл. 8 и 9, в клетках Нер3В показаны в табл. 17. Результаты скрининга агентов dsРНК, перечисленных в табл. 10 и 11, в клетках Cos7 показаны в табл. 18. Результаты скрининга средств на основе dsРНК, перечисленных в табл. 10 и 11, в клетках Нер3В показаны в табл. 19.

Таблица 1. Аббревиатуры мономеров нуклеотидов, используемые в представлении последовательностей нуклеиновых кислот. Понятно, что эти мономеры, когда они присутствуют в олигонуклеотиде, взаимно связаны 5'-3'-фосфодиэфирными связями

Аббревиатура	Нуклеотид(ы)
A	Аденозин-3'-фосфат
Ab	бета-L-аденозин-3'-фосфат
Abs	бета-L-аденозин-3'-фосфотиоат
Af	2'-фтораденозин-3'-фосфат
Afs	2'-фтораденозин-3'-фосфотиоат
As	аденозин-3'-фосфотиоат
C	цитидин-3'-фосфат
Cb	бета-L-цитидин-3'-фосфат
Cbs	бета-L-цитидин-3'-фосфотиоат
Cf	2'-фторцитидин-3'-фосфат
Cfs	2'-фторцитидин-3'-фосфотиоат
Cs	цитидин-3'-фосфотиоат
G	гуанозин-3'-фосфат
Gb	бета-L-гуанозин-3'-фосфат
Gbs	бета-L-гуанозин-3'-фосфотиоат
Gf	2'-фторгуанозин-3'-фосфат
Gfs	2'-фторгуанозин-3'-фосфотиоат
Gs	гуанозин-3'-фосфотиоат
T	5'-метилуридин-3'-фосфат
Tf	2'-фтор-5-метилуридин-3'-фосфат
Tfs	2'-фтор-5-метилуридин-3'-фосфотиоат
Ts	5-метилуридин-3'-фосфотиоат
U	Уридин-3'-фосфат
Uf	2'-фторуридин-3'-фосфат
Ufs	2'-фторуридин-3'-фосфотиоат

Us	уридин-3'-фосфотиоат
N	любой нуклеотид, модифицированный или немодифицированный
a	2'-О-метиладенозин-3'-фосфат
as	2'-О-метиладенозин-3'-фосфотиоат
c	2'-О-метилцитидин-3'-фосфат
cs	2'-О-метилцитидин-3'-фосфотиоат
g	2'-О-метилгуанозин-3'-фосфат
gs	2'-О-метилгуанозин-3'-фосфотиоат
t	2'-О-метил-5-метилуридин-3'-фосфат
ts	2'-О-метил-5-метилуридин-3'-фосфотиоат
u	2'-О-метилуридин-3'-фосфат
us	2'-О-метилуридин-3'-фосфотиоат
s	тиофосфатная связь
L10	N-(холестерилкарбоксамидокапроил)-4-гидроксипропинол (Нур-С6-Chol)
L96	N-[трис(GalNAc-алкил)-амидодеcanoил]-4-гидроксипропинол
Y34	(Нур-(GalNAc-алкил)3)
Y44	2-гидроксиметил-тетрагидрофуран-4-метокси-3-фосфат (основная 2'-Оме фураноза)
(Agn)	инвертированная абазовая ДНК (2-гидроксиметилтетрагидрофуран-5-фосфат)
(Cgn)	Аденозингликолевая нуклеиновая кислота (GNA)
(Ggn)	Цитидингликолевая нуклеиновая кислота (GNA)
(Tgn)	Нуклеиновая кислота гуанозингликоля (GNA)
P	S-изомер тимидингликолевой нуклеиновой кислоты (GNA)
VP	Фосфат
dA	Винил-фосфонат
dAs	2'-дезоксаденозин-3'-фосфат
dC	2'-дезоксаденозин-3'-фосфотиоат
dCs	2'-дезоксцитидин-3'-фосфат
dG	2'-дезоксцитидин-3'-фосфотиоат
dGs	2'-дезоксигуанозин-3'-фосфат
dT	2'-дезоксигуанозин-3'-фосфотиоат
dTs	2'-дезокситимидин-3'-фосфат

dU	2'-дезокситимидин-3'-фосфотиоат
dUs	2'-дезоксиуридин
(C2p)	2'-дезоксиуридин-3'-фосфотиоат
(G2p)	цитидин-2'-фосфат
(U2p)	гуанозин-2'-фосфат
(A2p)	уридин-2'-фосфат
(Chd)	аденозин-2'-фосфат
(Ahd)	2'-О-гексадецилцитидин-3'-фосфат
(Ghd)	2'-О-гексадецил-аденозин-3'-фосфат
(Uhd)	2'-О-гексадецилгуанозин-3'-фосфат

Таблица 2. Немодифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название Дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции по NM_025225.2	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции по NM_025225.2
AD-517197.1	CAUGAGCAAGAUUUGCAAC UU	20	1187-1207	AAGUUGCAAUUCUUGCUCAUG UA	109	1185-1207
AD-516851.1	UGAUGCCAAAACAACCAUC AU	21	701-721	AUGAUGGUUGUUUUGGCAUC AAU	110	699-721
AD-516748.1	AAAGACGAAGUCGUGGAUG CU	22	576-596	AGCAUCCACGACUUCGUCUUU GG	111	574-596
AD-517234.1	GGUGGAUACAUGAGCAAGA UU	23	1179-1199	AAUCUUGCUCAUGUAUCCACC UU	112	1177-1199
AD-517354.1	UCCAGAUUAGCCCGACGAU GU	24	1301-1321	ACAUCGTCCGGCAUUCUGGA AG	113	1299-1321
AD-517257.1	AACUUGCUACCCAUAUAGGA UU	25	1203-1223	AAUCCUAAUGGGUAGCAAGU UGC	114	1201-1223
AD-516739.1	UCGGUCCAAAGACGAAGUC GU	26	569-589	ACGACUTCUCUUUGGACCGA AA	115	567-589
AD-517258.1	ACUUGCUACCCAUAUAGGAU AU	27	1204-1224	AUAUCCTAAUGGGUAGCAAGU UG	116	1202-1224
AD-516629.1	CUUAAGCAAGUUCUCCGA CU	28	440-460	AGUCGGAGGAACUUGCUIAA GUU	117	438-460
AD-516972.1	CUGGGAGAGAUUAGCCUUC GU	29	873-893	ACGAAGGCAUUCUCUCCAG CA	118	871-893
AD-517623.1	UCCAUCUUUGUGCAGCUA CU	30	1669-1689	AGUAGCTGCACAAAGAUGGGA AA	119	1667-1689
AD-516733.1	CUGACUUUCGGUCCAAAGA CU	31	562-582	AGUCUUTGGACCGAAAGUCAG AC	120	560-582
AD-517985.1	ACACCUUUUCACCUAACU AU	32	2178-2198	AUAGUUAGGUGAAAAAGGUG UUC	121	2176-2198
AD-516827.1	GUGAGUGACAACGUACCCU UU	33	678-698	AAAGGGTACGUUGUCACUCAC UC	122	676-698
AD-516917.1	CAAGCUCAGUCUACGCCUC UU	34	797-817	AAGAGGCGUAGACUGAGCUU GGU	123	795-817

AD-516973.1	UGGAGAGAU AUGCCUUCG AU	35	874-894	AUCGAAGGCAUAUCUCUCCCA GC	124	872-894
AD-516978.1	GAGAU AUGCCUUCGAGGAU AU	36	879-899	AUUCCTCGAAGGCAUAUCUC UC	125	877-899
AD-517310.1	GUGGAAUCUGCCA UUGCGA UU	37	1257-1277	AAUCGCAAUGGCAGAUUCCAC AG	126	1255-1277
AD-516828.1	UGAGUGACAACGUACCCUUCU	38	679-699	AGAAGGGUACGUUGUCACUCA	127	677-699
AD-517249.1	CUUGC UACCCA U UAGGAU AU	39	1205-1225	AUU AUCCU AAUGGGUAGCAA GUU	128	1203-1225
AD-517196.1	GUGGAUACAUGAGCAAGAU UU	40	1180-1200	AAAUUCUTGCUCAUGUAUCCAC CU	129	1178-1200
AD-517322.1	AUUGC GAUUGUCCAGAGAC UU	41	1269-1289	AAGUCUCUGGACAAUCGCAAU GG	130	1267-1289
AD-517319.1	GCCA UUGCGAUUGUCCAGAGU	42	1266-1286	ACUCUGGACAAUCGCAAUGGC AG	131	1264-1286
AD-516822.1	GAGGAGUGAGUGACAACGU AU	43	673-693	AUACGUTGUCACUCACUCCUC CA	132	671-693
AD-516826.1	AGUGAGUGACAACGUACCC UU	44	677-697	AAGGGUACGUUGUCACUCACU CC	133	675-697
AD-516824.1	GGAGUGAGUGACAACGUAC CU	45	675-695	AGGUACGUUGUCACUCACUCC UC	134	673-695
AD-517517.1	UUGGGCAAUAAAGUACCU GCU	46	1545-1565	AGCAGGTACUUU AUUGCCCAA GA	135	1543-1565
AD-517758.1	AUGCGUAAUUCAGCUGGU UU	47	1824-1844	AAACCAGCUGAAUUAACGCAU GC	136	1822-1844
AD-516940.1	CAGGGAACCUUACCUUCU CU	48	820-840	AGAGAAGGUAGAGGUUCCU GUG	137	818-840
AD-517318.1	UGCCAUUGCGAUUGUCCAG AU	49	1265-1285	AUCUGGACAAUCGCAAUGGCA GA	138	1263-1285
AD-517321.1	CAUUGC GAUUGUCCAGAGACU	50	1268-1288	AGUCUCTGGACAAUCGCAAUG GC	139	1266-1288
AD-516747.1	CAAAGCGAAGUCGUGGAU GU	51	575-595	ACAUCCACGACUUCGUCUUUG GA	140	573-595
AD-516737.1	CUUUCGGUCCAAAGACGAA GU	52	566-586	ACUUCGTUUUGGACCGAAAG UC	141	564-586
AD-516742.1	CGGUCCAAAGACGAAGUCG UU	53	570-590	AACGACTUCGUCUUUGGACCG AA	142	568-590
AD-516977.1	AGAGAU AUGCCUUCGAGGA UU	54	878-898	AAUCCUCGAAGGCAUAUCUCU CC	143	876-898
AD-516823.1	AGGAGUGAGUGACAACGUA CU	55	674-694	AGUACGTUGUCACUCACUCCU CC	144	672-694
AD-516871.1	AUCUGCCUAAAGUCAAGU CU	56	750-770	AGACUUGACUUAGGGCAGAU GU	145	748-770
AD-516771.1	CUUCUACAGUGGCCUUAUC CU	57	620-640	AGGAUAAGGCCACUGUAGAA GGG	146	618-640
AD-517757.1	CAUGC GUAAUUCAGCUGG UU	58	1823-1843	AACCAGCUGAAUUAACGCAUG CU	147	1821-1843
AD-516745.1	UCCAAAGACGAAGUCGUGG AU	59	573-593	AUCCACGACUUCGUCUUUGGA CC	148	571-593
AD-517830.1	GUGGCCUAAUUAAGGUCAGU	60	1895-1915	ACUGACCAUUAUAGGGCCAC GA	149	1893-1915
AD-516970.1	UGCUGGAGAGAU AUGCCU UU	61	871-891	AAAGGCAUAUCUCUCCAGCA CC	150	869-891
AD-517768.1	UCAGCUGGUUGGAAAUGA CU	62	1834-1854	AGUCAUTUCCCAACCAGCUGA AU	151	1832-1854
AD-517259.1	UUGC UACCCA U UAGGAU AA UU	63	1206-1226	AAUUAUCCUAAUGGGUAGCA AGU	152	1204-1226
AD-516979.1	AGAU AUGCCUUCGAGGAU AU	64	880-900	AAUAUCCUCGAAGGCAUAUCU CU	153	878-900
AD-516971.1	GCUGGGAGAGAU AUGCCU CU	65	872-892	AGAAGGCAUAUCUCUCCAGC AC	154	870-892
AD-517838.1	UUAAUGGUCAGACUGUUC AU	66	1904-1924	AUGGAACAGUCUGACCAUUA UA	155	1902-1924
AD-516743.1	GGUCCAAAGACGAAGUCGU GU	67	571-591	ACACGACUUCGUCUUUGGACC GA	156	569-591
AD-516980.1	GAU AUGCCUUCGAGGAU AU UU	68	881-901	AAUAUCCUCGAAGGCAUAUC UC	157	879-901

AD-517771.1	GCUGGUUGGAAAUGACAC CU	69	1837-1857	AGGUGUCAUUUCCCAACCAGC UG	158	1835-1857
AD-516772.1	UUCUACAGUGGCCUUAUCC CU	70	621-641	AGGGUAUAGGCCACUGUAGA AGG	159	619-641
AD-517836.1	UAUUAAUGGUCAGACUGUU CU	71	1902-1922	AGAACAGUCUGACCAUUAUA GG	160	1900-1922
AD-516741.1	UUCGGUCCAAAGACGAAGU CU	72	568-588	AGACUUCGUCUUUGGACCGAA AG	161	566-588
AD-517353.1	UUCAGAUUAGCCCGACGA UU	73	1300-1320	AAUCGUCGGCAUUCUGGAA GC	162	1298-1320
AD-517979.1	UUUAGAACACCUUUUUCAC CU	74	2172-2192	AGGUGAAAAAGGUGUUCUAA AAU	163	2170-2192
AD-516937.1	GCACAGGGAACCUUACCU UU	75	817-837	AAAGGUAGAGGUUCCUGUGC AG	164	815-837
AD-516976.1	GAGAGAUUGCCUUCGAGG AU	76	877-897	AUCCUCGAAGGCAUUCUCUC CC	165	875-897
AD-516872.1	UCUGCCUAAAAGUCAAGUC CU	77	751-771	AGGACUTGACUUUAGGGCAGA UG	166	749-771
AD-517256.1	CAACUUGCUACCCAUAAGG AU	78	1202-1222	AUCCUAAUGGGUAGCAAGUU GCA	167	1200-1222
AD-516825.1	GAGUGAGUGAACGUACC CU	79	676-696	AGGGUACGUUGUCACUCACUC CU	168	674-696
AD-516735.1	GACUUUCGGUCCAAAGACG AU	80	564-584	AUCGUUUGGACCGAAAGUC AG	169	562-584
AD-516588.1	GGCCAGGAGUCGGAACAUAU GU	81	398-418	ACAAUGTUCCGACUCCUGGCC UU	170	396-418
AD-516738.1	UUUCGGUCCAAAGACGAAG UU	82	567-587	AACUUCGUCUUUGGACCGAAA GU	171	565-587
AD-517314.1	AAUCUGCAUUGCGAUUGU CU	83	1261-1281	AGACAATCGCAAUGGCAGAUU CC	172	1259-1281
AD-517805.1	CAGAGGGUCCCUACUGAC UU	84	1870-1890	AAGUCAGUAAGGGACCCUCUG CA	173	1868-1890
AD-517685.1	UUGGUUUUAUGAAAAGCUA GU	85	1751-1771	ACUAGCTUUUCAUAAAACCAA CU	174	1749-1771
AD-517831.1	UGGCCUUAUAAUGGUCAG AU	86	1896-1916	AUCUGACCAUUAUAGGGCCA CG	175	1894-1916
AD-516830.1	AGUGACAACGUACCCUUA UU	87	681-701	AAUGAAGGGUACGUUGUCAC UCA	176	679-701
AD-517837.1	AUUAAUGGUCAGACUGUUC CU	88	1903-1923	AGGAACAGUCUGACCAUUAU AG	177	1901-1923
AD-517633.1	GUGCAGCUACCUCCGCAU GU	89	1679-1699	ACAAUGCGGAGGUAGCUGCAC AA	178	1677-1699
AD-516855.1	GCCAAAACAACCAUCACCG UU	90	705-725	AACGGUGAUGGUUGUUUUGG CAU	179	703-725
AD-516688.1	AACGUUCUGGUGUCUGACU UU	91	549-569	AAAGUCAGACACCAGAACGUU UU	180	547-569
AD-516630.1	UUAAGCAAGUCCUCCGAC AU	92	441-461	AUGUCGGAGGAACUUGCUUA AGU	181	439-461
AD-516835.1	CAACGUACCCUUAUUGAU GU	93	686-706	ACAUCAAUGAAGGGUACGUU GUC	182	684-706
AD-516832.1	UGACAACGUACCCUUAU GU	94	683-703	ACAAUGAAGGGUACGUUGUC ACU	183	681-703
AD-517834.1	CCCUAAUUAUGGUCAGACU GU	95	1899-1919	ACAGUCTGACCAUUAUAGGG CC	184	1897-1919
AD-516734.1	UGACUUUCGGUCCAAAGAC GU	96	563-583	ACGUCUTUGGACCGAAAGUCA GA	185	561-583
AD-517228.1	GACAAAGGUGGAUACAUGA GU	97	1173-1193	ACUCAUGUAUCCACCUUUGUC UU	186	1171-1193
AD-516736.1	ACUUUCGGUCCAAAGACGA AU	98	565-585	AUUCGUCUUUGGACCGAAAGU CA	187	563-585
AD-517646.1	CGCAUUGCUGUGUAGUGAC CU	99	1692-1712	AGGUCACUACACAGCAAUGCG GA	188	1690-1712
AD-517744.1	UCUAAUACAUCAGCAUGCG UU	100	1810-1830	AACGCATGCUGAUGUAUUAGA GU	189	1808-1830
AD-517509.1	ACUUCUUCUUGGGCAUAA AU	101	1537-1557	AUUUAUTGCCAAGAAGAAGU UC	190	1535-1557
AD-517746.1	UAAUACAUCAGCAUGCGUU AU	102	1812-1832	AUAACGCAUGCUGAUGUAUU AGA	191	1810-1832
AD-516752.1	ACGAAGUCGUGGAUGCCUU GU	103	580-600	CAAAGGCAUCCACGACUUCGU CU	192	578-600
AD-516746.1	CCAAAGACGAAGUCGUGGA UU	104	574-594	AAUCCACGACUUCGUCUUUGG AC	193	572-594
AD-517227.1	AGACAAAGGUGGAUACAUG AU	105	1172-1192	AUCAUGTAUCCACCUUUGUCU UU	194	1170-1192
AD-516751.1	GACGAAGUCGUGGAUGCCU UU	106	579-599	AAAGGAUCCACGACUUCGUC UU	195	577-599
AD-517042.1	CAUCCUCAGAAGGGAUGGA UU	107	964-984	AAUCCATCCUUCUGAGGAUG AC	196	962-984
AD-517571.1	UGAGUCACUUGAGGAGGCG AU	108	1617-1637	AUCGCCTCCUCAAGUGACUCA CA	197	1615-1637

Таблица 3. Модифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID N O:	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID N O:	целевая последовательность мРНК от 5' до 3'	SEQ ID N O:
AD-517197.1	csasugagCfaAfGfAfuugcaacuL96	198	asAfsguug(Cgn)aaaacuUfgCfucagsusa	287	UACAUGAGCAAGAUUUGCAACUU	376
AD-516851.1	usgsaucCfaAfAfAfaaccaucauL96	199	asUfsgaug(Ggn)uuguuuUfgGfcaucasasu	288	AUUGAUGCCAAAACAACCAUCAC	377
AD-516748.1	asasagacGfaAfGfUfcgugaugcuL96	200	asGfscauc(Cgn)acgacuUfcGfucuuusgsg	289	CCAAAGACGAAGUCGUGGAUGCC	378
AD-517234.1	gsgsuggaUfaCfAfUfgagcaagauL96	201	asAfsucuu(Cgn)cucaugUfaUfccaccsusu	290	AAGGUGGAUACAUGAGCAA GAUU	379
AD-517354.1	uscscagaUfaUfGfCfccagcauguL96	202	asCfsaucg(Tgn)egggcaUfaUfcuggasag	291	CUUCCAGAU AUGCCCGACG AUGU	380
AD-517257.1	asascuugCfuAfCfCfcuuaggauL96	203	asAfsuccu(Agn)augggUfgCfaaguusgsc	292	GCAACUUGCUACCCAUUAG GAUA	381
AD-516739.1	uscsggucCfaAfAfGfagcaagucguL96	204	asCfsgacu(Tgn)cgucuuUfgGfaccgasasa	293	UUUCGGUCCAAAGACGAAG UCGU	382
AD-517258.1	ascsuugCfaCfCfCfauuaggauL96	205	asUfsaucc(Tgn)aauggUfaGfcaagusgsg	294	CAACUUGCUACCCAUUAGG AUA	383
AD-516629.1	csusuaagCfaAfGfUfuccuccgacuL96	206	asGfsucgg(Agn)ggaacuUfgCfuuaagsusu	295	AACUUAAGCAAGUCCUCC GACA	384
AD-516972.1	csusgggaGfaGfAfUfauccuucguL96	207	asCfsgaag(Ggn)cauauUfcUfccagcsa	296	UGCUGGGAGAGAU AUGCCU UCGA	385
AD-517623.1	uscscacuCfuUfUfGfugcagcuacuL96	208	asGfsuagc(Tgn)gcacaAfGfAfuuggasasa	297	UUUCCCAU CUUUGGCAGC UACC	386
AD-516733.1	csusgacuUfuCfGfGfuccaagacuL96	209	asGfsucuu(Tgn)ggaccAfaUfgucagsasc	298	GUCUGACUUCGGUCCAAA GACG	387
AD-517985.1	ascsaccuUfuUfUfCfaccuacuauL96	210	asUfsaguu(Agn)ggugaaAfaUfgugususc	299	GAACACCUUUUACCUAA CUA	388
AD-516827.1	gsgsagauGfaCfAfAfcguaccuuuL96	211	asAfsaggg(Tgn)acguugUfcAfcucacsusc	300	GAGUGAGUGACAACGUACC CUUC	389
AD-516917.1	csasagcuCfaGfUfCfucagccuacuL96	212	asAfsaggg(Cgn)guagacUfgAfgcuugsgsu	301	ACCAAGCUCAGUCUACGCC UCUG	390
AD-516973.1	usgsggagAfgAfUfAfuuccuucgauL96	213	asUfscgaa(Ggn)gcauauCfuCfuccacsasc	302	GCUGGGAGAGAU AUGCCU CGAG	391
AD-516978.1	gsasgaaUfgCfCfUfucgaggaauL96	214	asUfsaucc(Tgn)cgaaagCfaUfaucacsusc	303	GAGAGAU AUGCCUUCGAGG AUAU	392
AD-517310.1	gsgsgaaUfgUfGfCfcauugcgauL96	215	asAfsucgc(Agn)auggcaGfaUfuccacsag	304	CUGUGGAUCUGCCAUUGC GAUU	393
AD-516828.1	usgsagugAfcAfAfCfguaccuuuL96	216	asGfsaagg(Ggn)uacguUfgCfucacsusu	305	AGUGAGUGACAACGUACCC UUCA	394
AD-517249.1	csusugcuAfcCfCfAfuaggauauL96	217	asUfsuau(Cgn)uaaugGfuAfgcaagsusu	306	AACUUGCUACCCAUUAGGA UAAU	395
AD-517196.1	gsgsggaaAfcAfUfGfagcaagauuL96	218	asAfsaucu(Tgn)gcucuuGfuAfuaccacsusu	307	AGGUGGAUACAUGAGCAAG AUUU	396
AD-517322.1	asusugcgAfuUfGfUfccagagacuL96	219	asAfsucgu(Cgn)uggacaAfuCfcaausgsg	308	CCAUUGCGAUUGCCAGAG ACUG	397
AD-517319.1	gscscacuGfcGfAfUfugcagaguL96	220	asCfsucug(Ggn)acaauGfcAfauggcsag	309	CUGCCAUUGCGAUUGUCCA GAGA	398
AD-516822.1	gsasggagUfgAfGfUfgacaacguauL96	221	asUfsacgu(Tgn)gucacuCfaCfuccacsusa	310	UGGAGGAGUGAGUGACAAC GUAC	399
AD-516826.1	asgsugagUfgAfcAfAfcguaccuuL96	222	asAfsgggu(Agn)cguguCfaCfucacsusc	311	GGAGUGAGUGACAACGUAC CCUU	400

AD-516824.1	gsgsagugAfgUfGfAfaacguaccuL96	223	asGfsguac(Ggn)uugucaCfuCfacuccsusc	312	GAGGAGUGAGUGACAACGU ACCC	401
AD-517517.1	ususgggcAfaUfAfaaguaccguL96	224	asGfscagg(Tgn)acuuuaUfuGfccaasgsa	313	UCUUGGGCAAUAAAGUACC UGCU	402
AD-517758.1	asusgcuUfaAfUfUfcagucgguuL96	225	asAfsacca(Ggn)cugaauUfaAfcgcausgsc	314	GCAUGCGUUAUUCAGCUG GUUG	403
AD-516940.1	csasgggaAfcCfUfCfuaaccuucL96	226	asGfsagaa(Ggn)guagagGfuUfccucsusg	315	CACAGGGAACCCUACCUU CUCU	404
AD-517318.1	usgsccauUfgCfGfAfuugccagauL96	227	asUfscugg(Agn)caaucCfaAfuuggcasgsa	316	UCUGCCAUGCGAUUGUCC AGAG	405
AD-517321.1	csasuugcGfaUfUfGfuccagagacuL96	228	asGfsucuc(Tgn)ggacaaUfcGfcaaugsgsc	317	GCCAUUGCGAUUGUCCAGA GACU	406
AD-516747.1	csasaagaCfGfAfAfgucgugauL96	229	asCfsaucc(Agn)cgacuuCfGfucuuugsgsa	318	UCCAAAGACGAAGUCGUGG AUGC	407
AD-516737.1	csusuucgGfuCfCfAfaagcgaaguL96	230	asCfsuucg(Tgn)cuuuggAfcCfgaagsusc	319	GACUUUCGGUCCAAAGACG AAGU	408
AD-516742.1	csuguccAfaAfGfAfcgaagucguL96	231	asAfsagac(Tgn)ucgucuUfuGfaccgsasa	320	UUCGGUCCAAAGACGAAGU CGUG	409
AD-516977.1	asgsagauAfuGfCfCfuucgaggauL96	232	asAfsuccu(Cgn)gaagcAfuAfuucuscsc	321	GGAGAGAUUGCCUUCGAG GAUA	410
AD-516823.1	asgsagauGfaGfUfGfacaacguacuL96	233	asGfsuacg(Tgn)ugucacUfcAfcuccuscsc	322	GGAGGAGUGAGUGACAACG UACC	411
AD-516871.1	asuscugcCfUfAfaAfaagcaaguL96	234	asGfsacuu(Ggn)acuuuaGfgGfcagausgsu	323	ACAUCUGCCCUAAAGUCA GUCC	412
AD-516771.1	csusucuaCfaGfUfGfuccuuuaccuL96	235	asGfsgaua(Agn)ggcccUfgUfagaagsgsg	324	CCCUUCUACAGUGGCCUUA UCCC	413
AD-517757.1	csasugcgUfuAfAfuUfcagucguL96	236	asAfsccag(Cgn)ugaauUfaCfcaugscsu	325	AGCAUGCGUUAUUCAGCU GGUU	414
AD-516745.1	uscscaaaGfaCfGfAfaagucgaggauL96	237	asUfscacc(Ggn)acuucUfcUfuuggascsc	326	GGUCCAAAGACGAAGUCG GGAU	415
AD-517830.1	gsusggccCfuAfUfUfaaugguacuL96	238	asCfsugac(Cgn)auuaauAfgGfcccacsgsa	327	UCGUGGCCCUAAUUAUGGU CAGA	416
AD-516970.1	usgsucggGfaGfAfgfauuaccuuL96	239	asAfsaggc(Agn)uauucUfcCfcagcascsc	328	GGUGCUGGGAGAGAUUGC CUUC	417
AD-517768.1	uscsgacuGfgUfUfGfgaaugacuL96	240	asGfsuacu(Tgn)ucccaaCfcAfgcugasasu	329	AUUCAGCUGGUUGGGAAAU GACA	418
AD-517259.1	usugcuaCfcCfAfuUfuaggauuuL96	241	asAfsuuau(Cgn)cuuauGfgUfagcaasgsu	330	ACUUGCUACCAAUAGGAU AAUG	419
AD-516979.1	asgsauauGfcCfUfUfcgaggauuuL96	242	asAfsuau(Cgn)ucgaagGfcAfuauuscsc	331	AGAGAUUUGCCUUCGAGGA UAUU	420
AD-516971.1	gscsuggAfgAfGfAfaugccuucL96	243	asGfsaagg(Cgn)auauucCfuCfccagcsasc	332	GUGCUGGGAGAGAUUGCC UUCG	421
AD-517838.1	ususaagGfuCfAfgfagucguaccuL96	244	asUfsggaa(Cgn)agucagAfcCfaauuasusa	333	UAUUAAUGGUCAGACUGU CCAG	422
AD-516743.1	gsgsucuaAfaGfAfcfagagucguL96	245	asCfsacga(Cgn)uucgucUfuUfgaccgsa	334	UCGGUCCAAAGACGAAGUC GUGG	423
AD-516980.1	gsasuaugCfcUfUfCfaggauuuL96	246	asAfsauau(Cgn)cucgaaGfgCfauaucsusc	335	GAGAUUUGCCUUCGAGGAU AUUU	424
AD-517771.1	gscsuggUfgGfGfAfaugaccuL96	247	asGfsgugu(Cgn)auuuccCfaAfccagcsusc	336	CAGCUGGUUGGGAAUGAC ACCA	425
AD-516772.1	ususeuacAfgUfGfGfccuuuaccuL96	248	asGfsggau(Agn)aggccaCfuGfugaasgsg	337	CCUUCUACAGUGGCCUUAU CCCU	426
AD-517836.1	usasuuaUfgGfUfCfagacuguuL96	249	asGfsaaca(Ggn)ucugacCfaUfuaauasgsg	338	CCUAUUAAUGGUCAGACUG UUCU	427
AD-516741.1	ususcgguCfcAfaAfgacgaagucL96	250	asGfsacuu(Cgn)gucuuUfgAfccgaasag	339	CUUUCGGUCCAAAGACGAA GUCG	428
AD-517353.1	ususcagAfuAfUfGfcccagagauL96	251	asAfsucgu(Cgn)ggcgaUfuCfugaasgsc	340	GCUUCAGAUUUGCCCAG GAUG	429
AD-517979.1	ususuagaAfcAfcCfuuuuaccuL96	252	asGfsguga(Agn)aaagguGfuUfcuaasasu	341	AUUUUAGAACCUCUUUUUC ACCU	430
AD-516937.1	gscsacagGfgAfAfcfcuaccuuL96	253	asAfsaggu(Agn)gaguuCfcCfugucsasg	342	CUGCACAGGGAACCUUAC CUUC	431
AD-516976.1	gsasgagaUfaUfGfCfucgaggauL96	254	asUfscucc(Ggn)aaagcaUfaUfcucscsc	343	GGGAGAGAUUUGCCUUCGA GGAU	432
AD-516872.1	uscsguccCfuAfAfgucaaguccuL96	255	asGfsgacu(Tgn)gacuuUfgGfagagasusc	344	CAUCUGCCUAAAGUCAAG UCCA	433
AD-517256.1	csasacuGfcUfAfcfcuauaggauL96	256	asUfscua(Agn)ugguaGfcAfguuugscsa	345	UGCAACUUGCUACCCAUA GGAU	434

AD-516825.1	gsasgugaGfuGfAfCfaacguaccuL96	257	asGfsggua(Cgn)guugucAfcUfcacucscsu	346	AGGAGUGAGUGACAACGUA CCCU	435
AD-516735.1	gsascuuuCfGfUfCfcaagacgauL96	258	asUfscguc(Tgn)uuggacCfGfAfaagucscsg	347	CUGACUUUCGGUCCAAAGA CGAA	436
AD-516588.1	gsgscagGfaGfUfCfGgaacauuL96	259	asCfsaaug(Tgn)uccgacUfcCfuggccsusu	348	AAGGCCAGGAGUCGGAACA UUGG	437
AD-516738.1	ususucggUfcCfAfAfagacgaaguL96	260	asAfsauuc(Tgn)ucuuugGfCfCfcaaggsu	349	ACUUUCGGUCCAAAGACGA AGUC	438
AD-517314.1	asasucugCfCfUfUfGcgaauugucuL96	261	asGfsacaa(Tgn)cgcaauGfGfCfagauuscsc	350	GGAAUCUGCCAUUGCGAUU GUCC	439
AD-517805.1	csasgaggGfuCfCfCfuuacugacuL96	262	asAfsguca(Ggn)uaagggAfcCfCucugscsa	351	UGCAGAGGGUCCCUUACUG ACUG	440
AD-517685.1	usugguuUfuAfUfGfGfaaaagcuaguL96	263	asCfsuagc(Tgn)uuuucAfaAfaccaascsu	352	AGUUGGUUUUUAUGAAAAG CUAGG	441
AD-517831.1	usgsgcccUfaUfUfAfaugucagauL96	264	asUfscuga(Cgn)cauuuaUfaGfGfccascsg	353	CGUGGCCCUUUUAUGGUC AGAC	442
AD-516830.1	asgsugacAfaCfGfUfaccuucuuL96	265	asAfsugaa(Ggn)ggucacUfuGfucacuscsc	354	UGAGUGACAACGUACCCUU CAU	443
AD-517837.1	asusuaauGfGfUfCfAfgacuguuL96	266	asGfsgaac(Agn)gucugaCfCfUfuaausag	355	CUAUUUAUGGUCAGACUGU UCCA	444
AD-517633.1	gusgagCfuAfcCfCfuccgcauuL96	267	asCfsaaug(Cgn)ggagguAfgCfucacscsa	356	UUGUGCAGCUACCUCCGCA UUGC	445
AD-516855.1	gscscaaaAfcAfAfCfcaucaccguL96	268	asAfsaggu(Ggn)augguuGfuUfuuggcsasu	357	AUGCCAAAACAACCAUCAC CGUG	446
AD-516688.1	asascguuUfuGfUfGfucugacuuL96	269	asAfsaguc(Agn)gacacAfgAfacguususu	358	AAAACGUUCUGGUGUCUGA CUU	447
AD-516630.1	ususaagCfAfaGfUfUfuccucgacauL96	270	asUfsgucg(Cgn)aggaacUfuGfCuuuaggsu	359	ACUUUAGCAAGUUCUCCG ACAG	448
AD-516835.1	csasacguAfcCfCfUfucuuuagauL96	271	asCfsauca(Agn)uagaagGfuAfcguugsusc	360	GACAACGUACCCUUCUUAUG AUGC	449
AD-516832.1	usgsacaaCfGfUfAfcfuucauuL96	272	asCfsaaug(Agn)aggguaCfGfUfucacscsu	361	AGUGACAACGUACCCUUCU UUGA	450
AD-517834.1	cscscuuuUfaUfUfGfGfagacagacuL96	273	asCfsaguc(Tgn)gaccuuUfaAfuagggscsc	362	GGCCCUUUUAUGGUCAGA CUGU	451
AD-516734.1	usgsacuuUfcGfGfUfccaagacguL96	274	asCfsguc(Cgn)juggaccGfAfaagucscsa	363	UCUGACUUUCGGUCCAAAG ACGA	452
AD-517228.1	gsascaaaGfGfUfGfGfauacagauL96	275	asCfsucau(Ggn)uauccaCfCfUfuugucsusu	364	AAGACAAAGGUGGAUACAU GAGC	453
AD-516736.1	ascsuuucGfGfUfCfCfcaagacgaauL96	276	asUfscgu(Cgn)uuuggaCfCfGfaagucscsa	365	UGACUUUCGGUCCAAAGAC GAAG	454
AD-517646.1	csgscauuGfCfUfGfUfGfagucagacuL96	277	asGfsguca(Cgn)uacacaGfCfAfaugcgsgsa	366	UCCGCAUUGCUGUGUAGUG ACCC	455
AD-517744.1	uscuaauAfcAfUfCfGfagcagcguL96	278	asAfsagca(Tgn)gucgaaGfuAfuuaaggsu	367	ACUCUAAUACAUACAGCAUG CGUU	456
AD-517509.1	ascsuuucUfcUfUfGfGfcauuuuL96	279	asUfsuuau(Tgn)gcccuaGfAfaagucscsc	368	GAACUUUCUUGGGCAAU AAAG	457
AD-517746.1	usasauacAfuCfAfGfGfagcguuuL96	280	asUfsaacg(Cgn)augcugAfuGfuuuaggsa	369	UCUAAUACAUACAGCAUGCG UUA	458
AD-516752.1	ascsgaagUfcGfUfGfGfagcguuuL96	281	asCfsaagg(Cgn)auccacGfCfucugscsu	370	AGACGAAGUCGUGGAUGCC UUGG	459
AD-516746.1	cscaaaagAfcGfAfaGfagcguuuL96	282	asAfsucca(Cgn)gacuuGfuCfuuggscsc	371	GUCCAAAGACGAAGUCGUG GAUG	460
AD-517227.1	asgsacaaAfgGfUfGfGfagcagauL96	283	asUfscag(Tgn)auccacCfuUfucucscsu	372	AAAGACAAAGGUGGAUACA UGAG	461
AD-516751.1	gsascgaaGfuCfGfUfGfGfagcguuuL96	284	asAfsagcc(Agn)uaccagAfcUfucucscsu	373	AAGACGAAGUCGUGGAUGC CUUG	462
AD-517042.1	csasuccuAfaGfAfaGfagcguuuL96	285	asAfsucca(Tgn)cccuucUfGfGfagcguuuL96	374	GUCAUCCUCAGAAGGGAUG GAUC	463
AD-517571.1	usgsagucAfcUfUfGfGfagcguuuL96	286	asUfscgcc(Tgn)ccucaaGfuGfucacscsa	375	UGUGAGUCACUUGAGGAGG CGAG	464

Таблица 4. Немодифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название Дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO	Позиции по NM_025225.2	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO	Позиции по NM_025225.2
AD-67605.6	ACCUGUUGAAUUUUGUAUUU	465	2245-2265	AUAAUACAAAAUUCACAG GUAA	493	2243-2265

AD-520101.1	UACCUGUUGAAUUUUGUAAUU	466	2244-2264	AAAUACAAAAUUCACAGGUAAC	494	2242-2264
AD-520098.1	GUUGUUACCUGUUGAAUUUUU	467	2239-2259	AAAAUUCAACAGGUAAACAACGC	495	2237-2259
AD-67575.6	UUACCUGUUGAAUUUUGUAAU	468	2243-2263	AAUACAAAAUUCACAGGUAAACA	496	2241-2263
AD-520467.1	UUGAACCCUGGCUUAAUUUCUU	469	2714-2734	AAGAAAAUAAGCCAGGUUCAAGU	497	2712-2734
AD-520064.1	CUUUUACCUAACUAAAAAU	470	2182-2202	AAUUUUAGUUAGGUGAAAAAGGU	498	2180-2202
AD-520099.1	UGUUACCUGUUGAAUUUUGUU	471	2241-2261	AACAAAAUUCACAGGUAAACAAC	499	2239-2261
AD-520466.1	CUUGAACCCUGGCUUAAUUUCU	472	2713-2733	AGAAAAUAAGCCAGGUUCAAGUU	500	2711-2733
AD-519351.1	AGGAUAAUGUCUUUAGUAAUU	473	1218-1238	AAUUACAUAAGACAUUAUCCUAA	501	1216-1238
AD-520065.1	UUUUUCACCUAACUAAAAAU	474	2183-2203	AUAUUUUAGUUAGGUGAAAAAAGG	502	2181-2203
AD-520069.1	CACCUAACUAAAAUAAUGUUU	475	2188-2208	AAACAUUAAUUUAGUUAGGUGAA	503	2186-2208
AD-519828.1	CAUCAGCAUGCGUAAUUCAU	476	1817-1837	AUGAAUUAAACGCAUGCGUGAUGUA	504	1815-1837
AD-520035.1	GGUAACAAGAUGAAUUCUAAU	477	2146-2166	AUAGAUUAUCAUCUUGUUAACCC	505	2144-2166
AD-520067.1	UUUCACCUAACUAAAAUAAUU	478	2185-2205	AAUUUUUUAGUUAGGUGAAAAAAA	506	2183-2205
AD-75289.2	UUCACCUAACUAAAAUAAUGU	479	2186-2206	ACAUUAAUUUAGUUAGGUGAAAA	507	2184-2206
AD-520125.1	GUGAGAUGUUAGUAGAAUAAU	480	2274-2294	AUUAAUUCUACUACAUCUCAACUG	508	2272-2294
AD-520018.1	GAUAACCUUGACUACUAAAAU	481	2110-2130	AUUUUAGUAGUCAAGGUUAUCAU	509	2108-2130
AD-520062.1	ACUUUUUCACCUAACUAAAAU	482	2180-2200	AUUUAGUUAGGUGAAAAAGGUGU	510	2178-2200
AD-519754.1	GAGCUGAGUUGGUUUUUGAU	483	1743-1763	AUCAUAAAACCAACUCAGCUCAG	511	1741-1763
AD-520097.1	CGUUGUUACCUGUUGAAUUUU	484	2238-2258	AAAAUUCACAGGUAAACAAACGCU	512	2236-2258
AD-520352.1	UGAGAUUGCACCAUUUCAUUU	485	2544-2564	AAAUGAAAUGGUGCAAUCUCAGC	513	2542-2564
AD-519755.1	AGCUGAGUUGGUUUUUGAAU	486	1744-1764	AUUCAUAAAACCAACUCAGCUCA	514	1742-1764
AD-520063.1	CCUUUUUCACCUAACUAAAAU	487	2181-2201	AUUUUAGUUAGGUGAAAAAGGUG	515	2179-2201
AD-520066.1	UUUUCACCUAACUAAAAUAAU	488	2184-2204	AUUUUUUUAGUUAGGUGAAAAAG	516	2182-2204
AD-520068.1	UCACCUAACUAAAAUAAUGUU	489	2187-2207	AACAUUAAUUUAGUUAGGUGAAA	517	2185-2207
AD-520465.1	ACUUGAACCCUGGCUUAAUUUU	490	2712-2732	AAAAAUAAAGCCAGGUUCAAGUUG	518	2710-2732
AD-519592.1	UCUUCUUGGGCAAUAAAGUAAU	491	1540-1560	AUACUUUAUUGCCCAAGAAAGAAG	519	1538-1560
AD-519591.1	UUCUUCUUGGGCAAUAAAGUU	492	1539-1559	AACUUUAUUGCCCAAGAAGAAGU	520	1537-1559

Таблица 5. Модифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	целевая последовательность мРНК от 5' до 3'	SEQ ID NO:
AD-67605.6	ascscuguUfgAfAfUfuuuuguauuuL9	521	asUfsaauAfcAfAfaauuCfaAfcaggusasa	549	UUACCUGUUGAAUUUUGUUAUUAU	577
AD-520101.1	usasccugUfuGfAfAfuuuuguauuuL9	522	asAfsauaCfaAfAfaucAfaCfagguasasc	550	GUUACCUGUUGAAUUUUGUAUUA	578
AD-520098.1	gsusuguuAfcCfUfGfuugaauuuuuL9	523	asAfsaaaUfuCfAfacagGfuAfacacspsc	551	GCGUUGUUACCUGUUGAAUUUUG	579
AD-67575.6	ususaccuGfuUfGfAfauuuuuguauuuL9	524	asAfsuacAfaAfafiucaAfcAfgguaascsa	552	UGUUACCUGUUGAAUUUUGUAUUU	580

AD-520467.1	ususgaacCfuGfGfcfuuuuuuuL96	52	5	asAfskaaAfaUfAfagccAfgGfuucaagsu	55	3	ACUUGAACCUGGCUUAUUU	58	1
AD-520064.1	csusuuuuCfaCfCfUfaacuaaaauL96	52	6	asAfsuuuUfaGfUfuaggUfgAfaaaagsu	55	4	ACCUUUUACCUAACUAA	58	2
AD-520099.1	usgsuuacCfuGfUfUfgaauuuuL96	52	7	asAfscaaAfaUfUfcaacAfgGfuacaasasc	55	5	GUUGUUACCUUGAAUUU	58	3
AD-520466.1	csusugaacCfuGfGfcfuuuuuuuL96	52	8	asGfsaaaAfaUfAfgccaGfgUfucaagsusu	55	6	AACUUGAACCUGGCUUAUU	58	4
AD-519351.1	asgsugaAfaGfUfCfuuauguaauL96	52	9	asAfsuuuCfaUfAfagacAfuUfaucussasa	55	7	UUAGGAUAUGUCUUAUG	58	5
AD-520065.1	ususuuuCfCfUfAfacuaaaauL96	53	0	asUfsauuUfuAfgfuagGfuGfaaaagsg	55	8	CCUUUUACCUAACUAAA	58	6
AD-520069.1	csasccuAfcUfAfaaaauuuL96	53	1	asAfsacaUfuUfuuuaGfuUfagugsasa	55	9	TUCACCUAACUAAAUAU	58	7
AD-519828.1	csasucagCfaUfGfCfuuuuuuL96	53	2	asUfsgaaUfuAfafcgcaUfgCfugaugsusa	56	0	UACAUCAGCAUGCGUAAU	58	8
AD-520035.1	gsgsuacAfaGfAfuUfgauuuuuL96	53	3	asUfsagaUfuUfcaucUfuGfuuaaccscsc	56	1	GGGUAACAAGAUGAUAA	58	9
AD-520067.1	ususucacCfuAfaCfuaaaaaauL96	53	4	asAfsuuuUfuUfufaguUfgGfugaasasa	56	2	UUUUACCUAACUAAAAU	59	0
AD-75289.2	ususcaccUfaAfcUfuaaaauuuL96	53	5	asCfsauuAfuUfufaguUfaGfgugaasasa	56	3	UUUUACCUAACUAAAAU	59	1
AD-520125.1	gsusgagaUfgUfUfAfgaauuuL96	53	6	asUfsuuUfcUfAfcuaaCfaUfcucacsug	56	4	CAGUGAGAUGUAGUAGA	59	2
AD-520018.1	gsasuaacCfuGfAfcuaaaaaL96	53	7	asUfsuuUfgUfAfgucaAfgGfuuaucsasu	56	5	AUGUAACCUUGACUACUA	59	3
AD-520062.1	ascscuuUfuCfAfcfuaaaauL96	53	8	asUfsuuGfuUfAfggugAfaAfaaggusu	56	6	ACACUUUUACCUAACU	59	4
AD-519754.1	gsasgcugAfgUfUfGfguuuuuuL96	53	9	asUfscuuAfaAfafcuaaCfuCfagucacsag	56	7	CUGAGCUGAGUUGUUUA	59	5
AD-520097.1	csgsuuguUfaCfUfUfguuaauuuL96	54	0	asAfsauUfcUfAfcaggUfaAfaacgscsu	56	8	AGCGUUGUACCUUGUAA	59	6
AD-520352.1	usgsagauUfgCfAfcfuuuuuuL96	54	1	asAfsaugAfaUfUfggugCfaAfcucacsag	56	9	GCUGAGAUUGACCAUUUC	59	7
AD-519755.1	asgscugaGfuUfGfGfuuuuuuuL96	54	2	asUfsucaUfaAfaaccaAfcUfcagcuscsc	57	0	UGAGCUGAGUUGUUUA	59	8
AD-520063.1	cscsuuuUfcAfcCfuaacuaaaauL96	54	3	asUfsuuUfgUfUfagguGfaAfaaagsug	57	1	CACUUUUACCUAACUA	59	9
AD-520066.1	ususuuuCfaCfUfAfcuaaaaaauL96	54	4	asUfsuuUfuUfAfguuGfgUfgaaasag	57	2	CUUUUACCUAACUAAAA	60	0
AD-520068.1	uscsaccUfaCfUfAfaaaauuuL96	54	5	asAfscaUfuUfufuuagUfuAfggugasasa	57	3	UUUACCUAACUAAAAUA	60	1
AD-520465.1	ascsuugaAfcCfUfGfgcuuuuuuuL96	54	6	asAfsaaaUfaAfgfccagGfuUfcaagusug	57	4	CAACUUGAACCUGGCUUAU	60	2
AD-519592.1	uscsuuUfgGfGfcauaaauuuL96	54	7	asUfsacuUfuUfufgcccfaAfgaagasag	57	5	CUUCUUCUUGGGCAAUAA	60	3
AD-519591.1	uscsuuUfgGfGfcauaaauuuL96	54	8	asAfsuuUfuUfufgcccfaAfgaagasg	57	6	ACUUCUUCUUGGGCAAUAA	60	4

Таблица 6. Немодифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название Дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции по NM_025225.2	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции по NM_025225.2
AD-521420.1	GGAAUAAUGUCUUAUGUAAU	605	1219-1237	AUUACAUAAGACAUUAUCC	712	1219-1237
AD-520973.1	GAGUGAGUGACAACGUACU	606	676-694	AGUACGUUGUCACUCACUC	713	676-694
AD-521124.1	GGAGAGUAUAGCCUUCGAU	607	876-894	AUCGAAGGCAUAUCUCUCC	714	876-894
AD-521486.1	UGGUGACAUGGCUUCCAGU	608	1288-1306	ACUGGAAGCCAUGUCACCA	715	1288-1306
AD-520903.1	GAAGUCGUGGAUGCCUUGU	609	582-600	ACAAGGCAUCCACGACUUC	716	582-600
AD-520972.1	GGAGUGAGUGACAACGUAU	610	675-693	AUACGUUGUCACUCACUC	717	675-693
AD-521421.1	GAUAAUGUCUUAUGUAAU	611	1220-1238	AAUUACAUAAGACAUUAUC	718	1220-1238
AD-521840.1	GGUUUUUAUGAAAAGCUAGU	612	1753-1771	ACUAGCUUUUCAUAAAACC	719	1753-1771
AD-521003.1	CAAAACAACCAUCACCGUU	613	707-725	AACGGUGAUGGUUGUUUUG	720	707-725
AD-521129.1	GAUAUGCCUUCGAGGAUUA	614	881-899	AUAUCCUCGAAGGCAUAUC	721	881-899
AD-521465.1	CCAUUGCGAUUGUCCAGAU	615	1267-1285	AUCUGGACAAUCGCAUUG	722	1267-1285
AD-521086.1	ACAGGGAACCUUACCUUU	616	819-837	AAAGGUAGAGGUUCCUGU	723	819-837
AD-521409.1	UGCUACCCAUUAGGAUAAU	617	1207-1225	AUUAUCCUAAUGGGUAGCA	724	1207-1225
AD-522178.1	CCUGUUGAAUUUUGUAUUU	618	2246-2264	AAUAACAAAUAUCACAGG	725	2246-2264

AD-520974.1	AGUGAGUGACAACGUACCU	619	677-695	AGGUACGUUGUCACUCACU	726	677-695
AD-520902.1	CGAAGUCGUGGAUGCCUUU	620	581-599	AAAGGCAUCCACGACUUCG	727	581-599
AD-522140.1	CUUUUACCUCUAAACUAAA	621	2182-2200	AUUUAGUUAGGUGAAAAAG	728	2182-2200
AD-521410.1	GUUACCCAUUAGGAUAAU	622	1208-1226	AAUUUACCUAAUAGGUGAGC	729	1208-1226
AD-522548.1	GAACCUGGCUUAAUUUCUU	623	2716-2734	AAGAAAAUAAGCCAGGUUC	730	2716-2734
AD-521002.1	CCAAAACAACCAUCACCGU	624	706-724	ACGGUGAUGGUUUUUUGG	731	706-724
AD-522176.1	UUACCUGUUGAAUUUUUGU	625	2243-2261	AACAAAAUUAACAGGUAA	732	2243-2261
AD-520926.1	CUACAGUGGCCUUUACCCU	626	623-641	AGGGAUAAGGCCACUGUAG	733	623-641
AD-521895.1	CUAAUACAUCAGCAUGCGU	627	1811-1829	ACGCAUGCUGAUGUAUUAG	734	1811-1829
AD-521499.1	CCAGAUUAGCCCGACGAU	628	1302-1320	AAUCGUCGGCAUUCUGG	735	1302-1320
AD-521466.1	CAUUGCGAUUGUCCAGAGU	629	1268-1286	ACUCUGGCAAUCGCAAUG	736	1268-1286
AD-521140.1	GAGGAUUAUUGGAUGCAU	630	892-910	AAUGCAUCCAAAUUCUC	737	892-910
AD-520892.1	GGUCCAAAGACGAAGUCGU	631	571-589	ACGACUUCGUCUUUGGACC	738	571-589
AD-520976.1	UGAGUGACAACGUACCCUU	632	679-697	AAGGGUACGUUGUCACUCA	739	679-697
AD-521457.1	GGAUUCGCAUUGCGAUU	633	1259-1277	AAUCGCAAUGGCAGAUUC	740	1259-1277
AD-521127.1	AGAGAUUGCCUUCGAGGAU	634	879-897	AUCCUCGAAGCAUUCUC	741	879-897
AD-522145.1	UCACCUAACUAAAAUAAU	635	2187-2205	AAUUUUUUAGUUAGGUGA	742	2187-2205
AD-520984.1	ACGUACCCUUAUUGAUGU	636	688-706	ACAUCAAUGAAGGGUACGU	743	688-706
AD-521997.1	CUGUCCAGCAUGAGGUUU	637	1916-1934	AAACCUCUAGCUGGAACAG	744	1916-1934
AD-522174.1	UGUACGUUGUUUUAUUAU	638	2241-2259	AAAAAUUCAAACAGGUACA	745	2241-2259
AD-522545.1	UUGAACCUGGCCUUAUUUUU	639	2714-2732	AAAAAUUAGCCAGGUUCAA	746	2714-2732
AD-521979.1	GGCCCUAAUUAUGGUCAGU	640	1897-1915	ACUGACCAUUAUAGGGCC	747	1897-1915
AD-520891.1	CGGUCCAAAGACGAAGUCU	641	570-588	AGACUUCGUCUUUGGACCG	748	570-588
AD-521833.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAAU	642	1746-1764	AUUCAUAAAACCAACUCAG	749	1746-1764
AD-521461.1	UCUGCCAUUGCGAUUGUCU	643	1263-1281	AGACAAUCGCAAUGGCAGA	750	1263-1281
AD-521386.1	GGAUACAUGAGCAAGAUUU	644	1182-1200	AAAUUUGCUCAUGUAUCC	751	1182-1200
AD-521123.1	GGGAGAGAUUAGCCUUCGU	645	875-893	ACGAAGGCAUUCUCUCC	752	875-893
AD-520899.1	AGACGAAGUCGUGGAUGCU	646	578-596	AGCAUCCACGACUUCGUCU	753	578-596
AD-521089.1	GGGAACCUCUACCUUCUCU	647	822-840	AGAGAAGGUAGAGGUUCC	754	822-840
AD-521407.1	CUUGCUACCCAUAUAGGAU	648	1205-1223	AAUCCUAUUGGGUAGCAAG	755	1205-1223
AD-520898.1	AAGACGAAGUCGUGGAUGU	649	577-595	ACAUCCACGACUUCGUCUU	756	577-595
AD-521378.1	ACAAAGGUGGAUACAUGAU	650	1174-1192	AUCAUGUAUCCACCUUUUG	757	1174-1192
AD-521500.1	CAGAUUAGCCCGACGAUGU	651	1303-1321	ACAUCGUCGGCAUUCUG	758	1303-1321
AD-521798.1	CAUUGCUGUGUAGUGACCU	652	1694-1712	AGGUCACUACACAGCAAUG	759	1694-1712
AD-521902.1	UCAGCAUGCGUUAUUUCAU	653	1819-1837	AUGAAUUAACGCAUGCUGA	760	1819-1837
AD-521896.1	UAAUACAUCAGCAUGCGUU	654	1812-1830	AACGCAUGCUGAUGUAUUA	761	1812-1830
AD-521989.1	AUGGUCAGACUUGCCAGU	655	1907-1925	ACUGGAACAGUCUGACCAU	762	1907-1925
AD-520896.1	CAAAGACGAAGUCGUGGAU	656	575-593	AUCCACGACUUCGUCUUUG	763	575-593
AD-69024.2	CCUAACUAAAAUAUUGUUU	657	2190-2208	AAACAUAUUUUAGUUAGG	764	2190-2208
AD-522146.1	CACCUAACUAAAAUUAUGU	658	2188-2206	ACAUUAUUUUAGUUAGGUG	765	2188-2206
AD-522432.1	AGAUUGCACCAUUUCAUUU	659	2546-2564	AAAUUGAAUUGGUGCAAUCU	766	2546-2564
AD-521020.1	CUGCCCUAAAGUCAAGUCU	660	752-770	AGACUUGACUUUAGGGCAG	767	752-770
AD-521668.1	CUUCUUGGGCAUUAAGUU	661	1541-1559	AACUUUAUUGCCCAAGAA	768	1541-1559
AD-522097.1	UAACCUUGACUACUAAAAU	662	2112-2130	AUUUUAGUAGUCAAGGUUA	769	2112-2130
AD-520999.1	AUGCCAAAACAACCAUCAU	663	703-721	AUGAUGGUUUUUUGGCAU	770	703-721
AD-521832.1	GCUGAGUUGGUUUUAUGAU	664	1745-1763	AUCAUAAAACCAACUCAGC	771	1745-1763
AD-520894.1	UCCAAAGACGAAGUCGUGU	665	573-591	ACACGACUUCGUCUUUGGA	772	573-591
AD-522144.1	UUCACCUAACUAAAAUAAU	666	2186-2204	AUUUUUUAGUUAGGUGAA	773	2186-2204
AD-521408.1	UUGCUCACCAUUAAGGAU	667	1206-1224	AUAUCCUAAUUGGUAGCAA	774	1206-1224
AD-521128.1	AGAUUGCCUUCGAGGAU	668	880-898	AAUCCUCGAAGCAUUCU	775	880-898
AD-521980.1	GCCCUAAUUAUGGUCAGAU	669	1898-1916	AUCUGACCAUUAUAGGGC	776	1898-1916
AD-521406.1	ACUUGCUACCCAUAUAGGAU	670	1204-1222	AUCCUAAUUGGGUAGCAAGU	777	1204-1222
AD-521131.1	UAUGCCUUCGAGGAUUAUU	671	883-901	AAAUUACCUUCGAAGGCAU	778	883-901
AD-521909.1	GCGUAAUUCAGCUGGUUU	672	1826-1844	AAACCAGCUGAAUUAACGC	779	1826-1844
AD-521954.1	GAGGGUCCCUUACUGACUU	673	1872-1890	AAGUCAGUAAGGGACCUC	780	1872-1890
AD-520872.1	CGUUCUGGUGUCUGACUUU	674	551-569	AAAGUCAGACACCAGAAGC	781	551-569
AD-522142.1	UUUUCACCUAACUAAAAU	675	2184-2202	AAUUUUAGUUAGGUGAAAA	782	2184-2202
AD-520994.1	CAUUGAUGCCAAAACAACU	676	698-716	AGUUGUUUUGGCAUCAAUG	783	698-716
AD-520886.1	ACUUUCGGUCCAAAGACGU	677	565-583	ACGUCUUUGGACCGAAAGU	784	565-583
AD-521987.1	UAAUGGUCAGACUGUCCU	678	1905-1923	AGGAACAGUCUGACCAUUA	785	1905-1923
AD-521988.1	AAUGGUCAGACUGUCCAU	679	1906-1924	AUGGAACAGUCUGACCAU	786	1906-1924
AD-520785.1	AAGCAAGUCCUCCGACAU	680	443-461	AUGUCGGAGGAACUUGCUU	787	443-461

AD-521919.1	AGCUGGUUGGGAAAUGACU	681	1836-1854	AGUCAUUUCCCAACCAGCU	788	1836-1854
AD-521121.1	CUGGGAGAGAUUGCCUUU	682	873-891	AAAGGCAUAUCUCUCCAG	789	873-891
AD-522202.1	GAGAUGUUAGUAGAAUAAU	683	2276-2294	AUUUUCUACUAACAUCUC	790	2276-2294
AD-521130.1	AUAUGCCUUCGAGGAUAAU	684	882-900	AAUAUCCUCGAAGCAUAAU	791	882-900
AD-521908.1	UGCGUAAUUCAGCUGGUU	685	1825-1843	AACCAGCUGAAUUAACGCA	792	1825-1843
AD-522173.1	UUGUUACCUGUUGAAUUUU	686	2240-2258	AAAAUCAAACAGGUAACAA	793	2240-2258
AD-521785.1	GCAGCUACCUCGCAUUGU	687	1681-1699	ACAAUGCGGAGGUAGCUGC	794	1681-1699
AD-520890.1	UCGGUCCAAAGACGAAGUU	688	569-587	AAUUCGCUUUGGACCGA	795	569-587
AD-520978.1	AGUGACAACGUACCCUUCU	689	681-699	AGAAGGGUACGUUGUCACU	796	681-699
AD-521744.1	GUCUAGCAGAUUCUUUCAU	690	1637-1655	AUGAAAGAAUCUGCUAGAC	797	1637-1655
AD-521021.1	UGCCUAAAAGUCAAGUCCU	691	753-771	AGGACUUGACUUUAGGGCA	798	753-771
AD-521197.1	UCCUCAGAAGGGAUGGAUU	692	966-984	AAUCCAUCUUCUGAGGA	799	966-984
AD-521379.1	CAAAGGUGGAUACAUGAGU	693	1175-1193	ACUCAUGUAUCCACCUUUG	800	1175-1193
AD-520925.1	UCUACAGUGCCUUUAUCCU	694	622-640	AGGAUAAGGCCACUGUAGA	801	622-640
AD-520888.1	UUUCGGUCCAAAGACGAAU	695	567-585	AUUCGUCUUUGGACCGAAA	802	567-585
AD-520975.1	UGGAGUCCAAACGUACCCU	696	678-696	AGGGUACGUUUGCUCAC	803	678-696
AD-521666.1	UUCUUCUUGGGCAAUAAA	697	1539-1557	AUUUUAUGCCCAAGAAGAA	804	1539-1557
AD-521922.1	UGGUUGGGAAAUGACACCU	698	1839-1857	AGGUUCAUUUCCCAACCA	805	1839-1857
AD-521986.1	UUAAUGGUCAGACUGUUCU	699	1904-1922	AGAACAGUCUGACCAUUA	806	1904-1922
AD-521915.1	AUUCAGCUGUUGGGAAAU	700	1832-1850	AUUUCCCAACCAGCGAAU	807	1832-1850
AD-520897.1	AAAGACGAAGUCGUGGAUU	701	576-594	AUUCACGACUUCGUUCUUU	808	576-594
AD-520889.1	UUCGGUCCAAAGACGAAGU	702	568-586	ACUUCGUCUUUGGACCGAA	809	568-586
AD-520885.1	GACUUUCGGUCCAAAGACU	703	564-582	AGUCUUUGGACCGAAAGUC	810	564-582
AD-521469.1	UGCGAUUGCCAGAGACUU	704	1271-1289	AAGUCUCUGGACAAUCGCA	811	1271-1289
AD-521674.1	GGGCAUAAAAGUACCGUCU	705	1547-1565	AGCAGGUACUUUAUUGCCC	812	1547-1565
AD-521983.1	CUAUUAAUGGUCAGACUGU	706	1901-1919	ACAGUCUGACCAUUAUAG	813	1901-1919
AD-521385.1	UGGAUACAUGAGCAAGAAU	707	1181-1199	AAUCUUGCUCUAGUAUCCA	814	1181-1199
AD-521937.1	ACCAGGAAGCCAGUGCAU	708	1854-1872	AUGCACUGGGCUUCCUGGU	815	1854-1872
AD-522141.1	UUUUACCCUAAACUAAAAU	709	2183-2201	AUUUUAGUUAGGUGAAAA	816	2183-2201
AD-522143.1	UUUACCCUAAACUAAAAU	710	2185-2203	AUAUUUUAGUUAGGUGAAA	817	2185-2203
AD-521669.1	UUCUUGGGCAUAAAAGUAU	711	1542-1560	AUACUUUAUUGCCCAAGAA	818	1542-1560

Таблица 7. Модифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO :	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	целевая последовательность мРНК от 5' до 3'	SEQ ID NO:
AD-521420.1	GGAAUAAUGUCUUUGUAAU dTdT	819	AUUACAUAAGACAUUAUCCd TdT	926	GGAAUAAUGUCUUUGUAAU	1033
AD-520973.1	GAGUGAGUGACAACGUACU dTdT	820	AGUACGUUGUCACUCACUCd TdT	927	GAGUGAGUGACAACGUACC	1034
AD-521124.1	GGAGAGAUUAGCCUUCGAU dTdT	821	AUCGAAGCAUAUCUCUCCd TdT	928	GGAGAGAUUAGCCUUCGAG	1035
AD-521486.1	UGGUGACAUGGCUUCCAGU dTdT	822	ACUGGAAGCCAUGCACCAAd TdT	929	UGGUGACAUGGCUUCCAGA	1036
AD-520903.1	GAAGUCGUGGAUGCCUUGU dTdT	823	ACAAGGCAUCCACGACUUCd TdT	930	GAAGUCGUGGAUGCCUUGG	1037
AD-520972.1	GGAGUGAGUGACAACGUAAU dTdT	824	AUACGUUGUCACUCACUCCd TdT	931	GGAGUGAGUGACAACGUAC	1038
AD-521421.1	GAUAAUGUCUUUGUAAUU dTdT	825	AAUUACAUAAGACAUUAUCd TdT	932	GAUAAUGUCUUUGUAAUG	1039
AD-521840.1	GGUUUUAUGAAAAGCUAGU dTdT	826	ACUAGCUUUUCAUAAAACcd TdT	933	GGUUUUAUGAAAAGCUAGG	1040
AD-521003.1	CAAAACAACCAUCACCGUU dTdT	827	AACGGUGAUGGUUGUUUGd TdT	934	CAAAACAACCAUCACCGUG	1041
AD-521129.1	GAUUGCCUUCGAGGAUAAU dTdT	828	AUAUCCUCGAAGCAUAUCd TdT	935	GAUUGCCUUCGAGGAUAAU	1042
AD-521465.1	CCAUUGCGAUUGUCCAGAU dTdT	829	AUCUGGACAAUCGAAUGGd TdT	936	CCAUUGCGAUUGUCCAGAG	1043
AD-521086.1	ACAGGGAACCCUACCUUUU dTdT	830	AAAGGUAGAGGUUCCUGUd TdT	937	ACAGGGAACCCUACCUUUC	1044
AD-521409.1	UGCACCCAUUAGGAUAAU dTdT	831	AUUUACCUAAUUGGGUAGCAd TdT	938	UGCACCCAUUAGGAUAAU	1045
AD-522178.1	CCUGUUGAAUUUUGUAAUUU dTdT	832	AAAUAACAAAUAACAGGd TdT	939	CCUGUUGAAUUUUGUAAUUA	1046

AD-520974.1	AGUGAGUGACAACGUACCUdTdT	833	AGGUACGUUGUCACUCACUdTdT	940	AGUGAGUGACAACGUACCC	1047
AD-520902.1	CGAAGUCGUGGAUGCCUUUdTdT	834	AAAGGCAUCCACGACUUCGdTdT	941	CGAAGUCGUGGAUGCCUUG	1048
AD-522140.1	CUUUUUCACCUAACUAAAAUdTdT	835	AUUUAGUUAGGUGAAAAAGdTdT	942	CUUUUUCACCUAACUAAAA	1049
AD-521410.1	GCUACCCAUUAGGAUAAUdTdT	836	AAUUAUCCUAAUUGGUAGCdTdT	943	GCUACCCAUUAGGAUAAUG	1050
AD-522548.1	GAACCUAGGCUUAAUUUCUdTdT	837	AAGAAAAUAAGCCAGGUUCdTdT	944	GAACCUAGGCUUAAUUUCUG	1051
AD-521002.1	CCAAAACAACCAUCACCGUdTdT	838	ACGGUGAUGGUUUUUUGGdTdT	945	CCAAAACAACCAUCACCGU	1052
AD-522176.1	UUACCUUGUUGAAUUUGUdTdT	839	AACAAAAUUAACAGGUAAdTdT	946	UUACCUUGUUGAAUUUGUA	1053
AD-520926.1	CUACAGUGGCCUUAUCCCUdTdT	840	AGGGUAUAGGCCACUGUAGdTdT	947	CUACAGUGGCCUUAUCCCU	1054
AD-521895.1	CUAAUACAUCAGCAUGCGUdTdT	841	ACGCAUGCUGAUGUAUUAGdTdT	948	CUAAUACAUCAGCAUGCGU	1055
AD-521499.1	CCAGAUUAGCCCGACGAUdTdT	842	AAUCGUCGGCAUUAUCUGGdTdT	949	CCAGAUUAGCCCGACGAUG	1056
AD-521466.1	CAUUGCGAUUGUCCAGAGUdTdT	843	ACUCUGGACAAUCGCAAUdTdT	950	CAUUGCGAUUGUCCAGAGA	1057
AD-521140.1	GAGGAUAAUUUGGAUGCAUdTdT	844	AAUGCAUCCAAUAUCCUCdTdT	951	GAGGAUAAUUUGGAUGCAU	1058
AD-520892.1	GGUCCAAAGACGAAGUCGUdTdT	845	ACGACUUCGUCUUUGGACCdTdT	952	GGUCCAAAGACGAAGUCGU	1059
AD-520976.1	UGAGUGACAACGUACCCUdTdT	846	AAGGGUACGUUGUCACUCAdTdT	953	UGAGUGACAACGUACCCU	1060
AD-521457.1	GGAUCUGCCAUGCGAUdTdT	847	AAUCGCAAUGGCAGAUUCCdTdT	954	GGAUCUGCCAUGCGAU	1061
AD-521127.1	GAGAUUAGCCUUCGAGGAUdTdT	848	AUCCUGAAGGCAUAUCUCdTdT	955	GAGAUUAGCCUUCGAGGAU	1062
AD-522145.1	UCACCUAACUAAAAUAAUdTdT	849	AAUUUUUUAGUUAGGUGAdTdT	956	UCACCUAACUAAAAUAAUG	1063
AD-520984.1	ACGUACCCUUCAUUGAUGUdTdT	850	ACAUCAUUGAAGGGUACGUdTdT	957	ACGUACCCUUCAUUGAUGC	1064
AD-521997.1	CUGUUCAGCAUGAGGUUdTdT	851	AAACCUAUGCUGGAACAGdTdT	958	CUGUUCAGCAUGAGGUUC	1065
AD-522174.1	UGUUACCUUGUUGAAUUUUdTdT	852	AAAAAUUCAACAGGUAAAdTdT	959	UGUUACCUUGUUGAAUUUUG	1066
AD-522545.1	UUGAACCUUGGCUUAAUUUdTdT	853	AAAAUAAGCCAGGUUCAAdTdT	960	UUGAACCUUGGCUUAAUUUC	1067
AD-521979.1	GGCCUAAUUAUGGUCAGUdTdT	854	ACUGACCAUUAUAGGGCCdTdT	961	GGCCUAAUUAUGGUCAGA	1068
AD-520891.1	CGGUCCAAAGACGAAGUCUdTdT	855	AGACUUCGUCUUUGGACCGdTdT	962	CGGUCCAAAGACGAAGUCG	1069
AD-521833.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAAUdTdT	856	AUUCAUAAAACCAACUCAGdTdT	963	CUGAGUUGGUUUUAUGAAA	1070
AD-521461.1	UCUGCCAUGCGAUUGUCUdTdT	857	AGACAAUCGCAAUGGCAGAdTdT	964	UCUGCCAUGCGAUUGUCC	1071
AD-521386.1	GGAUACAUGAGCAAGAUUdTdT	858	AAAUCUUGCUCUAGUAUCCdTdT	965	GGAUACAUGAGCAAGAUU	1072
AD-521123.1	GGGAGAGAUUAGCCUUCGUdTdT	859	ACGAAGGCAUUCUCUCCCdTdT	966	GGGAGAGAUUAGCCUUCGA	1073
AD-520899.1	AGACGAAGUCGUGGAUGCUdTdT	860	AGCAUCCACGACUUCGUCUdTdT	967	AGACGAAGUCGUGGAUGCC	1074
AD-521089.1	GGGAACCUUCACCUUCUCUdTdT	861	AGAGAAGGUAGAGGUUCCCdTdT	968	GGGAACCUUCACCUUCUCU	1075
AD-521407.1	CUUGCUACCAAUAGGAUdTdT	862	AAUCCUAAUGGGUAGCAAGdTdT	969	CUUGCUACCAAUAGGAUA	1076
AD-520898.1	AAGACGAAGUCGUGGAUGUdTdT	863	ACAUCCACGACUUCGUCUdTdT	970	AAGACGAAGUCGUGGAUGC	1077
AD-521378.1	ACAAAGGUGGAUACAUGAUdTdT	864	AUCAUGUAUCCACCUUUGUdTdT	971	ACAAAGGUGGAUACAUGAG	1078
AD-521500.1	CAGAUUAGCCCGACGAUGUdTdT	865	ACAUCGUCGGCAUAUCUGdTdT	972	CAGAUUAGCCCGACGAUGU	1079
AD-521798.1	CAUUGCUGUGUAGUGACCUdTdT	866	AGGUCACUACACAGCAAUdTdT	973	CAUUGCUGUGUAGUGACCC	1080

AD-521902.1	UCAGCAUGCGUUAUUUCAUdTdT	867	AUGAAUUACGCAUGCUGAdTdT	974	UCAGCAUGCGUUAUUUCAG	1081
AD-521896.1	UAAUACAUCAGCAUGCGUUDdTdT	868	AACGCAUGCUGAUGUAUUAdTdT	975	UAAUACAUCAGCAUGCGUU	1082
AD-521989.1	AUGGUCAGACUGUCCAGUdTdT	869	ACUGGAACAGUCUGACCAUdTdT	976	AUGGUCAGACUGUCCAGC	1083
AD-520896.1	CAAAGACGAAGUCGUGGAUdTdT	870	AUCCACGACUUCGUCUUUGdTdT	977	CAAAGACGAAGUCGUGGAU	1084
AD-69024.2	CCUAAACUAAAAUAAUGUUUdTdT	871	AAACAUUAAAAUAGUUAGGdTdT	978	CCUAAACUAAAAUAAUGUUU	1085
AD-522146.1	CACCUAACUAAAAUAAUGUdTdT	872	ACAUAUUUUUAGUUAGGUGdTdT	979	CACCUAACUAAAAUAAUGU	1086
AD-522432.1	AGAUUGCACCAUUUCAUUUdTdT	873	AAAUGAAAUGGUGCAAUCUdTdT	980	AGAUUGCACCAUUUCAUUC	1087
AD-521020.1	CUGCCCUAAAGUCAAGUCUdTdT	874	AGACUUGACUUUAGGGCAGdTdT	981	CUGCCCUAAAGUCAAGUCC	1088
AD-521668.1	CUUCUUGGGCAAUAAAGUUDdTdT	875	AACUUUAUUGCCCAAGAAGdTdT	982	CUUCUUGGGCAAUAAAGUA	1089
AD-522097.1	UAACCUUGACUACUAAAAUdTdT	876	AUUUUAGUAGUCAAGGUUAdTdT	983	UAACCUUGACUACUAAAA	1090
AD-520999.1	AUGCCAAAACAACCAUCAUdTdT	877	AUGAUGGUUUUUUGGCAUdTdT	984	AUGCCAAAACAACCAUCAC	1091
AD-521832.1	GCUGAGUUGGUUUUUAUGAUdTdT	878	AUCAUAAAACCAACUCAGCdTdT	985	GCUGAGUUGGUUUUUAUGAA	1092
AD-520894.1	UCCAAAGACGAAGUCGUGUdTdT	879	ACACGACUUCGUCUUUGGAdTdT	986	UCCAAAGACGAAGUCGUGG	1093
AD-522144.1	UUCACCUAACUAAAAUAAUdTdT	880	AUUUUUUUAGUUAGGUGAAdTdT	987	UUCACCUAACUAAAAUAAU	1094
AD-521408.1	UUGCUCACCAUUAGGAUAdTdT	881	AUAUCCUAAUUGGUAGCAAdTdT	988	UUGCUCACCAUUAGGAUAA	1095
AD-521128.1	AGAUUGCCUUCGAGGAUUDdTdT	882	AAUCCUCGAAGGCAUAUCUdTdT	989	AGAUUGCCUUCGAGGAUA	1096
AD-521980.1	GCCCUAUUAAUGGUCAGAUdTdT	883	AUCUGACCAUUAAUAGGGCdTdT	990	GCCCUAUUAAUGGUCAGAC	1097
AD-521406.1	ACUUGCUCACCAUUAGGAUdTdT	884	AUCCUAAUGGGUAGCAAGUdTdT	991	ACUUGCUCACCAUUAGGAU	1098
AD-521131.1	UAUGCCUUCGAGGAUAAUUdTdT	885	AAAUAUCCUCGAAGGCAUAdTdT	992	UAUGCCUUCGAGGAUAAUU	1099
AD-521909.1	GCGUUAAUUCAGCUGGUUUDdTdT	886	AAACCAGCUGAAUUAACGCdTdT	993	GCGUUAAUUCAGCUGGUUG	1100
AD-521954.1	GAGGGUCCCUUACUGACUUDdTdT	887	AAGUCAGUAAGGGACCCUCdTdT	994	GAGGGUCCCUUACUGACUG	1101
AD-520872.1	CGUUCUGGUGUCUGACUUUDdTdT	888	AAAGUCAGACACCAGAACGdTdT	995	CGUUCUGGUGUCUGACUUU	1102
AD-522142.1	UUUUCACCUAACUAAAAUUDdTdT	889	AAUUUUAGUUAGGUGAAAAAdTdT	996	UUUUCACCUAACUAAAAUA	1103
AD-520994.1	CAUUGAUGCCAAAACAACUdTdT	890	AGUUGUUUUGGCAUCAAUgdTdT	997	CAUUGAUGCCAAAACAACC	1104
AD-520886.1	ACUUCGUCUCAAAGACGUdTdT	891	ACGUCUUUGGACCGAAAGUdTdT	998	ACUUCGUCUCAAAGACGA	1105
AD-521987.1	UAAUGGUCAGACUGUCCUdTdT	892	AGGAACAGUCUGACCAUUAdTdT	999	UAAUGGUCAGACUGUCCA	1106
AD-521988.1	AAUGGUCAGACUGUCCAUdTdT	893	AUGGAACAGUCUGACCAUUDdTdT	1000	AAUGGUCAGACUGUCCAG	1107
AD-520785.1	AAGCAAGUCCUCCGACAUdTdT	894	AUGUCGAGGAACUUGCUUDdTdT	1001	AAGCAAGUCCUCCGACAG	1108
AD-521919.1	AGCUGGUUGGGAAAUGACUdTdT	895	AGUCAUUUCCCAACCAGCUdTdT	1002	AGCUGGUUGGGAAAUGACA	1109
AD-521121.1	CUGGGAGAGAUUGCCUUUDdTdT	896	AAAGGCAUAUCUCUCCAGdTdT	1003	CUGGGAGAGAUUGCCUUC	1110
AD-522202.1	GAGAUGUUAGUAGAAUAAUdTdT	897	AUUUUUCUACUACAUCUCdTdT	1004	GAGAUGUUAGUAGAAUAAAG	1111
AD-521130.1	AUAUGCCUUCGAGGAUAAUdTdT	898	AAUAUCCUCGAAGGCAUAUdTdT	1005	AUAUGCCUUCGAGGAUAAU	1112
AD-521908.1	UGCGUUAUUUCAGCUGGUUDdTdT	899	AACCAGCUGAAUUAAACGCAdTdT	1006	UGCGUUAUUUCAGCUGGUU	1113
AD-522173.1	UUGUUACCUGUUGAAUUUUDdTdT	900	AAAAUCCAACAGGUAAACAAdTdT	1007	UUGUUACCUGUUGAAUUUU	1114

AD-521785.1	GCAGCUACCUCGCAUUGUdTdT	901	ACAAUGCGGAGGUAGCUGCdTdT	1008	GCAGCUACCUCGCAUUGC	1115
AD-520890.1	UCGGUCCAAAGACGAAGUUdTdT	902	AACUUCGUCUUUGACCGAdTdT	1009	UCGGUCCAAAGACGAAGUC	1116
AD-520978.1	AGUGACAACGUACCCUUCUdTdT	903	AGAAGGGUACGUUGUCACUdTdT	1010	AGUGACAACGUACCCUUCA	1117
AD-521744.1	GUCUAGCAGAUUCUUUCAUdTdT	904	AUGAAAGAAUCUGCUAGACdTdT	1011	GUCUAGCAGAUUCUUUCAG	1118
AD-521021.1	UGCCCUAAAGUCAAGUCCUdTdT	905	AGGACUUGACUUUAGGGCAdTdT	1012	UGCCCUAAAGUCAAGUCCA	1119
AD-521197.1	UCCUCAGAAGGGAUGGAUdTdT	906	AAUCCAUCCCUUCGAGGAdTdT	1013	UCCUCAGAAGGGAUGGAUC	1120
AD-521379.1	CAAAGGGGAUACAUGAGUdTdT	907	ACUCAUGUAUCCACCUUUGdTdT	1014	CAAAGGGGAUACAUGAGC	1121
AD-520925.1	UCUACAGUGGCCUUAUCCUdTdT	908	AGGAUAAGGCCACUGUAGAdTdT	1015	UCUACAGUGGCCUUAUCCC	1122
AD-520888.1	UUUCGGUCCAAAGACGAAUdTdT	909	AUUCGUCUUUGGACCGAAAdTdT	1016	UUUCGGUCCAAAGACGAAG	1123
AD-520975.1	GUGAGUGACAACGUACCCUdTdT	910	AGGGUACGUUGUCACUCAdTdT	1017	GUGAGUGACAACGUACCCU	1124
AD-521666.1	UUCUUCUUGGGCAAUAAAUdTdT	911	AUUUAUUGCCCAAGAAGAAAdTdT	1018	UUCUUCUUGGGCAAUAAAG	1125
AD-521922.1	UGGUUGGGAAAUGACACCUdTdT	912	AGGUGUCAUUUCCCAACCAAdTdT	1019	UGGUUGGGAAAUGACACCA	1126
AD-521986.1	UUAUUGGUCAGACUGUUCUdTdT	913	AGAACAGUCUGACCAUUAAdTdT	1020	UUAUUGGUCAGACUGUCC	1127
AD-521915.1	AUUCAGCUGGUUGGGAAAUdTdT	914	AUUUCCCAACCAGCUGAAUdTdT	1021	AUUCAGCUGGUUGGGAAAU	1128
AD-520897.1	AAAGACGAAGUCGUGGAUdTdT	915	AAUCCACGACUUCGUCUUUdTdT	1022	AAAGACGAAGUCGUGGAUG	1129
AD-520889.1	UUCGGUCCAAAGACGAAGUdTdT	916	ACUUCGUCUUUGGACCGAAAdTdT	1023	UUCGGUCCAAAGACGAAGU	1130
AD-520885.1	GACUUUCGGUCCAAAGACUdTdT	917	AGUCUUUGGACCGAAAGUCdTdT	1024	GACUUUCGGUCCAAAGACG	1131
AD-521469.1	UGCGAUUGUCCAGAGACUdTdT	918	AAGUCUCUGGACAAUCGCAdTdT	1025	UGCGAUUGUCCAGAGACUG	1132
AD-521674.1	GGGCAAUAAAGUACCUGCUdTdT	919	AGCAGGUACUUUAUUGCCCdTdT	1026	GGGCAAUAAAGUACCUGCU	1133
AD-521983.1	CUAUUAAUGGUCAGACUGUdTdT	920	ACAGUCUGACCAUUAUAGdTdT	1027	CUAUUAAUGGUCAGACUGU	1134
AD-521385.1	UGGAUACAUGAGCAAGAUdTdT	921	AAUCUUGCUAUGUAUCCAdTdT	1028	UGGAUACAUGAGCAAGAUU	1135
AD-521937.1	ACCAGGAAGCCAGUGCAUdTdT	922	AUGCACUGGGCUUCCUGGUdTdT	1029	ACCAGGAAGCCAGUGCAG	1136
AD-522141.1	UUUUUACCUAACUAAAAUdTdT	923	AUUUUAGUUAGGUGAAAAAdTdT	1030	UUUUUACCUAACUAAAAU	1137
AD-522143.1	UUUCACCUAACUAAAAUAdTdT	924	AUAUUUUAGUUAGGUGAAAdTdT	1031	UUUCACCUAACUAAAAUAA	1138
AD-521669.1	UUCUUGGGCAAUAAAGUAdTdT	925	AUACUUUAUUGCCCAAGAAdTdT	1032	UUCUUGGGCAAUAAAGUAC	1139

Таблица 8. Немодифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название Дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции по NM_025225.2	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции по NM_025225.2
AD-520062.3	ACCUUUUACCUAACUA AAU	1140	2180-2200	AUUUAGUUAGGUGAAAAAGGUGU	1230	2178-2200
AD-520060.1	ACACCUUUUACCUAACUAU	1141	2178-2198	AUAGUUAGGUGAAAAAGGUGUUC	1231	2176-2198
AD-520064.3	CUUUUACCUAACUAAA AUU	1142	2182-2202	AAUUUUAGUUAGGUGAAAAAGGU	1232	2180-2202
AD-518983.1	ACUUUCUUAUGUGGACAUCU	1143	775-795	AGAUGUCCACAUGAAGAAAGUUC	1233	773-795
AD-520061.1	CACCUUUUACCUAACUA AUU	1144	2179-2199	AUUAGUUAGGUGAAAAAGGUU	1234	2177-2199
AD-520063.2	CCUUUUACCUAACUAAA AUU	1145	2181-2201	AUUUUAGUUAGGUGAAAAAGGUG	1235	2179-2201

AD-519615.1	UCCACCUUCCAGUUUUUCU	1146	1581-1601	AGAAAAACUGGGAAAGGUGGAGA	1236	1579-1601
AD-519757.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAAAU	1147	1746-1766	AUUUUCAUAAAACCAACUCA	1237	1744-1766
AD-519329.1	AAGAUUUGCAACUUGCUCU	1148	1194-1214	AGGUAGCAAGUUGCAAAUCU	1238	1192-1214
AD-519324.1	UGAGCAAGAUUUGCAACUUGU	1149	1189-1209	ACAAGUUGCAAAUCUUGCUC	1239	1187-1209
AD-518811.1	AAACGUUCUGGUGUCUGACUU	1150	548-568	AAGUCAGACACCAGAACGUUUUC	1240	546-568
AD-520059.1	AACACCUUUUUCACCUAAUU	1151	2177-2197	AAGUUAGGUGAAAAGGUGUCU	1241	2175-2197
AD-519616.1	CCACCUUCCAGUUUUUC	1152	1582-1602	AUGAAAAACUGGGAAAGGUGGAG	1242	1580-1602
AD-518655.1	CAGGUCCUCUCAGAUUUUU	1153	372-392	AACAAGAUUCUGAGAGGACCU	1243	370-392
AD-519617.1	CACCUUCCAGUUUUUC	1154	1583-1603	AGUGAAAAACUGGGAAAGGUGGA	1244	1581-1603
AD-519307.1	AAAGACAAAGGUGGAUACAUU	1155	1170-1190	AAUGUAUCCACCUUUGUCUUUCA	1245	1168-1190
AD-520065.3	UUUUUACCUAACUAAAAU	1156	2183-2203	AUAUUUAGUUAGGUGAAAAAGG	1246	2181-2203
AD-519323.1	AUGAGCAAGAUUUGCAACUUU	1157	1188-1208	AAAGUUGCAAAUCUUGCUCU	1247	1186-1208
AD-519331.1	AUUUGCAACUUGCUACCCAUU	1158	1197-1217	AAUGGGUAGCAAGUUGCAAAUCU	1248	1195-1217
AD-518922.1	GACAACGUACCCUUCAUUGAU	1159	684-704	AUCAAUGAAGGGUACGUUGUCAC	1249	682-704
AD-519339.1	UUGCUACCAUUAAGGAUAUU	1160	1206-1226	AAUUUAUCCUAAUGGGUAGCAAGU	1250	1204-1226
AD-67552.2	UGCCUUCGAGGAUUAUUUGGAU	1161	885-905	AUCCAAUAUCCUCGAAGGCCAU	1251	883-905
AD-519756.1	GCUGAGUUGGUUUUAUGAAU	1162	1745-1765	AUUUCAUAAAACCAACUCAGCUC	1252	1743-1765
AD-519333.1	UUGCAACUUGCUACCCAUUAU	1163	1199-1219	AUAAUGGGUAGCAAGUUGCAAAU	1253	1197-1219
AD-519612.1	CUCUCCACCUUCCAGUUUU	1164	1578-1598	AAAACUGGGAAAGGUGGAGAGCC	1254	1576-1598
AD-519762.1	UUGGUUUUAUGAAAAGCUAGU	1165	1751-1771	ACUAGCUUUUCAUAAAACCAACU	1255	1749-1771
AD-75265.3	CAUGAGCAAGAUUUGCAAUU	1166	1187-1207	AAGUUGCAAAUCUUGCUCUAUGA	1256	1185-1207
AD-67554.5	UCUGAGCUGAGUUGGUUUUAU	1167	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAGAGG	1257	1738-1760
AD-518928.1	GUACCCUUCAUUGAUGCCAAU	1168	690-710	AUUGGCAUCAAUGAAGGGUAUCG	1258	688-710
AD-519578.1	GUCCAGCCUGAACUUCUUUU	1169	1526-1546	AAGAAGAAGUUCAGGCUGGACCU	1259	1524-1546
AD-75277.3	CUUGCUACCAUUAAGGAUUAU	1170	1205-1225	AUUUAUCCUAAUGGGUAGCAAUGU	1260	1203-1225
AD-519317.1	UGGAUACAUGAGCAAGAUUUU	1171	1181-1201	AAAAUCUUGCUCUAGUAUCCACC	1261	1179-1201
AD-67581.5	CCUAUUAAUGGUCAGACUGUU	1172	1900-1920	AACAGUCUGACCAUUAUAGGGC	1262	1898-1920
AD-519753.1	UGAGCUGAGUUGGUUUUAUGU	1173	1742-1762	ACAUAAAACCAACUCAGCUCAGA	1263	1740-1762
AD-518701.1	AUCUUCCAUCCAUCUUAUAU	1174	420-440	AUUGAAGGAUGGAUGGAAGAUGC	1264	418-440
AD-519752.1	CUGAGCUGAGUUGGUUUUAU	1175	1741-1761	AAUAAAACCAACUCAGCUCAGAG	1265	1739-1761
AD-519328.1	CAAGAUUUGCAACUUGCUACU	1176	1193-1213	AGUAGCAAGUUGCAAAUCUUGCU	1266	1191-1213
AD-519322.1	ACAUGAGCAAGAUUUGCAACU	1177	1186-1206	AGUUGCAAAUCUUGCUCUAGUAU	1267	1184-1206
AD-519911.1	CUAUUAAUGGUCAGACUGUUU	1178	1901-1921	AAACAGUCUGACCAUUAUAAGGG	1268	1899-1921
AD-519029.1	AGGGAACCUUACCUUCUUCU	1179	821-841	AAGAGAAGGUAGAGGUUCCUGU	1269	819-841

AD-519913.1	AUUA AUGGUCAGACUGUU CCU	1180	1903-1923	AGGAACAGUCUGACCAUUA UAG	1270	1901-1923
AD-518924.1	CAACGUACCCUUC AUUGA UGU	1181	686-706	ACAUCAUGAAGGGUACGUU GUC	1271	684-706
AD-519766.1	UUUAUGAAAAGCUAGGA AGU	1182	1755-1775	ACUCCUAGCUUUUCAUAAA ACC	1272	1753-1775
AD-519069.1	UAUGCCUUCGAGGAUAUU UGU	1183	883-903	ACAAAUAUCCUCGAAGGCAU AUC	1273	881-903
AD-519614.1	CUCCACCUUCCAGUUUU UU	1184	1580-1600	AAAAAACUGGGAAAGGUGGA GAG	1274	1578-1600
AD-519618.1	ACCUUCCAGUUUUUCA CUU	1185	1584-1604	AAGUGAAAAACUGGGAAAGG UGG	1275	1582-1604
AD-519326.1	AGCAAGAUUGCAACUUG CUU	1186	1191-1211	AAGCAAGUUGCAAUCUUGC UCA	1276	1189-1211
AD-518920.1	GUGACAACGUACCCUUCA UUU	1187	682-702	AAAUGAAGGGUACGUUGUCA CUC	1277	680-702
AD-519760.1	AGUUGGUUUUAUGAAAAG CUU	1188	1749-1769	AAGCUUUUCAUAAAACCAAC UCA	1278	1747-1769
AD-518813.1	CGUUCUGGUGUCUGACUU UCU	1189	551-571	AGAAAGUCAGACACCAGAAC GUU	1279	549-571
AD-519396.1	UCUGCCAUUGCGAUUGUC CAU	1190	1263-1283	AUGGACAAUCGCAAUGGCAG AUU	1280	1261-1283
AD-519935.1	CAUGAGGUUCUAGAAUG ACU	1191	1925-1945	AGUCAUUCUAGAACCUCAU GCU	1281	1923-1945
AD-519758.1	UGAGUUGGUUUUAUGAAA AGU	1192	1747-1767	ACUUUUCUAAAACCAACUC AGC	1282	1745-1767
AD-518831.1	CGGUCCAAGACGAAGUC GUU	1193	570-590	AACGACUUCGUCUUUGGACC GAA	1283	568-590
AD-518923.1	ACAACGUACCCUUC AUUG AUU	1194	685-705	AAUCAAUGAAGGGUACGUUG UCA	1284	683-705
AD-519755.2	AGCUGAGUUGGUUUUAUG AAU	1195	1744-1764	AUUCUAAAACCAACUCAGC UCA	1285	1742-1764
AD-520116.1	UGUGAAUCAGUGAGAUGU UAU	1196	2265-2285	AUAACUUCACUGAUUCAC AUA	1286	2263-2285
AD-519093.1	AUUCAGGUUCUUGGAAGA GAU	1197	908-928	AUCUCUCCAAGAACCUGAA UGC	1287	906-928
AD-67588.2	AACGUUCUGGUGUCUGAC UUU	1198	549-569	AAAGUCAGACACCAGAACGU UUU	1288	547-569
AD-519754.3	GAGCUGAGUUGGUUUUAU GAU	1199	1743-1763	AUCAUAAAACCAACUCAGCU CAG	1289	1741-1763
AD-519308.1	AAGACAAAGGUGGAUACA UGU	1200	1171-1191	ACAUGAUCCACCUUGUCU UUC	1290	1169-1191
AD-519759.1	GAGUUGGUUUUAUGAAA GCU	1201	1748-1768	AGCUUUUCAUAAAACCAACU CAG	1291	1746-1768
AD-519763.1	UGGUUUUAUGAAAAGCUA GGU	1202	1752-1772	ACCUAGCUUUUCAUAAAACC AAC	1292	1750-1772
AD-519327.1	GCAAGAUUUGCAACUUGC UAU	1203	1192-1212	AUAGCAAGUUGCAAUCUUG CUC	1293	1190-1212
AD-519761.1	GUUGGUUUUAUGAAAAGC UAU	1204	1750-1770	AUAGCUUUUCAUAAAACCAA CUC	1294	1748-1770
AD-518702.1	UCUCCAUCUCCUUCUCAA CU	1205	421-441	AGUUGAAGGAUGGAUGGAAG AUG	1295	419-441
AD-519094.1	UUCAGGUUCUUGGAAGAG AAU	1206	909-929	AUUCUCUCCAAGAACCUGA AUG	1296	907-929
AD-518832.1	GGUCCAAGACGAAGUCG UGU	1207	571-591	ACACGACUUCGUCUUUGGAC CGA	1297	569-591
AD-519767.1	UUUAUGAAAAGCUAGGAA GCU	1208	1756-1776	AGCUUCCUAGCUUUUCAUAA AAC	1298	1754-1776
AD-518917.1	UGAGUGACAACGUACCCU UCU	1209	679-699	AGAAGGGUACGUUGUCACUC ACU	1299	677-699
AD-518988.1	CUUCAUGUGGACAUCACC AAU	1210	780-800	AUUGGUGAUGUCCACAUGAA GAA	1300	778-800
AD-519305.1	UGAAAGACAAAGGUGGAU ACU	1211	1168-1188	AGUAUCCACCUUUGUCUUUC AUU	1301	1166-1188
AD-519613.1	UCUCCACCUUCCAGUUU UU	1212	1579-1599	AAAAACUGGGAAAGGUGGAG AGC	1302	1577-1599
AD-519121.1	CCUGAAGUCAUCCUCAGA AGU	1213	956-976	ACUUCUGAGGAUGACUUCAG GCC	1303	954-976

AD-519095.1	UCAGGUUCUUGGAAGAGAAGU	1214	910-930	ACUUCUCUCCAAGAACCUGAAU	1304	908-930
AD-518982.1	AACUUUCUUAUGUGGACAUU	1215	774-794	AAUGUCCACAUGAAGAAAGUUCG	1305	772-794
AD-519096.1	CAGGUUCUUGGAAGAGAAAGU	1216	911-931	ACCUUCUCUCCAAGAACCUGAA	1306	909-931
AD-518986.1	UUCUUAUGUGGACAUCAACCU	1217	778-798	AGGUGAUGUCCACAUGAAGAAAG	1307	776-798
AD-518921.1	UGACAACGUACCCUUAUUGU	1218	683-703	ACAAUGAAGGGUACGUUGUCACU	1308	681-703
AD-518985.1	UUUCUUAUGUGGACAUCACU	1219	777-797	AGUGAUGUCCACAUGAAGAAAGU	1309	775-797
AD-518984.1	CUUUCUUAUGUGGACAUCAU	1220	776-796	AUGAUGUCCACAUGAAGAAAGUU	1310	774-796
AD-519325.1	GAGCAAGAUUUGCAACUUGCU	1221	1190-1210	AGCAAGUUGCAAAUCUUGUCU	1311	1188-1210
AD-518812.1	ACGUUCUGGUGUCUGACUUU	1222	550-570	AAAAGUCAGACACCAGAACGUUU	1312	548-570
AD-518987.1	UCUUAUGUGGACAUCACCAU	1223	779-799	AUGGUGAUGUCCACAUGAAGAAA	1313	777-799
AD-518958.1	CAUCUGCCCUAAAGUCAAGUU	1224	749-769	AACUUGACUUUAGGGCAGAU	1314	747-769
AD-67572.2	UUCUUUCAGAGGUGCUAAAGU	1225	1647-1667	ACUUUAGCACCUCUGAAAGAU	1315	1645-1667
AD-518980.1	CGAACUUUCUUAUGUGGACU	1226	772-792	AGUCCACAUGAAGAAAGUUCGUG	1316	770-792
AD-519070.1	AUGCCUUCGAGGAUAUUUGGU	1227	884-904	ACCAAUAUCCUCGAAGGCAUAU	1317	882-904
AD-518925.1	AACGUACCCUUAUGAUUGCU	1228	687-707	AGCAUCAUGAAGGGUACGUUGU	1318	685-707
AD-518981.1	GAACUUUCUUAUGUGGACAU	1229	773-793	AUGUCCACAUGAAGAAAGUUCGU	1319	771-793

Таблица 9. Модифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SE Q ID NO:	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SE Q ID NO:	целевая последовательность мРНК от 5' до 3'	SE Q ID NO:
AD-520062.3	ascscuuuUfuCfAfCfuaacuaaaa uL96	132 0	asUfsuuuGfuUfAfggggAfaAfaaggusgsu	141	ACACCUUUUUUACCCUAAACU AAAA	150 0
AD-520060.1	ascscuuuUfuUfUfCfuaacuaaaa uL96	132 1	asUfsaguUfaGfGfugaaAfaAfgggususc	141	GAACACCUUUUUUACCCUAA CUAA	150 1
AD-520064.3	csusuuuuCfaCfCfUfaacuaaaa uL96	132 2	asAfsuuuUfaGfUfuaggUfgAfaaaagsgsu	141	ACCUUUUUUACCCUAAACUAA AAUA	150 2
AD-518983.1	ascsuuuuUfuCfAfUfgggacauc uL96	132 3	asGfsaugUfcCfAfaugAfaGfaaagsusc	141	GAACUUUUUUAUGUGGAC AUCA	150 3
AD-520061.1	csascuuuUfuUfCfAfcuaacuaaaa uL96	132 4	asUfsuagUfuAfgfugaAfaAfaaggususu	141	AACACCUUUUUUACCCUAA UAAA	150 4
AD-520063.2	cscsuuuuUfcAfcCfuaacuaaaa uL96	132 5	asUfsuuuAfgUfUfagguGfaAfaaagsusg	141	CACCUUUUUUACCCUAAACU AAAU	150 5
AD-519615.1	uscscaccUfuUfCfCfaguuuuuc uL96	132 6	asGfsaaaAfaCfUfgggaAfaGfgggasgsa	141	UCUCCACCUUUUCCAGUUU UUCA	150 6
AD-519757.1	csusgaguUfgGfUfUfuuuugaaaa uL96	132 7	asUfsuuuCfaUfAfaaacCfaAfcucagscsu	141	AGCUGAGUUGGUUUUAUG AAAAG	150 7
AD-519329.1	asasgaguUfgCfAfAfcuugcuacc uL96	132 8	asGfsguaGfcAfaAfguugCfaAfaucusgsc	141	GCAAGAUUUGCAACUUGCU ACCC	150 8
AD-519324.1	usgsagcaAfgAfUfUfugcaacuug uL96	132 9	asCfsaagUfuGfCfaaauCfuUfgcucasusg	141	CAUGAGCAAGAUUUGCAAC UUGC	150 9
AD-518811.1	asascguUfcUfGfGfugucugacu uL96	133 0	asAfsguuAfgAfcaccaGfaAfcguuususc	142	GAAAACGUUCUGGUGUCU GACUU	151 0
AD-520059.1	asascaccUfuUfUfUfcaccuaacu uL96	133 1	asAfsguuAfgGfUfgaaaAfaGfgguuscsu	142	AGAACACCUUUUUUACCCU ACUA	151 1
AD-519616.1	cscsaccuUfuCfCfCfaguuuuuca uL96	133 2	asUfsgaaAfaAfcfuggAfaAfggggsasg	142	CUCCACCUUCCAGUUUU UCAC	151 2
AD-518655.1	csasggucCfuCfUfcfagaucuuugu uL96	133 3	asAfscaaGfaUfcfugagAfgGfaccuscsa	142	UGCAGGUCCUCAGAUUCU UGUG	151 3
AD-519617.1	csascuuUfcCfCfAfguuuuucac uL96	133 4	asGfsugaAfaAfaAfcuugGfaAfaaggusgsa	142	UCCACCUUCCAGUUUU CACU	151 4

AD-519307.1	asasagacAfaAFgFgFgguacau uL96	133 5	asAfsuguAfuFCfaccuUfuGfucuuuscsa	142 5	UGAAAGACAAAGGUGGAU ACAUG	151 5
AD-520065.3	ususuuicAfcCfUfAfacuaaaaau uL96	133 6	asUfsauuUfuAFgFuuagGfuGfaaaaasgsg	142 6	CCUUUUUACACCUAACUAAA AUAA	151 6
AD-519323.1	asusgagcAfaGfAFfuugcaacu uL96	133 7	asAfsaguUfgCfAfaucUfuGfcucausgsu	142 7	ACAUGAGCAAGAUUUGCA ACUUG	151 7
AD-519331.1	asuuugcAfaCfUfUfgcuacccau uL96	133 8	asAfsuggGfuAFgCfaagUfuGfcaaauscsc	142 8	AGAUUUGCAACUUGCUACC CAUU	151 8
AD-518922.1	gsascaacGfuAFcFcfuucuuuaga uL96	133 9	asUfscaaUfgAFfAgggguAfcGfuuguscasc	142 9	GUGACAACGUACCCUUCAU UGAU	151 9
AD-519339.1	usugcuaCfcCfAFfuaggauau uL96	134 0	asAfsuuaUfcCfUfaaugGfgUfagcaasgsu	143 0	ACUUGCUACCCAUUAGGAU AAUG	152 0
AD-67552.2	usgsccuuCfGfGfGfaauuugga uL96	134 1	asUfsccaAfaUfAfuuccCfGfaggecasusa	143 1	UAUGCCUUCGAGGAUAAU UGGAU	152 1
AD-519756.1	gscsugagUfuGfGfUfuuuuugaaa uL96	134 2	asUfsuucAfuAFaAfaaccAfaCfucagcsusc	143 2	GAGCUGAGUUGGUUUUAU GAAAA	152 2
AD-519333.1	usugcuaCfUfGfCfuacccauua uL96	134 3	asUfsaaUGfgGfUfagcaAfgUfugcaasasu	143 3	AUUUGCAACUUGCUACCCA UUAG	152 3
AD-519612.1	csuscuccAfcCfUfUfuccaguuu uL96	134 4	asAfsaacUfgGfGfaaagGfuGfgagagscsc	143 4	GGCUCUCCACCUUCCAG UUUU	152 4
AD-519762.1	usugsguuUfuAFUfGfaaaagcuag uL96	134 5	asCfsuagCfuUfUfucuuAfaAfaaccaascsc	143 5	AGUUGGUUUUAUGAAAAA GAGG	152 5
AD-75265.3	csasugagCfaAFGfAFuuugcaacu uL96	134 6	asAfsuguGfcAFfaucUfGfCfucagsusa	143 6	UACAUGAGCAAGAUUUGC AACUU	152 6
AD-67554.5	uscugagCfuGfAFGfuuuguuuu uL96	134 7	asUfsaaaAfcCfAfaucAfgCfucagagsg	143 7	CCUCUGAGCUGAGUUGGU UUUU	152 7
AD-518928.1	gsusaccUfuCfAFUfugaugccaa uL96	134 8	asUfsuggCfaUfCfaaugAfaGfgguacsusu	143 8	ACGUACCCUUCAUUGAUGC CAAA	152 8
AD-519578.1	gsuscagCfcUfGfAFacuucuuu uL96	134 9	asAfsгааGfaAFGfuucaGfgCfugacsusc	143 9	AGGUCCAGCCUGAACUUU UCUU	152 9
AD-75277.3	csusugcAfcCfCfAFuuaggauaa uL96	135 0	asUfsuauCfcUfAfauggGfuAFgcaagsusu	144 0	AACUUGCUACCCAUUAGGA UAAU	153 0
AD-519317.1	usgsgauaCfaUfGfAFgcaaguuu uL96	135 1	asAfsaaUfuUfGfcaUfgUfauccascsc	144 1	GGUGGAUACAUGAGCAAG AUUUG	153 1
AD-67581.5	csesuauuAfaUfGfGfcagacugu uL96	135 2	asAfsagUfcUfGfaccuUfuAfauggsgsc	144 2	GCCCUAUUAAUGGUCAGAC UGUU	153 2
AD-519753.1	usgsagcuGfaGfUfUfguuuuuu uL96	135 3	asCfsauuAfaAFcfaaccUfcAfgcucagsusa	144 3	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAUGA	153 3
AD-518701.1	asuscuccCfaUfCfCfaccuucuaa uL96	135 4	asUfsugaAfgGfAfaugUfgGfaaagsgsc	144 4	GCAUCUCCAUCUACCCU CAAC	153 4
AD-519752.1	csusgagcUfgAFGfUfuguuuuua uL96	135 5	asAfsuuaAfaCfCfaucCfaGfcucagsasg	144 5	CUCUGAGCUGAGUUGGU UUAUG	153 5
AD-519328.1	csasagauUfuGfCfAFacuucua uL96	135 6	asGfsuagCfaAFGfuugcAfaAfuucagsusc	144 6	AGCAAGAUUUGCAACUUGC UACC	153 6
AD-519322.1	ascsaugaGfcAFfGfuuuugcaac uL96	135 7	asGfsuugCfaAFafucuuGfcUfcaugusasu	144 7	AUACAUGAGCAAGAUUUG CAACU	153 7
AD-519911.1	csusauuAfaUfGfUfGfcagacuuu uL96	135 8	asAfsacaGfuCfUfgaccAfuUfaauggsgsg	144 8	CCCUAUUAAUGGUCAGACU GUUC	153 8
AD-519029.1	asgsggaaCfcUfCfUfaccuucuu uL96	135 9	asAfsagAfaGfGfuagaGfgUfuccusgsu	144 9	ACAGGGAACCUUACCCU UCUC	153 9
AD-519913.1	asusuuauGfUfCfAFgacuuucc uL96	136 0	asGfsgaaCfaGfUfucuaCfcAfuuaasasg	145 0	CUAUUAAUGGUCAGACUG UCCA	154 0
AD-518924.1	csasagcuAfcCfCfUfucuuuugau uL96	136 1	asCfsaucAfaUfGfaaggGfuAfcguugsusc	145 1	GACAACGUACCCUUCAUUG AUGC	154 1
AD-519766.1	ususuuauGfaAFfAFgcuaggaa uL96	136 2	asCfsuucCfuAFGfcuuUfcAfuuaascsc	145 2	GGUUUUAUGAAAAGCUAG GAAGC	154 2
AD-519069.1	usasugccUfuCfGfAFggaauuug uL96	136 3	asCfsaaaUfaUfCfucgAfaGfgcauasusc	145 3	GAUAUGCCUUCGAGGAUA UUUGG	154 3
AD-519614.1	csusccacCfuUfUfCfcaguuuuu uL96	136 4	asAfsaaaAfcUfGfgaaAfgGfugagsasg	145 4	CUCUCCACCUUCCAGUU UUUC	154 4
AD-519618.1	ascscuuCfcCfAFfuuuuuacuu uL96	136 5	asAfsugAfaAFafacugGfgAfaaggsgsg	145 5	CCACCUUCCAGUUUUUC ACUA	154 5
AD-519326.1	asgscaagAfuUfUfGfcauugcu uL96	136 6	asAfsagcaAfgUfUfgcaAfuCfuugcuscsc	145 6	UGAGCAAGAUUUGCAACU UGCUA	154 6
AD-518920.1	gsusgacaAfcGfUfAFccuucuu uL96	136 7	asAfsaugAfaGfGfucgGfuUfgucacsusc	145 7	GAGUGACAACGUACCCUUC AUUG	154 7
AD-519760.1	asgsuuggUfuUfUfAfuuaaagcu uL96	136 8	asAfsagcuUfuUfCfaaaAfaCfaacuscsc	145 8	UGAGUUGGUUUUAUGAAA AGCUA	154 8

AD-518813.1	csgsuucuGfgUfGfUfcugacuuc uL96	136 9	asGfsaaaGfuCfAfgacaCfcAfgaacgsusu	145 9	AACGUUCUGGUGUCUGACU UUCG	154 9
AD-519396.1	uscugccAfuUfGfCfauugucca uL96	137 0	asUfsggaCfaAfUfccaAfuGfgcagassusu	146 0	AAUCUGCCAUAUGCGAUUGU CCAG	155 0
AD-519935.1	csasugagGfuUfCfUfuagaugac uL96	137 1	asGfsucaUfuCfUfaagaAfcCfucaugscsu	146 1	AGCAUGAGGUUCUUAGAA UGACA	155 1
AD-519758.1	usgsaguuGfgUfUfUfuuaaaaag uL96	137 2	asCfsuuUfcAfUfaaaaCfcAfacucasgsc	146 2	GCUGAGUUGGUUUUAUGA AAAGC	155 2
AD-518831.1	csgsguccAfaAfGfAfcgaagucgu uL96	137 3	asAfscaCfuUfCfugcuUfuGfgaccgsasa	146 3	UUCGGUCCAAAGACGAAGU CGUG	155 3
AD-518923.1	ascsaacGfUfCfCfUfcauugau uL96	137 4	asAfsucaAfuGfAfaaggUfaCfuguuscasa	146 4	UGACAACGUACCCUUCAUU GAUG	155 4
AD-519755.2	asgscugaGfuUfGfGfuuuuuagaa uL96	137 5	asUfsucaUfaAfaaccaAfcUfcagucscsa	146 5	UGAGCUGAGUUGGUUUUA UGAAA	155 5
AD-520116.1	usgsugaaUfcAfGfUfgagauua uL96	137 6	asUfsaacAfuCfUfcauGfaUfucacasusa	146 6	UAUGUAAAUCAGUGAGAU GUUAG	155 6
AD-519093.1	asusucagGfuUfCfUfugaaagaga uL96	137 7	asUfscucUfuCfCfaagaAfcCfugaauusc	146 7	GCAUUCAGGUUCUUGGAA GAGAA	155 7
AD-67588.2	asascguuCfuGfGfUfgucugacu uL96	137 8	asAfsaguCfaGfAfcaccAfgAfacuususu	146 8	AAAACGUUCUGGUGUCUG ACUUU	155 8
AD-519754.3	gsascugAfgUfUfGfguuuuuag auL96	137 9	asUfscauAfaAfaaccaCfUfcagucscasg	146 9	CUGAGCUGAGUUGGUUUU AUGAA	155 9
AD-519308.1	asagacaAfaGfGfUfgauacaug uL96	138 0	asCfsaugUfaUfCfaccUfuUfgucuuusc	147 0	GAAAGACAAAGGUGGAUA CAUGA	156 0
AD-519759.1	gsasguuGfuUfUfUfaugaaaagc uL96	138 1	asGfscuuUfuCfAfaaaaAfcCfaacucscasg	147 1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAGCU	156 1
AD-519763.1	usgsuuuUfaUfGfAfaagcuagg uL96	138 2	asCfsucaGfcUfUfucaUfaAfaaccasasc	147 2	GUUGGUUUUAUGAAAAGC UAGGA	156 2
AD-519327.1	gscsaagaUfuUfGfCfaaucguca uL96	138 3	asUfsagcAfaGfUfugaAfaUfcuucscusc	147 3	GAGCAAGAUUUGCAACUU GCUAC	156 3
AD-519761.1	gsusuguUfuUfAfuUfgaaaagcua uL96	138 4	asUfsagcUfuUfUfcauaAfaAfcacscusc	147 4	GAGUUGGUUUUAUGAAAA GCUAG	156 4
AD-518702.1	uscuuuccAfuCfCfAfuccuacaac uL96	138 5	asGfsuugAfaGfGfauggAfuGfgaagasusg	147 5	CAUCUCCAUCCAUCCUUC AAUC	156 5
AD-519094.1	ususcaggUfuCfUfUfgaagagaa uL96	138 6	asUfsucuCfuUfCfcaagAfaCfcugaasusg	147 6	CAUCAGGUUCUUGGAAG AGAAG	156 6
AD-518832.1	gsgsuccaAfaGfAfcfaagucgug uL96	138 7	asCfsagcAfcUfUfucgUfuUfgaccsgsa	147 7	UCGGUCCAAAGACGAAGUC GUGG	156 7
AD-519767.1	usuuuugAfaAfaGfGfUfaagaaagc uL96	138 8	asGfscuuCfcUfAfgcuUfuCfaaaaasasc	147 8	GUUUUAUGAAAAGCUAGG AAGCA	156 8
AD-518917.1	usgsagugAfcAfaCfUgacccuuc uL96	138 9	asGfsaagGfgUfAfcguUfuCfucacscsu	147 9	AGUGAGUACAACGUACCC UUCA	156 9
AD-518988.1	csusucaGfuGfGfAfaucaccaa uL96	139 0	asUfsuugUfgAfuUfguccAfcAfuugaasasa	148 0	UUCUUAUGUGGACAUCAC CAAG	157 0
AD-519305.1	usgsaaagAfcAfaAfguggauac uL96	139 1	asGfsuauCfcAfcfuuUfuCfuuucasusu	148 1	AAUGAAAGACAAAGGUGG AUACA	157 1
AD-519613.1	uscuccaCfcUfUfUfccaguuuu uL96	139 2	asAfsaaaCfuGfGfgaaaGfgUfgagagsgsc	148 2	GCUCUCCACUUUCCAGU UUUU	157 2
AD-519121.1	cscsugaaGfuCfAfuUfccuagaag uL96	139 3	asCfsuucUfgAfgfgaugAfcUfucagsgscsc	148 3	GGCCUGAAGUCAUCCUCAG AAGG	157 3
AD-519095.1	uscagguUfcUfUfGfgaagagaag uL96	139 4	asCfsuucUfcUfUfccaaGfaAfcugagasusu	148 4	AUUCAGGUUCUUGGAAGA GAAGG	157 4
AD-518982.1	asascuuCfuUfCfAfuugagacau uL96	139 5	asAfsuguCfcAfcfaugaAfgAfaaguuscsg	148 5	CGAACUUUCUAUGUGGA CAUC	157 5
AD-519096.1	csasguuUfuUfGfGfaagagaag uL96	139 6	asCfscuuCfuUfUfuccaAfgAfacucgsasa	148 6	UUCAGGUUCUUGGAAGAG AAGGG	157 6
AD-518986.1	usucuucAfuGfUfGfgacacacc uL96	139 7	asGfsgugAfuGfUfccacAfuGfaagaasag	148 7	CUUUCUUAUGUGGACAUC ACCA	157 7
AD-518921.1	usgsacaaCfGfUfAfcfcuauug uL96	139 8	asCfsaauGfaAfgfguaCfUfugucscsu	148 8	AGUGACAACGUACCCUUCA UUGA	157 8
AD-518985.1	usuuuucfUfUfGfgacacac uL96	139 9	asGfsugaUfgUfCfcaUfgAfaagaasgsu	148 9	ACUUUCUUAUGUGGACAU CACC	157 9
AD-518984.1	csusuucUfcAfuUfGfgacacau uL96	140 0	asUfsgauGfuCfCfcauGfaAfgaaagsusu	149 0	AACUUUCUUAUGUGGACA UCAC	158 0
AD-519325.1	gsasgcaaGfaUfUfGfcaacuugc uL96	140 1	asGfscaaGfuUfGfcaaaUfcUfugucscasu	149 1	AUGAGCAAGAUUUGCAAC UUGCU	158 1
AD-518812.1	ascsguucUfgGfUfGfucugacuuu uL96	140 2	asAfsaagUfcAfgfacacCfaGfaacgususu	149 2	AAACGUUCUGGUGUCUGAC UUUC	158 2
AD-518987.1	uscuuucaUfgUfGfGfacaucacca uL96	140 3	asUfsgguGfaUfGfuccaCfaUfgaagasasa	149 3	UUUCUUAUGUGGACAUCA CCAA	158 3
AD-518958.1	csasucugCfcUfUfAfaagucaagu uL96	140 4	asAfsuuGfaCfUfuugGfgCfagaugsusc	149 4	GACAUUCGCCUAAAGUCA AGUC	158 4
AD-67572.2	usucuucfAfaGfAfgfgucuaaag uL96	140 5	asCfsuuUfgCfAfcuccUfgAfaagaasusc	149 5	GAUUCUUUCAGAGGUGCU AAAGU	158 5
AD-518980.1	csgsaacuUfuCfUfUfcaugggac uL96	140 6	asGfsuccAfcAfuUfgaagAfaAfguucgsusg	149 6	CACGAACUUUCUUAUGUG GACA	158 6
AD-519070.1	asusgcuUfcGfAfgGfauuuugg uL96	140 7	asCfscaaAfuUfUfccuGfaAfggcausasu	149 7	AUAUGCCUUCGAGGAUUA UUGGA	158 7
AD-518925.1	asascguaCfcUfUfcauugauc uL96	140 8	asGfscauUfaUfUfgaagGfgUfacguusgsu	149 8	ACAACGUACCCUUAUUGA UGCC	158 8
AD-518981.1	gsasacuUfcUfUfcaugggaca uL96	140 9	asUfsgucCfaCfAfuugaGfaAfauguucgsu	149 9	ACGAACUUUCUUAUGUGG ACAU	158 9

Таблица 10. Немодифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название Дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции
AD-521086.1	ACAGGGAACCCUACCUU U	1590	819-837	AAAGGUAGAGGUUCCUG U	1626	819-837
AD-805632.1	ACAGGGAACCCUACCUU U	1591		AAAGGUAGAGGUUCCUG U	1627	
AD-805644.1	ACAGGGAACCCUACCUU U	1592		AAAGGUAGAGGUUCCUG U	1628	
AD-521465.1	CCAUUGCGAUUGUCCAGA U	1593	1267-1285	AUCUGGACAAUCGCAAUG G	1629	1267-1285
AD-805631.1	CCAUUGCGAUUGUCCAGA U	1594		AUCUGGACAAUCGCAAUG G	1630	
AD-805643.1	CCAUUGCGAUUGUCCAGA U	1595		AUCUGGACAAUCGCAAUG G	1631	
AD-520902.1	CGAAGUCGUGGAUGCCUU U	1596	581-599	AAAGGCAUCCACGACUUC G	1632	581-599
AD-805634.1	CGAAGUCGUGGAUGCCUU U	1597	2182-2200	AAAGGCAUCCACGACUUC G	1633	2182-2200
AD-805646.1	CGAAGUCGUGGAUGCCUU U	1598		AAAGGCAUCCACGACUUC G	1634	
AD-522140.1	CUUUUCACCUAACUAAA U	1599		AUUUAGUUAGGUGAAAA AG	1635	
AD-805635.1	CUUUUCACCUAACUAAA U	1600	2182-2200	AUUUAGUUAGGUGAAAA AG	1636	2182-2200
AD-805647.1	CUUUUCACCUAACUAAA U	1601		AUUUAGTUAGGUGAAAA AG	1637	
AD-520903.1	GAAGUCGUGGAUGCCUUG U	1602	582-600	ACAAGGCAUCCACGACUUC C	1638	582-600
AD-805628.1	GAAGUCGUGGAUGCCUUG U	1603		ACAAGGCAUCCACGACUUC C	1639	
AD-805640.1	GAAGUCGUGGAUGCCUUG U	1604		ACAAGGCAUCCACGACUUC C	1640	
AD-520973.1	GAGUGAGUGACAACGUAC U	1605	676-694	AGUACGUUGUCACUCACU C	1641	676-694
AD-805625.1	GAGUGAGUGACAACGUAC U	1606		AGUACGUUGUCACUCACU C	1642	
AD-805637.1	GAGUGAGUGACAACGUAC U	1607		AGUACGTUGUCACUCACU C	1643	
AD-521129.1	GAUAUGCCUUCGAGGAUA U	1608	881-899	AUAUCCUCGAGGCAUAU C	1644	881-899
AD-805630.1	GAUAUGCCUUCGAGGAUA U	1609		AUAUCCUCGAGGCAUAU C	1645	
AD-805642.1	GAUAUGCCUUCGAGGAUA U	1610		AUAUCCTCGAGGCAUAU C	1646	
AD-521124.1	GGAGAGUAUGCCUUCGA U	1611	876-894	AUCGAAGGCAUAUCUCUC C	1647	876-894
AD-805626.1	GGAGAGUAUGCCUUCGA U	1612		AUCGAAGGCAUAUCUCUC C	1648	
AD-805638.1	GGAGAGUAUGCCUUCGA U	1613		AUCGAAGGCAUAUCUCUC C	1649	
AD-521420.1	GGAAUUGUCUUAUGUA AU	1614	1219-1237	AUUACAUAAGACAUAUAUC C	1650	1219-1237
AD-805624.1	GGAAUUGUCUUAUGUA AU	1615		AUUACAUAAGACAUAUAUC C	1651	
AD-805636.1	GGAAUUGUCUUAUGUA AU	1616		AUUACATAAGACAUAUAUC C	1652	
AD-521840.1	GGUUUUUUGAAAAGCUA GU	1617	1753-1771	ACUAGCUUUUCAUAAAAC C	1653	1753-1771
AD-805629.1	GGUUUUUUGAAAAGCUA GU	1618		ACUAGCUUUUCAUAAAAC C	1654	
AD-805641.1	GGUUUUUUGAAAAGCUA GU	1619		ACUAGCTUUUCAUAAAAC C	1655	
AD-521409.1	UGCACCCAUUAGGAUAA U	1620	1207-1225	AUUAUCCUAAUGGGUAGC A	1656	1207-1225
AD-805633.1	UGCACCCAUUAGGAUAA U	1621		AUUAUCCUAAUGGGUAGC A	1657	
AD-805645.1	UGCACCCAUUAGGAUAA U	1622		AUUAUCCUAAUGGGUAGC A	1658	
AD-521486.1	UGGUGACAUGGCUUCCAG U	1623	1288-1306	ACUGGAAGCCAUGUCACC A	1659	1288-1306
AD-805627.1	UGGUGACAUGGCUUCCAG U	1624		ACUGGAAGCCAUGUCACC A	1660	
AD-805639.1	UGGUGACAUGGCUUCCAG U	1625		ACUGGAAGCCAUGUCACC A	1661	

Таблица 11. Модифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность	SEQ ID NO:	Антисмысловая последовательность	SEQ ID NO:	целевая последовательность мРНК	SEQ ID NO:
AD-521086.1	ACAGGGAACCCUACCUUd	1662	AAAGGUAGAGGUCCUGd	1698	ACAGGGAACCCUACCUUC	1734
AD-805632.1	ascagggAfaCfCfUfcauuuL96	1663	asAfsaggUfagagguCfcCfugu	1699		
AD-805644.1	ascagggAfaCfCfUfcauuuL96	1664	asAfsaggUf(Agn)gagguCfcCfugu	1700		
AD-521465.1	CCAUUGCGAUUGUCCAGAUd	1665	AUCUGGACAAUCGCAUUGGdT	1701	CCAUUGCGAUUGUCCAGAG	1735
AD-805631.1	cscsauugCfGfAfUfUfguccagauL96	1666	asUfscugGfacaucGfAfaUfugg	1702		
AD-805643.1	cscsauugCfGfAfUfUfguccagauL96	1667	asUfscugGf(Agn)caaucGfAfaUfugg	1703		
AD-520902.1	CGAAGUCGUGGAUGCCUUd	1668	AAAGGCAUCCACGACUUCGdT	1704	CGAAGUCGUGGAUGCCUUG	1736
AD-805634.1	csagaugCfGfUfGfGfagccuuuL96	1669	asAfsaggCfauccacGfAfaUfugg	1705		
AD-805646.1	csagaugCfGfUfGfGfagccuuuL96	1670	asAfsaggCf(Agn)uccacGfAfaUfugg	1706		
AD-522140.1	CUUUUACCCUAAACUAAAu	1671	AUUUAGUUAGGUGAAAAGd	1707	CUUUUACCCUAAACUAAA	1737
AD-805635.1	csuuuuuCfaCfCfUfaaaauL96	1672	asUfsuaaGfuuggGfAfaAfaag	1708		
AD-805647.1	csuuuuuCfaCfCfUfaaaauL96	1673	asUfsuaaGf(Tgn)uaggGfAfaAfaag	1709		
AD-520903.1	GAAGUCGUGGAUGCCUUGUd	1674	ACAAGGCAUCCACGACUUCdT	1710	GAAGUCGUGGAUGCCUUGG	1738
AD-805628.1	gsasagucGfUfGfAfUfUfgccuuuL96	1675	asCfsaagGfcauccacGfAfaUfucc	1711		
AD-805640.1	gsasagucGfUfGfAfUfUfgccuuuL96	1676	asCfsaagGf(Cgn)auccacGfAfaUfucc	1712		
AD-520973.1	GAGUGAGUGACAACGUACUd	1677	AGUACGUUGACACUCACUCdT	1713	GAGUGAGUGACAACGUACC	1739
AD-805625.1	gsasagucGfUfGfAfUfUfgccuuuL96	1678	asGfsuacGfuugucacUfcAfcuc	1714		
AD-805637.1	gsasagucGfUfGfAfUfUfgccuuuL96	1679	asGfsuacGf(Tgn)uugucacUfcAfcuc	1715		
AD-521129.1	GAUAUGCCUUCGAGGAUAUd	1680	AUAUCCUGAAGGCAUAUUCdT	1716	GAUAUGCCUUCGAGGAUAU	1740
AD-805630.1	gsasauugCfcUfUfCfaggaauuL96	1681	asUfsuacCfucgaaggCfaUfauc	1717		
AD-805642.1	gsasauugCfcUfUfCfaggaauuL96	1682	asUfsuacCf(Tgn)cgaggCfaUfauc	1718		
AD-521124.1	GGAGAGAUUGCCUUCGAUd	1683	AUCGAAGCAUAUUCUCUCCdT	1719	GGAGAGAUUGCCUUCGAG	1741
AD-805626.1	gsasagagAfuAfUfUfgccuuuL96	1684	asUfscgaAfggcauuCfuCfucc	1720		
AD-805638.1	gsasagagAfuAfUfUfgccuuuL96	1685	asUfscgaAf(Ggn)gcauuCfuCfucc	1721		
AD-521420.1	GGAAUAUGUCUUAUGUAUd	1686	AUUACAUAAGACAUUAUCCdT	1722	GGAAUAUGUCUUAUGUAU	1742
AD-805624.1	gsasauaaUfgUfCfUfuaugaaauL96	1687	asUfsuacAfaagacaUfuAfuucc	1723		
AD-805636.1	gsasauaaUfgUfCfUfuaugaaauL96	1688	asUfsuacAf(Tgn)agacaUfuAfuucc	1724		
AD-521840.1	GGUUUUUAUGAAAAGCUAGUd	1689	ACUAGCUUUUCAUAAAACCDdT	1725	GGUUUUUAUGAAAAGCUAGG	1743
AD-805629.1	gsuuuuuAfuGfAfaagcuaguL96	1690	asCfsuagCfuuuucauAfaAfac	1726		
AD-805641.1	gsuuuuuAfuGfAfaagcuaguL96	1691	asCfsuagCf(Tgn)uuucauAfaAfac	1727		
AD-521409.1	UGCUACCCAUUAGGAUAAUd	1692	AUUUACCUAAUUGGUAGCAd	1728	UGCUACCCAUUAGGAUAU	1744
AD-805633.1	usgsuacCfcAfUfUfaggaauuL96	1693	asUfsuauCfcauaggGfuAfgca	1729		
AD-805645.1	usgsuacCfcAfUfUfaggaauuL96	1694	asUfsuauCf(Cgn)uauaggGfuAfgca	1730		
AD-521486.1	UGGUGACAUGGCUUCCAGUd	1695	ACUGGAAGCCAUGUCACCAdT	1731	UGGUGACAUGGCUUCCAGA	1745
AD-805627.1	usgsuagCfaUfGfGfuccagauL96	1696	asCfsuggAfagcaugUfcAfc	1732		
AD-805639.1	usgsuagCfaUfGfGfuccagauL96	1697	asCfsuggAf(Agn)gcaugUfcAfc	1733		

Таблица 12. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Cos-7 (вектор человеческой двойной люциферазы psiCHECK2). ST DEV - стандартное отклонение

ID дуплекса	50 нМ		10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV
AD-517197.1	17.0	7.0	15.4	3.4	41.0	13.9	77.8	16.2
AD-516851.1	22.8	5.7	38.8	15	63.1	16.0	94.6	6.8
AD-516748.1	26.8	15.5	61.7	10.7	59.0	38.3	95.4	27.2
AD-517234.1	31.1	7.3	39.2	3	69.0	10.0	98.7	18.5
AD-517354.1	32.0	7.4	42	9.8	102.2	29.0	98.4	15.4
AD-517257.1	33.3	7.5	41.8	12.3	63.9	16.7	96.8	12.4
AD-516739.1	33.3	10.2	50.7	9	85.6	21.7	110.6	13.9
AD-517258.1	35.2	14.3	27.9	6.3	66.6	20.7	94.2	10.4
AD-516629.1	36.5	8.3	47.6	13.2	94.6	9.0	126.1	22
AD-516972.1	37.0	12.8	51.5	1.6	113.3	23.9	135.9	22.9
AD-517623.1	37.5	12.5	55.9	7	76.6	25.6	96.9	12.7
AD-516733.1	37.7	11.4	47.4	14.4	87.2	7.0	96.5	13
AD-517985.1	40.4	9.2	51.2	10.3	78.6	13.9	98.4	14.4
AD-516827.1	40.7	24.3	60.1	27.3	81.5	45.6	90.2	9.2
AD-516917.1	42.1	13.8	35.1	8.3	69.4	15.4	99.6	22.2
AD-516973.1	43.0	2.8	70.8	9.6	100.4	17.1	114.4	24.2
AD-516978.1	44.3	18.5	46.1	18.4	76.2	6.9	99	13
AD-517310.1	45.5	15.4	61.1	13	89.7	10.9	128.5	14.6
AD-516828.1	46.2	12.1	55.8	12.6	95.9	15.9	120.4	30.5
AD-517249.1	46.6	14.7	37.6	9	84.3	9.6	115.2	19.5

047519

AD-517196.1	47.5	14.0	55.2	7.3	82.3	13.5	116.3	22.9
AD-517322.1	47.7	13.6	89.7	23.1	101.5	21.4	95.9	5.6
AD-517319.1	48.4	29.0	70	24.7	90.6	15.9	125.1	5.6
AD-516822.1	49.1	15.4	44.3	12.6	78.6	12.3	100	11.9
AD-516826.1	50.6	17.1	73.2	20.1	90.1	4.2	115.9	13.8
AD-516824.1	51.5	7.7	67.1	6.6	99.4	24.5	112.9	11.6
AD-517517.1	51.5	11.0	80.6	16	79.8	17.5	113.5	7.3
AD-517758.1	52.1	17.6	69.2	3.1	109.3	5.7	106.9	6.5
AD-516940.1	52.6	27.2	82.7	27.6	79.6	15.9	88.6	15.7
AD-517318.1	54.1	23.3	54.6	14.1	105.9	13.4	102.4	22.4
AD-517321.1	54.3	22.5	63.6	32.3	92.5	6.7	98.5	11
AD-516747.1	54.3	22.4	62.2	12.2	79.6	16.4	126.5	11.9
AD-516737.1	54.4	4.2	74.3	19.7	76.8	6.9	93.4	13.4
AD-516742.1	54.6	12.8	70.8	10	115.8	28.5	104	19.3
AD-516977.1	55.6	20.2	63.4	15.1	83.6	11.5	97.4	22.3
AD-516823.1	56.5	24.3	65.8	16.6	85.9	18.5	90.8	8.6
AD-516871.1	56.9	17.2	62.6	9.3	101.4	18.0	113.7	18.5
AD-516771.1	57.1	8.8	66.2	10.6	82.1	9.6	100.8	19.5
AD-517757.1	57.5	9.1	72.6	9	100.2	5.8	97.6	7.1
AD-516745.1	58.3	31.2	60.6	12.4	91.2	11.5	133	33.3
AD-517830.1	60.1	18.0	75.2	11.8	85.7	5.7	92	13
AD-516970.1	60.7	9.9	81.7	18.6	104.3	5.3	100.2	4.8
AD-517768.1	61.9	5.8	89.5	20	109.8	32.6	113.8	31.4
AD-517259.1	62.4	29.7	73.9	13.4	94.2	26.1	95.2	27.4
AD-516979.1	65.1	18.5	70.3	34.6	92.6	17.3	101.3	15.6

047519

AD-516971.1	65.2	39.8	81.4	26.5	107.8	8.6	126	56.3
AD-517838.1	66.5	7.3	57	12	96.9	21.2	113.8	8.1
AD-516743.1	66.5	10.8	76.9	20.6	74.9	9.3	110.1	14.2
AD-516980.1	66.8	32.1	73.1	12.6	110.6	4.4	111.4	5.9
AD-517771.1	67.7	18.0	77.6	20.1	91.0	21.5	99	6
AD-516772.1	69.8	9.1	74	10.6	111.8	30.0	103.9	17.8
AD-517836.1	69.9	40.1	69	20.6	97.2	32.9	115.4	22.5
AD-516741.1	69.9	24.6	96.6	22.8	100.4	13.9	125.8	20.3
AD-517353.1	70.7	27.0	93.2	10.7	98.8	21.7	116	24.8
AD-517979.1	72.5	10.1	88	26.7	113.4	6.8	139	10.6
AD-516937.1	73.5	14.3	71.5	12.7	92.2	18.2	115.9	12.9
AD-516976.1	73.5	38.4	59.6	12.7	73.5	4.8	90	12.7
AD-516872.1	73.6	37.1	56.2	10.9	87.7	20.6	101.1	19
AD-517256.1	73.9	24.1	98.1	8.7	105.0	10.9	99.6	6.7
AD-516825.1	74.1	11.0	84.8	25.3	100.9	25.6	102	13.4
AD-516735.1	74.5	7.3	98.9	6.8	95.4	12.5	98.8	10.7
AD-516588.1	75.2	28.1	88.5	13	112.2	18.2	122.4	25.5
AD-516738.1	75.6	15.0	85.1	17	89.8	27.8	131.4	32.6
AD-517314.1	76.8	24.6	69.7	18	81.0	16.6	93.2	10.4
AD-517805.1	76.9	9.4	70.6	9	112.4	26.3	96.4	17.7
AD-517685.1	78.3	22.9	64.6	6.6	98.6	12.9	108.2	19.8
AD-517831.1	78.8	13.5	91.4	18.1	118.3	21.8	131.6	23.2
AD-516830.1	78.9	9.0	81.5	22.5	91.1	17.5	108	32.5
AD-517837.1	79.5	53.8	68.2	22.7	97.8	33.2	96.8	12.9
AD-517633.1	81.1	21.5	89.9	10.7	91.2	17.6	93.9	9.4

AD-516855.1	81.3	21.1	74.4	11.6	93.0	19.8	111	9.5
AD-516688.1	83.0	33.6	69.9	9.3	80.1	10.5	106.2	13.8
AD-516630.1	86.4	33.1	82	22.2	69.8	23.2	92	15.4
AD-516835.1	86.8	17.0	70.5	13.3	103.1	17.2	101.4	8.2
AD-516832.1	87.4	14.5	100	20.5	108.9	11.7	127.3	24.9
AD-517834.1	88.9	21.8	73.9	9.1	90.4	13.8	79.3	8.5
AD-516734.1	89.7	19.7	88.3	12.6	98.6	5.2	103.4	23.2
AD-517228.1	89.7	14.3	83.5	17.5	101.4	19.9	118.8	17
AD-516736.1	93.2	12.9	90.2	19.6	115.9	14.4	106.7	5.4
AD-517646.1	93.8	38.8	71.9	18.9	104.5	24.7	100.1	10.7
AD-517744.1	95.6	10.2	80.5	10.4	85.3	14.9	99.9	16
AD-517509.1	96.7	20.8	108	11.2	95.6	15.9	124.2	20.1
AD-517746.1	97.6	13.6	79.3	19.8	91.4	16.7	94	17.1
AD-516752.1	99.9	29.7	94	25.5	105.4	18.9	117.7	13.1
AD-516746.1	100.3	19.5	80.5	14.1	100.5	22.4	116.2	6.8
AD-517227.1	102.2	25.7	79.3	10	90.6	22.5	115.3	21.8
AD-516751.1	54.2	31.7	51.8	11.2	91.2	8.5	125.7	19.2
AD-517042.1	102.4	31.9	64.7	8.2	90.2	6.3	113.1	19.6
AD-517571.1	85.2	54.8	88.7	17.9	87.5	8.1	93.3	6.4

Таблица 13. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Cos-7 (вектор человеческой двойной люциферазы psiCHECK2). ST DEV - стандартное отклонение

ID дуплекса	50 нМ		10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV
AD-67605.6	7.2	7.9	34.8	14.9	66.5	24.1	93.0	19.7
AD-520101.1	13.0	10.3	39.4	18.8	77.1	12.9	74.1	23.0

047519

AD-520098.1	18.5	5.3	65.4	41.4	68.0	30.3	114.7	42.8
AD-67575.6	19.3	6.6	33.8	23.9	89.4	29.7	105.2	38.7
AD-520467.1	20.5	13.6	46.8	19.1	72.7	12.1	133.1	81.1
AD-520064.1	21.2	4.3	29.5	9.0	58.8	6.1	110.0	23.0
AD-520099.1	21.2	13.1	64.7	9.7	61.3	22.5	100.6	38.3
AD-520466.1	22.2	10.3	52.4	8.8	77.4	24.1	141.2	54.5
AD-519351.1	22.9	18.1	28.3	6.7	50.3	18.5	91.2	43.4
AD-520065.1	23.4	21.2	49.6	5.2	55.3	24.7	90.4	11.3
AD-520069.1	23.8	18.5	65.1	5.3	98.6	21.1	134.8	27.2
AD-519828.1	23.9	23.3	41.5	24.7	100.1	24.7	99.6	21.4
AD-520035.1	25.8	18.4	57.3	24.0	106.9	34.4	100.2	27.7
AD-520067.1	28.5	24.7	38.1	17.6	63.1	20.7	96.6	20.9
AD-75289.2	28.5	16.3	44.1	20.5	81.8	18.6	82.1	7.3
AD-520125.1	29.4	15.6	57.1	10.4	76.6	14.5	155.3	45.2
AD-520018.1	29.9	6.3	32.0	16.0	66.1	19.8	101.4	39.1
AD-520062.1	31.4	9.1	53.5	36.7	66.8	23.2	74.9	14.7
AD-519754.1	32.6	7.3	86.3	24.9	98.3	27.4	99.9	16.2
AD-520097.1	35.2	16.8	38.7	9.5	95.2	34.8	123.6	33.6
AD-520352.1	37.0	14.5	63.4	19.8	77.9	26.9	105.2	25.3
AD-519755.1	38.8	21.4	48.7	19.1	101.4	25.3	130.8	48.1
AD-520063.1	40.2	12.8	58.5	39.1	56.3	19.0	107.1	24.9
AD-520066.1	43.2	13.7	40.5	11.4	58.2	18.3	115.4	46.6
AD-520068.1	46.8	22.3	53.0	43.8	68.9	41.3	90.5	40.0
AD-520465.1	66.5	14.2	101.1	35.3	71.4	32.2	88.7	12.6
AD-519592.1	67.2	13.0	99.4	40.7	69.9	16.9	87.1	23.7
AD-519591.1	75.9	33.3	79.8	23.0	95.9	36.6	89.6	33.9

Таблица 14. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Hep3В
(SD - стандартное отклонение)

Дуплекс	Средний % Остаточного Сигнала	SD	Доза (нМ)
AD-519351.1	18.91743	1.592235	50
AD-519591.1	30.15831	4.008696	50
AD-519592.1	49.60929	3.258342	50
AD-519754.1	29.95629	3.489596	50
AD-519755.1	32.7814	3.836985	50
AD-519828.1	25.91768	2.010603	50
AD-520018.1	17.85763	0.704719	50
AD-520035.1	13.40537	0.824367	50
AD-520062.1	16.07361	2.76391	50
AD-520063.1	42.26994	7.472034	50
AD-520064.1	32.07188	6.038421	50
AD-520065.1	41.04576	7.358829	50
AD-520066.1	49.84015	4.399835	50
AD-520067.1	32.29406	2.439182	50
AD-520068.1	34.46787	3.933021	50
AD-520069.1	50.74699	7.696823	50
AD-520097.1	37.05357	3.157405	50
AD-520098.1	43.45243	7.096347	50
AD-520099.1	34.3067	6.026941	50
AD-520101.1	34.10031	2.946968	50
AD-520125.1	37.9648	5.052388	50
AD-520352.1	55.35492	5.581261	50
AD-520465.1	116.2403	11.93776	50
AD-520466.1	50.49998	5.242516	50
AD-520467.1	57.64928	4.998672	50
AD-67575.6	32.8979	5.107761	50
AD-67605.6	30.30416	5.607134	50
AD-75289.2	37.28977	7.002537	50
AD-519351.1	28.011	2.78131	10
AD-519591.1	48.39234	9.625783	10
AD-519592.1	67.92064	14.89226	10
AD-519754.1	51.1618	7.649766	10
AD-519755.1	41.00894	4.838157	10
AD-519828.1	39.08326	3.07126	10
AD-520018.1	14.21871	7.205605	10
AD-520035.1	17.60407	3.934564	10
AD-520062.1	25.84533	3.490245	10

047519

AD-520063.1	42.59087	3.989656	10
AD-520064.1	32.13541	3.984171	10
AD-520065.1	34.56078	6.902658	10
AD-520066.1	43.89564	5.960707	10
AD-520067.1	30.99356	5.829848	10
AD-520068.1	44.00221	5.902595	10
AD-520069.1	51.01245	6.208729	10
AD-520097.1	44.51291	6.137725	10
AD-520098.1	45.04234	3.412759	10
AD-520099.1	39.05479	4.499439	10
AD-520101.1	38.56051	7.725309	10
AD-520125.1	54.31024	10.76057	10
AD-520352.1	51.88458	9.725295	10
AD-520465.1	93.6487	8.10188	10
AD-520466.1	60.38535	6.422916	10
AD-520467.1	50.73771	8.167229	10
AD-67575.6	42.36839	6.376496	10
AD-67605.6	32.93356	4.534181	10
AD-75289.2	35.10034	4.252315	10
AD-519351.1	38.91029	6.73621	1
AD-519591.1	72.03301	8.409019	1
AD-519592.1	91.99647	6.557726	1
AD-519754.1	71.39233	10.16091	1
AD-519755.1	48.64478	8.703204	1
AD-519828.1	56.57794	8.681994	1
AD-520018.1	43.24255	12.35058	1
AD-520035.1	41.61261	9.606674	1
AD-520062.1	41.56298	7.015498	1
AD-520063.1	50.9099	8.41448	1
AD-520064.1	49.60309	8.547469	1
AD-520065.1	51.99888	13.42055	1
AD-520066.1	58.14913	6.189735	1
AD-520067.1	47.67786	4.442494	1
AD-520068.1	68.81371	17.00633	1
AD-520069.1	58.92955	8.034131	1
AD-520097.1	53.79314	4.302369	1
AD-520098.1	62.39227	4.285866	1
AD-520099.1	74.81884	4.665135	1
AD-520101.1	59.49561	9.59846	1
AD-520125.1	60.19627	4.672244	1
AD-520352.1	79.06617	11.33413	1
AD-520465.1	103.3435	26.3229	1
AD-520466.1	86.98648	21.00735	1
AD-520467.1	81.16465	23.24505	1
AD-67575.6	59.97269	7.272857	1

AD-67605.6	52.64283	5.165939	1
AD-75289.2	73.81446	13.1944	1
AD-519351.1	58.00814	5.565421	0.1
AD-519591.1	88.58883	14.40971	0.1
AD-519592.1	100.9556	9.227538	0.1
AD-519754.1	93.4398	15.32662	0.1
AD-519755.1	79.44622	3.664871	0.1
AD-519828.1	93.29187	9.598122	0.1
AD-520018.1	67.61844	8.626892	0.1
AD-520035.1	60.53901	5.277965	0.1
AD-520062.1	72.05043	8.551113	0.1
AD-520063.1	79.2352	11.96642	0.1
AD-520064.1	64.04505	10.59475	0.1
AD-520065.1	74.87369	15.32438	0.1
AD-520066.1	77.48361	11.28607	0.1
AD-520067.1	79.16226	8.228879	0.1
AD-520068.1	98.42636	29.19873	0.1
AD-520069.1	81.92734	10.02953	0.1
AD-520097.1	78.17625	13.3457	0.1
AD-520098.1	81.87427	12.05935	0.1
AD-520099.1	87.99157	22.24171	0.1
AD-520101.1	90.27513	9.407839	0.1
AD-520125.1	91.10768	17.63111	0.1
AD-520352.1	99.6731	4.089456	0.1
AD-520465.1	89.46856	1.073905	0.1
AD-520466.1	94.49258	4.863811	0.1
AD-520467.1	91.43145	12.05283	0.1
AD-67575.6	86.88788	17.45404	0.1
AD-67605.6	89.55684	14.21808	0.1
AD-75289.2	95.69357	10.92256	0.1

Таблица 15. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Cos-7 (вектор человеческой двойной люциферазы psiCHECK2). ST DEV - стандартное отклонение

ID дуплекса	50 нМ	
	% остаточного сигнала	ST DEV
AD-521420.1	12.6	5.2
AD-520973.1	13.0	9.6
AD-521124.1	15.6	12.7
AD-521486.1	17.6	4.6
AD-520903.1	17.6	14.3
AD-520972.1	17.6	7.4
AD-521421.1	17.7	6.7
AD-521840.1	17.8	3.3
AD-521003.1	18.1	6.4
AD-521129.1	18.9	5.7

AD-521465.1	19.2	10.1
AD-521086.1	19.5	7.9
AD-521409.1	20.5	12.1
AD-522178.1	20.6	11.7
AD-520974.1	22.0	8.0
AD-520902.1	24.1	9.4
AD-522140.1	24.3	4.9
AD-521410.1	25.6	7.2
AD-522548.1	26.1	3.8
AD-521002.1	26.1	9.0
AD-522176.1	27.2	5.2
AD-520926.1	28.1	12.4
AD-521895.1	28.3	7.9
AD-521499.1	29.1	4.9
AD-521466.1	29.2	6.9
AD-521140.1	29.5	9.4
AD-520892.1	30.1	11.7
AD-520976.1	30.5	13.4
AD-521457.1	30.6	11.5
AD-521127.1	30.7	7.8
AD-522145.1	31.2	10.2
AD-520984.1	31.2	9.1
AD-521997.1	32.2	15.4
AD-522174.1	32.8	9.7
AD-522545.1	33.6	7.1
AD-521979.1	33.8	6.7
AD-520891.1	33.9	14.8
AD-521833.1	34.3	9.6
AD-521461.1	35.0	22.6
AD-521386.1	35.0	15.0
AD-521123.1	35.1	23.9
AD-520899.1	35.9	14.2
AD-521089.1	36.9	26.5
AD-521407.1	37.3	15.3
AD-520898.1	38.6	18.6
AD-521378.1	38.7	18.6
AD-521500.1	38.8	17.7
AD-521798.1	39.4	14.3
AD-521902.1	39.6	10.0
AD-521896.1	39.8	18.4
AD-521989.1	39.8	15.6
AD-520896.1	40.7	13.9
AD-69024.2	41.1	8.3
AD-522146.1	41.6	9.7
AD-522432.1	41.9	18.9

AD-521020.1	42.2	11.6
AD-521668.1	42.3	8.2
AD-522097.1	43.0	12.5
AD-520999.1	43.9	18.0
AD-521832.1	44.4	10.4
AD-520894.1	44.7	10.5
AD-522144.1	45.0	22.2
AD-521408.1	45.2	24.2
AD-521128.1	45.7	9.9
AD-521980.1	45.8	5.0
AD-521406.1	46.5	17.9
AD-521131.1	46.8	21.4
AD-521909.1	47.1	28.4
AD-521954.1	47.4	7.8
AD-520872.1	47.7	19.8
AD-522142.1	48.2	22.3
AD-520994.1	48.8	6.2
AD-520886.1	50.0	20.3
AD-521987.1	50.5	17.9
AD-521988.1	50.8	6.9
AD-520785.1	51.2	11.0
AD-521919.1	51.4	18.6
AD-521121.1	51.7	15.0
AD-522202.1	53.1	17.3
AD-521130.1	54.5	17.6
AD-521908.1	55.1	33.8
AD-522173.1	55.1	15.5
AD-521785.1	56.1	13.2
AD-520890.1	56.3	19.6
AD-520978.1	56.5	26.3
AD-521744.1	57.5	6.9
AD-521021.1	58.1	4.4
AD-521197.1	59.2	18.9
AD-521379.1	59.7	42.4
AD-520925.1	60.6	12.4
AD-520888.1	60.8	24.3
AD-520975.1	66.0	16.0
AD-521666.1	66.3	30.6
AD-521922.1	66.5	19.7
AD-521986.1	67.3	21.9
AD-521915.1	67.6	21.7
AD-520897.1	69.4	28.1
AD-520889.1	73.3	27.6
AD-520885.1	74.2	37.3
AD-521469.1	75.6	16.4
AD-521674.1	78.4	26.1
AD-521983.1	80.9	26.8
AD-521385.1	82.8	18.7
AD-521937.1	84.8	29.7
AD-522141.1	87.4	22.7
AD-522143.1	90.7	25.1
AD-521669.1	103.8	12.8

Таблица 16. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Cos-7 (вектор человеческой двойной люциферазы psiCHECK2). ST DEV-стандартное отклонение

ID дуплекса	10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV
AD-520062.3	32.2	7.2	74.3	13.0	85.9	14.6
AD-520060.1	35.5	17.3	65.8	8.7	81.0	14.5
AD-520064.3	20.4	3.3	49.2	7.7	73.6	8.0
AD-518983.1	64.3	5.2	91.2	20.1	89.9	26.0
AD-520061.1	23.0	5.7	46.1	4.9	84.5	13.2
AD-520063.2	37.5	9.8	76.0	9.4	84.4	9.9
AD-519615.1	44.2	13.4	81.4	19.8	93.9	41.4
AD-519757.1	42.0	6.3	84.4	11.8	90.2	13.3
AD-519329.1	53.6	11.7	86.2	13.3	90.2	10.7
AD-519324.1	34.9	9.9	76.4	12.0	94.6	21.5
AD-518811.1	60.5	17.1	90.0	27.0	94.6	7.0
AD-520059.1	40.9	5.0	78.3	16.3	96.9	7.7
AD-519616.1	53.2	14.0	86.4	15.9	72.7	8.3
AD-518655.1	41.3	0.5	92.0	12.2	106.1	16.9
AD-519617.1	51.8	14.3	87.1	17.2	92.2	11.4
AD-519307.1	32.3	8.7	66.2	11.2	94.9	14.7
AD-520065.3	34.1	4.1	61.3	15.7	94.1	12.5
AD-519323.1	32.0	10.9	48.0	8.9	68.7	10.9
AD-519331.1	47.8	14.6	106.6	23.3	92.0	8.0
AD-518922.1	54.3	11.2	95.1	20.4	106.8	7.7
AD-519339.1	37.6	9.6	60.4	22.4	81.9	17.8
AD-67552.2	67.3	7.3	92.6	24.3	100.9	18.4
AD-519756.1	49.8	12.6	91.6	17.1	101.2	6.3
AD-519333.1	45.1	8.0	88.4	8.4	78.8	20.1
AD-519612.1	73.4	12.1	88.1	18.7	89.4	21.7
AD-519762.1	42.0	7.3	84.9	21.9	99.1	10.2
AD-75265.3	47.2	11.9	89.2	23.8	88.3	7.9
AD-67554.5	47.8	7.3	66.0	11.0	67.2	10.6
AD-518928.1	39.2	11.0	87.7	13.2	93.2	21.4
AD-519578.1	94.4	24.3	105.6	14.6	92.6	12.0
AD-75277.3	44.7	8.3	78.5	13.7	100.4	15.2

047519

AD-519317.1	69.1	19.2	88.7	15.7	102.9	20.2
AD-67581.5	72.9	15.9	109.6	26.6	105.3	11.4
AD-519753.1	53.1	13.6	89.6	15.3	103.0	16.2
AD-518701.1	42.9	12.5	79.1	15.0	99.8	19.4
AD-519752.1	69.5	24.6	80.7	17.2	94.1	8.3
AD-519328.1	40.9	8.5	73.8	15.7	84.9	7.7
AD-519322.1	55.7	13.6	98.3	5.1	103.9	13.1
AD-519911.1	35.0	7.9	69.8	18.3	87.2	8.7
AD-519029.1	79.1	20.1	122.2	10.1	95.6	17.3
AD-519913.1	99.4	16.9	95.1	15.7	105.5	32.2
AD-518924.1	83.2	11.9	89.6	14.5	87.4	11.7
AD-519766.1	57.7	22.1	73.9	17.8	95.2	14.4
AD-519069.1	57.9	17.5	96.2	5.7	91.2	19.5
AD-519614.1	64.9	8.9	99.4	20.3	100.9	17.1
AD-519618.1	67.5	16.8	99.9	16.1	93.5	13.3
AD-519326.1	75.6	18.3	95.8	12.7	94.8	23.2
AD-518920.1	82.8	16.5	93.8	12.4	100.8	13.4
AD-519760.1	27.5	7.6	79.0	14.0	80.3	17.9
AD-518813.1	51.7	19.6	112.4	8.9	97.9	19.1
AD-519396.1	55.9	9.5	81.0	17.7	106.8	15.1
AD-519935.1	55.7	12.5	103.7	6.8	95.0	22.2
AD-519758.1	45.5	20.8	85.1	18.2	96.4	27.4
AD-518831.1	48.2	7.4	74.1	13.5	94.7	5.8
AD-518923.1	42.9	6.0	68.5	9.3	93.0	18.0
AD-519755.2	39.5	8.8	61.5	15.2	106.9	15.0
AD-520116.1	36.8	3.8	75.9	18.4	101.4	23.0
AD-519093.1	61.5	10.0	84.2	27.7	81.5	17.9
AD-67588.2	61.3	5.7	97.6	13.0	86.5	12.2
AD-519754.3	52.3	9.4	83.0	19.3	111.7	6.7
AD-519308.1	68.0	5.3	95.7	18.5	115.4	18.7
AD-519759.1	46.6	9.8	87.3	12.5	79.0	11.5
AD-519763.1	46.3	13.4	83.5	25.2	101.6	10.6
AD-519327.1	68.6	16.9	98.2	23.1	103.5	9.0
AD-519761.1	18.5	1.5	67.3	17.5	83.3	16.3
AD-518702.1	48.1	6.4	81.8	15.2	76.4	21.1
AD-519094.1	52.5	11.0	97.8	5.3	95.7	22.7
AD-518832.1	57.1	17.0	84.6	8.0	87.6	16.3
AD-519767.1	66.8	16.3	93.7	22.7	86.8	12.2
AD-518917.1	69.6	9.7	93.3	17.5	82.3	8.7
AD-518988.1	56.8	19.5	80.0	26.5	86.4	1.6
AD-519305.1	79.5	11.9	105.5	20.8	95.4	20.1
AD-519613.1	80.4	7.8	118.8	25.0	109.9	31.4
AD-519121.1	73.3	11.7	105.3	15.4	92.5	20.7
AD-519095.1	67.5	7.3	96.6	12.7	79.1	15.9
AD-518982.1	84.1	11.8	102.3	17.9	85.5	14.6

AD-519096.1	67.1	25.2	95.0	13.2	93.0	17.4
AD-518986.1	66.1	20.6	89.7	15.6	87.7	12.2
AD-518921.1	70.9	10.9	106.0	15.7	93.2	13.3
AD-518985.1	50.1	6.9	103.5	21.2	93.9	6.5
AD-518984.1	63.4	9.0	100.8	12.9	88.6	14.2
AD-519325.1	55.5	21.1	91.3	22.8	85.2	8.4
AD-518812.1	73.5	10.8	97.7	16.5	92.5	10.4
AD-518987.1	71.8	6.9	103.7	30.5	83.8	18.6
AD-518958.1	90.6	14.1	101.6	19.1	89.7	17.2
AD-67572.2	82.4	5.9	90.5	30.4	95.9	10.6
AD-518980.1	92.4	19.0	91.3	6.0	91.2	9.6
AD-519070.1	90.6	12.2	101.4	7.7	107.6	3.4
AD-518925.1	77.4	19.4	89.6	16.7	100.6	27.1
AD-518981.1	92.4	27.7	108.2	18.0	100.8	33.9

Таблица 17. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Hep3В (ST DEV - стандартное отклонение)

ID дуплекса	10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV
AD-520062.3	11.5	7.8	18.8	6.0	63.8	7.2
AD-520060.1	28.7	5.6	67.5	17.5	111.0	20.0
AD-520064.3	30.1	2.8	56.9	4.9	94.7	10.2
AD-518983.1	31.3	1.8	84.7	24.7	141.6	11.1
AD-520061.1	32.3	6.2	56.8	5.2	101.0	25.0
AD-520063.2	36.5	4.6	61.7	5.2	96.5	11.3
AD-519615.1	38.6	4.7	36.2	9.9	91.7	15.5
AD-519757.1	38.8	11.4	54.6	9.7	102.5	18.5
AD-519329.1	39.7	11.3	71.7	3.6	87.5	13.4
AD-519324.1	42.2	6.4	72.6	10.5	83.0	10.2
AD-518811.1	43.4	7.6	66.6	17.1	108.4	17.2
AD-520059.1	43.6	7.1	62.7	7.0	106.7	19.5
AD-519616.1	44.9	6.7	71.7	9.8	91.4	12.4
AD-518655.1	45.0	6.6	59.5	15.3	99.2	6.1
AD-519617.1	48.2	2.5	60.5	11.5	74.6	5.8
AD-519307.1	51	7.438	42.9	9.151	61.2	4.0
AD-520065.3	51.0	8.8	63.3	7.1	101.9	22.0
AD-519323.1	51.3	6.0	63.3	8.5	118.9	13.4
AD-519331.1	51.3	4.8	82.6	19.5	97.3	20.7
AD-518922.1	52.0	8.7	52.9	16.8	89.6	28.3
AD-519339.1	52.1	5.5	61.7	9.2	99.9	21.0
AD-67552.2	53.3	11.6	90.5	17.4	96.3	18.7
AD-519756.1	53.5	8.4	55.4	1.9	91.2	7.1
AD-519333.1	53.8	14.5	56.0	6.7	86.1	18.9
AD-519612.1	54.1	9.3	77.7	6.6	119.4	10.3

AD-519762.1	55.1	17.0	58.5	7.2	81.7	9.4
AD-75265.3	55.2	6.6	74.8	9.0	118.0	11.8
AD-67554.5	55.7	5.4	73.8	15.8	82.6	9.0
AD-518928.1	56.0	1.7	55.7	9.6	82.7	15.6
AD-519578.1	56.7	8.7	83.8	13.0	83.0	15.2
AD-75277.3	56.8	6.7	65.3	12.8	78.6	13.0
AD-519317.1	57.3	3.3	66.5	4.9	77.3	5.7
AD-67581.5	57.8	6.6	74.1	7.4	84.7	5.9
AD-519753.1	59.7	14.9	71.5	9.4	70.5	14.5
AD-518701.1	59.9	8.4	60.6	8.0	78.9	9.4
AD-519752.1	61.8	5.8	69.1	7.6	88.4	10.2
AD-519328.1	61.9	10.8	54.9	5.2	101.1	18.4
AD-519322.1	61.9	6.3	87.3	13.4	89.7	8.9
AD-519911.1	62.0	7.5	60.5	5.4	85.0	12.5
AD-519029.1	62.7	9.1	73.1	13.7	99.6	23.7
AD-519913.1	62.8	8.6	82.9	6.8	115.9	12.9
AD-518924.1	63.1	11.6	82.5	10.4	98.7	19.6
AD-519766.1	63.9	10.0	91.6	24.3	117.8	22.0
AD-519069.1	64.0	4.0	83.2	15.3	104.9	13.2
AD-519614.1	64.3	5.4	36.1	5.3	102.2	12.9
AD-519618.1	64.5	8.4	66.4	4.1	98.7	15.3
AD-519326.1	64.9	24.3	91.7	19.4	113.9	29.3
AD-518920.1	65.2	12.2	72.0	2.5	108.1	18.7
AD-519760.1	66.7	10.6	55.6	14.0	101.3	28.9
AD-518813.1	66.7	3.9	69.7	13.9	95.0	13.2
AD-519396.1	67.6	11.9	72.2	15.4	96.3	20.3
AD-519935.1	67.8	11.0	54.2	16.1	94.7	19.6
AD-519758.1	67.8	8.7	82.6	6.1	100.4	12.5
AD-518831.1	68.3	7.5	61.1	7.6	117.6	18.9
AD-518923.1	68.5	18.3	49.8	8.3	65.8	5.4
AD-519755.2	69.6	9.3	66.7	13.7	80.9	18.8
AD-520116.1	69.8	8.6	72.4	10.5	93.5	10.7
AD-519093.1	70.0	3.2	72.8	15.5	101.0	20.0
AD-67588.2	70.3	16.6	77.1	16.7	81.0	15.7
AD-519754.3	70.3	3.1	81.2	10.4	84.1	5.0
AD-519308.1	70.6	12.8	70.4	9.9	89.1	8.7
AD-519759.1	72.7	12.9	81.1	4.6	90.0	9.8
AD-519763.1	73.4	15.7	90.9	13.9	109.1	30.5
AD-519327.1	73.5	8.9	97.8	14.4	117.2	17.9
AD-519761.1	73.7	7.4	64.9	7.0	119.2	16.2
AD-518702.1	75.3	17.3	59.4	6.9	81.0	3.4
AD-519094.1	76.3	8.0	88.9	15.9	91.4	4.9
AD-518832.1	80.2	5.7	97.1	11.2	104.6	20.7
AD-519767.1	82.0	10.1	92.9	14.7	106.7	17.6
AD-518917.1	82.5	8.7	83.9	11.7	115.4	35.5

AD-518988.1	82.7	7.5	98.1	25.0	99.7	24.8
AD-519305.1	83.4	11.1	85.6	9.8	85.2	17.2
AD-519613.1	84.6	10.0	101.9	14.8	91.5	6.8
AD-519121.1	84.7	17.85	76.2	12.1	93.5	11.1
AD-519095.1	86.7	51.2	93.7	13.9	102.9	8.5
AD-518982.1	88.3	8.4	111.5	20.0	136.3	25.7
AD-519096.1	89.1	20.1	94.4	8.7	89.4	13.4
AD-518986.1	89.8	7.6	105.3	10.8	108.6	20.8
AD-518921.1	94.8	6.1	102.5	17.6	117.3	20.5
AD-518985.1	95.3	18.0	91.6	19.9	133.4	23.9
AD-518984.1	95.7	10.9	108.4	17.5	98.6	31.2
AD-519325.1	95.7	13.3	103.4	20.2	138.5	12.3
AD-518812.1	96.3	9.5	90.9	19.8	129.1	18.0
AD-518987.1	99.8	15.1	94.2	19.4	87.6	22.5
AD-518958.1	102.9	15.9	107.4	17.9	93.7	7.0
AD-67572.2	109.7	17.8	112.8	14.9	133.8	13.3
AD-518980.1	111.5	3.6	114.5	17.5	106.7	18.4
AD-519070.1	114.9	19.2	104.6	12.7	112.8	11.8
AD-518925.1	117.1	9.9	118.4	16.0	80.3	5.4
AD-518981.1	127.7	11.0	109.6	23.6	96.1	11.5

Таблица 18. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Cos-7 (вектор человеческой двойной люциферазы psiCHECK2). ST DEV - стандартное отклонение

ID дуплекса	50 нМ		10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV
AD-521086.1	19.5	7.9	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805632.1	N/A	N/A	78.2	9.4	86.1	14.1	82.9	13.9
AD-805644.1	N/A	N/A	94.2	12.3	98.0	15.8	93.5	24.2
AD-521465.1	19.2	10.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805631.1	N/A	N/A	32.8	8.2	69.8	16.2	103.4	3.9
AD-805643.1	N/A	N/A	67.1	13.2	95.1	18.0	91.9	15.7
AD-520902.1	24.1	9.4	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805634.1	N/A	N/A	61.6	5.2	91.7	13.2	101.0	13.3
AD-805646.1	N/A	N/A	76.3	15.6	77.5	18.6	78.0	12.5

047519

AD-522140.1	24.3	4.9	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805635.1	N/A	N/A	31.1	11.5	56.5	7.6	74.8	12.2
AD-805647.1	N/A	N/A	77.9	6.4	88.6	15.9	98.2	15.2
AD-520903.1	17.6	14.3	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805628.1	N/A	N/A	90.5	13.5	89.6	22.6	95.7	8.1
AD-805640.1	N/A	N/A	98.8	19.0	102.0	8.7	92.8	8.1
AD-520973.1	13.0	9.6	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805625.1	N/A	N/A	98.8	16.3	99.8	13.9	90.4	6.5
AD-805637.1	N/A	N/A	109.0	27.2	90.5	7.5	104.5	21.2
AD-521129.1	18.9	5.7	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805630.1	N/A	N/A	67.5	18.8	121.7	33.2	104.0	19.0
AD-805642.1	N/A	N/A	66.1	8.1	94.9	21.9	92.2	19.3
AD-521124.1	15.6	12.7	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805626.1	N/A	N/A	50.3	18.2	88.4	10.9	96.6	15.9
AD-805638.1	N/A	N/A	84.8	16.6	86.4	7.5	93.1	5.4
AD-521420.1	12.6	5.2	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805624.1	N/A	N/A	23.0	8.7	32.9	3.5	86.6	17.4
AD-805636.1	N/A	N/A	58.4	11.6	91.3	18.9	95.1	17.6
AD-521840.1	17.8	3.3	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805629.1	N/A	N/A	48.7	16.6	78.6	15.6	121.6	21.4
AD-805641.1	N/A	N/A	89.0	12.5	97.2	22.4	96.1	14.5
AD-521409.1	20.5	12.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805633.1	N/A	N/A	83.0	15.2	98.6	20.5	91.8	13.6
AD-805645.1	N/A	N/A	53.2	7.4	80.7	6.3	104.6	15.8
AD-521486.1	17.6	4.6	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805627.1	N/A	N/A	61.1	7.9	100.3	17.8	83.7	17.9
AD-805639.1	N/A	N/A	89.7	8.6	101.3	18.2	85.1	10.0

Таблица 19. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках.
ST DEV - стандартное отклонение

% остаточного сигнала	10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала
AD-521086.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805632.1	58.2	6.1	65.1	10.6	91.6	17.9
AD-805644.1	90.5	19.6	101.7	9.9	91.9	14.7
AD-521465.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805631.1	54.6	4.6	81.2	9.9	102.5	13.4
AD-805643.1	64.0	11.6	80.5	23.2	92.2	8.3
AD-520902.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805634.1	102.2	18.8	88.4	4.6	113.2	20.7
AD-805646.1	95.8	12.0	95.3	5.6	81.5	8.5
AD-522140.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805635.1	90.2	10.5	52.8	6.7	84.9	14.4
AD-805647.1	96.5	24.1	73.6	4.3	83.4	11.4
AD-520903.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805628.1	105.2	25.9	106.7	6.8	101.7	16.1
AD-805640.1	103.1	6.2	97.8	13.0	91.9	9.5
AD-520973.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805625.1	109.4	11.7	112.1	21.2	109.8	21.6
AD-805637.1	123.9	17.4	112.6	13.6	108.7	15.7
AD-521129.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805630.1	105.9	6.0	109.6	13.9	121.5	16.2
AD-805642.1	109.0	19.2	91.3	11.0	110.5	13.3
AD-521124.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805626.1	74.6	8.2	87.8	10.7	112.2	10.1
AD-805638.1	98.0	9.2	97.9	6.4	104.3	13.6
AD-521420.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805624.1	33.7	5.4	42.4	9.2	53.2	6.9
AD-805636.1	82.1	7.5	89.7	8.8	95.7	11.6
AD-521840.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805629.1	60.7	5.7	82.3	17.7	93.5	5.7
AD-805641.1	122.2	21.4	115.9	21.0	111.4	9.3
AD-521409.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
AD-805633.1	116.6	19.7	107.0	24.0	127.8	17.3
AD-805645.1	96.6	9.7	89.0	11.0	90.9	13.2
AD-521486.1	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A

% остаточного сигнала	10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала	ST DEV	% остаточного сигнала
AD-805627.1	56.3	6.9	78.2	14.1	115.9	10.4
AD-805639.1	117.8	13.8	112.2	9.7	94.7	9.5

Пример 3. Скрининг *in vivo* дуплексов дсРНК у мышей.

Представляющие интерес дуплексы, идентифицированные в ходе вышеуказанных исследований *in vitro*, оценивали *in vivo*. В частности, за день до введения дозы (pre-dose day) 14 мышей дикого типа (C57BL/6) трансдуцировали 2×10^{11} вирусных частиц вектора аденоассоциированного вируса 8 (AAV8), кодирующего PNPLA3 человека, путем внутривенного введения 2×10^{11} . В частности, мышам вводили AAV8, кодирующий открытую рамку считывания, и 3'-UTR мРНК PNPLA3 человека, обозначенную как NM_025225.2 (AAV8.-TBG-PI-PNPLA3).

В день 0 группам из трех мышей подкожно вводили однократную дозу 3 мг/кг или однократную до-

зу 10 мг/кг представляющих интерес агентов или PBS-контроль. В табл. 20 приведены группы обработки, а в табл. 21 представлены модифицированные нуклеотидные последовательности смысловой и анти-смысловой цепей представляющих интерес дуплексов. На 7-й или 14-й день после введения дозы животных умерщвляли, образцы печени собирали и быстро замораживали в жидком азоте. Тканевую мРНК экстрагировали и анализировали методом RT-QPCR.

Уровни мРНК PNPLA3 человека сравнивали с таковыми гена домашнего хозяйства GAPDH. Затем значения нормализовали к среднему значению для контрольной группы с носителем PBS. Данные были выражены в процентах от исходного значения и представлены как среднее значение плюс стандартное отклонение. Результаты, перечисленные в табл. 22 и показанные на фиг. 1, демонстрируют, что протестированные репрезентативные дуплексные агенты эффективно снижают уровень матричной РНК PNPLA3 человека *in vivo*.

Таблица 20

Группа #	Животное #	Обработка	Доза	Точка времени (День)
1	1	PBS	нет	D7
	2			
	3			
2	4	Без обработки	нет	
	5			
	6			
3	7	AD-517197.2	3мг/кг	
4	8	AD-517258.2	10мг/кг	
	9			
	10			
	11			
5	12	AD-517197.2	10мг/кг	
	13			
	14			
6	15	AD-517258.2	10мг/кг	
	16			
	17			
7	18	PBS	нет	
	19			
	20			
8	21	Без обработки	нет	
	22			
	23			
9	24	AD-517197.2	10мг/кг	
	25			
	26			
10	27	AD-517258.2	10мг/кг	
	28			
	29			
11	30	AD-517197.2	10мг/кг	
	31			
	32			
12	33	AD-517258.2	10мг/кг	
	34			
	35			
	36			

Таблица 21

ID дуплекса	ID олигонуклеотида	цепь	Нуклеотидная последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:
AD-517197.2	A-150304.3	смысловая	csasugagCfaAfGfAfuugcaacuL96	1746
	A-999710.1	антисмысл	asAfsguug(Cgn)aaaucuUfgCfucaugssusa	1747
AD-517258.2	A-999829.1	смысловая	ascsuugcUfaCfCfCfauuaggauauL96	1748
	A-999830.1	антисмысл	asUfsaucc(Tgn)aaugggUfaGfcaagususg	1749

Таблица 22

Дуплекс	% остаточного сигнала, нормализованного к PBS	SD, стандартное отклонение
PBS День 7	101.19	11.20
Без обработки День 7	89.04	18.18
AD-517197.2 3 мг/кг	84.36	5.65
AD-517258 3 мг/кг	76.75	12.42
AD-517197.2 10 мг/кг	56.72	6.90
AD-517258 10 мг/кг	77.23	10.55
PBS День 14	103.60	19.54
Без обработки День 14	95.55	14.11
AD-517197.2 3 мг/кг	89.05	3.84
AD-517258 3 мг/кг	136.33	11.85
AD-517197.2 10 мг/кг	78.79	9.48
AD-517258 10 мг/кг	61.83	6.29

Дополнительные дуплексы, представляющие интерес, идентифицированные в вышеприведенных исследованиях *in vitro*, также оценивали *in vivo*. В частности, за день до введения дозы 14 мышей дикого типа (C57BL/6) были трансдуцированы путем внутривенного введения 2×10^{11} вирусных частиц вектора аденоассоциированного вируса 8 (AAV8), кодирующего PNPLA3 человека. В частности, мышам вводили AAV8, кодирующий открытую рамку считывания, и 3'-UTR PNPLA3 человека, указанный в NM_025225.2 (AAV8.-TBG-PI-PNPLA3).

В день 0, время 0, группам из трех мышей подкожно вводили однократную дозу 3 мг/кг интересующего агента (за исключением AD-517258.2), за которой приблизительно через 1 ч следовала однократная доза 7 мг/кг того же агента, который вводился в точке времени 0, или PBS-контроль, вводимый в день 0, время 0. Мышам, которым вводили AD-517258.2, вводили только одну дозу такового 3 мг/кг в день 0, время 0. В табл. 20 представлены группы лечения, а в табл. 21 предоставлены модифицированные нуклеотидные последовательности смысловой и антисмысловой цепей представляющих интерес дуплексов. На 7-й день после введения дозы животных умерщвляли, образцы печени собирали и быстро замораживали в жидком азоте. Тканевую мРНК экстрагировали и анализировали методом RT-QPCR.

Уровни мРНК PNPLA3 человека сравнивали с уровнем мРНК гена домашнего хозяйства GAPDH. Затем значения нормализовали к среднему значению для контрольной группы с носителем PBS. Данные были выражены в процентах от исходного уровня значения и представлены как среднее значение плюс стандартное отклонение. Результаты, перечисленные в табл. 25 и показанные на фиг. 2, демонстрируют, что протестированные репрезентативные дуплексные агенты эффективно снижают уровень матричной РНК PNPLA3 человека *in vivo*.

Таблица 23

Группа #	Животное #	Обработка	Доза	
1	1	PBS	нет	
	2			
	3			
2	4	Без обработки	нет	
	5			
	6			
	7			
3	8	AD-517197.2	10 мг/кг (3 мг/кг с последующей дозой 7 мг/кг ~1час позже)	
	9			
4	10	AD-516748.2		
	11			
	12			
5	13	AD-516851.2		
	14			
	15			
6	16	AD-517258.2		3 мг/кг
	17			
	18			
7	19	AD-519351.2		
	20			
	21			
8	22	AD-519754.2		
	23			
	24			
9	25	AD-519828.2		
	26			
	27			
10	28	AD-520018.2		
	29			
	30			
11	31	AD-520035.2		
	32			
	33			
12	34	AD-520062.2		
	35			
	36			
13	37	AD-520064.2		
	38			
	39			
14	40	AD-520065.2		
	41			
	42			
15	43	AD-520067.2		
	44			
	45			

16	46	AD-75289.2
	47	
	48	
17	49	AD-520069.2
	50	
	51	
18	52	AD-520099.2
	53	
	54	
19	55	AD-67575.7
	56	
	57	
20	58	AD-520101.2
	59	
	60	
21	61	AD-67605.7
	62	
	63	

Таблица 24

ID дуплекса	ID олигонуклеотида	Цепь	SEQ ID NO:	Нуклеотидная последовательность от 5' до 3'
AD-517197.2	A-150304.3	смысловая	1750	csasugagCfaAfGfAfuugсаасу L96
	A-999710.1	antis	1751	asAfsguug(Cgn)aaaucuUfgCfuc augсusa
AD-516748.2	A-998818.1	смысловая	1752	асасаgacGfaAfGfUfcguggaugcu L96
	A-998819.1	antis	1753	asGfсаuc(Cgn)асgacuUfcGfucu uugsg
AD-516851.2	A-999023.1	смысловая	1754	ugsgaucCfaAfAfAfcaccауcau L96
	A-999024.1	antis	1755	asUfsgaug(Ggn)uuguuuUfgGfca ucasasu
AD-517258.2	A-999829.1	смысловая	1756	ассуugcUfaCfCfcfauuaggauau L96
	A-999830.1	antis	1757	asUfsauc(Cgn)aaugggUfaGfcaа gusug
AD-519351.2	A-999855.1	смысловая	1758	асgsgаааAfuGfUfCfuuauguaаuu L96
	A-1003070.1	antis	1759	asAfsuuaCfaUfAfagacAfuUfauc cusasa
AD-519754.2	A-1000664.1	смысловая	1760	gsasgcugAfgUfUfGfguuuuаугаu L96
	A-1003473.1	antis	1761	asUfscаuAfaAfAfccaaCfucfagc ucsasg
AD-519828.2	A-1000812.1	смысловая	1762	csасucagCfaUfGfCfguuaаuucau L96

	A-1003547.1	antis	1763	asUfsgaaUfuAfAfcgcaUfgCfuga ugsusa
AD- 520018.2	A-1001193.1	смысловая	1764	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaau L96
	A-1003737.1	antis	1765	asUfsuuuAfgUfAfgucaAfgGfu aucsasu
AD- 520035.2	A-1001228.1	смысловая	1766	gsgsuaacAfaGfAfUfgauaaucau L96
	A-1003754.1	antis	1767	asUfsagaUfuAfUfcaucUfuGfuua ccscsc
AD- 520062.2	A-1001282.1	смысловая	1768	ascscuuuUfuCfAfCfcuaacuaaa L96
	A-1003781.1	антисмысл	1769	asUfsuuaGfuUfAfggugAfaAfaa ggusgsu
AD- 520064.2	A-1001286.1	смысловая	1770	csusuuuuCfaCfCfUfaacuaaaau L96
	A-1003783.1	антисмысл	1771	asAfsuuuUfaGfUfuaggUfgAfaaa agsgsu
AD- 520065.2	A-1001288.1	смысловая	1772	ususuuucAfcCfUfAfacuaaaau L96
	A-1003784.1	антисмысл	1773	asUfsauuUfuAfGfuuaGfuGfaaa aasgsg
AD- 520067.2	A-1001292.1	смысловая	1774	ususucacCfuAfAfCfuaaaaau L96
	A-1003786.1	антисмысл	1775	asAfsuuaUfuUfUfaguUfAfgGfug aaasasa
AD- 75289.2	A-150350.2	смысловая	1776	ususcaccUfaAfCfUfaaaauaagu L96
	A-150351.2	антисмысл	1777	asCfsauuAfuUfUfuaguUfaGfgu gaasasa
AD- 520069.2	A-1001296.1	смысловая	1778	csascuaAfcUfAfAfaaaauaagu L96
	A-1003788.1	антисмысл	1779	asAfsacaUfuAfUfuuuuGfuUfagg ugsasa
AD- 520099.2	A-1001362.1	смысловая	1780	usgsuuacCfuGfUfUfgaaauuuugu L96
	A-1003818.1	антисмысл	1781	asAfscaaAfaUfUfcaacAfgGfuua casasc
AD- 67575.7	A-135333.4	смысловая	1782	ususaccuGfuUfGfAfauuuuguau L96
	A-135334.4	антисмысл	1783	asAfsuacAfaAfAfuucaAfcAfggu aascsa
AD- 520101.2	A-1001366.1	смысловая	1784	usascugUfuGfAfAfuuuuguauuu L96
	A-1003820.1	антисмысл	1785	asAfsauaCfaAfAfaucAfaCfagg uasasc
AD- 67605.7	A-135397.4	смысловая	1786	ascscuguUfgAfAfUfuuuuguauuu L96
	A-135398.4	антисмысл	1787	asUfsaauAfcAfAfaauuCfaAfcag gusasa

Таблица 25

Дуплекс	% остаточного сигнала	Стандартное отклонение SD
PBS	103.93	20.88
Без обработки	98.96	8.18
AD-517197.2	72.73	5.25
AD-516748.2	113.80	50.63
AD-516851.2	90.77	10.59
AD-517258.2	106.22	12.98
AD-519351.2	51.51	6.40
AD-519754.2	52.67	3.53
AD-519828.2	80.26	9.81
AD-520018.2	35.16	14.27
AD-520035.2	84.43	13.85
AD-520062.2	55.69	6.76
AD-520064.2	101.98	17.12
AD-520065.2	83.81	26.80
AD-520067.2	77.07	13.29
AD-75289.2	85.71	16.74
AD-520069.2	88.70	10.81
AD-520099.2	104.33	28.27
AD-67575.7	97.80	18.17
AD-520101.2	97.77	6.29
AD-67605.7	107.86	21.32

Дополнительные представляющие интерес дуплексы, идентифицированные в вышеприведенных исследованиях *in vitro*, также оценивались *in vivo* методом титрования AAV. В частности, за день до введения дозы -14 мышей дикого типа (C57BL/6) трансдуцировали путем внутривенного введения 2×10^{11} , 2×10^{10} , 2×10^9 , или 2×10^8 вирусных частиц аденоассоциированного вирусного 8 (AAV8) вектора, кодирующий PNPLA3 человека. В частности, мышам вводили AAV8, кодирующий часть мРНК PNPLA3 человека, кодирующую открытую рамку считывания, и 3'-UTR мРНК PNPLA3 человека, обозначенную как NM_025225.2 (AAV8.-TBG-PI-PNPLA3).

В день 0, время 0, группам из трех мышей подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг интересующего агента или контрольного PBS. В табл. 26 приведены группы лечения, а в таблице 27 приведены модифицированные нуклеотидные последовательности смысловой и антисмысловой цепей представляющих интерес дуплексов. На 7-й день после введения дозы животных умерщвляли, образцы печени собирали и быстро замораживали в жидком азоте. Тканевую мРНК экстрагировали и анализировали методом RT-QPCR.

Уровни мРНК PNPLA3 человека сравнивали с таковыми гена домашнего хозяйства GAPDH. Затем значения нормализовали к среднему значению для контрольной группы с носителем PBS. Данные были выражены в процентах от исходного значения и представлены как среднее значение плюс стандартное отклонение. Результаты, перечисленные в табл. 28 и показанные на фиг. 3, демонстрируют, что протестированные репрезентативные дуплексные агенты эффективно снижают уровень матричной РНК PNPLA3 человека *in vivo*.

Таблица 26

Группа #	Животное #	Обработка	Доза	ААV титр (вирусных частиц/мышь)
1	1	PBS	нет	2.00E+11
	2			
	3			
2	4	AD-519351.4	10 мг/кг	
	5			
	6			
3	7	AD-519754.5		
	8			
	9			
4	10	AD-520062.5		
	11			
	12			
5	13	AD-520018.6		
	14			
	15			
6	16	PBS		нет
	17			
	18			
7	19	AD-519351.4	10 мг/кг	
	20			
	21			
8	22	AD-519754.5		
	23			
	24			
9	25	AD-520062.5		
	26			
	27			
10	28	AD-520018.6		
	29			
	30			
11	31	PBS		нет
	32			
	33			
12	34	AD-519351.4	10 мг/кг	
	35			
	36			
13	37	AD-519754.5		
	38			
	39			

14	40	AD-520062.5		
	41			
	42			
15	43	AD-520018.6		
	44			
	45			
16	46	PBS	нет	
	47			
	48			
17	49	AD-519351.4		
	50			
	51			
18	52	AD-519754.5		2.00E+08
	53			
	54			
19	55	AD-520062.5	10 мг/кг	
	56			
	57			
20	58	AD-520018.6		
	59			
	60			

Таблица 27

ID дуплекса	ID олигонуклеотида	Цепь	Нуклеотидная последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:
AD-519351.4	A-999855.2	смысловая	asgsgauaAfuGfUfCfuuauguaau uL96	1788
	A-1003070.2	антисмысл	asAfsuuaCfaUfAfagacAfuUfau ccusasa	1789
AD-519754.5	A-1000664.3	смысловая	gsasgcugAfgUfUfGfguuuuuga uL96	1790
	A-1003473.3	антисмысл	asUfscAuAfaAfAfccaaCfuCfagc ucsasg	1791
AD-520062.5	A-1001282.3	смысловая	ascscuuUfuCfAfCfuaacuaaaau L96	1792
	A-1003781.3	антисмысл	asUfsuuaGfuUfAfggugAfaAfaa ggusgsu	1793
AD-520018.6	A-1001193.3	смысловая	gsasuaacCfuUfGfAfcuaacuaaaau L96	1794
	A-1003737.3	антисмысл	asUfsuuuAfgUfAfgucaAfgGfuu aucsasu	1795

Таблица 28

Титр дозы AAV	Экспериментальная обработка	Средняя кратность увеличения	Стандартное отклонение SD
2E11	PBS	1.02	0.25
	AD-520018	0.34	0.01

	AD-519351	0.63	0.09
	AD-519754	0.58	0.09
	AD-520062	0.51	0.17
2E10	PBS	1.09	0.49
	AD-520018	0.37	0.07
	AD-519351	0.64	0.15
	AD-519754	0.39	0.17
	AD-520062	0.37	0.18
2E9	PBS	1.02	0.23
	AD-520018	0.19	0.13
	AD-519351	0.30	0.16
	AD-519754	0.38	0.02
	AD-520062	0.18	0.16
2E8	PBS	1.05	0.45
	AD-520018	0.59	0.50
	AD-519351	0.74	0.35
	AD-519754	1.23	0.52
	AD-520062	0.87	0.10

Дополнительные представляющие интерес дуплексы, идентифицированные в вышеприведенных исследованиях *in vitro*, также оценивали *in vivo*. В частности, за день до введения дозы 14 мышей дикого типа (C57BL/6) подвергли трансдукции путем внутривенного введения 2×10^{11} вирусных частиц (что соответствует 2.4×10^{13} копий генома/мл) аденоассоциированного вирусного вектора (AAV8), кодирующего PNPLA3 человека. В частности, мышам вводили AAV8, кодирующий часть мРНК PNPLA3 человека, кодирующую открытую рамку считывания, и 3'-UTR мРНК PNPLA3 человека, обозначенную как NM_025225.2 (AAV8.-TBG-PI-PNPLA3).

Для каждого интересующего агента в день 0 одной группе из трех мышей подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг интересующего агента или PBS-контроль. Другой группе из трех мышей для каждого интересующего агента подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг интересующего агента или контроль PBS в День 0 и последующую дозу 10 мг/кг агента в День 1. Для каждого интересующего агента третьей группе из трех мышей подкожно вводили разовую дозу 10 мг/кг интересующего агента или контрольного PBS в День 0, последующую дозу 10 мг/кг агента в День 1 и еще 10 мг/кг дозу агента на 2-й день. В табл. 29 представлены группы лечения, а в табл. 30 представлены модифицированные нуклеотидные последовательности смысловой и антисмысловой цепей представляющих интерес дуплексов. Через семь дней после введения последней дозы животных умерщвляли, образцы печени собирали и быстро замораживали в жидком азоте. Тканевую мРНК экстрагировали и анализировали методом RT-QPCR.

Уровни мРНК PNPLA3 человека сравнивали с уровнями гена домашнего хозяйства GAPDH. Затем значения нормализовали к среднему значению для контрольной группы с носителем PBS. Данные были выражены в процентах от исходного значения и представлены как среднее значение плюс стандартное отклонение. Результаты, перечисленные в табл. 31 и показанные на фиг. 4, демонстрируют, что протестированные репрезентативные дуплексные агенты эффективно снижают уровень матричной РНК PNPLA3 человека *in vivo*.

Таблица 29

Группа #	Животное #	Обработка	Доза	Конец исследования
1	1	PBS	n/a	D7
	2			
	3			
2	4	Без обработки	n/a	
	5			
	6			
3	7	AD-520018.2	10 мг/кг D0	
	8			
	9			
4	10	AD-519351.2		
	11			
	12			
5	13	AD-519754.2		
	14			
	15			
6	16	AD-520062.2		
	17			
	18			
7	19	PBS	10 мг/кг D0, 10 мг/кг D1 (20 мг/кг всего)	D8
	20			
	21			
8	22	AD-520018.2		
	23			
	24			
9	25	AD-519351.2		
	26			
	27			
10	28	AD-519754.2		
	29			
	30			
11	31	AD-520062.2		
	32			
	33			
12	34	PBS	10 мг/кг D0, 10 мг/кг D1,	D9
	35			
13	36	AD-520018.2	10 мг/кг D2 (30 мг/кг всего)	
	37			
	38			
14	39	AD-519351.2		
	40			
	41			
15	42	AD-519754.2		
	43			
	44			
16	45	AD-520062.2		
	46			
	47			
	48			

Таблица 30

ID дуплекса	ID олигонуклеотида	Цепь	Нуклеотидная последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:
AD-520018.2	A-1001193.1	смысловая	gsasuaacCfuUfGfAfcuaaauL96	1796
	A-1003737.1	антисмысл	asUfsuuuAfgUfAfgucaAfgGfuuaucsasu	1797
AD-519351.2	A-999855.1	смысловая	asgsgauaAfuGfUfCfuuauuuL96	1798
	A-1003070.1	антисмысл	asAfsuuuCfaUfAfacacAfuUfaucsusasa	1799
AD-519754.2	A-1000664.1	смысловая	gsasgcugAfgUfUfGfguuuuugauL96	1800
	A-1003473.1	антисмысл	asUfscAuAfaAfAfccaaCfuCfagcucsasg	1801
AD-520062.2	A-1001282.1	смысловая	ascscuuuUfuCfAfCfcaaacuaauL96	1802
	A-1003781.1	антисмысл	asUfsuuuGfuUfAfggugAfaAfaagugsgsu	1803

Таблица 31

Дуплекс	% остаточного сигнала	Стандартное отклонение SD
PBS 10 мг/кг D7	101.3	18.9
Без обработки 10 мг/кг D7	120.9	24.9
AD-520018.2 10 мг/кг D7	41.7	12.3
AD-519351.2 10 мг/кг D7	35.9	9.4
AD-519754.2 10 мг/кг D7	58.6	6.8
AD-520062.2 10 мг/кг D7	45.4	6.4
PBS 20 мг/кг D8	100.6	12.4
AD-520018.2 20 мг/кг D8	31.8	5.6
AD-519351.2 20 мг/кг D8	27.9	1
AD-519754.2 20 мг/кг D8	50.5	4.3
AD-520062.2 20 мг/кг D8	49.9	4.3
PBS 30 мг/кг D9	101.8	23.3
AD-520018.2 30 мг/кг D9	45.8	18.5
AD-519351.2 30 мг/кг D9	22.4	10.4
AD-519754.2 30 мг/кг D9	41.3	9.5
AD-520062.2 30 мг/кг D9	61.4	12.3

Пример 4. Дизайн, синтез и скрининг *in vitro* дополнительных дуплексов dsРНК.

Были сконструированы, синтезированы и получены дополнительные siРНК при использовании способов, известных в данной области техники и описанных выше в примере 1.

Подробные списки дополнительных немодифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и антисмысловой цепей PNPLA3 показаны в табл. 32. Подробные списки модифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и антисмысловой цепей PNPLA3 показаны в табл. 33.

Для трансфекции клетки (ATCC, Manassas, VA) выращивали почти до слияния при 37°C в атмосфере с 5% CO₂ в минимальной основной среде Игла (Eagle's Minimum Essential Medium (Gibco) с добавлением 10% FBS (ATCC) перед высвобождением с планшета путем трипсинизации. Трансфекцию осуществляли путем добавления 7,5 мкл Opti-МЕМ плюс 0,1 мкл Lipofectamine РНКиMax на лунку (Invitrogen, Carlsbad CA. cat # 13778-150) к 2,5 мкл каждого дуплекса siРНК в отдельную лунку в 384-луночного планшета. Затем смесь инкубировали при комнатной температуре в течение 15 мин. Затем к смеси siРНК добавляли 40 мкл полной питательной среды без антибиотика, содержащей 1.5×10⁴ Hep3В клеток. Клетки инкубировали в течение 24 ч перед очисткой РНК. Эксперименты с однократной дозой проводили при конечной концентрации дуплекса 50, 10, 1 и 0,1 нМ.

Выделение тотальной РНК проводили с использованием DYNABEADS. Вкратце, клетки лизирова-

ли в 10 мкл лизирующего/связывающего буфера, содержащего 3 мкл гранул на лунку, и перемешивали в течение 10 мин на электростатическом шейкере. Этапы промывки были автоматизированы на Biotek EL406 с использованием магнитной опоры для пластин. Гранулы промывали (в 3 мкл) один раз в буфере А, один раз в буфере В и дважды в буфере Е с промежуточными этапами аспирации. После последней аспирации в каждую лунку добавляли 12 мкл полной RT смеси, как описано ниже.

Для синтеза кДНК (сDNA) в каждую лунку добавляли мастер-микс, состоящий из 1,5 мкл 10X буфера, 0,6 мкл 10X dNTP, 1,5 мкл случайных праймеров, 0,75 мкл обратной транскриптазы, 0,75 мкл ингибитора РНКазы и 9,9 мкл H₂O на реакцию. Планшеты запечатывали, встряхивали в течение 10 мин на электростатическом шейкере, а затем инкубировали при 37°C в течение 2 ч. После этого планшеты перемешивали при 80°C в течение 8 мин.

RT-qPCR выполняли как описано выше, и относительное кратное изменение рассчитывали, как описано выше.

Результаты анализа трансфекции агентами дсРНК, перечисленными в таблицах 32 и 33, в клетках Нер3В показаны в табл. 34. Результаты анализов трансфекции агентами дсРНК, перечисленными в таблицах 32 и 33, первичных гепатоцитов яванского макака (PCH) показаны в табл. 35.

Таблица 32. Немодифицированные последовательности смысловых и антисмысловых цепей средств на основе дсРНК, нацеленных на PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции в NM_025225.2	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции в NM_025225.2
AD-518658.1	GUCCUCUCAGAUCUUGUGCGU	1804	375-395	ACGCACAAGAUCUGAGAGGACC U	1938	373-395
AD-518707.1	CAUCCAUCCUUAACUUAAGU	1805	426-446	ACUUAAGUUGAAGGAUGGAUG GA	1939	424-446
AD-518708.1	AUCCAUCUUAACUUAAGCU	1806	427-447	AGCUUAAGUUGAAGGAUGGAU GG	1940	425-447
AD-518709.1	UCCAUCUUAACUUAAGCAU	1807	428-448	AUGCUUAAGUUGAAGGAUGGA UG	1941	426-448
AD-518722.1	UUAAGCAAGUCCUCGACA	1808	441-461	AUGUCGGAGGAACUUGCUUAAG U	1942	439-461
AD-518789.1	GCAAAAUAGGCAUCUCUCUU	1809	508-528	AAAGAGAGAUGCCUAAUUUGCC G	1943	506-528
AD-518791.1	AAAAUAGGCAUCUCUCUUAC	1810	510-530	AGUAAAGAGAGAUGCCUAAUUU GC	1944	508-530
AD-518792.1	AAAUAGGCAUCUCUCUUACC	1811	511-531	AGGUAAGAGAGAUGCCUAAUU UG	1945	509-531
AD-518794.1	AUAGGCAUCUCUCUUACCAG	1812	513-533	ACUGGUAAGAGAGAUGCCUAAU U	1946	511-533
AD-518800.1	AUCUCUCUUAACCAGAGUGU	1813	519-539	AGACACUCUGGUAAGAGAGAUG C	1947	517-539
AD-518827.1	ACUUUCGGUCAAAGACGAAU	1814	565-585	AUUCGUCUUUGGACCGAAAGUC A	1948	563-585
AD-518829.1	UUUCGGUCAAAGACGAAGU	1815	567-587	AACUUCGUCUUUGGACCGAAAG U	1949	565-587
AD-518831.2	CGGUCAAAGACGAAGUCGU	1816	570-590	AACGACUUCGUCUUUGGACCGA A	1950	568-590
AD-518832.2	GGUCAAAGACGAAGUCGUG	1817	571-591	ACACGACUUCGUCUUUGGACCG A	1951	569-591

AD-518857.1	UUGGUAUGUCCUGCUUCAU U	1818	597-617	AAUGAAGCAGGAACAUACCAAG G	1952	595-617
AD-518921.2	UGACAACGUACCCUUCAUUG U	1819	683-703	ACAAUGAAGGGUACGUUGUCAC U	1953	681-703
AD-518922.2	GACAACGUACCCUUCAUUGA U	1820	684-704	AUCAAUGAAGGGUACGUUGUCA C	1954	682-704
AD-518923.2	ACAACGUACCCUUCAUUGAU U	1821	685-705	AAUCAAUGAAGGGUACGUUGUC A	1955	683-705
AD-518924.2	CAACGUACCCUUCAUUGAUG U	1822	686-706	ACAUCAAUGAAGGGUACGUUGU C	1956	684-706
AD-518925.2	AACGUACCCUUCAUUGAUGC U	1823	687-707	AGCAUCAAUGAAGGGUACGUUG U	1957	685-707
AD-518967.1	UAAAGUCAAGUCCACGAACU U	1824	758-778	AAGUUCGUGGACUUGACUUUAG G	1958	756-778
AD-518968.1	AAAGUCAAGUCCACGAACU U	1825	759-779	AAAGUUCGUGGACUUGACUUUA G	1959	757-779
AD-518976.1	UCCACGAACUUUCUCAUGU U	1826	768-788	AACAUGAAGAAAGUUCGUGGAC U	1960	766-788
AD-518977.1	CCACGAACUUUCUCAUGUG U	1827	769-789	ACACAUGAAGAAAGUUCGUGGA C	1961	767-789
AD-518978.1	CACGAACUUUCUCAUGUGG A	1828	770-790	ACCACAUGAAGAAAGUUCGUGG A	1962	768-790
AD-518979.1	ACGAACUUUCUCAUGUGGA U	1829	771-791	AUCCACAUGAAGAAAGUUCGUG G	1963	769-791
AD-518980.2	CGAACUUUCUCAUGUGGAC U	1830	772-792	AGUCCACAUGAAGAAAGUUCGU G	1964	770-792
AD-519043.1	UUCUCUCGAGAGCUUUUGUC U	1831	835-855	AGACAAAAGCUCUCGAGAGAAG G	1965	833-855
AD-519340.1	UGC UACCCAUUAGGAUAAUG U	1832	1207-1227	ACAUUAUCCUAAUGGGUAGCAA G	1966	1205-1227
AD-519341.1	GCUACCCAUUAGGAUAAUGU U	1833	1208-1228	AACAUUAUCCUAAUGGGUAGCA A	1967	1206-1228
AD-519342.1	CUACCCAUUAGGAUAAUGUC U	1834	1209-1229	AGACAUUAUCCUAAUGGGUAGC A	1968	1207-1229
AD-519343.1	UACCCAUUAGGAUAAUGUCU U	1835	1210-1230	AAGACAUUAUCCUAAUGGGUAG C	1969	1208-1230
AD-519344.1	ACCCAUUAGGAUAAUGUCUU U	1836	1211-1231	AAAGACAUUAUCCUAAUGGGUA G	1970	1209-1231
AD-519349.1	UUAGGAUAAUGUCUUAUGU AU	1837	1216-1236	AUACAUAAAGACAUUAUCCUAAU G	1971	1214-1236
AD-519350.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGUA AU	1838	1217-1237	AUUACAUAAAGACAUUAUCCUAA U	1972	1215-1237
AD-519477.1	UCACAGGUGUUCACUCGAGU U	1839	1344-1364	AACUCGAGUGAACACCUGUGAG G	1973	1342-1364
AD-519596.1	CUUGGGCAAUAAAGUACCGU U	1840	1544-1564	ACAGGUACUUUUAUUGCCCAAGA A	1974	1542-1564
AD-519622.1	UUCCAGUUUUUCACUAGAG U	1841	1588-1608	ACUCUAGUGAAAAACUGGGAAA G	1975	1586-1608
AD-519666.1	GCGAGUCUAGCAGAUUCUU U	1842	1632-1652	AAAGAAUCUGCUAGACUCGCCU C	1976	1630-1652
AD-519667.1	GCGAGUCUAGCAGAUUCUUU U	1843	1633-1653	AAAAGAAUCUGCUAGACUCGCC U	1977	1631-1653
AD-519668.1	CGAGUCUAGCAGAUUCUUUC U	1844	1634-1654	AGAAAGAAUCUGCUAGACUCGC C	1978	1632-1654
AD-519669.1	GAGUCUAGCAGAUUCUUUCA U	1845	1635-1655	AUGAAAGAAUCUGCUAGACUCG C	1979	1633-1655
AD-519670.1	AGUCUAGCAGAUUCUUUCAG U	1846	1636-1656	ACUGAAAGAAUCUGCUAGACUC G	1980	1634-1656
AD-519671.1	GUCUAGCAGAUUCUUUCAGA U	1847	1637-1657	AUCUGAAAGAAUCUGCUAGACU C	1981	1635-1657
AD-519672.1	UCUAGCAGAUUCUUUCAGAG U	1848	1638-1658	ACUCUGAAAGAAUCUGCUAGAC U	1982	1636-1658
AD-519691.1	UGC UAAAGUUUCCCAUCUUU U	1849	1659-1679	AAAAGAUGGGAAACUUUAGCAC C	1983	1657-1679
AD-519692.1	GCUAAAGUUUCCCAUCUUUG U	1850	1660-1680	ACAAAGAUGGGAAACUUUAGCA C	1984	1658-1680
AD-519693.1	CUAAAGUUUCCCAUCUUUGU U	1851	1661-1681	AACAAAGAUGGGAAACUUUAGC A	1985	1659-1681

AD-519694.1	UAAAGUUUCCCAUCUUUGUG U	1852	1662-1682	ACACAAAGAUGGGAACUUUAG C	1986	1660-1682
AD-519696.1	AAGUUUCCCAUCUUUGUGCA U	1853	1664-1684	AUGCACAAAGAUGGGAACUUU A	1987	1662-1684
AD-67554.6	UCUGAGCUGAGUUGGUUUUA U	1854	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAGAG G	1988	1738-1760
AD-519752.2	CUGAGCUGAGUUGGUUUUAU U	1855	1741-1761	AAUAAAACCAACUCAGCUCAGA G	1989	1739-1761
AD-519753.2	UGAGCUGAGUUGGUUUUAU GU	1856	1742-1762	ACAUAAAACCAACUCAGCUCAG A	1990	1740-1762
AD-519754.8	GAGCUGAGUUGGUUUUAUG AU	1857	1743-1763	AUCAUAAAACCAACUCAGCUCA G	1991	1741-1763
AD-519755.4	AGCUGAGUUGGUUUUAUGA AU	1858	1744-1764	AUUCAUAAAACCAACUCAGCUC A	1992	1742-1764
AD-519759.2	GAGUUGGUUUUAUGAAAAG CU	1859	1748-1768	AGCUUUUCAUAAAACCAACUCA G	1993	1746-1768
AD-519760.2	AGUUGGUUUUAUGAAAAGC UU	1860	1749-1769	AAGCUUUUCAUAAAACCAACUC A	1994	1747-1769
AD-519761.2	GUUGGUUUUAUGAAAAGCU AU	1861	1750-1770	AUAGCUUUUCAUAAAACCAACU C	1995	1748-1770
AD-519766.2	UUUUUAUGAAAAGCUAGGAA GU	1862	1755-1775	ACUUCCUAGCUUUUCAUAAAAC C	1996	1753-1775
AD-519773.1	AAAAGCUAGGAAGCAACCUU U	1863	1762-1782	AAAGGUUGCUUCCUAGCUUUUC A	1997	1760-1782
AD-519776.1	AGCUAGGAAGCAACCUUUCG U	1864	1765-1785	ACGAAAGGUUGCUUCCUAGCUU U	1998	1763-1785
AD-519777.1	GCUAGGAAGCAACCUUUCGC U	1865	1766-1786	AGCGAAAGGUUGCUUCCUAGCU U	1999	1764-1786
AD-519779.1	UAGGAAGCAACCUUUCGCCU U	1866	1768-1788	AAGGCGAAAGGUUGCUUCCUAG C	2000	1766-1788
AD-519809.1	CCAGCACUUAACUCUAAUAC U	1867	1798-1818	AGUAUUAGAGUUAAGUGCUGG AC	2001	1796-1818
AD-519810.1	CAGCACUUAACUCUAAUACA U	1868	1799-1819	AUGUAUUAGAGUUAAGUGCUG GA	2002	1797-1819
AD-519811.1	AGCACUUAACUCUAAUACA U	1869	1800-1820	AAUGUAUUAGAGUUAAGUGC GG	2003	1798-1820
AD-519814.1	ACUUAACUCUAAUACAUCAG U	1870	1803-1823	ACUGAUGUAUUAGAGUUAAGU GC	2004	1801-1823
AD-519820.1	CUCUAAUACAUCAGCAUGCG U	1871	1809-1829	ACGCAUGCUGAUGUAUUAGAGU U	2005	1807-1829
AD-519821.1	UCUAAUACAUCAGCAUGCGU U	1872	1810-1830	AACGCAUGCUGAUGUAUUAGAG U	2006	1808-1830
AD-519822.1	CUAAUACAUCAGCAUGCGUU U	1873	1811-1831	AAACGCAUGCUGAUGUAUUAGA G	2007	1809-1831
AD-519823.1	UAAUACAUCAGCAUGCGUUA U	1874	1812-1832	AUAACGCAUGCUGAUGUAUUAG A	2008	1810-1832
AD-519826.1	UACAUCAGCAUGCGUUAUU U	1875	1815-1835	AAUUUAACGCAUGCUGAUGUAU U	2009	1813-1835
AD-519827.1	ACAUCAGCAUGCGUUAUUUC U	1876	1816-1836	AGAAUUUAACGCAUGCUGAUGUA U	2010	1814-1836
AD-519828.3	CAUCAGCAUGCGUUAUUUCA U	1877	1817-1837	AUGAAUUUAACGCAUGCUGAUGU A	2011	1815-1837
AD-519830.1	UCAGCAUGCUGUUAUUUCAGC U	1878	1819-1839	AGCUGAAUUUAACGCAUGCUGAU G	2012	1817-1839
AD-519832.1	AGCAUGCUGUUAUUUCAGCUG U	1879	1821-1841	ACAGCUGAAUUUAACGCAUGCUG A	2013	1819-1841
AD-519887.1	GUCCCUUACUGACUGUUUCG U	1880	1876-1896	ACGAAACAGUCAGUAAGGGACC C	2014	1874-1896
AD-519888.1	UCCCUUACUGACUGUUUCGU U	1881	1877-1897	AACGAAACAGUCAGUAAGGGAC C	2015	1875-1897
AD-519889.1	CCCUUACUGACUGUUUCGUG U	1882	1878-1898	ACACGAAACAGUCAGUAAGGGA C	2016	1876-1898
AD-519890.1	CCUUAACUGACUGUUUCGUGG U	1883	1879-1899	ACCACGAAACAGUCAGUAAGGG A	2017	1877-1899
AD-519929.1	UUCAGCAUGAGGUUCUAG U	1884	1919-1939	ACUAAGAACCUCUAGCUGGAAC A	2018	1917-1939
AD-519931.1	CCAGCAUGAGGUUCUAGAA U	1885	1921-1941	AUUCUAAGAACCUCUAGCUGGA A	2019	1919-1941

AD-519932.1	CAGCAUGAGGUUCUUAGAAU U	1886	1922-1942	AAUUCUAAGAACCUCAUGCUGG A	2020	1920-1942
AD-519933.1	AGCAUGAGGUUCUUAGAAUG U	1887	1923-1943	ACAUUCUAAGAACCUCAUGCUG G	2021	1921-1943
AD-519935.2	CAUGAGGUUCUUAGAAUGAC U	1888	1925-1945	AGUCAUUCUAAGAACCUCAUGC U	2022	1923-1945
AD-519942.1	UUCUUAGAAUGACAGGUGUU U	1889	1932-1952	AAACACCUGUCAUUCUAAGAAC C	2023	1930-1952
AD-520005.1	GGUCUGCAAAGAUGAUAAACC U	1890	2097-2117	AGGUUAUCAUCUUUGCAGACCA C	2024	2095-2117
AD-520006.1	GUCUGCAAAGAUGAUAACCU U	1891	2098-2118	AAGGUUAUCAUCUUUGCAGACC A	2025	2096-2118
AD-520007.1	UCUGCAAAGAUGAUAACCUU U	1892	2099-2119	AAAGGUUAUCAUCUUUGCAGAC C	2026	2097-2119
AD-520008.1	CUGCAAAGAUGAUAACCUUG U	1893	2100-2120	ACAAGGUUAUCAUCUUUGCAGA C	2027	2098-2120
AD-520011.1	CAAAGAUGAUAACCUUGACU U	1894	2103-2123	AAGUCAAGGUUAUCAUCUUUGC A	2028	2101-2123
AD-520020.1	UAACCUUGACUACUAAAAAC U	1895	2112-2132	AGUUUUUAGUAGUCAAGGUUA UC	2029	2110-2132
AD-520021.1	AACCUUGACUACUAAAAACG U	1896	2113-2133	ACGUUUUUAGUAGUCAAGGU AU	2030	2111-2133
AD-520022.1	ACCUUGACUACUAAAAACGU U	1897	2114-2134	AACGUUUUUAGUAGUCAAGGU UA	2031	2112-2134
AD-520023.1	CCUUGACUACUAAAAACGUC U	1898	2115-2135	AGACGUUUUUAGUAGUCAAGG UU	2032	2113-2135
AD-520024.1	CUUGACUACUAAAAACGUCU U	1899	2116-2136	AAGACGUUUUUAGUAGUCAAG GU	2033	2114-2136
AD-520025.1	UUGACUACUAAAAACGUCUC U	1900	2117-2137	AGAGACGUUUUUAGUAGUCA AGG	2034	2115-2137
AD-520034.1	GGGUAACAAGAUGAUAAUCU U	1901	2145-2165	AAGAUUAUCAUCUUGUUACCCC C	2035	2143-2165
AD-520035.3	GGUAACAAGAUGAUAAUCUA U	1902	2146-2166	AUAGAUUAUCAUCUUGUUACCC C	2036	2144-2166
AD-520036.1	GUAACAAGAUGAUAAUCUAC U	1903	2147-2167	AGUAGAUUAUCAUCUUGUUACC C	2037	2145-2167
AD-520037.1	UAACAAGAUGAUAAUCUACU U	1904	2148-2168	AAGUAGAUUAUCAUCUUGUUAC C	2038	2146-2168
AD-520038.1	AACAAGAUGAUAAUCUACUU U	1905	2149-2169	AAAGUAGAUUAUCAUCUUGUU AC	2039	2147-2169
AD-520053.1	UUUUAGAACACCUUUUUCAC U	1906	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAAA UU	2040	2169-2191
AD-520060.3	ACACCUUUUUCACCUAACUA U	1907	2178-2198	AUAGUUAGGUGAAAAAGGUGU UC	2041	2176-2198
AD-520061.3	CACCUUUUUCACCUAACUAA U	1908	2179-2199	AUUAGUUAGGUGAAAAAGGUG UU	2042	2177-2199
AD-520064.5	CUUUUUCACCUAACUAAAAU U	1909	2182-2202	AAUUUUAGUUAGGUGAAAAAG GU	2043	2180-2202
AD-520065.4	UUUUUCACCUAACUAAAAUA U	1910	2183-2203	AUAUUUUAGUUAGGUGAAAA GG	2044	2181-2203
AD-520066.2	UUUUCACCUAACUAAAAUAA U	1911	2184-2204	AUUUUUUAGUUAGGUGAAAA AG	2045	2182-2204
AD-520067.3	UUUCACCUAACUAAAAUAAU U	1912	2185-2205	AAUUUUUUAGUUAGGUGAAA AA	2046	2183-2205
AD-75289.4	UUCACCUAACUAAAAUAAUG U	1913	2186-2206	ACAUUUUUUAGUUAGGUGAA AA	2047	2184-2206
AD-520068.3	UCACCUAACUAAAAUAAUGU U	1914	2187-2207	AACAUUUUUUAGUUAGGUGA AA	2048	2185-2207
AD-520069.3	CACCUAACUAAAAUAAUGUU U	1915	2188-2208	AAACAUUUUUUAGUUAGGUG AA	2049	2186-2208
AD-520087.1	AUGUAAGGAAGCGUUGUUAC U	1916	2227-2247	AGUAACAACGCUUCCUACA UU	2050	2225-2247
AD-520095.1	AAGCGUUGUUACCGUUGAA U	1917	2235-2255	AUUCAACAGGUAACAACGCUUC C	2051	2233-2255
AD-520096.1	AGCGUUGUUACCGUUGAAU U	1918	2236-2256	AAUUCAACAGGUAACAACGCU C	2052	2234-2256
AD-520098.2	GUUGUUACCGUUGAAUUUU U	1919	2239-2259	AAAAUUCAACAGGUAACAACG C	2053	2237-2259

AD-75256.2	UUGUUACCGUUGAAUUUUG U	1920	2240-2260	ACAAAAUUCAACAGGUAACAAC G	2054	2238-2260
AD-520099.3	UGUUACCGUUGAAUUUUGU U	1921	2241-2261	AACAAAAUUCAACAGGUAACAA C	2055	2239-2261
AD-67575.8	UUACCGUUGAAUUUUGUAU U	1922	2243-2263	AAUACAAAAUUCAACAGGUAAC A	2056	2241-2263
AD-520101.3	UACCGUUGAAUUUUGUAUU U	1923	2244-2264	AAAUACAAAAUUCAACAGGUA C	2057	2242-2264
AD-67605.8	ACCUGUUGAAUUUUGUAUUA U	1924	2245-2265	AUAAUACAAAAUUCAACAGGUA A	2058	2243-2265
AD-520102.1	CUGUUGAAUUUUGUAUUUAU GU	1925	2247-2267	ACAUAAUACAAAAUUCAACAGG U	2059	2245-2267
AD-520103.1	GUUGAAUUUUGUAUUUAUGU GU	1926	2249-2269	ACACAUAAUACAAAAUUCAACA G	2060	2247-2269
AD-520123.1	CAGUGAGAUGUAGUAGAA UU	1927	2272-2292	AAUUCUACUACAUCUCACUGA U	2061	2270-2292
AD-520127.1	GAGAUGUUAGUAGAAUAAG CU	1928	2276-2296	AGCUUAAUUCUACUACAUCUCA C	2062	2274-2296
AD-520133.1	UAGUAGAAUAAGCCUAAAA U	1929	2283-2303	AUUUUAAAGCUUAAUUCUACUA C	2063	2281-2303
AD-520350.1	GCUGAGAUUGCACCAUUUCA U	1930	2542-2562	AUGAAAUGGUGCAAUCUCAGCU C	2064	2540-2562
AD-520351.1	CUGAGAUUGCACCAUUUCAU U	1931	2543-2563	AAUGAAAUGGUGCAAUCUCAGC U	2065	2541-2563
AD-520352.2	UGAGAUUGCACCAUUUCAUU U	1932	2544-2564	AAAUGAAAUGGUGCAAUCUCAG C	2066	2542-2564
AD-520354.1	AGAUUGCACCAUUUCAUUC U	1933	2546-2566	AGGAAUGAAAUGGUGCAAUCUC A	2067	2544-2566
AD-520391.1	AACAAAAUAAUCUAGUGUGC U	1934	2616-2636	AGCACACUAGAUUAAUUUGUUU U	2068	2614-2636
AD-520393.1	CAAAAAUAAUCUAGUGUGCAG U	1935	2618-2638	ACUGCACACUAGAUUAAUUUGU U	2069	2616-2638
AD-520467.2	UUGAACCGGCUUAAUUUCU U	1936	2714-2734	AAGAAAAUAGCCAGGUUCAAG U	2070	2712-2734
AD-520481.1	CACAUGGUCAGUGAGUUUCU U	1937	2748-2768	AAGAAACUCACUGACCAUGUGG G	2071	2746-2768

Таблица 33. Модифицированные последовательности смысловых и антисмысловых цепей средств на основе дсРНК, нацеленных на PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	целевая последовательность мРНК	SEQ ID NO:
AD-518658.1	gsusccucUfcAfGfAfcuuugug cguL96	207 2	asCfsgcaCfaAfGfauGfGfaggacsu	220 6	AGGUCCUCUCAGAUUCUUG UGCGG	234 0
AD-518707.1	csasuccaUfcCfUfUfcaacuuaa guL96	207 3	asCfsuuaAfgUfUfgaagGfUfggaugsa	220 7	UCCAUCCAUCCUUAACUU AAGC	234 1
AD-518708.1	asusccauCfcUfUfCfaacuuaag cuL96	207 4	asGfscuuAfaGfUfugaGfGfuggausgs	220 8	CCAUCCAUCCUUAACUUA AGCA	234 2
AD-518709.1	uscscaucCfuUfCfAfacuuaagc auL96	207 5	asUfsgcuUfaAfGfugaAfgGfuggasus	220 9	CAUCCAUCCUUAACUUA GCAA	234 3
AD-518722.1	ususaagcAfaGfUfUfccuccgac auL96	207 6	asUfsgucGfgAfGfgaacUfuGfcuuaagsu	221 0	ACUUAAGCAAGUUCUCC GACAG	234 4
AD-518789.1	gscsaaaaUfaGfGfCfaucucucu uuL96	207 7	asAfsagaGfaGfAfugccUfaUfuuuugscsg	221 1	CGGCAAAUAGGCAUCUC UCUUA	234 5
AD-518791.1	asasaauGfgCfAfUfucucucuua cuL96	207 8	asGfsuuaGfaGfAfgaugCfcUfuuuusgsc	221 2	GCAAAUAGGCAUCUCUC UUACC	234 6
AD-518792.1	asasaauGfgCfAfUfucucucuua cuL96	207 9	asGfsguaAfgAfGfagauGfcCfuuuuusg	221 3	CAAAUAGGCAUCUCUCU UACCA	234 7
AD-518794.1	asusagcAfuCfUfCfucuuacca guL96	208 0	asCfsuggUfaAfGfagagAfuGfcuuausuu	221 4	AAAUAGGCAUCUCUCUUA CCAGA	234 8
AD-518800.1	asuscucuCfuUfAfCfcagagug ucuL96	208 1	asGfsacaCfuCfUfugguaAfgAfgagausgsc	221 5	GCAUCUCUCUUAACCAGAG UGUCU	234 9
AD-518827.1	ascsuuucGfgUfCfCfaaagacga auL96	208 2	asUfsucgUfcUfUfuggaCfcGfaaagusc	221 6	UGACUUUCGGUCCAAAGA CGAAG	235 0
AD-518829.1	ususucggUfcCfAfAfacagaa guuL96	208 3	asAfsuuCfGfUfCfuuuGfGfcgaaagsu	221 7	ACUUUCGGUCCAAAGACG AAGUC	235 1

AD-518831.2	csgsguicAfaAfGfAfcgaaguc guuL96	208 4	asAfsccaCfuUfCfGucUfuGfgaccgsasa	221 8	UUCGGUCCAAAGACGAAG UCGUG	235 2
AD-518832.2	gsgsuccaAfaGfAfcfgaagucg uguL96	208 5	asCfsacgAfcUfUfCgucUfuUfggaccgsa	221 9	UCGGUCCAAAGACGAAGU CGUGG	235 3
AD-518857.1	usugguaUfgUfCfcugcuuc auuL96	208 6	asAfsugaAfgCfAfggaaCfaUfaccasgsg	222 0	CCUUGGUAUGUCCUGCU UCAUC	235 4
AD-518921.2	usgsacaaCfGfAfcfcuucuu guL96	208 7	asCfsaauGfaAfgfggaaCfGfUfugucascu	222 1	AGUGACAACGUACCCUUC AUUGA	235 5
AD-518922.2	gsascaacGfuAfcCfcfcuucuu guL96	208 8	asUfscaaUfgAfaAfggaaCfGfUfugucasc	222 2	GUGACAACGUACCCUUCA UUGAU	235 6
AD-518923.2	ascsaacgUfaCfCfcfcuucuu guL96	208 9	asAfsucaAfuGfAfgggUfaCfuuugusc	222 3	UGACAACGUACCCUUCAU UGAUG	235 7
AD-518924.2	csasacguAfcCfCfcfcuucuu guL96	209 0	asCfsaucAfaUfGfaagGfuAfcguugsusc	222 4	GACAACGUACCCUUCAU GAUGC	235 8
AD-518925.2	asascguaCfcCfUfUfcauuga cuL96	209 1	asGfscauAfaUfUfgaagGfUfUfacguusgsu	222 5	ACAACGUACCCUUCAUUG AUGCC	235 9
AD-518967.1	usasaaguCfaAfcGfUfccacgaac uuL96	209 2	asAfsuuCfGfUfGfgacuUfgAfcuuuasgs g	222 6	CCUAAAGUCAAGUCCACG AACUU	236 0
AD-518968.1	asasagucAfaGfUfCfcacgaacu uuL96	209 3	asAfsaguUfcGfUfggaaCfuGfuuuasag	222 7	CUAAAGUCAAGUCCACGA ACUUU	236 1
AD-518976.1	uscsacgAfaCfUfUfcauucuu guL96	209 4	asAfscauGfaAfgaaGfuUfUfggascu	222 8	AGUCCACGAACUUCUUC AUGUG	236 2
AD-518977.1	cscaacgaAfcUfUfUfcauucuu guL96	209 5	asCfsacaUfgAfaAfgaaGfuUfUfggasc	222 9	GUCCACGAACUUCUUCU UGUGG	236 3
AD-518978.1	csascgaaCfuUfUfcauucuu guL96	209 6	asCfsaacAfuGfAfgaaGfuUfUfggasc	223 0	UCCACGAACUUCUUCU GUGGA	236 4
AD-518979.1	ascsaacUfuUfUfcauucuu guL96	209 7	asUfscacCfaUfGfaagaAfaGfuuuasgs	223 1	CCACGAACUUCUUCU UGGAC	236 5
AD-518980.2	csgsaacuUfuUfUfcauucuu acuL96	209 8	asGfsuccAfcUfUfgaaAfaAfguuuasgs	223 2	CACGAACUUCUUCU GGACA	236 6
AD-519043.1	ususcucuCfGfAfcGfAfcuuu ucL96	209 9	asGfsacaAfaAfcGfucuUfgAfgaaasgs	223 3	CCUUCUCGAGAGCUU UGUCC	236 7
AD-519340.1	usgscuacCfcAfuUfUfagauaa guL96	210 0	asCfsaauAfuCfcfuaauGfgGfuagcasag	223 4	CUUGCUACCCAUUAGGAU AAUGU	236 8
AD-519341.1	gscsuaccCfaUfUfAfggaaau guuL96	210 1	asAfscauUfaUfCfcuaaUfgGfguagcsasa	223 5	UUGCUACCCAUUAGGAU AUGUC	236 9
AD-519342.1	csusaccAfuUfAfggaaau ucL96	210 2	asGfsacaUfuUfUfcauAfuUfggaaasgsa	223 6	UGCUACCCAUUAGGAU UGUCU	237 0
AD-519343.1	usascacaUfuUfUfGfaaaau cuuL96	210 3	asAfsaacAfuUfAfcuuAfaUfggaaasgsa	223 7	GCUACCCAUUAGGAU GUCUU	237 1
AD-519344.1	ascscacuUfaGfGfAfaaau uuL96	210 4	asAfsagaCfaUfUfauccUfaAfuUfggaaasgsa	223 8	CUACCCAUUAGGAU UCUUA	237 2
AD-519349.1	usasaggaUfaUfUfGfuuu uauL96	210 5	asUfsacaUfaAfgfacaUfaUfcauucuu	223 9	CAUUAGGAUAAUGUCU UGUAA	237 3
AD-519350.1	usasggauAfaUfGfUfcauucuu auL96	210 6	asUfsuacAfuAfaAfgacaUfaUfcauucuu	224 0	AUUAGGAUAAUGUCU GUAAU	237 4
AD-519477.1	uscsacagGfuUfUfcauucuu guuL96	210 7	asAfsuacGfaGfUfgaacAfcUfugaaasgsa	224 1	CCUCACAGGUGUACACUCG AGUG	237 5
AD-519596.1	csusuggCfaAfuUfAfaaau guL96	210 8	asCfsaggUfaCfUfuuuuUfgCfcaaggsasa	224 2	UUCUUGGGCAAUAAAGUA CCUGC	237 6
AD-519622.1	uscccacaGfuUfUfcauucuu aguL96	210 9	asCfsucaAfgUfGfaaaAfcUfggaaasgsa	224 3	CUUCCAGUUUUCACU AGAGA	237 7
AD-519666.1	gsgscgagUfcUfAfcGfcagauuc uuL96	211 0	asAfsagaAfuCfUfgcuaGfaCfucgcsusc	224 4	GAGGCGAGUCUAGCAGAU UCUUU	237 8
AD-519667.1	gscsgaguCfuAfcGfcagauucuu uuL96	211 1	asAfsaagAfuUfCfugcuAfgAfcucgcsusc	224 5	AGGCGAGUCUAGCAGAU CUUUC	237 9
AD-519668.1	csgsagucUfaGfCfAfgauucuu ucL96	211 2	asGfsaaaGfaAfuUfcugcUfaGfucgcsusc	224 6	GGCGAGUCUAGCAGAU UUUCA	238 0
AD-519669.1	gsasgucAfcCfAfcGfauucuu cauL96	211 3	asUfsgaaAfgAfaUfcugcUfaGfucgcsusc	224 7	GCGAGUCUAGCAGAU UUCAG	238 1
AD-519670.1	asgsucaGfcAfcGfAfuucuu aguL96	211 4	asCfsugaAfaGfAfaucGfUfagacuscsg	224 8	CGAGUCUAGCAGAU UCAGA	238 2
AD-519671.1	gsuscuaGfcAfcGfAfuucuu gauL96	211 5	asUfscugAfaAfgaaUfgCfuagacsusc	224 9	GAGUCUAGCAGAU CAGAG	238 3
AD-519672.1	uscsuagCfaAfuUfUfcauucuu aguL96	211 6	asCfsucaGfaAfaAfaucGfUfagacuscsg	225 0	AGUCUAGCAGAU AGAGG	238 4
AD-519691.1	usgscuaaAfgUfUfUfcauucuu uuL96	211 7	asAfsaagAfuGfGfgaaCfuUfagacuscsg	225 1	GGUGCUAAAGUUCCAU CUUUG	238 5

AD-519692.1	gscsuaaaGfuUfUfCfcaucuu uguL96	211 8	asCfsaaaGfaUfGfGfgaaAfcUfuuaagsasc	225 2	GUGCUAAAGUUUCCCAUC UUUGU	238 6
AD-519693.1	csusaagUfuUfCfCfcaucuu guuL96	211 9	asAfscaaAfgAfUfGfgaAfaCfuuaagsca	225 3	UGC AAAAGUUUCCCAUCU UUGUG	238 7
AD-519694.1	usasaaguUfuCfCfCfcaucuu uguL96	212 0	asCfsacaAfaGfAfuuggAfaAfcuuuagsc	225 4	GCUAAAAGUUUCCCAUCU UGUGC	238 8
AD-519696.1	asasguuuCfcCfAfUfuuug cauL96	212 1	asUfsgcaCfaAfAfgaugGfgAfaacuususa	225 5	UAAAGUUUCCCAUCUUUG UGCAG	238 9
AD-67554.6	uscsugagCfuGfAfGfuugguu uauL96	212 2	asUfsaaaAfcCfAfacucAfgCfucagagsg	225 6	CCUCUGAGCUGAGUUGGU UUUAU	239 0
AD-519752.2	csusgagCfuGfAfGfuugguu auuL96	212 3	asAfsuaaAfaCfCfaacuCfaGfcucagsasg	225 7	CUCUGAGCUGAGUUGGU UUAUG	239 1
AD-519753.2	usgsagcuGfaGfUfUfGfuuu uguL96	212 4	asCfsauaAfaAfCfcaucUfcAfgcucagsa	225 8	UCUGAGCUGAGUUGGU UAUGA	239 2
AD-519754.8	gsasgcuGfUfUfGfuuuuau gauL96	212 5	asUfscuuAfaAfAfcacaCfCfagcucagsa	225 9	CUGAGCUGAGUUGGU AUGAA	239 3
AD-519755.4	asgscugaGfuUfGfGfuuuuau aaL96	212 6	asUfsucaUfaAfAfcacaAfcUfcagcucusa	226 0	UGAGCUGAGUUGGUUU UGAAA	239 4
AD-519759.2	gsasguugGfuUfUfUfauaaaa gcuL96	212 7	asGfscuuUfuCfaFuuaaAfcCfaucagsa	226 1	CUGAGUUGGUUUUAUG AAGCU	239 5
AD-519760.2	asgsuuggUfuUfUfUfauaaaa cuuL96	212 8	asAfsagcuUfuUfCfauaaAfaCfcaucusa	226 2	UGAGUUGGUUUUAUG AGCUA	239 6
AD-519761.2	gsusugguUfuUfUfUfgaaa uauL96	212 9	asUfsagcUfuUfUfcauaAfaAfcacaucusc	226 3	GAGUUGGUUUUAUG GCUAG	239 7
AD-519766.2	usuuuuGfaAfAfAfgcuagga aguL96	213 0	asCfsuucCfuAfgfuuuUfcAfuuaaascsc	226 4	GGUUUUUAUGAAAAG GAAGC	239 8
AD-519773.1	asasaagCfuGfAfAfgcuagga uuL96	213 1	asAfsaggUfuGfCfuuccUfaGfcuuuusa	226 5	UGAAAAGCUAGGAAG CCUUU	239 9
AD-519776.1	asgsuagCfuGfAfGfCfaaccuu guL96	213 2	asCfsgaaAfgGfUfugcuUfcCfuagcususu	226 6	AAAGCUAGGAAGCA UUCGC	240 0
AD-519777.1	gsasuagCfuGfAfGfCfaaccuu gcuL96	213 3	asGfscgaAfaGfGfuugcuUfcCfuagcususu	226 7	AAGCUAGGAAGCA UCGCC	240 1
AD-519779.1	usasgaaGfcAfAfCfuuucgc cuuL96	213 4	asAfsaggCfuGfAfgguGfcUfuuuagsc	226 8	GCUAGGAAGCAACCU GCCUG	240 2
AD-519809.1	csasagcaCfuUfAfAfcuuaau cuL96	213 5	asGfsuauUfaGfAfguuAfgUfGcuggsasc	226 9	GUCCAGCACUUAACUC AUACA	240 3
AD-519810.1	csasgacUfuUfAfCfuaaauc auL96	213 6	asUfsguaUfuUfGfaguAfaGfugcugsgs	227 0	UCCAGCACUUAACUC UACAU	240 4
AD-519811.1	asgscacuUfaAfCfUfcuaaaca uuL96	213 7	asAfsuguUfuUfAfgaguUfaAfgugcusgs	227 1	CCAGCACUUAACUC ACAUC	240 5
AD-519814.1	ascsuuaaCfuCfUfAfaaaca guL96	213 8	asCfsugaUfgUfAfuuaAfgUfuaagsgsc	227 2	GCACUUAACUCUAA UCAGC	240 6
AD-519820.1	csuscuaaUfaCfAfUfcagcauc guL96	213 9	asCfsgcaUfgCfUfaguUfaUfuagagsusu	227 3	AACUCUAAUACAU UGCGU	240 7
AD-519821.1	uscsuuaaAfcUfUfcagcauc guuL96	214 0	asAfsagcUfuGfCfugauGfuAfuuaagscu	227 4	ACUCUAAUACAU GCGUU	240 8
AD-519822.1	csusaauaCfaUfCfAfgcaucgu uuL96	214 1	asAfsagcCfaUfGfcugaUfgUfuaagsag	227 5	CUCUAAUACAU CGUUA	240 9
AD-519823.1	usasauacAfuCfAfgcaucgu uauL96	214 2	asUfsaacGfcAfUfugcuAfuGfuuaagsca	227 6	UCUAAUACAU GUUAA	241 0
AD-519826.1	usascaucAfgCfAfUfGcuua uuuL96	214 3	asAfsauaAfaCfGfcaucCfuGfauuasusu	227 7	AAUACAUACAU AAUUC	241 1
AD-519827.1	ascsaucGfcAfUfGfGcuua ucuL96	214 4	asGfsauaUfaAfCfGcaucGfcUfGaugusasu	227 8	AUACAUACAU AUUCA	241 2
AD-519828.3	csasucagCfuUfGfCfuuuuu auL96	214 5	asUfsgaaUfuUfAfgcaUfgCfugaugusa	227 9	UACAUACAU UUCAG	241 3
AD-519830.1	uscsagcaUfgCfGfUfuaauca gcuL96	214 6	asGfscugAfaUfUfaacCfaUfgcugagsg	228 0	CAUCAGCAUGCGU CAGCU	241 4
AD-519832.1	asgsaugCfuUfUfAfaucagc uguL96	214 7	asCfsagcUfgAfaFuuaaCfGfcaucagsa	228 1	UCAGCAUGCGUAA GCUGG	241 5
AD-519887.1	gsuscccuUfaCfUfGfaguuu cguL96	214 8	asCfsgaaAfcAfgucUfaAfggacscsc	228 2	GGUCCCUACUGAC UUCGU	241 6
AD-519888.1	uscsccuuAfuUfGfAfcuuu guuL96	214 9	asAfsagaAfaCfAfgcaGfuAfggagascsc	228 3	GGUCCCUACUGAC UCGUG	241 7
AD-519889.1	cscsuuuAfuGfAfcfuuuucg uguL96	215 0	asCfsagcAfaCfGcaucAfgUfaaggsasc	228 4	GUCCCUACUGAC CGUGG	241 8
AD-519890.1	cscsuuuAfuGfAfcfuuuucg guuL96	215 1	asCfscacGfaAfAfcagCfaGfuuaagsca	228 5	UCCCUACUGACU GUGGC	241 9

AD-519929.1	ususccagCfaUfGfAfgguucuu aguL96	215 2	asCfsuaaGfaAfCfcucaUfgCfuggaascsa	228 6	UGUCCAGCAUGAGGUUC UUAGA	242 0
AD-519931.1	csasagcaUfgAfGfGfuucuuag aauL96	215 3	asUfsucuAfaGfAfacuuCfaUfgcuggsasa	228 7	UCCAGCAUGAGGUUCUU AGAAU	242 1
AD-519932.1	csasgcauGfaGfGfUfucuuaga aauL96	215 4	asAfsuucUfaAfGfaaccUfcAfugcugsgsa	228 8	UCCAGCAUGAGGUUCUUA GAAUG	242 2
AD-519933.1	asgscaugAfgGfUfUfucuuagaa uguL96	215 5	asCfsauuCfuAfAfgaacCfuCfaugcusgsg	228 9	CCAGCAUGAGGUUCUUAG AAUGA	242 3
AD-519935.2	csasugagGfuUfCfUfuagaau acuL96	215 6	asGfsucaUfuCfUfaagaAfcCfucaugscsu	229 0	AGCAUGAGGUUCUUAGAA UGACA	242 4
AD-519942.1	ususcuaaGfaAfUfGfacaggug uuuL96	215 7	asAfsacaCfcUfGfucuuUfcUfaagaascsc	229 1	GGUUCUUAGAAUGACAGG UGUUU	242 5
AD-520005.1	gsgsucugCfaAfAfGfaugauaa ccuL96	215 8	asGfsguuAfuCfAfcuuUfgCfagaccsasc	229 2	GUGGUCUGCAAAGAUGAU AACCU	242 6
AD-520006.1	gsuscugcAfaAfGfAfugauaac cuL96	215 9	asAfsugguUfaUfCfaucuUfuGfcagacsca	229 3	UGGUCUGCAAAGAUGAU ACCUU	242 7
AD-520007.1	uscugcaAfaGfAfuGfauaac uuuL96	216 0	asAfsaggUfuAfUfcaucUfuUfgcagascsc	229 4	GGUCUGCAAAGAUGAUAA CCUUG	242 8
AD-520008.1	csusgcaaAfgAfUfGfauaacu uguL96	216 1	asCfsaagGfuUfAfucauUfuUfgcagsasc	229 5	GUCUGCAAAGAUGAUAA CUUGA	242 9
AD-520011.1	csasaagaUfgAfUfAfacuugac uuL96	216 2	asAfsugcAfaGfGfuuuUcfaUfcuuugscsa	229 6	UGCAAAGAUGAUAAACCU GACUA	243 0
AD-520020.1	usasaccuUfgAfCfUfacaiaaaa cuL96	216 3	asGfsguuUfuAfGfuaaguCfaAfgguuasus c	229 7	GAUAACCUUGACUACUAA AAACG	243 1
AD-520021.1	asascuuGfaCfUfAfcuaaaaac guL96	216 4	asCfsguuUfuUfAfguagUfcAfgguuas u	229 8	AUAACCUUGACUACUAAA AACGU	243 2
AD-520022.1	ascscuugAfcUfAfcuaaaaacg uuL96	216 5	asAfsccuUfuUfUfaguaGfuCfaaggsusa	229 9	UAACCUUGACUACUAAAA ACGUC	243 3
AD-520023.1	cscsuugaCfuAfCfUfaaaaacgu cuL96	216 6	asGfsagcUfuUfUfuagaUfgUfcaaggsusu	230 0	AACCUUGACUACUAAAA CGUCU	243 4
AD-520024.1	csusugacUfaCfUfAfaaaacguc uuL96	216 7	asAfsagcGfuUfUfuagUfaGfucaagsgsu	230 1	ACCUUGACUACUAAAA GUCUC	243 5
AD-520025.1	usugacuAfcUfAfaaaacguc ucul96	216 8	asGfsagaCfGUfUfuuuuGfuAfgucaasgsg	230 2	CCUUGACUACUAAAA UCUCC	243 6
AD-520034.1	gsgsguaaCfaAfGfAfuGfauaa cuL96	216 9	asAfsgauUfaUfCfaucuUfgUfuaccscsc	230 3	GGGGUAACAAGAUGAU AUCUA	243 7
AD-520035.3	gsgsuaacAfaGfAfuGfauaac uuL96	217 0	asUfsagaUfuAfUfcaucUfuGfuaccscsc	230 4	GGGGUAACAAGAUGAUAA UCUAC	243 8
AD-520036.1	gsusaacaAfgAfUfGfauaacu acuL96	217 1	asGfsuagAfuUfAfucauUfuUfguuacscsc	230 5	GGGUAACAAGAUGAUAA CUACU	243 9
AD-520037.1	usasacaaGfaUfGfAfuuaucua uuL96	217 2	asAfsguaGfaUfUfaucaUfcUfuguuascsc	230 6	GGUAACAAGAUGAUAA UACU	244 0
AD-520038.1	asasaagAfuGfAfuuaucua uuL96	217 3	asAfsaguAfgAfUfuauAfcUfuguuascsc	230 7	GUAACAAGAUGAUAA ACUUA	244 1
AD-520053.1	ususuagAfaCfAfcuuuuuc acuL96	217 4	asGfsugaAfaAfAfgguUfuCfuaaaasusu	230 8	AAUUUAGAACACCUUU UCACC	244 2
AD-520060.3	ascscacuUfuUfCfaccuaacu auL96	217 5	asUfsaguUfaGfGfugaaAfaAfgguususc	230 9	GAACACCUUUUCACCUA ACUAA	244 3
AD-520061.3	csascuuUfuUfCfAfcuaacua auL96	217 6	asUfsuagUfuAfGfgugaAfaAfgguususc	231 0	AACACCUUUUCACCUAAC UAAA	244 4
AD-520064.5	csusuuuCfaCfUfuaacuaaaa uuL96	217 7	asAfsuuUfaGfUfuaggUfgAfaaaagsgsu	231 1	ACCUUUUCACCUAACUA AAAUA	244 5
AD-520065.4	ususuucAfcCfUfAfcuaaaa uuL96	217 8	asUfsuuUfuAfGfuagGfuGfaaaagsgsg	231 2	CCUUUUACCUAACUAA AAUAA	244 6
AD-520066.2	ususucaCfcUfAfaAfcuaaaa auL96	217 9	asUfsuuUfuUfAfguuGfgUfgaaaasag	231 3	CUUUUCACCUAACUAAA AUAAU	244 7
AD-520067.3	usucacCfuAfAfcuaaaaau uuL96	218 0	asAfsuuUfuUfUfaguUfgGfugaasasa	231 4	UUUUUCACCUAACUAAA UAAUG	244 8
AD-75289.4	ususcaccUfaAfCfuaaaaau guL96	218 1	asCfsuuUfuUfUfuaguUfaGfgugaasasa	231 5	UUUCACCUAACUAAAA AAUGU	244 9
AD-520068.3	uscsaccuAfaCfUfAfaaaauag uuL96	218 2	asAfscauUfaUfUfuagUfuAfggugasasa	231 6	UUUCACCUAACUAAAA AUGUU	245 0
AD-520069.3	csasccuaAfcUfAfaaaauagu uuL96	218 3	asAfsacaUfuUfUfuuuGfuUfaggugsasa	231 7	UUCACCUAACUAAAA UGUUU	245 1
AD-520087.1	asusguaaGfgAfAfGfcguugu acuL96	218 4	asGfsuaaCfaAfCfcuuCfcUfuacaususu	231 8	AAAUGUAAGGAAGCGUUG UUACC	245 2
AD-520095.1	asasgcuUfgUfUfAfcuugu aauL96	218 5	asUfsucaAfcAfGfguaaCfaAfcguuscsc	231 9	GGAAAGCGUUGUACCU UGAAU	245 3

AD-520096.1	asgscguuGfuUfAfcfcuguuga auuL96	218 6	asAfsuucAfaCfAfgguaAfcAfacgcususc	232 0	GAAGCGUUGUUACCUGUU GAAUU	245 4
AD-520098.2	gsusuguuAfcCfUfGfuugaauu uuuL96	218 7	asAfsaaaUfuCfAfacagGfuAfaacaacsgsc	232 1	GCGUUGUUACCUGUUGAA UUUUG	245 5
AD-75256.2	usuguuacCfUfGfUfugaauuu uguL96	218 8	asCfsaaaAfuUfCfaacaGfgUfaacaascsg	232 2	CGUUGUUACCUGUUGAAU UUUGU	245 6
AD-520099.3	usgsuuacCfuGfUfGfaauuuu guuL96	218 9	asAfscaaAfaUfUfcaacAfgGfuacaasasc	232 3	GUUGUUACCUGUUGAAUU UUGUA	245 7
AD-67575.8	ususaccuGfuUfGfAfauuuuu auuL96	219 0	asAfsuacAfaAfaufuuaAfcAfgguaascsa	232 4	UGUUACCUGUUGAAUUUU GUAUU	245 8
AD-520101.3	usascugUfuGfAfaFuuuuuu uuuL96	219 1	asAfsauaCfaAfaufuuaAfcAfgguasasc	232 5	GUUACCUGUUGAAUUUUUG UAUUA	245 9
AD-67605.8	ascscuguUfgAfAfFuuuuuu uauL96	219 2	asUfsauaAfcAfaufuuaAfcAfcaggusasa	232 6	UUACCUGUUGAAUUUUUGU AUUAU	246 0
AD-520102.1	csusguugAfaUfUfUfugaauu uguL96	219 3	asCfsauaAfuAfcfaaaaUfuCfaacagsgsu	232 7	ACCUGUUGAAUUUUUGUAU UAUGU	246 1
AD-520103.1	gsusugaaUfuUfUfGfuauuuu uguL96	219 4	asCfsacaUfaAfuafacaAfaUfuaacasg	232 8	CUGUUGAAUUUUUGUAUUA UGUGA	246 2
AD-520123.1	csasgugaGfaUfGfUfuaguaga auuL96	219 5	asAfsuucUfaCfUfaacaUfcUfcacugsasu	232 9	AUCAGUGAGAUGUUAGUA GAAUA	246 3
AD-520127.1	gsasgaugUfuAfgfUfagaauu guuL96	219 6	asGfscuuAfuUfCfuacuAfaCfaucuscasc	233 0	GUGAGAUGUUAGUAGAAU AAGCC	246 4
AD-520133.1	usasguagAfaUfAfaFgcuuuu aaL96	219 7	asUfsuuuAfaGfGfcuuuUfuCfuacuasc	233 1	GUUAGUAGAAUAAGCCUU AAAAA	246 5
AD-520350.1	gscsugagAfuUfGfCfaccuuu cauL96	219 8	asUfsgaaAfuGfGfugcaAfuCfucagcsusc	233 2	GAGCUGAGAUUGCACCAU UUCAU	246 6
AD-520351.1	csusgagaUfuGfCfAfcuuuu auuL96	219 9	asAfsugaAfaUfGfugcAfaUfcucagcsu	233 3	AGCUGAGAUUGCACCAU UCAUU	246 7
AD-520352.2	usgsagauUfgCfAfcfuuuuu uuuL96	220 0	asAfsaugAfaUfUfggugCfaufucagsgsc	233 4	GCUGAGAUUGCACCAUUU CAUUC	246 8
AD-520354.1	asgsauugCfaCfCfAfuuuuu ccuL96	220 1	asGfsgaaUfgAfAfauggUfgCfaucuscsc	233 5	UGAGAUUGCACCAUUUCA UUCCA	246 9
AD-520391.1	asascaaaAfaUfAfuUfcaugugu gcuL96	220 2	asGfscacAfcUfAfgauuAfuUfuuuuus u	233 6	AAAACAAAUAUCUAGU GUGCA	247 0
AD-520393.1	csasaaauAfaUfCfUfaguguga guL96	220 3	asCfsugcAfcAfcfuagaUfuAfuuuugsusu	233 7	AACAAAUAUCUAGUGU GCAGG	247 1
AD-520467.2	usugaacCfuGfGfCfuuuuuu uuuL96	220 4	asAfsгааAfaUfAfgaccAfgGfuuaasgsu	233 8	ACUUGAACCGGCUUUAU UUCUG	247 2
AD-520481.1	csascaugGfuCfAfgfugaguuu uuL96	220 5	asAfsгааAfcUfCfacugAfcCfaugugsgsg	233 9	CCCACAUGGUCAGUGAGU UUCUC	247 3

Таблица 34. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Hep3B (SD-стандартное отклонение)

Дуплекс	50 нМ		10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	Средне е	SD	Средне е	SD	Средне е	SD	Средне е	SD
AD-518658.1	42.9476 6	12.4179 2	64.8253 6	23.8520 9	100.742 8	19.4093 7	93.0498 9	10.43 198
AD-518707.1	55.6228 4	10.2753 5	71.9399 6	7.14206 5	105.631 3	6.80951 7	101.745 8	24.26 104
AD-518708.1	69.7523 6	17.4307	65.4396 1	13.4346 5	116.968 5	10.6233 4	108.808 4	20.02 657
AD-518709.1	50.3140 4	5.65272 6	47.3224	5.14742 2	84.4024 8	16.0795 1	103.335 4	20.86 118
AD-518722.1	69.9280 1	9.59849 1	50.6688	17.8235	95.2243 2	19.2175 6	96.1180 6	12.44 369
AD-518789.1	32.5375 8	5.59367 5	32.7707 5	4.05489 1	50.7123 3	7.30601 8	65.3374 6	3.716 173
AD-518791.1	33.3748 3	4.05942 4	42.0599 8	3.44741 2	84.6491 6	8.21595 9	78.2686 3	11.97 385
AD-518792.1	43.2035 7	13.5447 7	55.5244 3	3.32202 4	87.8594 2	9.67818 7	75.6431 3	15.39 78
AD-518794.1	48.3277 4	13.8068 9	73.9973	15.1083 6	95.0843 5	15.9357 9	94.333	19.92 082
AD-518800.1	69.6224 3	3.75495 6	78.0049 8	8.90559 1	126.524 8	12.0781 9	87.1011 6	4.495 733
AD-518827.1	66.8497 6	1.87091	64.0556 5	7.82474 8	109.302 6	15.1989 8	122.029 5	26.52 146
AD-518829.1	95.0517	11.7557 8	91.4726 1	5.65656 4	127.329 5	25.9640 8	123.195 3	22.12 334
AD-518831.2	54.4440 6	8.79663 3	55.5670 3	8.59253 7	75.1085 5	12.0553 3	94.4253 4	11.73 385
AD-518832.2	72.2441 6	13.6624 1	62.7982 7	10.5501 6	88.3089 2	15.8064 9	99.7926 9	13.66 623
AD-518857.1	47.2644 2	8.72365	39.3513 7	6.08391 1	68.1639	8.1472	85.2971 6	11.93 514
AD-518921.2	67.4717 9	23.7303 5	66.3153 5	9.43730 7	96.3476 6	15.7165 6	71.6363 7	13.82 891
AD-518922.2	42.1592 7	11.1349 2	54.5504 8	17.9236 2	86.5895 6	13.0116 2	98.8985 3	6.354 892
AD-518923.2	41.7079	3.94923 8	46.7206	9.02629 8	58.0438 4	5.89911 3	70.6114 8	5.844 163
AD-518924.2	59.3240 9	12.3552 2	66.4277 2	17.2608	93.4955 1	4.35871 5	101.913 8	20.19 513
AD-518925.2	80.4979 3	11.4808 1	79.8211 3	8.07191 9	85.6524 6	9.87835	107.603 7	11.50 751
AD-518967.1	65.0174 7	7.98344 2	60.8923 6	9.69042 1	68.5645 9	5.70742 8	96.1736 6	15.85 213
AD-518968.1	61.4298 9	4.83208 2	63.1583 4	7.35798	71.6180 3	10.4465	102.544 9	13.47 582

047519

AD-518976.1	86.4312 2	10.5927 4	99.1541 3	7.86163 9	106.585 2	27.6298 4	94.7948 3	4.274 9
AD-518977.1	97.0006 8	21.9291 9	78.9624 1	17.5366 3	92.0453 1	9.77487 3	76.3665 3	9.779 583
AD-518978.1	52.3727 8	11.6416 2	93.2018 2	8.32211 6	108.637 2	2.25339	105.309	14.97 478
AD-518979.1	66.1580 3	16.3830 1	83.5339 7	26.1473 8	115.762 7	17.2414 1	91.0050 6	20.14 569
AD-518980.2	102.894 9	13.6025 9	114.919	22.7505 7	101.702 8	16.9385 5	137.289 6	13.75 517
AD-519043.1	52.2702 2	1.56581 5	65.3056 6	6.98557 6	99.6938 3	10.6579 2	118.623 9	13.86 267
AD-519340.1	50.0244 9	3.16438 7	59.5359 4	7.08738 5	83.1326 9	17.5559 5	104.472 1	8.587 117
AD-519341.1	56.5467 2	4.79048 2	71.1717 7	4.95980 2	89.6235 7	8.90525 4	106.191 8	6.972 196
AD-519342.1	40.3418 5	2.27254 4	51.3861	5.87696 7	80.0912 5	14.5267 9	95.3607 8	12.45 925
AD-519343.1	25.5469 8	3.00203	27.7800 9	9.32524 6	44.8205 8	9.65901	84.7071 7	12.42 313
AD-519344.1	30.8197 4	6.32408 3	42.9124 2	10.1455	63.9938 6	13.2631 7	70.1159 5	5.616 455
AD-519349.1	25.6430 1	4.68512 7	35.1394 3	10.3984 3	49.6449	7.72409 2	63.0249	16.56 877
AD-519350.1	25.3743 7	5.10621 3	33.4245 3	7.47521 8	48.3619 6	8.19634 7	77.7858 7	9.513 747
AD-519477.1	55.1523 3	1.53307	58.8249 8	1.17607 2	86.5420 9	11.2317 5	129.892 9	22.37 189
AD-519596.1	49.3279 9	7.79499 4	66.3492 7	8.44997 4	85.5940 7	10.7555 7	122.610 9	21.97 7
AD-519622.1	72.3127 8	7.77303	83.8039 6	3.23631 9	89.7219 1	20.4289 1	101.625 3	16.21 37
AD-519666.1	58.9922 3	9.17468 7	60.9226 6	2.27999 7	62.2453 5	8.84617 6	84.6083 1	9.404 301
AD-519667.1	39.0308 3	10.1372 3	32.1322 5	3.18272 4	54.2808 7	9.09191 2	63.6074 3	16.76 734
AD-519668.1	39.2822 7	7.78336 8	52.5274 6	15.9776 4	90.3816 1	8.50758 7	83.2026 1	10.42 693
AD-519669.1	56.7973 5	2.77350 5	62.0096 4	8.54995	91.8777 4	16.3117 3	102.723 3	30.30 425
AD-519670.1	63.1806 9	13.1207 6	66.4645 5	5.74691 8	74.1894 1	25.3362 3	115.169 2	6.864 002
AD-519671.1	62.0882 5	6.61974 7	77.2329 7	14.7072 7	76.3878 7	12.4203	107.857 2	12.53 719
AD-519672.1	74.1520 1	10.1273 4	91.9044 2	7.78591 8	94.9402 3	10.0355 1	117.920 9	5.077 82
AD-519691.1	45.7187	10.1941 3	61.8665 6	16.2476 2	81.9991 4	12.0399 6	85.7280 8	10.46 489
AD-519692.1	69.4933 5	11.2789 9	75.2756 9	10.2537 4	110.613	15.8818 1	105.271 5	10.10 224

047519

AD-519693.1	54.3256 2	9.36431 8	65.1812 6	12.4370 3	77.7520 8	7.34120 1	114.935 6	19.24 612
AD-519694.1	56.3142 8	7.48722 4	63.0483 6	4.47575	79.4272	19.2165 6	105.472 6	30.78 601
AD-519696.1	80.1407 3	4.96357 6	90.4529	7.23486 6	106.729 1	12.3368 5	116.239 4	17.57 21
AD-67554.6	32.5344	2.78543 3	41.8385 7	6.04173 9	39.8667 3	4.46088 3	75.9744 8	27.32 283
AD-519752.2	43.3407 2	3.12780 6	51.0367 9	8.91744 2	46.8775 2	5.76483 1	80.9258 4	12.17 422
AD-519753.2	25.9619 9	5.06747 2	37.4514 9	3.14794 1	48.7631 2	12.1361	55.4616 3	9.983 352
AD-519754.8	50.7299 6	13.3166 9	61.0787 6	5.56202	89.8863 1	16.0532 2	109.806 2	23.17 114
AD-519755.4	51.5895 6	5.47384 4	52.5109 8	4.43873 3	63.1874 7	6.56683 3	81.2701 8	14.70 514
AD-519759.2	63.6502 8	3.96747 6	73.1278 5	11.9606 4	102.237 6	7.18597 6	116.237 5	25.02 045
AD-519760.2	62.0069 3	15.4124 9	51.2810 9	5.82068 5	69.8173 7	16.4066 1	82.3772 7	14.72 109
AD-519761.2	53.7368 8	3.88752 3	57.0282 2	9.22889	64.5972 3	7.70678 9	105.704 2	11.06 913
AD-519766.2	50.2122 1	9.51920 7	66.1049 5	5.48717 3	88.6454 5	15.7119 8	106.067 5	7.998 775
AD-519773.1	29.8890 8	3.29981 2	34.5584 4	5.78904 8	44.3585 9	3.29710 6	75.3848 7	19.86 745
AD-519776.1	33.5636 1	9.14710 8	44.8736 4	11.4368 5	62.6316 1	7.74507 3	75.5364 1	27.11 615
AD-519777.1	58.7854 8	20.2789 8	72.5594	11.2437 8	106.903 6	12.1588 6	121.068 2	15.67 886
AD-519779.1	60.6597 3	4.34663 3	68.9063 9	5.48595 9	96.3813 3	14.7764 9	99.2470 1	11.64 262
AD-519809.1	51.3496 8	4.70846	62.5966 9	11.5038	85.9988 3	10.7616 9	117.981 9	28.94 899
AD-519810.1	52.7796 6	4.81209 8	58.8596 9	11.5346 2	75.0421 7	15.4875 2	96.0431 5	9.024 712
AD-519811.1	41.8307 4	5.57001 3	62.5446 8	6.63609 5	68.8584 3	4.51547 3	96.2560 3	13.47 886
AD-519814.1	43.6037	4.66622 8	51.4058 3	5.18403 6	70.3046 5	6.64907 5	112.061 5	7.600 643
AD-519820.1	35.4683 6	5.78724 3	44.9795 4	3.35921 6	75.8173 8	12.6770 8	83.9935 8	7.381 867
AD-519821.1	30.7027 7	3.62287	39.0070 5	5.19344 8	71.7296 4	5.90817	52.4237 4	2.717 107
AD-519822.1	24.0906 5	3.39270 1	42.9950 2	11.2373 4	79.0364 3	19.7130 5	101.188 9	15.16 909
AD-519823.1	53.1240 6	7.89868 7	54.0371 9	10.4308 3	85.0965 3	22.1946 6	101.881 8	16.35 143
AD-519826.1	42.8573 1	2.28687 5	51.9753 1	10.7915 1	81.2513 3	8.59057	104.720 9	9.680 307

047519

AD-519827.1	79.3838 9	3.13229	88.4332 2	15.2978 9	103.171	8.05164 9	97.4634 6	10.30 878
AD-519828.3	37.6623 9	5.17373	52.1730 4	6.70921 6	64.2360 9	3.99967 7	99.7856 4	16.62 182
AD-519830.1	47.1281 5	8.03164 6	59.1494 5	9.48778 4	82.0088 9	18.9836 2	89.3052 6	6.139 86
AD-519832.1	34.9134 1	4.74904 8	55.7410 8	3.76999 2	71.5287 1	4.73843 5	89.7728	8.801 833
AD-519887.1	32.1596 6	9.58332	43.3805 7	8.76522 6	60.8241 3	30.0721 3	72.7989 9	10.84 883
AD-519888.1	54.5339 5	11.2072 5	71.7106 4	13.2849	120.515 9	24.5416 3	105.123 5	2.614 384
AD-519889.1	57.8079 5	12.2551 5	66.4004 3	6.48015 4	114.747 2	10.0608 2	111.287 1	10.37 692
AD-519890.1	71.7784 3	5.50430 3	89.0656 4	9.31191 8	114.886 9	22.1195 6	122.638 1	21.95 622
AD-519929.1	51.2441 1	4.48236 7	57.1428 7	10.9567	83.6991 9	13.5228 9	93.0157 9	7.833 971
AD-519931.1	50.3064 4	3.56686	62.0215 1	3.37504 4	83.3102 4	5.45763 1	102.688 3	5.397 906
AD-519932.1	31.4461 4	11.9981 9	45.5958 8	11.7323 8	67.6784	21.5426 8	102.453 9	36.79 452
AD-519933.1	32.8492 3	3.17581 7	50.0387 2	9.14682 5	72.2142	5.83492 7	69.5628 6	13.82 901
AD-519935.2	23.1991 6	5.45960 4	34.5712 5	4.26775 6	52.3318 2	7.46196 4	52.5153 1	2.774 906
AD-519942.1	33.4306 9	7.46272 4	53.4724 6	9.25736 7	90.5354 1	13.3905 5	99.7139 4	8.678 145
AD-520005.1	54.8790 7	8.87350 1	72.1408 7	12.5638 4	111.616 4	14.6778 7	106.269 1	14.61 877
AD-520006.1	24.0471 9	2.37652 7	39.3258 1	3.47019 5	76.8341 4	16.3353 9	98.3105 9	15.60 44
AD-520007.1	16.0072	2.89670 6	28.5285 4	4.01398 8	56.3501 1	5.72095 9	71.2466 5	3.904 088
AD-520008.1	70.5424 3	7.35764 5	61.4024 7	10.0634	76.1269 6	10.8282	81.7351 4	12.70 165
AD-520011.1	61.3467 7	18.8376 5	55.7608 7	8.16551 4	81.5772 5	16.0068 1	75.3319	5.415 098
AD-520020.1	56.7307 6	8.46619 5	53.8493 6	9.58588	85.8152 5	20.3551 9	70.2745 9	15.07 749
AD-520021.1	58.0594 2	7.51022 4	49.3573	6.03950 4	82.0494 4	15.8905 4	85.3901 2	20.28 745
AD-520022.1	60.3336 4	4.30197 3	45.6306 1	6.28066 2	81.1915 5	15.9562 2	85.0976 8	18.42 796
AD-520023.1	53.1275	5.84040 7	51.0705 7	10.9716 7	82.5480 9	4.39674 2	80.6571 1	10.21 667
AD-520024.1	37.0917	8.45293 6	38.1888 4	6.75889	59.2272 7	13.7917	66.2487 6	10.41 801
AD-520025.1	36.9991 8	5.01113 9	41.6632 6	4.43567 9	55.2297 4	9.67651 5	61.5233	10.29 043

047519

AD-520034.1	50.7444 7	16.9092 7	55.1351 2	15.8291 1	69.3480 9	9.6233	68.2478 7	8.182 789
AD-520035.3	47.6849 7	13.2744	41.7285 1	3.40254 7	79.7865 4	18.5766 5	66.6716 2	8.660 544
AD-520036.1	62.4681 6	8.27082 8	50.7463 7	8.32620 1	76.4631 3	11.9596 7	92.9379 5	9.492 514
AD-520037.1	56.5259	8.81602 8	50.2115 6	9.11904 5	81.8312	14.2877	85.9026 7	13.16 231
AD-520038.1	51.7538 5	18.5701 3	34.0631 3	8.26120 7	56.8682 3	7.90172 5	81.7710 6	3.523 512
AD-520053.1	41.7755 9	8.86700 3	41.6209 6	19.7745 7	63.1489 4	8.57688	65.0597	2.993 574
AD-520060.3	44.6821 9	8.42471 3	37.2625 7	7.03542 3	59.5305 5	7.90894 2	79.8500 2	27.59 914
AD-520061.3	28.6780 8	4.38103 4	33.9645 3	1.79867	65.3552 7	12.6970 4	52.5427 3	8.841 387
AD-520064.5	48.0494 4	8.87246 1	44.1364 8	11.7003 9	71.2488 9	12.8944 1	83.5380 6	16.61 364
AD-520065.4	66.2306 7	11.5093 1	54.4212 3	9.98186 8	65.499	6.58263 1	95.3367 9	24.57 588
AD-520066.2	95.6531 2	47.6802 3	67.2366 5	3.84985 1	79.2281 7	13.4242	92.7217	32.33 753
AD-520067.3	105.137 5	37.5751 4	43.6723 5	7.12612 4	52.7589 2	4.10231 3	101.113 3	15.14 941
AD-75289.4	56.2261 8	10.1996 9	62.1878 9	16.4764 3	68.0905 2	3.20629	96.8037 4	10.91 438
AD-520068.3	70.9149 5	2.70444 5	53.8426 8	7.74444 3	78.7737 5	10.06	93.7892 1	4.586 384
AD-520069.3	39.7811 6	11.9299 2	49.9841 6	7.24608 2	73.4902 9	10.7709	72.8881 5	20.82 402
AD-520087.1	68.9819 1	8.45989 6	76.0717 3	15.3179 7	104.445 7	13.2246 2	113.874 3	43.90 17
AD-520095.1	81.6975 7	9.80711 2	82.5607 6	31.2848 7	96.6369 8	22.7399 4	86.2961 1	9.239 682
AD-520096.1	64.9029 7	1.93648 1	73.6898 8	26.5900 6	77.9223 6	9.63501 3	96.0330 1	15.61 368
AD-520098.2	112.056	49.2643 5	72.7562 7	13.5610 7	71.4199 8	14.0105 2	71.5998 6	6.379 803
AD-75256.2	75.7961 6	8.73734 6	74.3352 1	23.0181 5	85.3429 6	16.7219 1	98.8766 4	15.70 082
AD-520099.3	59.0348 1	13.4331 3	48.0465 5	4.36135 2	65.4117 7	10.4964	106.485 7	12.07 129
AD-67575.8	35.9208 2	6.11951 8	52.7058 1	10.2054 9	62.6797 5	14.5029 4	70.7362 4	4.135 402
AD-520101.3	58.9907 3	10.6719 9	73.2889 6	30.8162 1	93.8017 2	7.60828 7	92.6562	21.29 585
AD-67605.8	59.3283 6	23.5125 3	62.0838 2	10.4510 8	90.1155 5	23.8540 1	81.3988 9	14.06 351
AD-520102.1	75.8701 3	7.61923 6	96.8660 6	25.4772 9	86.9272 4	3.92714 3	93.4537 9	4.342 059

AD-520103.1	82.8295 3	7.72637 2	89.3875 3	17.1354 8	98.8420 2	10.3909 5	97.0703 2	15.12 284
AD-520123.1	102.897 2	19.3969	74.9593	9.43615 8	77.0440 1	6.79224 8	92.6799 4	8.254 85
AD-520127.1	73.1011 9	23.1491	97.1521 6	30.8985 6	91.2993 8	7.71837 8	105.228 2	19.25 022
AD-520133.1	36.1541	6.39188 3	67.1586 3	24.0854	62.0632 6	14.5740 1	69.3185	9.301 314
AD-520350.1	58.8799 9	14.5913 6	90.8439 7	18.6808 7	80.5009 2	1.86219 1	82.7694 5	25.04 629
AD-520351.1	71.2630 3	7.08802 5	76.5469 9	6.32089 9	137.938 3	34.5913 7	97.8544 7	11.56 826
AD-520352.2	85.4270 7	13.8464 4	90.4238 9	8.58090 8	107.621 6	16.5647 5	107.883	10.17 883
AD-520354.1	95.7220 4	19.8258 9	76.6899 1	4.16021 3	82.1366 8	14.7316 3	129.704 9	24.29 14
AD-520391.1	129.611	19.8414 7	123.264 9	30.6421 7	84.4484 4	16.4324 9	104.851 8	6.691 812
AD-520393.1	102.369 6	22.0114	108.367	33.9064 6	82.1320 1	9.44007 9	108.425 8	13.13 794
AD-520467.2	57.0004 9	5.90521 8	65.5032 9	11.0350 2	58.1784 3	10.0720 5	93.3649 8	19.27 898
AD-520481.1	69.5520 6	1.60701 7	75.3783 5	8.65766 9	70.7340 5	11.6782 6	98.4639 6	27.39 758

Таблица 35. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в первичных гепатоцитах яванского макака (PCH) (SD-стандартное отклонение)

Дуплекс	50 нМ		10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	Средне е	SD	Средне е	SD	Средне е	SD	Средне е	SD
AD-518658.1	42.9476 6	12.4179 2	107.249 9	25.9205 4	108.421 2	13.0952 1	111.239 5	18.4900 3
AD-518707.1	55.6228 4	10.2753 5	65.3168 8	10.7427 5	87.5189 4	4.68076 8	97.5565 2	8.78966 7
AD-518708.1	69.7523 6	17.4307	82.0746 2	7.02472 4	101.064 1	5.64843 1	102.451 1	6.75458 7
AD-518709.1	50.3140 4	5.65272 6	31.5603 5	2.22994 6	53.0134 4	6.56675 9	90.3252 5	6.88911
AD-518722.1	69.9280 1	9.59849 1	73.5628 4	23.2271 8	87.7264 6	10.6073 9	99.9427 9	0.39949 7
AD-518789.1	32.5375 8	5.59367 5	99.3493	5.93406 9	108.653 4	5.01072 2	102.112 7	7.12465 4
AD-518791.1	33.3748 3	4.05942 4	108.364 6	7.1364	106.764 7	10.988	104.953	9.84319 4
AD-518792.1	43.2035 7	13.5447 7	102.767 3	4.00610 7	113.546 6	19.3951 5	98.0412 1	5.02656 8
AD-518794.1	48.3277 4	13.8068 9	111.690 4	1.60651 9	95.3178 2	12.7478	119.972 1	18.7764
AD-518800.1	69.6224 3	3.75495 6	102.929 4	3.40420 7	100.602 4	1.31281	105.779 5	4.66237 2

047519

AD-518827.1	66.8497 6	1.87091	43.7221 2	6.04683	62.3277 2	5.54139 9	89.3577 7	1.56639 3
AD-518829.1	95.0517	11.7557 8	46.5389 1	4.77635 2	92.5740 7	12.6644 2	97.5827 5	6.31126 1
AD-518831.2	54.4440 6	8.79663 3	33.5325 7	6.62225 3	48.3429 9	3.45377 2	77.4645 7	4.24481
AD-518832.2	72.2441 6	13.6624 1	44.9778 1	8.47571 3	76.4356 3	14.9693 4	94.3715 7	4.83051 8
AD-518857.1	47.2644 2	8.72365	25.9183 5	5.26280 5	30.4590 6	3.31053 9	50.3935 5	2.45761 1
AD-518921.2	67.4717 9	23.7303 5	38.2245 1	2.01072 6	84.3703	3.97288 3	111.778 5	8.37143 1
AD-518922.2	42.1592 7	11.1349 2	25.8729 7	4.28319 9	35.3864 5	8.00470 8	65.6809 1	2.85822 7
AD-518923.2	41.7079	3.94923 8	18.6137 5	2.56551 5	27.9520 4	7.34862 1	45.4905 9	5.68522 5
AD-518924.2	59.3240 9	12.3552 2	27.651	2.40113 1	50.4828 4	5.94551 4	93.4394 1	8.65383 2
AD-518925.2	80.4979 3	11.4808 1	63.6909 9	8.74998 7	89.3798 4	5.31991 4	108.781 9	17.4085 9
AD-518967.1	65.0174 7	7.98344 2	28.5755 5	2.48841 7	45.7973 7	11.5299 7	79.2650 3	14.6446 2
AD-518968.1	61.4298 9	4.83208 2	64.4853 3	11.4115 2	58.3508 5	12.2764 1	79.2461 2	4.76972 7
AD-518976.1	86.4312 2	10.5927 4	104.709 6	7.72396 2	117.087 2	10.0432 5	104.505 4	11.2452 5
AD-518977.1	97.0006 8	21.9291 9	102.054 6	8.08975 9	112.742 2	10.4265 1	114.256 9	13.1195 6
AD-518978.1	52.3727 8	11.6416 2	52.4852 6	2.65478 3	90.8367 3	8.68093	107.382 2	14.933
AD-518979.1	66.1580 3	16.3830 1	43.3350 9	7.85634 9	73.1886 1	5.88426 8	111.253 5	30.8410 3
AD-518980.2	102.894 9	13.6025 9	74.721	9.34061 9	102.877 6	15.689	101.165 6	11.3724 2
AD-519043.1	52.2702 2	1.56581 5	79.5664 7	13.0331 3	90.1832 4	13.0007 5	111.812 4	14.0745 9
AD-519340.1	50.0244 9	3.16438 7	33.9545 3	5.62457 2	51.6451 6	4.00685 7	89.4725 6	19.9211 9
AD-519341.1	56.5467	4.79048 2	33.8217 3	6.43942 3	49.9240 3	4.47156	79.7182 7	2.36592 4
AD-519342.1	40.3418 5	2.27254 4	22.9738 5	2.56742 4	47.1593 4	7.16437 6	82.837	10.2360 2
AD-519343.1	25.5469 8	3.00203	16.9417	2.56553 3	33.1872 6	10.3459 1	61.9948 4	12.6374
AD-519344.1	30.8197 4	6.32408 3	16.5971 3	2.80530 4	30.3711 8	9.68821 5	47.4717 6	16.7775 1
AD-519349.1	25.6430 1	4.68512 7	24.6381 7	2.5165	48.5470 4	6.28619 9	70.4842 1	10.7953 3
AD-519350.1	25.3743 7	5.10621 3	27.9572 3	4.74519 6	35.9648	12.8397 2	53.3426 5	8.70051

047519

AD-519477.1	55.1523 3	1.53307	103.364	5.78504 4	105.284 4	8.07421 3	100.402 3	3.87363 3
AD-519596.1	49.3279 9	7.79499 4	43.3472 8	6.50334 5	85.3778 6	18.4169	95.9713 1	9.68351 6
AD-519622.1	72.3127 8	7.77303	76.0236 8	3.15011	94.8204	6.13260 3	102.121 3	2.33547 1
AD-519666.1	58.9922 3	9.17468 7	39.6257 9	7.97880 4	41.4014 3	7.59011 2	67.9031 5	15.4947 3
AD-519667.1	39.0308 3	10.1372 3	31.6461 5	5.69664 6	33.8784 7	8.43824 6	52.3122 3	5.00307 6
AD-519668.1	39.2822 7	7.78336 8	21.2465 5	5.85919 7	29.4932 1	3.96825	46.3503 4	7.12810 4
AD-519669.1	56.7973 5	2.77350 5	28.7736 3	5.31726 8	34.7154 7	3.82761 5	69.7734 1	9.29004
AD-519670.1	63.1806 9	13.1207 6	29.2631 2	4.47675 1	41.5163 5	8.63628 7	68.6600 3	7.79563
AD-519671.1	62.0882 5	6.61974 7	31.3034 9	6.06691 8	43.7339 2	3.45245 5	99.4003 5	13.8884
AD-519672.1	74.1520 1	10.1273 4	58.0523 3	10.3585 6	76.7698 9	0.66792 9	96.6546 1	3.97739 3
AD-519691.1	45.7187	10.1941 3	46.1535 2	17.9417 4	51.3424 7	11.9793 1	72.3364 4	1.68788 4
AD-519692.1	69.4933 5	11.2789 9	58.9924 9	11.3272 4	71.0205 3	4.94242 1	101.379	17.9180 4
AD-519693.1	54.3256 2	9.36431 8	30.0908	3.78858 3	44.3741 9	9.33598 6	80.6514	11.0238 3
AD-519694.1	56.3142 8	7.48722 4	30.9843 2	2.54551	63.1990 3	12.3509 2	96.9065	15.1019 7
AD-519696.1	80.1407 3	4.96357 6	43.1808 8	8.20243 8	64.8440 7	18.6962 9	83.5461	2.86894 3
AD-67554.6	32.5344	2.78543 3	22.5172 3	5.93866 2	31.2963 4	6.55766 6	44.0486 6	5.20049
AD-519752.2	43.3407 2	3.12780 6	29.9745 7	6.32733	41.2478 6	11.3136 7	60.2341 4	9.95955
AD-519753.2	25.9619 9	5.06747 2	39.3270 6	25.6105	38.4888 2	8.75169 7	64.9172 5	5.69983 1
AD-519754.8	50.7299 6	13.3166 9	27.2165 4	1.41172 1	54.1038 6	10.6625	71.8342 2	7.26276 2
AD-519755.4	51.5895 6	5.47384 4	29.9682 4	9.17798 3	28.1882 9	2.58624 8	52.7934 6	6.60669 7
AD-519759.2	63.6502 8	3.96747 6	29.8088 9	10.4715 9	56.6665	3.43744 5	86.0839 1	12.8368 7
AD-519760.2	62.0069 3	15.4124 9	27.5675 2	3.85463 3	32.4373 6	4.19898 6	55.8912 7	7.16597 9
AD-519761.2	53.7368 8	3.88752 3	28.4585 3	4.81840 3	34.3774	1.45040 2	62.3084 3	17.8052 3
AD-519766.2	50.2122 1	9.51920 7	36.3314 1	4.45399 5	58.6345	8.81037 4	83.3799 2	5.95169 1
AD-519773.1	29.8890 8	3.29981 2	30.4917 8	2.19034 3	34.5564 2	5.01242 4	54.0685	3.92445

047519

AD-519776.1	33.5636 1	9.14710 8	63.0893 3	15.8987	66.1219 8	6.09034 9	88.8878 8	0.92898 2
AD-519777.1	58.7854 8	20.2789 8	74.5179 4	17.4418 2	97.8086 3	5.93003	98.3545 8	10.3376 1
AD-519779.1	60.6597 3	4.34663 3	93.1475 6	16.5241 1	91.6263 2	14.2908 3	92.4640 8	5.67211 1
AD-519809.1	51.3496 8	4.70846	31.0245 4	4.75138 8	44.2285 5	9.42411	69.0995 2	9.93871 6
AD-519810.1	52.7796 6	4.81209 8	37.1843 3	11.0106 9	50.9542 2	11.3056 6	76.5475 5	17.2432 6
AD-519811.1	41.8307 4	5.57001 3	55.9547 3	19.5274 8	52.5523 2	4.13069 4	79.8717 1	11.5627
AD-519814.1	43.6037	4.66622 8	80.6560 1	11.9730 5	87.8224 9	9.56365 9	90.4795 7	3.16459 6
AD-519820.1	35.4683 6	5.78724 3	49.5576 3	10.9215 9	66.9042 4	11.2734 9	80.7228	6.51526 1
AD-519821.1	30.7027 7	3.62287	61.3839 2	4.11211 8	86.7722	7.71842 9	89.7490 7	4.66401 7
AD-519822.1	24.0906 5	3.39270 1	27.8375	11.2493 5	45.2711 2	14.8553 9	62.8648 1	9.88856
AD-519823.1	53.1240 6	7.89868 7	40.6447 3	18.3133	45.9021 4	13.7214 5	71.4300 3	18.0691 6
AD-519826.1	42.8573 1	2.28687 5	47.8548 2	5.87137 6	57.4806 8	5.57885 8	83.6973 6	3.16211 8
AD-519827.1	79.3838 9	3.13229	40.3443 6	4.54403 5	84.1747	8.54672 8	91.2886 2	3.91196 7
AD-519828.3	37.6623 9	5.17373	43.1504 3	3.72300 5	56.1368 9	4.54468 3	78.2917 8	4.68741
AD-519830.1	47.1281 5	8.03164 6	48.0797 7	17.0743 5	61.6137 1	6.12148	90.1255	12.7125 9
AD-519832.1	34.9134 1	4.74904 8	64.8656 8	17.4975 3	68.3067 8	3.62653 8	91.3342 6	13.5946 7
AD-519887.1	32.1596 6	9.58332	65.4801 2	7.89454 7	72.8491 3	4.3847	92.6078 4	5.19767 8
AD-519888.1	54.5339 5	11.2072 5	31.5092 2	3.11048 8	91.6996 9	3.18779 4	103.071	9.79360 2
AD-519889.1	57.8079 5	12.2551 5	51.3547 7	5.07629 1	76.7891 9	7.73923 7	95.4632 2	11.5216 5
AD-519890.1	71.7784 3	5.50430 3	64.796	11.4064 4	87.8986 7	15.0868	91.9063 4	3.38996 5
AD-519929.1	51.2441 1	4.48236 7	39.8065 5	22.3568	46.7082 5	12.8106 9	67.2406 8	6.3593
AD-519931.1	50.3064 4	3.56686	35.7647 8	6.18468 5	39.3523	9.95883 7	59.5307 6	3.38332 4
AD-519932.1	31.4461 4	11.9981 9	32.3795 1	19.3500 7	37.6227 9	5.87838 9	55.2123 2	5.64296 7
AD-519933.1	32.8492 3	3.17581 7	32.4834 7	7.87957	71.1685 2	27.0411	78.6858 1	4.36506 1
AD-519935.2	23.1991 6	5.45960 4	31.9532 2	8.55042 5	40.7194 6	8.76738 7	70.2049 9	7.92004 2

047519

AD-519942.1	33.4306 9	7.46272 4	50.8111 8	9.66281 5	71.1090 3	10.5558 8	83.1399 9	6.80414 4
AD-520005.1	54.8790 7	8.87350 1	69.2795 5	6.11595 1	85.0700 6	6.62029 2	88.0046	3.06744 5
AD-520006.1	24.0471 9	2.37652 7	98.1206 6	13.8079	81.4189	5.35930 4	87.9702 6	6.17984 5
AD-520007.1	16.0072	2.89670 6	65.2408	12.4550 6	76.7504 4	17.4263 1	89.2661 3	7.32134 7
AD-520008.1	70.5424 3	7.35764 5	90.5242 2	5.62911 1	112.855 5	12.1806 7	110.420 7	28.5502
AD-520011.1	61.3467 7	18.8376 5	96.9186 8	10.1015 6	98.1697 7	15.5554	112.861 8	30.0517 8
AD-520020.1	56.7307 6	8.46619 5	47.0132 2	4.27244 9	58.8683 2	6.76992 4	90.4884 3	16.9506 8
AD-520021.1	58.0594 2	7.51022 4	25.2806 8	3.22117 4	43.1439 1	3.70049 5	77.3429 1	4.43031
AD-520022.1	60.3336 4	4.30197 3	72.8312 7	2.80379 4	84.0174 8	6.44484 8	91.7261 8	5.27395 8
AD-520023.1	53.1275	5.84040 7	73.4579 1	2.58784 7	93.0434 3	2.06357 7	109.938 5	8.26838 2
AD-520024.1	37.0917	8.45293 6	64.4773 6	6.18978 3	71.6368 1	2.31109 7	101.226 5	11.3285
AD-520025.1	36.9991 8	5.01113 9	101.380 5	10.4641 9	99.3633 6	1.17884 5	125.105 9	22.3985 4
AD-520034.1	50.7444 7	16.9092 7	101.150 2	6.87276 9	102.561	8.05565 5	112.446 4	30.3173 5
AD-520035.3	47.6849 7	13.2744	93.7855 5	3.13824 4	100.117 6	8.06161	98.2082 6	14.0637 4
AD-520036.1	62.4681 6	8.27082 8	99.5061 8	4.35277	107.402 9	6.91703 9	89.7906 4	10.8726 7
AD-520037.1	56.5259	8.81602 8	82.5455 6	13.3758 6	109.924 6	4.24503 9	96.2990 2	5.86326 1
AD-520038.1	51.7538 5	18.5701 3	102.839 2	8.31702 1	95.4829	1.33282 7	93.4570 5	10.2724 4
AD-520053.1	41.7755 9	8.86700 3	23.5973 2	7.62573 7	27.5288 2	4.75974	59.1699 5	5.39624 8
AD-520060.3	44.6821 9	8.42471 3	16.8034	1.66067 3	28.0170 5	2.27675 1	51.331	2.93998 9
AD-520061.3	28.6780 8	4.38103 4	13.2987 4	1.85401 6	37.2129 1	13.3095 4	52.8848 8	7.31816 3
AD-520064.5	48.0494 4	8.87246 1	16.3475 4	4.44381 7	26.3224 4	4.7663	59.6367 8	12.4941 2
AD-520065.4	66.2306 7	11.5093 1	16.5161 5	1.55502 3	22.6798 5	3.27324 2	50.3179 9	14.3262 3
AD-520066.2	95.6531 2	47.6802 3	18.8218 6	1.94207 8	24.6716 1	0.48992	39.6691 1	3.81514 1
AD-520067.3	105.137 5	37.5751 4	16.2407 5	2.26603 7	21.7748	1.51769 5	47.7954 5	2.38224 4
AD-75289.4	56.2261 8	10.1996 9	24.5412 7	12.6009 1	39.5338 9	3.94839 4	64.8349 7	3.07094 2

AD-520068.3	70.9149 5	2.70444 5	27.7888 7	2.16869 2	40.1232 1	8.96017 5	74.079	7.77718 5
AD-520069.3	39.7811 6	11.9299 2	26.4651 4	3.71246 5	36.3796 7	5.03883	69.8240 6	8.52398
AD-520087.1	68.9819 1	8.45989 6	50.2066 3	11.4466 1	81.3527 9	14.6356 5	94.6396 4	15.2365 2
AD-520095.1	81.6975 7	9.80711 2	32.2698	2.79685	40.6927 2	3.69408	69.1957 3	1.07051 6
AD-520096.1	64.9029 7	1.93648 1	25.0083 4	2.58041 1	37.0523 8	5.07003 3	58.7605 3	3.33269 9
AD-520098.2	112.056	49.2643 5	28.8869 4	6.46456 3	34.3380 8	2.15756 2	62.1349	10.3857 6
AD-75256.2	75.7961 6	8.73734 6	47.6544 6	11.9068 9	64.1722 5	3.64467 4	87.8540 4	8.07026 4
AD-520099.3	59.0348 1	13.4331 3	25.2906 2	8.51502 6	37.2978 5	1.90083 2	72.7534 4	8.63057 9
AD-67575.8	35.9208 2	6.11951 8	32.1524	7.33074 1	32.3553 8	4.75624 9	69.6096 5	8.47732 4
AD-520101.3	58.9907 3	10.6719 9	28.9305 4	6.61911	36.3512 8	10.7913 5	84.7804 4	31.1648 2
AD-67605.8	59.3283 6	23.5125 3	23.7045 6	2.00817	37.3527 6	3.89933 4	64.8794 5	10.1001 3
AD-520102.1	75.8701 3	7.61923 6	41.3964 1	13.0112 2	61.6746 3	5.65923 5	87.9087 2	6.46654 7
AD-520103.1	82.8295 3	7.72637 2	80.6146 2	16.0474 6	90.1048 5	4.64509 1	84.6030 4	6.03245 6
AD-520123.1	102.897 2	19.3969	23.2895 8	3.60817 6	33.1825	0.75798 4	58.4954 9	5.60907 4
AD-520127.1	73.1011 9	23.1491	34.4150 8	3.00211 6	66.9624 5	3.83570 3	89.71	5.77492 9
AD-520133.1	36.1541	6.39188 3	27.1825 9	3.05956 8	33.9256 3	6.05057 6	62.9785 8	8.29692 9
AD-520350.1	58.8799 9	14.5913 6	100.835 7	1.82604 7	102.060 6	4.81680 9	103.382 8	15.0659 5
AD-520351.1	71.2630 3	7.08802 5	110.277 8	18.7294 6	96.7841 5	8.78605 3	98.9098 7	17.2502 7
AD-520352.2	85.4270 7	13.8464 4	90.1595 5	6.92661 7	99.0847 5	1.97104 8	84.1835 4	2.66040 2
AD-520354.1	95.7220 4	19.8258 9	98.0246 6	11.3606 9	101.427 4	6.45240 7	97.1145 2	14.8170 8
AD-520391.1	129.611	19.8414 7	99.2750 3	7.12102	100.53	8.93724 6	89.1804 5	4.17185 8
AD-520393.1	102.369 6	22.0114	109.515 8	13.7420 9	100.526 1	11.2259 6	95.7887 1	5.49662 8
AD-520467.2	57.0004 9	5.90521 8	31.9145 9	2.38021 9	56.3110 4	4.40197 8	78.9832 8	3.37731 8
AD-520481.1	69.5520 6	1.60701 7	93.4841 3	3.90882	100.765	2.31341 5	105.474 2	15.4760 9

Пример 5. Анализ зависимости "структура-активность".

На основании анализов *in vitro* в примере 4 проводили анализ структурно-активных отношений (SAR). В частности, были разработаны, синтезированы и исследованы дополнительные дуплексы *in vitro* и *in vivo*.

siРНК конструировали, синтезировали и получали с использованием способов, известных в данной области и описанных выше. Анализы скрининга *in vitro* в клетках Нер3В и РСН с данными siРНК проводили, как описано выше.

Подробные списки немодифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и анти-смысловой цепей РNPLA3 показаны в табл. 36. Подробные списки модифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и антисмысловой цепей РNPLA3 показаны в табл. 37.

Результаты анализа трансфекции средства на основе dsРНКми, перечисленными в табл. 36 и 37, в клетках Нер3В показаны в табл. 38. Результаты анализов трансфекции агентами dsРНК, перечисленными в табл. 36 и 37, первичных гепатоцитов яванского макака (РСН) показаны в табл. 39.

Таблица 36. Немодифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции NM_025225.2	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции NM_025225.2
AD-519341.2	GCUACCCAUUAGGAUAAU GUU	2474	1208-1228	AACAUAUCCUAAUGGGUAG CAA	2558	1206-1228
AD-519342.2	CUACCCAUUAGGAUAAUG UCU	2475	1209-1229	AGACAUUAUCCUAAUGGGUA GCA	2559	1207-1229
AD-519343.2	UACCCAUUAGGAUAAUGU CUU	2476	1210-1230	AAGACAUUAUCCUAAUGGGU AGC	2560	1208-1230
AD-1010713.1	ACCCAUUAGGAUAAUGUC UUA	2477	1145-1165	UAAGACAUUAUCCUAAUGGG UAG	2561	1143-1165
AD-519345.1	CCCAUUAGGAUAAUGUCU UAU	2478	1212-1232	AUAAGACAUUAUCCUAAUGG GUA	2562	1210-1232
AD-519346.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2479	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	2563	1211-1233
AD-519347.1	CAUUAGGAUAAUGUCUUA UGU	2480	1214-1234	ACAUAAGACAUUAUCCUAAU GGG	2564	1212-1234
AD-1010714.1	AUUAGGAUAAUGUCUUAU GUA	2481	1149-1169	UACAUAAGACAUUAUCCUAA UGG	2565	1147-1169
AD-1010715.1	UUAGGAUAAUGUCUUAUG UAA	2482	1150-1170	UUACAUAAGACAUUAUCCUA AUG	2566	1148-1170
AD-519350.2	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2483	1217-1237	AUUACAUAAGACAUUAUCCU AAU	2567	1215-1237
AD-519351.7	AGGAUAAUGUCUUAUGUA AAU	2484	1218-1238	AAUUACAUAAGACAUUAUCC UAA	2568	1216-1238
AD-519352.1	GGAAUAAUGUCUUAUGUAA UGU	2485	1219-1239	ACAUAACAUAAGACAUUAUC CUA	2569	1217-1239
AD-519353.1	GAUAAUGUCUUAUGUAAU GCU	2486	1220-1240	AGCAUUACAUAAGACAUUAU CCU	2570	1218-1240
AD-519354.1	AUAAUGUCUUAUGUAAUG CUU	2487	1221-1241	AAGCAUUACAUAAGACAUUA UCC	2571	1219-1241
AD-519355.1	UAAUGUCUUAUGUAAUGC UGU	2488	1222-1242	ACAGCAUUACAUAAGACAUU AUC	2572	1220-1242
AD-519356.1	AAUGUCUUAUGUAAUGCU GCU	2489	1223-1243	AGCAGCAUUACAUAAGACAU UAU	2573	1221-1243
AD-519357.1	AUGUCUUAUGUAAUGCUG CCU	2490	1224-1244	AGGCAGCAUUACAUAAGACA UUA	2574	1222-1244
AD-519358.1	UGUCUUAUGUAAUGCUGC CCU	2491	1225-1245	AGGGCAGCAUUACAUAAGAC AUU	2575	1223-1245
AD-519359.1	GUCUUAUGUAAUGCUGCC CUU	2492	1226-1246	AAGGGCAGCAUUACAUAAGA CAU	2576	1224-1246
AD-519360.1	UCUUAUGUAAUGCUGCCC UGU	2493	1227-1247	ACAGGGCAGCAUUACAUAAG ACA	2577	1225-1247
AD-1010716.1	CUUAUGUAAUGCUGCCCU GUA	2494	1162-1182	UACAGGGCAGCAUUACAUAAG GAC	2578	1160-1182
AD-519745.1	CCCAGCCUCUGAGCUGAG UUU	2495	1733-1753	AAACUCAGCUCAGAGGCUGG GAU	2579	1731-1753
AD-519746.1	CCAGCCUCUGAGCUGAGU UGU	2496	1734-1754	ACAACUCAGCUCAGAGGCUG GGA	2580	1732-1754
AD-519747.1	CAGCCUCUGAGCUGAGUU GGU	2497	1735-1755	ACCAACUCAGCUCAGAGGCU GGG	2581	1733-1755
AD-519748.1	AGCCUCUGAGCUGAGUUG GUU	2498	1736-1756	AACCAACUCAGCUCAGAGGC UGG	2582	1734-1756
AD-519749.1	GCCUCUGAGCUGAGUUGG UUU	2499	1737-1757	AAACCAACUCAGCUCAGAGG CUG	2583	1735-1757
AD-519750.1	CCUCUGAGCUGAGUUGGU UUU	2500	1738-1758	AAAACCAACUCAGCUCAGAG GCU	2584	1736-1758
AD-1010717.1	CUCUGAGCUGAGUUGGUU UUA	2501	1673-1693	UAAAACCAACUCAGCUCAGA GGC	2585	1671-1693
AD-67554.7	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2502	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	2586	1738-1760
AD-519752.3	CUGAGCUGAGUUGGUUUU AUU	2503	1741-1761	AAUAAAACCAACUCAGCUCA GAG	2587	1739-1761

AD-1010718.1	UGAGCUGAGUUGGUUUUAUGA	2504	1676-1696	UCAUAAAACCAACUCAGCUCAGA	2588	1674-1696
AD-519754.9	GAGCUGAGUUGGUUUUAUGAU	2505	1743-1763	AUCAUAAAACCAACUCAGCUCAG	2589	1741-1763
AD-75276.2	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAA	2506	1744-1764	UUUCAUAAAACCAACUCAGCUC	2590	1742-1764
AD-1010719.1	GCUGAGUUGGUUUUAUGAAA	2507	1679-1699	UUUUCAUAAAACCAACUCAGCUC	2591	1677-1699
AD-519757.3	CUGAGUUGGUUUUAUGAAA	2508	1746-1766	AUUUUCAUAAAACCAACUCAGCUC	2592	1744-1766
AD-519758.2	UGAGUUGGUUUUAUGAAAAGU	2509	1747-1767	ACUUUUCUAAAACCAACUCAGC	2593	1745-1767
AD-519759.3	GAGUUGGUUUUAUGAAAAGCU	2510	1748-1768	AGCUUUUCUAAAACCAACUCAGC	2594	1746-1768
AD-67549.2	AGUUGGUUUUAUGAAAAGCUA	2511	1749-1769	UAGCUUUUCUAAAACCAACUC	2595	1747-1769
AD-519761.3	GUUGGUUUUAUGAAAAGCUUAU	2512	1750-1770	AUAGCUUUUCUAAAACCAACUC	2596	1748-1770
AD-519762.2	UUGGUUUUAUGAAAAGCUAGU	2513	1751-1771	ACUAGCUUUUCUAAAACCAACUC	2597	1749-1771
AD-1010720.1	UGGUUUUAUGAAAAGCUAAGGA	2514	1686-1706	UCCUAGCUUUUCUAAAACCAAC	2598	1684-1706
AD-67558.2	GGUUUUUAUGAAAAGCUAGGAA	2515	1753-1773	UUCCUAGCUUUUCUAAAACCAAC	2599	1751-1773
AD-1010721.1	CUGCAAAGAUGAUAAACCUUGA	2516	2034-2054	UCAAGGUUAUCAUCUUUGCAG	2600	2032-2054
AD-520009.1	UGCAAAGAUGAUAAACCUUGGAU	2517	2101-2121	AUCAAGGUUAUCAUCUUUGCAGA	2601	2099-2121
AD-520010.1	GCAAAGAUGAUAAACCUUGACU	2518	2102-2122	AGUCAAGGUUAUCAUCUUUGCAG	2602	2100-2122
AD-1010722.1	CAAAGAUGAUAAACCUUGACUA	2519	2037-2057	UAGUCAAGGUUAUCAUCUUUGCA	2603	2035-2057
AD-520012.1	AAAGAUGAUAAACCUUGACUAU	2520	2104-2124	AUAGUCAAGGUUAUCAUCUUUGC	2604	2102-2124
AD-520013.1	AAGAUGAUAAACCUUGACUACU	2521	2105-2125	AGUAGUCAAGGUUAUCAUCUUUG	2605	2103-2125
AD-1010723.1	AGAUGAUAAACCUUGACUAACUA	2522	2040-2060	UAGUAGUCAAGGUUAUCAUCUUU	2606	2038-2060
AD-1010724.1	GAUGAUAAACCUUGACUACUA	2523	2041-2061	UUAGUAGUCAAGGUUAUCAUCUU	2607	2039-2061
AD-1010725.1	AUGAUAAACCUUGACUACUAAA	2524	2042-2062	UUUAGUAGUCAAGGUUAUCAUCU	2608	2040-2062
AD-1010726.1	UGAUAAACCUUGACUACUAAA	2525	2043-2063	UUUUAGUAGUCAAGGUUAUCAUC	2609	2041-2063
AD-520018.7	GAUAACCUUGACUACUAAA	2526	2110-2130	AUUUUAGUAGUCAAGGUUAUCAU	2610	2108-2130
AD-520019.1	AUAACCUUGACUACUAAA	2527	2111-2131	AUUUUUAGUAGUCAAGGUUAUCA	2611	2109-2131
AD-520020.2	UAACCUUGACUACUAAAA	2528	2112-2132	AGUUUUUAGUAGUCAAGGUUAUC	2612	2110-2132
AD-520021.2	AACCUUGACUACUAAAA	2529	2113-2133	ACGUUUUUAGUAGUCAAGGUUAU	2613	2111-2133
AD-520022.2	ACCUUGACUACUAAAA	2530	2114-2134	AACGUUUUUAGUAGUCAAGGUUUA	2614	2112-2134
AD-520023.2	CCUUGACUACUAAAA	2531	2115-2135	AGACGUUUUUAGUAGUCAAGGUU	2615	2113-2135
AD-520024.2	CUUGACUACUAAAA	2532	2116-2136	AAGACGUUUUUAGUAGUCAAGGU	2616	2114-2136
AD-520025.2	UUGACUACUAAAA	2533	2117-2137	AGAGACGUUUUUAGUAGUCAAGG	2617	2115-2137
AD-1010727.1	UGACUACUAAAA	2534	2052-2072	UGGAGACGUUUUUAGUAGUCAAG	2618	2050-2072
AD-520027.1	GACUACUAAAA	2535	2119-2139	AUGGAGACGUUUUUAGUAGUCAAG	2619	2117-2139

AD-520028.1	ACUACUAAAAACGUCUCC AUU	2536	2120-2140	AAUGGAGACGUUUUAGUAG UCA	2620	2118-2140
AD-520052.1	AUUUUAGAACCACUUUUU CAU	2537	2170-2190	AUGAAAAAGGUGUUCUAAAA UUA	2621	2168-2190
AD-520053.2	UUUUAGAACCACUUUUUC ACU	2538	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	2622	2169-2191
AD-520054.1	UUUAGAACCACUUUUUCA CCU	2539	2172-2192	AGGUGAAAAAGGUGUUCUAA AAU	2623	2170-2192
AD-1010728.1	UUAGAACCACUUUUUCAC CUA	2540	2107-2127	UAGGUGAAAAAGGUGUUCUA AAA	2624	2105-2127
AD-1010729.1	UAGAACCACUUUUUCACC UAA	2541	2108-2128	UUAGGUGAAAAAGGUGUUCU AAA	2625	2106-2128
AD-520057.1	AGAACCACUUUUUCACCU AAU	2542	2175-2195	AUUAGGUGAAAAAGGUGUUC UAA	2626	2173-2195
AD-520058.1	GAACCACUUUUUCACCUA ACU	2543	2176-2196	AGUUAGGUGAAAAAGGUGUU CUA	2627	2174-2196
AD-1010730.1	AACACUUUUUCACCUAA CUA	2544	2111-2131	UAGUUAGGUGAAAAAGGUGU UCU	2628	2109-2131
AD-1010731.1	ACACUUUUUCACCUAAC UAA	2545	2112-2132	UUAGUUAGGUGAAAAAGGUG UUC	2629	2110-2132
AD-1010732.1	CACCUUUUUCACCUAACU AAA	2546	2113-2133	UUUAGUUAGGUGAAAAAGGU GUU	2630	2111-2133
AD-520062.8	ACCUUUUUCACCUAACUA AAU	2547	2180-2200	AUUUAGUUAGGUGAAAAAGG UGU	2631	2178-2200
AD-520063.4	CCUUUUUCACCUAACUAA AAU	2548	2181-2201	AUUUUAGUUAGGUGAAAAAG GUG	2632	2179-2201
AD-1010733.1	CUUUUUCACCUAACUAAA AUA	2549	2116-2136	UAUUUUAGUUAGGUGAAAAA GGU	2633	2114-2136
AD-1010734.1	UUUUUCACCUAACUAAAA UAA	2550	2117-2137	UUUUUUAGUUAGGUGAAAAA AGG	2634	2115-2137
AD-520066.3	UUUUCACCUAACUAAAAU AAU	2551	2184-2204	AUUUUUUAGUUAGGUGAAA AAG	2635	2182-2204
AD-520067.4	UUUCACCUAACUAAAAUA AUU	2552	2185-2205	AAUUUUUUAGUUAGGUGAA AAA	2636	2183-2205
AD-75289.5	UUCACCUAACUAAAAUAA UGU	2553	2186-2206	ACAUUUUUUAGUUAGGUGA AAA	2637	2184-2206
AD-520068.4	UCACCUAACUAAAAUAU GUU	2554	2187-2207	AACAUUUUUUAGUUAGGUG AAA	2638	2185-2207
AD-520069.4	CACCUAACUAAAAUAUAG UUU	2555	2188-2208	AAACAUUUUUUAGUUAGGU GAA	2639	2186-2208
AD-1010735.1	ACCUAACUAAAAUAUAGU UUA	2556	2123-2143	UAAACAUUUUUUAGUUAGG UGA	2640	2121-2143
AD-67584.6	CCU AACUAAAAUAUAGUU UAA	2557	2190-2210	UUAAACAUUUUUUAGUUAG GUG	2641	2188-2210

Таблица 37. Модифицированные смысловые и антисмысловые последовательности средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	целевая последовательность мРНК	SEQ ID NO:
AD-519341.2	gscsuaccCfaUfUfAfg gauaauguuL96	2642	asAfscauUfaUfCfcuaaUfgGfgu agcsasa	2726	UUGCUACCCAUUAGG AUAAUGUC	2810
AD-519342.2	csusaccAfuUfAfGfg auaaugucL96	2643	asGfsacaUfuAfUfccuaAfuGfgg uagscsa	2727	UGCUACCCAUUAGGA UAAUGUCU	2811
AD-519343.2	usascccaUfuAfGfGfa uaaugucuuL96	2644	asAfsaacAfuUfAfuccuAfaUfgg guasgsc	2728	GCUACCCAUUAGGAU AAUGUCUU	2812
AD-1010713.1	asesccauUfaGfGfAfu aaugucuaL96	2645	usAfsagaCfaUfUfauccUfaAfu ggusag	2729	CUACCCAUUAGGAUA AUGUCUUA	2813
AD-519345.1	csescuuuAfgGfAfUfa augucuuuL96	2646	asUfsaagAfcAfUfuauCfuAfa gggsusa	2730	UACCCAUUAGGAUAA UGUCUUAU	2814
AD-519346.1	csesaauuGfgAfUfAfa ugucuuuuL96	2647	asAfsuaaGfaCfAfuuuCfcUfa uggsgsu	2731	ACCCAUUAGGAUAAU GUCUUAUG	2815
AD-519347.1	csasuagGfaUfAfAfu gucuuauuL96	2648	asCfsuaaAfgAfCfaauUfcCfa augsgsg	2732	CCCAUUAGGAUAAUG UCUUAUGU	2816
AD-1010714.1	asusuaggAfuAfAfu ucuuauuaL96	2649	usAfscauAfaGfAfcuuAfuCfcu aausgsg	2733	CCAUUAGGAUAAUGU CUUAUGUA	2817

AD-1010715.1	ususaggaUfaAfUfGfucuuuaguuL96	2650	usUfsacaUfaAfGfacaUfaUfcccuaasug	2734	CAUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAA	2818
AD-519350.2	usasggauAfaUfGfUfcuuuaguuL96	2651	asUfsuacAfuAfAfgacaUfaUfucuasasu	2735	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	2819
AD-519351.7	asgsgauAfuGfUfCfuuuaguuL96	2652	asAfsuuaCfaUfAfgacAfuUfauccusasa	2736	UUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAUG	2820
AD-519352.1	gsasauaaUfGfUfCfuuuaguuL96	2653	asCfsauuAfcAfuUfaagaCfaUfuaucssusa	2737	UAGGAUAAUGUCUUAUGUAAUGC	2821
AD-519353.1	gsasuuauGfUfUfUfauguuaguuL96	2654	asGfscuuUfaCfAfuuaagAfcAfuuaucscsu	2738	AGGAUAAUGUCUUAUGUAAUGCU	2822
AD-519354.1	asusauugUfUfUfAfuuauguuL96	2655	asAfsgeaUfuAfcfaauaGfaCfauuauusc	2739	GGAUAAUGUCUUAUGUAAUGCUG	2823
AD-519355.1	usasauuGfUfUfUfUfuuuaguuL96	2656	asCfsagcAfuUfAfcuaaAfgAfcuuuasusc	2740	GAUAAUGUCUUAUGUAAUGCUGC	2824
AD-519356.1	asasugucUfUfUfUfuauguuL96	2657	asGfscagCfaUfUfacaUfaGfacuuasasu	2741	AUAAUGUCUUAUGUAAUGCUGCC	2825
AD-519357.1	asusguuUfUfUfUfUfauguuL96	2658	asGfsgcaGfcAfuUfuaaUfaAfgacaususa	2742	UAAUGUCUUAUGUAAUGCUGCCC	2826
AD-519358.1	usgsuuuAfuGfUfAfauguuL96	2659	asGfsggcAfgCfaUfuaaUfaAfgacausu	2743	AAUGUCUUAUGUAAUGCUGCCCU	2827
AD-519359.1	gsusuuuUfGfUfAfauguuL96	2660	asAfsggcCfaGfCfaauaCfaUfaagacsasu	2744	AUGUCUUAUGUAAUGCUGCCCU	2828
AD-519360.1	uscsuuuGfUfUfUfUfcuguuL96	2661	asCfsagcGfcAfcfaauaAfcAfuuaagacsu	2745	UGUCUUAUGUAAUGCUGCCCU	2829
AD-1010716.1	csusuauUfAfuUfUfUfcuguuL96	2662	usAfsagcGfcCfaUfcauUfaAfaaagsasc	2746	GUCUUAUGUAAUGCUGCCCU	2830
AD-519745.1	cscsagcCfuUfUfUfGfaguuL96	2663	asAfsacuCfaGfCfucagAfgGfcuaggsasu	2747	AUCCAGCCUCUGAGCUGAGUUG	2831
AD-519746.1	csasagcUfUfUfUfUfGfcuguuL96	2664	asCfsaacUfcAfcfaaCfaGfGfcuaggsasu	2748	UCCAGCCUCUGAGCUGAGUUG	2832
AD-519747.1	csasgcuUfUfUfUfUfGfcuguuL96	2665	asCfsaacUfUfUfUfUfGfcuguuL96	2749	CCCAGCCUCUGAGCUGAGUUGU	2833
AD-519748.1	asgsccuUfGfUfUfUfUfcuguuL96	2666	asAfsccaAfcUfCfagcuCfaGfagcugsgsg	2750	CCAGCCUCUGAGCUGAGUUGUU	2834
AD-519749.1	gsccscuUfGfUfUfUfUfcuuL96	2667	asAfsaccAfaUfUfUfUfUfcuuL96	2751	CAGCCUCUGAGCUGAGUUGUUU	2835
AD-519750.1	csccscuUfGfUfUfUfUfcuuL96	2668	asAfsaacCfaUfUfUfUfUfcuuL96	2752	AGCCUCUGAGCUGAGUUGUUUU	2836
AD-1010717.1	csuscugaGfUfUfUfUfcuuL96	2669	usAfsaaaCfaUfUfUfUfUfcuuL96	2753	GCCUCUGAGCUGAGUUGUUUUU	2837
AD-67554.7	uscsuagCfuUfUfUfUfcuuL96	2670	asUfsaaaAfcCfaUfUfUfUfcuuL96	2754	CCUCUGAGCUGAGUUGUUUUU	2838
AD-519752.3	csusgagCfuUfUfUfUfcuuL96	2671	asAfsaaaAfcCfaUfUfUfUfcuuL96	2755	CUCUGAGCUGAGUUGUUUUU	2839
AD-1010718.1	usgsagcuGfUfUfUfUfcuuL96	2672	usCfsaaaAfaUfUfUfUfcuuL96	2756	UCUGAGCUGAGUUGUUUUU	2840
AD-519754.9	gsasgcuUfUfUfUfUfcuuL96	2673	asUfscuuUfUfUfUfUfcuuL96	2757	CUGAGCUGAGUUGUUUUU	2841
AD-75276.2	asgsccuGfUfUfUfUfcuuL96	2674	usUfsucaUfaUfUfUfUfcuuL96	2758	UGAGCUGAGUUGUUUUU	2842
AD-1010719.1	gsccscuUfUfUfUfUfcuuL96	2675	usUfsuucAfuUfUfUfUfcuuL96	2759	GAGCUGAGUUGUUUUU	2843
AD-519757.3	csusgaguUfGfUfUfUfcuuL96	2676	asUfsuuuUfUfUfUfUfcuuL96	2760	AGCUGAGUUGUUUUU	2844
AD-519758.2	usgsaguuGfUfUfUfUfcuuL96	2677	asCfsuuuUfUfUfUfUfcuuL96	2761	GCUGAGUUGUUUUU	2845
AD-519759.3	gsasguuGfUfUfUfUfcuuL96	2678	asGfscuuUfUfUfUfUfcuuL96	2762	CUGAGUUGUUUUU	2846
AD-67549.2	asgsuugUfUfUfUfUfcuuL96	2679	usAfsccuUfUfUfUfUfcuuL96	2763	UGAGUUGUUUUU	2847
AD-519761.3	gsusuguuUfUfUfUfUfcuuL96	2680	asUfsagcUfUfUfUfUfcuuL96	2764	GAGUUGUUUUU	2848
AD-519762.2	usuguuUfUfUfUfUfcuuL96	2681	asCfsuagCfuUfUfUfUfcuuL96	2765	AGUUGUUUUU	2849

AD-1010720.1	usgsguuuUfaUfGfAfa aagcuaggaL96	2682	usCfscuaGfcUfUfuaUfaAfaa ccasasc	2766	GUUGGUUUUUGAAA AGCUAGGA	2850
AD-67558.2	gsgsuuuuAfuGfAfa agcuaggaL96	2683	usUfscuAfgCfUfuuuuAfuAfaa accsasa	2767	UUGGUUUUUGAAAA GCUAGGAA	2851
AD-1010721.1	csusgcaaAfgAfUfGfa uaaccuugaL96	2684	usCfsaagGfuUfAfaucCfuUfug cagsasc	2768	GUCUGCAAAGAUGAU ACCUUGA	2852
AD-520009.1	usgscaaaGfaUfGfAfu aacuugauL96	2685	asUfscaaGfgUfUfaucUfcUfu gcasgsa	2769	UCUGCAAAGAUGAU ACCUUGAC	2853
AD-520010.1	gscsaagAfuGfAfu accuugacuL96	2686	asGfsucaAfgGfUfuauCfuCfu ugcsasg	2770	CUGCAAAGAUGAUAA CCUUGACU	2854
AD-1010722.1	csasaagaUfgAfUfAfa ccuugacuL96	2687	usAfsugcAfaGfGfuuuCfaUfcu uugscsa	2771	UGCAAAGAUGAUAA CCUUGACU	2855
AD-520012.1	asasagauGfaUfAfAfc cuugacuL96	2688	asUfsguCfaAfGfguuUfcAfuc uuusgsc	2772	GCAAAGAUGAUAA CCUUGACU	2856
AD-520013.1	asasgagAfuAfAfCfc uugacuL96	2689	asGfsuagUfcAfAfguuUfcAfuc cuusug	2773	CAAAGAUGAUAA CCUUGACU	2857
AD-1010723.1	asgsaagaUfaAfCfcfu ugacuacuL96	2690	usAfsguaGfuCfAfguuUfaUfca ucususu	2774	AAAGAUGAUAA CCUUGACU	2858
AD-1010724.1	gsasugauAfaCfcUfu gacuacuL96	2691	usUfsaguAfgUfcfaaggUfuAfu aucsusu	2775	AAAGAUGAUAA CCUUGACU	2859
AD-1010725.1	asusgaaAfcCfUfUfg acuacuaL96	2692	usUfsuagUfaGfUfcaagGfuUfau causcu	2776	AGAUGAUAA CCUUGACU	2860
AD-1010726.1	usgsauaaCfcUfUfGfa cuacuaL96	2693	usUfsuuaGfuAfGfuaGfgUfua ucasusc	2777	GAUGAUAA CCUUGACU	2861
AD-520018.7	gsasuacCfuUfGfAfc uacuaL96	2694	asUfsuuuAfgUfAfguaAfgGfu uaucasu	2778	AUGAUAA CCUUGACU	2862
AD-520019.1	asusaaccUfuGfAfcfu acuuaL96	2695	asUfsuuuUfaGfUfagucAfaGfgu uauscsa	2779	UGAUAA CCUUGACU	2863
AD-520020.2	usasaccUfgAfCfUfa cuuaaL96	2696	asGfsuuuUfuAfGfuaCfaAfgg uuasusc	2780	GAUA CCUUGACU	2864
AD-520021.2	asascuuGfaCfUfAfc uaaaacguL96	2697	asCfsguuUfuUfaAfguagUfcAfg guusasu	2781	AUA CCUUGACU	2865
AD-520022.2	ascscuagAfcUfAfcfu aaaaacguL96	2698	asAfsfcguUfuUfUfaguaGfuCfaa ggususa	2782	UA CCUUGACU	2866
AD-520023.2	cscsuugaCfuAfCfUfa aaaacguL96	2699	asGfsacgUfuUfUfuaaguAfgUfca aggsusu	2783	A CCUUGACU	2867
AD-520024.2	csusugacUfaCfUfAfa aaacguL96	2700	asAfsagcGfuUfUfuuaGfuGfuc aagsgsu	2784	ACC UUGACU	2868
AD-520025.2	usugacuAfcUfAfa aacguL96	2701	asGfsagaCfuUfUfuuaGfuAfgu caasgsg	2785	CCU UGACU	2869
AD-1010727.1	usgsacuAfcUfAfa acguL96	2702	usGfsagcAfcGfUfuuuAfgUfa gucasasg	2786	CU UGACU	2870
AD-520027.1	gsascuacUfaAfAfa cguL96	2703	asUfsggaGfaCfGfuuuUfaGfua gucsasa	2787	U UGACU	2871
AD-520028.1	ascsuacuAfaAfAfa gucL96	2704	asAfsuggAfcAfcfguuUfuAfg uaguscua	2788	UG ACU	2872
AD-520052.1	asusuuaGfaAfCfAfc cuuuuL96	2705	asUfsgaaAfaAfGfguguUfcUfaa aaususa	2789	U UUU	2873
AD-520053.2	usuuuagAfaCfAfcfu uuuuL96	2706	asGfsugaAfaAfAfggUfuCfua aaasusu	2790	AA UUU	2874
AD-520054.1	ususuagaAfcAfcCfu uuuuL96	2707	asGfsugcAfaAfAfggUfuCfu aaasasu	2791	A UUU	2875
AD-1010728.1	ususaagaCfaCfCfu uuuL96	2708	usAfsgggGfaAfAfaagUfgUfuc uaasasa	2792	UU U	2876
AD-1010729.1	usasgaacAfcCfUfUfu uacuaL96	2709	usUfsgagUfgAfAfaagGfuCfu cuasasa	2793	UU U	2877
AD-520057.1	asgsaacaCfcUfUfUfu ucuaL96	2710	asUfsuagGfuGfaAfaaaGfgUfgu ucusasa	2794	UU U	2878
AD-520058.1	gsasacacCfuUfUfUfu caccuaL96	2711	asGfsuuuGfgUfGfaaaAfgGfgu uucsusa	2795	U U	2879
AD-1010730.1	asascaccUfuUfUfUfu accuaL96	2712	usAfsguuAfgGfUfgaaaAfaGfgu guuscu	2796	AG A	2880
AD-1010731.1	ascsaccUfuUfUfUfu ccuaL96	2713	usUfsaguUfaGfGfguaAfaAfgg ugususc	2797	GA A	2881

AD-1010732.1	csascuuUfuUfCfAfc cuaacuaaaL96	2714	usUfsuagUfuAfGfgugaAfaAfag gugsusu	2798	AACACCUUUUUCACC UAACUAAA	2882
AD-520062.8	ascscuuUfuCfAFCfc uaacuaaaL96	2715	asUfsuuaGfuUfAfggugAfaAfaa ggusgsu	2799	ACACCUUUUUCACCU AACUAAAA	2883
AD-520063.4	cscsuuuUfcAfCfcfu aacuaaaL96	2716	asUfsuuUfGfuUfAfgguGfaAfaa aggsusg	2800	CACCUUUUUCACCUA ACUAAAAU	2884
AD-1010733.1	csusuuuCfaCfCfUfa acuaaaL96	2717	usAfsuuUfaGfUfuaggUfgAfaa aagsgsu	2801	ACCUUUUUCACCUAA CUAAAAUA	2885
AD-1010734.1	usuuuuAfCfUfAfa cuaaaL96	2718	usUfsauUfuAfGfuagGfuGfaa aaasgsg	2802	CCUUUUCACCUAAC UAAAAUA	2886
AD-520066.3	usuuuCaCfUfAfa uaaaL96	2719	asUfsuuUfuUfAfguuGfgUfga aaasag	2803	CUUUUUCACCUAACU AAAAUAU	2887
AD-520067.4	ususcacCfuAfAfcfu aaaaL96	2720	asAfsuuUfuUfAfguuAfgGfu gaaasasa	2804	UUUUUCACCUAACUA AAAUAUG	2888
AD-75289.5	ususcaccUfaAfcUfa aaaaL96	2721	asCfsuuAfuUfUfuaguUfaGfgu gaaasasa	2805	UUUUCACCUAACUAA AAUAUGU	2889
AD-520068.4	uscscuuAfaCfUfAfa aaauL96	2722	asAfscauUfaUfUfuaguUfuAfgg ugasasa	2806	UUUCACCUAACUAAA AUAUGUU	2890
AD-520069.4	csascuaAfcUfAfa aaauL96	2723	asAfsacaUfuUfUfuuuGfuUfag gugsasa	2807	UUCACCUAACUAAAA UUAUGUU	2891
AD-1010735.1	ascscuaaCfuAfAfa uaauL96	2724	usAfsaacAfuUfAfuuuUfGfuUfa ggusgsa	2808	UCACCUAACUAAAAU AAUGUUUA	2892
AD-67584.6	cscsuuacUfaAfAfa aaauL96	2725	usUfsaaaCfaUfUfauuUfaGfu aggsusg	2809	CACCUAACUAAAAUA AUGUUUA	2893

Таблица 38. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в клетках Нер3В (SD-стандартное отклонение)

Дуплекс	50 нМ		10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	Средне е	SD	Средне е	SD	Средне е	SD	Средне е	SD
AD-519341.2	52.2135 1	9.72399	66.6380 8	2.89526 1	115.724 1	21.0238 7	107.134 7	9.75960 9
AD-519342.2	37.7107 9	3.79479 6	65.6293 8	11.0542 2	102.142 4	16.3928 3	103.558 9	10.6143 7
AD-519343.2	25.9684 5	4.71058 5	37.9737 1	3.60754 9	107.428 6	25.1844 7	113.949 7	11.8630 9
AD-1010713.1	34.6049 3	14.8206 7	36.5930 8	5.33772 6	70.3241 8	8.02429 2	78.8099 4	4.44782 9
AD-519345.1	22.3228 8	9.86896 4	25.1842 3	5.86849 5	65.1021 6	2.45993 7	94.8767 2	13.7712 6
AD-519346.1	20.2620 2	4.88250 2	24.9252 9	9.08690 3	59.4802 2	11.2196 1	88.2844 3	6.54429 9
AD-519347.1	19.1036 8	3.40187 4	24.4461	3.12350 2	48.0720 9	18.5810 2	83.2650 4	3.65057 4
AD-1010714.1	31.3700 1	9.99093 3	36.6756 6	2.27109 4	69.2948 9	15.0182 3	74.9826 9	12.3622 3
AD-1010715.1	16.1933 8	3.25637 9	25.1257 7	5.09878 9	60.8554 8	8.68673 8	85.4414 8	14.7200 8
AD-519350.2	28.0686 4	12.6396 8	32.8470 1	4.41852 9	82.4838 9	15.1377 2	93.3942 1	13.5247 3
AD-519351.7	33.8848 4	16.1762 8	33.7825 1	6.62005 3	71.8958 5	15.8025 4	90.4867	7.49738 9
AD-519352.1	40.6554 5	6.19204	60.3650 1	10.1728 5	113.265 4	7.29248 7	109.105 9	15.1724
AD-519353.1	44.8190 5	17.2003 6	47.7575 4	1.32064 6	94.7334 2	8.39478 1	90.0269 3	9.49443 3
AD-519354.1	34.5672 8	6.88971 2	35.3900 8	5.77913 1	96.9302 9	26.3289 6	78.9406 2	15.6533 4
AD-519355.1	36.3487 2	3.66476 1	39.6483 1	11.7352 4	74.3766 6	10.1515 1	92.1463 6	20.7665 5
AD-519356.1	39.2263 1	11.9650 1	41.7761 9	4.72067 9	113.64	5.51191 6	86.9540 1	15.2699 1
AD-519357.1	59.9848 4	12.6317 5	77.6808 5	9.16923	147.779 3	20.5561 2	122.094 6	16.731
AD-519358.1	80.9312 5	19.2324 6	104.525 8	17.8860 5	168.036 3	46.4496 5	125.426 9	11.7382
AD-519359.1	47.9377 1	19.7014 6	54.4888 3	6.76903 8	120.868 1	28.9859 8	113.069 8	18.8758 9
AD-519360.1	51.8802 1	2.30556 8	79.6226 6	11.7093 6	127.420 2	14.5427 7	104.435 1	16.6745 8
AD-1010716.1	61.4456 9	7.47019 1	75.0332 9	9.85015	120.361 9	11.7252 7	92.3283 1	8.96217 1
AD-519745.1	54.0862 6	4.47480 3	66.5391 8	7.47326 5	93.4509 5	19.4248 6	89.0087 1	18.5394 4

047519

AD-519746.1	61.7501 2	16.4376	68.2389 2	8.13180 1	117.086 6	22.0638 3	83.2774 9	11.8307 4
AD-519747.1	54.7026 9	7.40554 1	78.4162 7	22.9550 3	159.082	33.2254 2	127.585 5	7.25580 7
AD-519748.1	65.9723 1	12.6466 5	75.8887 8	13.0782 5	132.791 3	7.23870 3	121.526 9	6.61007 5
AD-519749.1	53.1876 9	11.5297 2	60.7999 9	7.71971 3	104.505 4	17.1313 2	109.738 3	20.9016 4
AD-519750.1	43.3946 9	4.61130 3	49.7767 7	7.23495 7	95.7851 2	18.2130 8	89.9017	12.8237 4
AD-1010717.1	40.1712 1	3.64858 4	49.8075 4	8.55961 6	103.449 6	28.4919 6	88.2561 9	12.3531 7
AD-67554.7	29.9581 4	2.51604 8	41.3910 2	2.18698 8	80.6199 9	14.1847 4	80.3652 2	12.5964 9
AD-519752.3	35.5027 9	6.56642 7	44.0524 2	5.61627 8	70.0757	7.85459 7	67.1874	8.69981 3
AD-1010718.1	53.9199 5	6.17794 2	49.7966 6	7.57600 5	117.297	23.8298 1	132.252 9	18.6017 5
AD-519754.9	63.5034 6	10.9959 9	81.5342 7	7.65546 4	137.870 8	5.33604 1	150.681 1	23.7848 1
AD-75276.2	43.7683 3	3.39359	54.2713 2	12.5548 5	110.375 7	32.6954 7	93.1702	15.6803 5
AD-1010719.1	47.6997 1	11.0769 2	59.2131 3	4.43472 6	106.835 9	19.3307 7	103.651 5	11.8516 8
AD-519757.3	33.8501 4	2.34844	50.0841 2	5.57959 6	74.9398 6	9.46620 4	86.5679 6	5.48371 7
AD-519758.2	43.8025	3.98758 1	45.8113 4	7.63864 3	86.3735 7	3.98325 3	84.4413 4	7.15912 8
AD-519759.3	49.9200 8	6.95819 8	65.8598 2	22.9003 9	92.3706 6	20.6222 8	88.0230 1	11.2455 5
AD-67549.2	40.8168 4	7.03693 5	41.1870 2	2.40998 3	79.3618 8	24.5341 6	75.4567 6	3.92128 8
AD-519761.3	52.5937 9	9.42036 5	60.0531 5	6.05037 6	110.666 5	15.7097 7	158.684 9	22.7737
AD-519762.2	62.4297 2	6.59052 2	78.4842 5	9.98238 4	156.408 3	30.4558 2	138.657 7	14.4992 6
AD-1010720.1	64.1853 3	2.15144 3	73.6032 8	8.13166 7	142.682 5	22.5081 9	122.085 3	35.2539 6
AD-67558.2	59.7575 6	10.2226 1	73.5727 3	19.6715 3	138.132 7	36.9803 4	104.997	8.00832 9
AD-1010721.1	74.9059 3	15.4599 1	82.1389 5	5.89366 5	109.896 3	16.7703 7	101.386	9.63603 4
AD-520009.1	50.6145 6	5.09016 5	56.2791 6	5.40425 6	100.959 1	34.0218 5	88.9346 5	11.1838 2
AD-520010.1	33.0260 8	4.74480 7	47.4329 8	8.95083 5	75.8094 9	13.9089 1	75.4890 6	4.70290 5
AD-1010722.1	63.1191 7	8.12361 7	52.2351 7	6.72079 5	125.026 2	41.7076	125.986 1	23.4993 3
AD-520012.1	30.9272	6.52660 4	43.0757 8	11.1670 6	88.3946 9	12.6899 7	103.779 8	24.4901 3

047519

AD-520013.1	41.9009	4.23888 2	63.2915 1	7.12522 1	124.790 4	34.6674 7	104.344	13.7086 4
AD-1010723.1	43.0193 2	10.6476	72.6328 3	17.4451 6	114.870 4	43.3391 5	105.716 1	27.0445 4
AD-1010724.1	26.9185 3	1.61801 9	38.7867 9	2.81381 6	78.0749 8	17.5219 9	85.7066	11.7414 5
AD-1010725.1	36.4193 2	6.51483 4	47.5806 7	9.39082 5	71.4947 6	10.1454 6	74.9356 1	9.65005
AD-1010726.1	26.6071 2	4.09594	42.2791 3	12.7339	47.1864 5	17.8160 5	73.1398 7	7.89439 5
AD-520018.7	18.4435 7	6.26257 6	29.1177 9	3.21431 9	66.6432 6	36.1265 6	65.9298 4	5.91976 4
AD-520019.1	30.9879	6.70670 4	40.5128 7	1.31516 1	110.634 5	37.8697 3	132.956 1	24.0657 4
AD-520020.2	43.1930 6	6.86660 4	53.5939 2	12.8242	130.469 7	25.4593 1	147.521 4	38.3228 6
AD-520021.2	45.2373	5.70886 7	56.1250 6	5.68137 3	107.784 4	21.3496 7	109.479 6	4.55527 5
AD-520022.2	44.3872 7	3.59244 7	63.1326 4	9.55872 7	90.9357 7	6.74128 1	122.209 7	7.65465 2
AD-520023.2	44.8494 1	4.67003 4	68.7630 9	3.40830 1	110.825 7	11.2628	96.4240 4	6.71372 1
AD-520024.2	26.6132 2	1.99188 1	44.7432 5	7.63573 8	86.3716 2	27.1755 6	87.3230 8	11.9262 4
AD-520025.2	30.0097 4	5.75711	49.4130 3	8.12465 5	63.2346 8	31.2429	79.0193 3	12.7362 9
AD-1010727.1	40.3277 2	11.5133 3	50.6338 4	4.77068 4	84.3756 3	13.3368 1	87.9446 5	21.3555 8
AD-520027.1	50.5870 5	4.54967 5	63.9167 9	8.22888 2	134.997 9	10.3952 1	116.923 6	21.8809 2
AD-520028.1	48.1695	23.1568 2	56.1863 1	9.33864 2	118.854 8	28.8588 6	136.371 5	13.3199 7
AD-520052.1	35.4812 3	3.57286 3	52.3321 4	7.95661 3	101.304 1	18.8996 1	117.092 9	16.5451 3
AD-520053.2	25.6155 8	10.2970 2	38.3015 1	6.36998 2	68.8129 2	6.91571 1	82.9410 8	12.7222 2
AD-520054.1	53.6579 3	9.75168 6	71.4843 8	8.27016 7	113.374 5	15.8796 7	98.4262 5	21.2971 1
AD-1010728.1	32.8009 5	10.4586 9	37.6546 6	2.60557 4	75.2731 8	8.75743 5	78.8461 3	9.21061 3
AD-1010729.1	22.0078	5.29366 7	32.1864 6	4.56542 8	68.3304 7	13.3224 4	67.9955 7	7.21990 4
AD-520057.1	38.5279 9	10.3950 5	38.2816 1	5.57113 8	75.4446 3	10.4250 6	103.828 7	15.2188 7
AD-520058.1	59.1476 3	10.9264 9	59.8011	4.16205 6	114.131 6	37.2530 7	141.009 8	10.5314 4
AD-1010730.1	40.4781	6.02404 8	55.6074 8	3.68018 5	100.022 8	27.0054 7	112.454 8	23.4400 9
AD-1010731.1	24.9077 4	6.30736	37.2563 1	6.90626 8	77.2640 8	2.01684 1	80.7145 1	8.74328 6

AD-1010732.1	22.0836 7	3.88877 4	31.1535 5	4.13346 9	77.8302 4	21.5893 5	80.5481 5	2.88348 6
AD-520062.8	18.8146 7	2.51237 8	36.6562 7	4.46957 2	66.1438 4	9.07425 5	60.4403 9	8.88314 4
AD-520063.4	26.0814 3	3.91292 4	30.5829 6	2.00451 2	62.5723 5	12.4226 2	61.8516 4	3.90666 8
AD-1010733.1	28.4187 6	6.38097	36.4968 9	5.49747 2	69.5066 1	8.53537 2	97.6711 6	16.2376 5
AD-1010734.1	39.2694 3	2.25010 3	41.7853 6	2.94041 7	73.3251 4	8.49144 1	113.930 1	16.0180 3
AD-520066.3	53.9482 7	7.16894 9	63.7194 9	12.0830 7	84.2358 5	9.55670 3	103.060 3	12.6162
AD-520067.4	47.7984	18.0523 1	43.0268 7	12.7803 1	79.2662 6	20.8905 6	91.8277 8	14.7488 7
AD-75289.5	47.4098 8	6.15640 9	56.5460 5	7.09320 7	105.822 5	20.8766 6	103.582 5	8.55242 3
AD-520068.4	75.2469 1	7.35368 6	61.7940 9	10.5601 9	106.433 1	12.0437 8	131.359 8	100.078 4
AD-520069.4	49.3564 8	17.6201 8	54.3552 8	7.38040 1	87.3194 7	8.16818 8	75.9654 5	3.57541
AD-1010735.1	24.3904 4	6.60858	29.2195 1	5.65758 5	58.0864	16.9745 1	61.0290 2	7.29078
AD-67584.6	33.4967 1	5.09947	29.7718 3	1.37033 7	61.8599 5	3.78258 4	84.8569 2	13.4988 1

Таблица 39. Скрининг однократной дозы (нацеленной на PNPLA3) в первичных гепатоцитах яванского макака РСН)

Дуплексы	50 нМ		10 нМ		1 нМ		0.1 нМ	
	Среднее	SD	Среднее	SD	Дуплекс	Среднее	SD	Среднее
AD-519341.2	33.1808 4	4.70438 6	51.774 73	11.575 2	102.7701	28.440 04	86.592 7	19.77298
AD-519342.2	18.5856 2	2.33748 6	36.983 98	12.375 23	72.89022	19.418 67	88.263 93	11.36751
AD-519343.2	14.9280 7	4.22668 2	25.442 75	6.9428 27	34.02826	9.3349 55	78.657 41	29.73611
AD-1010713.1	17.5414 5	2.86454 9	16.872 13	0.6242 18	31.41544	9.2771 38	46.057 22	5.815894
AD-519345.1	13.0926	1.62796 8	17.733 51	4.1875 37	33.40954	11.525 69	61.766 61	12.4429
AD-519346.1	10.6233	1.20716 2	15.805 67	3.7432 56	25.06314	8.6776 75	50.531 95	18.40728
AD-519347	12.1383 4	1.97355 4	16.737 73	3.7278 68	29.75023	6.6871 12	72.915 58	28.98494

047519

.1			35					
AD-101071 4.1	22.5846 7	5.72920 9	42. 901 85	5.6504 13	53.69003	13.754 94	106.22 92	31.96262
AD-101071 5.1	30.4728 7	2.03335 9	42. 776 17	12.498 97	48.47358	7.6901 1	136.89	52.34067
AD-519350 .2	21.6743 6	0.89288 6	30. 510 11	13.758 43	33.43008	3.6617 36	64.392 07	3.609213
AD-519351 .7	38.4739	3.24847 2	45. 758 67	7.1695 71	42.10825	4.0483 11	73.028 53	7.464011
AD-519352 .1	22.7289 9	1.37936 1	20. 506 15	1.8991 78	41.65781	2.4923 85	81.909 75	7.028732
AD-519353 .1	31.2533 8	6.51944 3	40. 642 45	8.2408 7	56.83054	9.8224 31	89.055 21	5.409826
AD-519354 .1	23.2196 8	0.52564 1	32. 998 07	6.9693 61	35.03392	5.0553 74	66.524 34	5.345017
AD-519355 .1	23.4425	3.04545 1	29. 165 7	11.456 62	34.05687	10.961 59	68.508 02	3.06385
AD-519356 .1	38.1017 5	10.0249 9	45. 206 75	10.478 52	72.97533	11.002 92	93.515 06	0.458343
AD-519357 .1	68.1043 5	5.02870 6	73. 602 91	12.478 81	113.0562	9.0356 48	123.39 18	14.48132
AD-519358 .1	109.734 3	17.9217 1	120. .15 05	13.918 01	101.5	15.155 14	102.03 46	7.956678
AD-519359 .1	30.4451 1	3.27825 5	29. 707 62	5.8617 45	61.38724	5.0372 95	84.237 48	4.7701
AD-519360 .1	71.3201 1	6.26144	60. 640 32	5.0514 55	94.20443	20.836 32	105.35 15	17.96005
AD-101071 6.1	41.7096	3.05580 2	41. 972 2	9.0918 62	65.15609	12.014 25	95.193 02	7.29294
AD-519745 .1	43.9658 1	6.84819	41. 297 17	11.960 36	57.69556	3.2949 09	101.71 43	27.79148
AD-519746 .1	47.4999 7	4.69139 7	49. 422 24	10.302 68	69.45745	1.6877 39	106.02 36	34.1365
AD-519747	53.5220 3	9.62160 5	51. 358	12.094 21	88.54727	16.114 5	104.68 44	15.33743

047519

.1			67					
AD-519748	35.7210	1.97075	44.395	12.371		31.305	93.559	
.1	6	7	31	11	78.95901	59	54	7.035535
AD-519749	30.2730	2.18686	35.645	6.3804	46.6698	13.319	86.659	
.1	2	6	25			53	86	15.2604
AD-519750	25.5522	1.01578	38.295	5.8737		11.714	83.337	
.1	3	6	66	05	42.79628	71	08	17.28221
AD-101071	22.1958	0.44408	28.211	14.871			63.124	
7.1	1	1	98	98	28.17989	2.0589	16	12.68905
AD-67554.		2.08619	24.327	7.3091		2.0975	64.264	
7	20.5347	4	09	21	24.89249	02	67	26.77638
AD-519752	25.6799	1.93136	25.387	5.1127		11.294	75.528	
.3	2	6	46	42	42.34479	2	02	10.90585
AD-101071	27.1860	3.71574	44.696	13.645		19.382	78.411	
8.1	8	7	34	43	48.87007	81	01	3.841614
AD-519754	24.5805		28.559	7.0475			71.757	
.9	8	2.85202	26	4	47.1156	7.0551	72	5.289018
AD-75276.	19.9415	0.71594	24.595	8.7838		3.2196	51.975	
2	4	5	12	05	30.73496	86	64	0.855416
AD-101071	18.4675	1.78495	26.252	12.988			53.237	
9.1	7	3	69	76	26.24527	1.8937	16	8.284764
AD-519757	17.8355		17.567	2.6322		6.6520	58.057	
.3	8	1.13252	34	21	24.14466	08	75	6.720028
AD-519758	30.3283	14.9866	34.330	8.9042		3.1894		
.2	2	6	39	42	41.55164	87	70.087	8.848411
AD-519759	27.6148	3.20148	28.968	9.4415		7.7471	84.457	
.3	3	5	66	92	51.66033	81	16	2.659745
AD-67549.	25.2641	3.32559	24.070	8.0740		29.590	66.761	
2	7	8	4	96	57.06476	65	09	6.859419
AD-519761	27.2994	4.06170	29.402			17.494	73.828	
.3	8	2	34	8.2302	55.97938	15	6	14.32816
AD-519762		2.45967	29.083	11.567		6.5089	71.658	
.2	26.2541	7	98	78	47.0892	57	44	6.793264
AD-101072	35.1010		54.505	17.155		6.4243	90.653	
	5	11.0271	505	05	60.95521	27	54	1.622368

047519

0.1			36					
AD-67558.2	27.26775	1.703701	31.83117	3.376294	48.59497	11.6838	80.23711	9.139227
AD-101072.1.1	98.73488	10.67008	88.63852	7.615453	93.6516	8.708677	115.0284	13.90528
AD-520009.1	115.1881	12.30103	89.73245	7.894185	118.2456	7.323628	95.74807	5.145745
AD-520010.1	79.89452	5.894902	73.57593	14.79716	77.45514	10.3914	94.76517	5.195967
AD-101072.2.1	109.3595	4.505885	100.8274	14.68297	95.49468	15.87513	100.5743	0
AD-520012.1	97.07213	20.47878	91.76029	9.692549	81.80022	11.24291	94.5523	12.13118
AD-520013.1	103.4489	3.943599	108.8068	18.33588	109.6015	12.80929	93.2641	4.523871
AD-101072.3.1	27.58843	2.338596	35.65611	10.1328	47.56411	9.976614	90.99518	25.74328
AD-101072.4.1	26.46728	1.47565	26.90976	9.425383	41.29731	5.581072	82.42602	17.91712
AD-101072.5.1	80.0121	1.320144	71.03697	8.193035	82.02665	7.278687	88.37711	12.41996
AD-101072.6.1	63.49658	3.453642	62.83583	7.301534	61.38155	2.787238	79.46593	6.682405
AD-520018.7	19.27382	1.035111	23.71918	6.107674	42.88368	15.39814	51.91096	6.597352
AD-520019.1	67.75371	4.815317	85.46413	27.97837	71.69335	10.2165	76.65592	7.666444
AD-520020.2	49.64119	2.559106	51.89577	10.90042	64.34529	12.73844	78.40491	2.962168
AD-520021.2	32.19649	2.923462	38.97851	7.033731	44.36721	4.429857	83.14057	9.906269
AD-520022.2	88.52092	3.683218	80.57782	9.474541	85.40397	11.73205	85.33902	19.51987
AD-520023.3	80.54776	7.363073	79.912	12.3369	85.55517	8.321525	92.01758	8.16751

047519

.2			36					
AD-520024	70.4873	4.49636	68.089	12.006		4.2183	86.798	
.2	2	4	49	9	63.8255	74	99	6.014172
AD-520025		7.55964	104.85	8.9042		5.2787	95.255	
.2	106.695	7	86	12	91.01226	14	08	5.172506
AD-101072	84.2983	2.38538	79.634	13.524		9.7753	107.71	
.7.1	4	2	31	25	79.97708	23	04	11.7926
AD-520027	105.033	10.4255	128.68	32.455		5.7614	88.559	
.1	8	3	91	94	91.12301	88	91	5.638937
AD-520028	84.8098	4.62314	91.434	13.360		14.089	86.910	
.1	3	3	52	49	74.04805	42	35	10.10266
AD-520052	59.0028	2.12268	70.000	17.007		13.576	85.223	
.1	1	6	39	61	69.18847	31	23	3.765275
AD-520053		1.83305	21.171	6.1666		1.0758	49.581	
.2	15.3949	4	27	23	26.30001	99	36	3.127215
AD-520054	30.3976	1.55747	28.439	1.4496		14.750	80.484	
.1	8	4	12	8	62.62253	11	58	6.455693
AD-101072	27.4919	18.5172	22.773	8.9019		3.4454	54.655	
.8.1	6	4	39	44	27.00153	34	15	5.160433
AD-101072	27.5283	1.07585	36.005	17.453		21.712	69.473	
.9.1	5	6	78	02	46.0388	6	84	16.70382
AD-520057	27.2029	3.82747	39.781	17.844		29.475	44.248	
.1	5	7	96	5	61.48804	33	07	1.517811
AD-520058	19.1199	1.59628	25.621	10.709		4.8556	73.411	
.1	4	7	88	9	30.55429	74	37	19.43665
AD-101073	21.7339		16.705	2.6555		3.7755	56.718	
.0.1	5	10.6979	55	9	32.62999	7	24	9.339537
AD-101073	18.7934	9.61494	20.337	5.1754		3.8989	34.066	
.1.1	9	2	23	19	21.75738	97	92	1.207849
AD-101073	12.5915	2.24075	15.643	7.1502		1.4649	34.336	
.2.1	6	2	31	28	19.65225	36	4	5.246713
AD-520062	14.2140	1.67627	15.875	2.4584		8.9187	30.542	
.8	6	2	43	05	26.63561	96	1	5.165147
AD-520063	16.7567	8.28433	23.800	7.5889		12.103	59.925	
.1	1	8	800	99	32.82854	51	05	16.52704

.4			43					
AD-101073 3.1	22.3281 6	7.23678 8	25. 928 54	23.778 7	35.99174	17.746 11	60.474 82	14.91008
AD-101073 4.1	18.2430 2	1.75205 8	18. 362 41	1.3164 87	23.71195	4.1764 13	41.717 39	6.863728
AD-520066 .3	21.0506	1.76381 4	23. 559 16	7.4598 8	27.17446	7.0155 71	43.359 77	15.45225
AD-520067 .4	14.9275 3	1.83065 8	18. 130 11	4.2908 01	35.8336	8.2811	40.556 44	8.154041
AD-75289. 5	26.4484 5	8.97769 2	20. 892 83	2.7473 66	34.44447	3.2638 65	83.957 98	24.73915
AD-520068 .4	38.0387 2	12.4876 9	46. 546 54	12.132 87	35.73126	8.7370 18	57.922 83	4.998898
AD-520069 .4	25.9118 6	7.62508 4	30. 851 73	14.503 1	31.7561	3.0699 82	54.358 4	6.314143
AD-101073 5.1	16.9221 9	0.84652 3	35. 027 02	7.7419 08	26.23645	1.8628 2	61.525 8	10.92313
AD-67584. 6	25.8822 9	6.36258 8	22. 720 34	3.7687 79	30.82832	0.4532 79	66.792 76	7.638439

Пример 6. Скрининг *in vivo* дРНК дуплексов у мышей.

Представляющие интерес дуплексы, идентифицированные в ходе вышеуказанных исследований SAR *in vitro*, оценивали *in vivo*. В частности, за день до введения дозы 14 мышей дикого типа (C57BL/6) трансдуцировали путем внутривенного введения 2×10^{10} вирусных частиц вектора аденоассоциированного вируса 8 (AAV8), кодирующего PNPLA3 человека. В частности, мышам вводили AAV8, обозначаемую как AAV8-TBG-PI-PNPLA3, кодирующий часть мРНК PNPLA3 человека, кодирующую открытую рамку считывания, и 3'-UTR мРНК PNPLA3 человека, обозначенную как NM_025225.2.

В день 0 группам из трех мышей подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг исследуемых агентов или контрольного PBS. В табл. 40 представлены группы лечения, а в табл. 41 представлены представляющие интерес дуплексы. На 7-й день после введения дозы животных умерщвляли, образцы печени собирали и быстро замораживали в жидком азоте. мРНК печени экстрагировали и анализировали методом RT-QPCR.

Уровни мРНК PNPLA3 человека сравнивали с уровнями гена домашнего хозяйства, GAPDH. Затем значения нормализовали к среднему значению для контрольной группы с носителем PBS. Данные были выражены в процентах от исходного значения и представлены как среднее значение плюс стандартное отклонение. Результаты, перечисленные в табл. 42 и показанные на фиг. 5, демонстрируют, что протестированные репрезентативные дуплексные агенты эффективно снижают уровень матричной РНК PNPLA3 человека *in vivo*.

Таблица 40. Экспериментальные группы

Обработка	Доза	Точка времени
PBS	нет	День 7
Без обработки		
AD-519345.1		
AD-519346.1		
AD-519347.1		
AD-67554.7		
AD-519752.3		
AD-1010731.1		
AD-1010732.1		
AD-519343.1		
AD-519344.1		
AD-519349.1		
AD-519350.1		
AD-519753.2		
AD-519932.1		
AD-519935.2		
AD-520018.6 (+ CTL)		

Таблица 41. Дуплексы, представляющие интерес

ID дуплекса	Позиции в NM 025225.2
AD-519345.1	1210-1232
AD-519346.1	1211-1233
AD-519347.1	1212-1234
AD-67554.7	1738-1760
AD-519752.3	1739-1761
AD-1010731.1	2110-2132
AD-1010732.1	2111-2133
AD-519343.1	1208-1230
AD-519344.1	1209-1231
AD-519349.1	1214-1236
AD-519350.1	1215-1237
AD-519753.2	1740-1762
AD-519932.1	1920-1942
AD-519935.2	1923-1945
AD-520018.6 (+ CTL)	2108-2130

Таблица 42

Дуплекс	% остаточного сигнала	SD
PBS Day 7	100.83	7.41
Naïve Day 7	76.79	26.41
AD-519346.1	20.93	7.32
AD-67554.7	24.35	11.53
AD-520018.6 (+ CTL)	24.99	1.97
AD-519350.1	25.42	2.79
AD-519347.1	25.76	8.01
AD-519349.1	28.37	10.58
AD-519345.1	29.15	8.28
AD-519753.2	36.95	13.35
AD-519752.3	39.67	5.40
AD-519343.1	39.81	12.85
AD-519932.1	40.63	1.38
AD-1010732.1	42.63	4.42
AD-1010731.1	42.89	5.68
AD-519935.2	50.93	8.55
AD-519344.1	59.71	22.61

Дополнительные представляющие интерес дуплексы, идентифицированные в вышеприведенных исследованиях SAR *in vitro*, были оценены *in vivo*. В частности, за день до введения дозы 14 мышей дикого типа (C57BL/6) трансдуцировали путем внутривенного введения 2×10^{10} вирусных частиц вектора аденоассоциированного вируса 8 (AAV8), кодирующего PNPLA3 человека. В частности, мышам вводили AAV8, кодирующий полный транскрипт NM_025225.2 мРНК PNPLA3 человека, обозначаемый как AAV8-TBG-PI-PNPLA3.

В день 0 группам из трех мышей подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг исследуемых агентов или контрольного PBS. В табл. 43 представлены группы лечения, а в табл. 44 представлены представляющие интерес дуплексы. На 7-й день после введения дозы животных умерщвляли, образцы печени собирали и быстро замораживали в жидком азоте. мРНК печени экстрагировали и анализировали методом RT-QPCR.

Уровни мРНК PNPLA3 человека сравнивали с уровнями гена домашнего хозяйства, GAPDH. Затем значения нормализовали к среднему значению для контрольной группы с носителем PBS. Данные были выражены оцениваются в процентах от исходного значения и представляется как среднее значение плюс стандартное отклонение. Результаты, перечисленные в табл. 45 и показанные на фиг. 6, демонстрируют, что протестированные репрезентативные дуплексные агенты эффективно снижают уровень матричной РНК PNPLA3 человека *in vivo*.

Таблица 43. Экспериментальные группы

Группа #	Животное #	Обработка	Доза	Точка времени
1	1	PBS	нет	D7
	2			
	3			
2	4	Без обработки	нет	
	5			
	6			
3	7	AD-517837.2	10 мг/кг	
	8			
	9			
4	10	AD-805635.2		
	11			
	12			
5	13	AD-519329.2		
	14			
	15			
6	16	AD-520063.2		
	17			
	18			
7	19	AD-519757.2		
	20			
	21			
8	22	AD-805631.2		
	23			
	24			
9	25	AD-516917.2		
	26			
	27			
10	28	AD-516828.2		
	29			
	30			
11	31	AD-518983.2		
	32			
	33			
12	34	AD-805636.2		
	35			
	36			
13	37	AD-519754.7		
	38			
	39			
14	40	AD-520062.2		
	41			
	42			

Таблица 44. Дуплексы, представляющие интерес

ID дуплекса	Позиции в NM_025225.2
AD-517837.2	1901-1923
AD-805635.2	2182-2200
AD-519329.2	1192-1214
AD-520063.2	2179-2201
AD-519757.2	1744-1766
AD-805631.2	1267-1285
AD-516917.2	795-817
AD-516828.2	677-699
AD-518983.2	773-795
AD-805636.2	1219-1237
AD-519754.7	1741-1763
AD-520062.2	2178-2200

Таблица 45

Дуплекс	% остаточного сигнала	SD
PBS Day 7	103.97	40.22
Naïve Day 7	89.23	68.18
AD-517837.2	65.26	22.46
AD-805635.2	57.62	37.80
AD-519329.2	61.36	18.29
AD-520063.2	32.76	9.36
AD-519757.2	22.05	11.75
AD-805631.2	19.04	29.79
AD-516917.2	62.84	35.48
AD-516828.2	88.00	22.18
AD-518983.2	113.79	21.80
AD-805636.2	53.33	6.27
AD-519754.7	70.77	17.96
AD-520062.2	41.73	12.10

Дополнительные представляющие интерес дуплексы, идентифицированные в вышеприведенных исследованиях SAR *in vitro*, были оценены *in vivo*. В частности, за день перед введением дозы 14 мышей дикого типа (C57BL/6) трансдуцировали путем внутривенного введения 2×10^{10} вирусных частиц вектора аденоассоциированного вируса 8 (AAV8), кодирующего PNPLA3 человека. В частности, мышам вводили AAV8, обозначаемый как AAV8-TBG-PI-PNPLA3, и кодирующий открытую рамку считывания и 3'-UTR мРНК PNPLA3 человека, обозначенную как NM_025225.2.

В день 0 группам из трех мышей подкожно вводили однократную дозу 10 мг/кг исследуемых агентов или контрольного PBS. В табл. 46 представлены группы лечения, а в табл. 47 представлены представляющие интерес дуплексы. На 7-й день после введения дозы животных умерщвляли, образцы печени собирали и быстро замораживали в жидком азоте. мРНК печени экстрагировали и анализировали методом RT-QPCR.

Уровни мРНК PNPLA3 человека сравнивали с уровнями гена домашнего хозяйства, GAPDH. Затем значения нормализовали к среднему значению для контрольной группы, обработанных носителем PBS. Данные были выражены в процентах от исходного значения и представлены как среднее значение плюс стандартное отклонение. Результаты, перечисленные в табл. 48 и показанные на фиг. 7, демонстрируют, что протестированные репрезентативные дуплексные агенты эффективно снижают уровень матричной РНК PNPLA3 человека *in vivo*.

Таблица 46. Экспериментальные группы

Группа #	Животное #	Обработка	Доза	Точка времени
1	1	PBS	нет	D7
	2			
	3			
2	4	Без обработки		
	5			
	6			
3	7	AD-67575.9	10 мг/кг	
	8			
	9			
4	10	AD-518923.3		
	11			
	12			
5	13	AD-520053.4		
	14			
	15			
6	16	AD-519667.2		
	17			
	18			
7	19	AD-519773.2		
	20			
	21			
8	22	AD-519354.2		
	23			
	24			
9	25	AD-520060.4		
	26			
	27			
10	28	AD-520061.4		
	29			
	30			
11	31	AD-520062.9		
	32			
	33			
12	34	AD-520063.5		
	35			
	36			
13	37	AD-1010733.2		
	38			
	39			
14	40	AD-1010735.2		
	41			
	42			
15	43	AD-520018.4 (+ CTL)		
	44			
	45			

Таблица 47. Дуплексы, представляющие интерес

ID дуплекса	Позиции в NM_025225.2
AD-67575.9	2241-2263
AD-518923.3	683-705
AD-520053.4	2169-2191
AD-519667.2	1631-1653
AD-519773.2	1760-1782
AD-519354.2	1219-1241
AD-520060.4	2176-2198
AD-520061.4	2177-2199
AD-520062.9	2178-2200
AD-520063.5	2179-2201
AD-1010733.2	2114-2136
AD-1010735.2	2121-2143
AD-520018.4 (+ CTL)	2108-2130

Таблица 48

Дуплекс	% остаточного сигнала	SD
PBS День 7	101.90	6.24
Без обработки День 7	78.59	3.28
AD-519773.2	26.03	3.77
AD-520018.4 (+ CTL)	33.95	10.54
AD-520053.4	34.87	3.84
AD-520063.5	39.46	2.44
AD-520062.9	43.73	13.15
AD-1010733.2	45.97	8.41
AD-520060.4	49.04	16.64
AD-520061.4	49.32	4.29
AD-1010735.2	50.04	10.92
AD-519354.2	50.21	22.03
AD-519667.2	51.76	10.29
AD-67575.9	63.91	15.29
AD-518923.3	143.13	33.05

Пример 7. Дизайн, синтез и скрининг *in vitro* дополнительных dsРНК дуплексов.

Дополнительные siРНК были сконструированы, синтезированы и получены с использованием способов, известных в данной области и описанных выше в примере 1.

Подробные списки дополнительных немодифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и антисмысловой цепей PNPLA3 показаны в табл. 49. Подробные списки модифицированных нуклеотидных последовательностей смысловой и антисмысловой цепей PNPLA3 показаны в табл. 50.

Скрининг разовых доз дополнительных агентов проводили путем свободного поглощения и трансфекции.

Эксперименты по свободному поглощению проводили путем добавления 2,5 мкл дуплексов siРНК в PBS на лунку 96-луночного планшета. Затем к siРНК добавляли полную культуральную среду (47,5 мкл), содержащую приблизительно 1.5×10^4 первичных гепатоцитов яванского макака (PCH). Клетки инкубировали в течение 48 ч перед очисткой РНК и проведением RT-qPCR. Эксперименты по введению однократных доз проводили при конечной концентрации дуплекса 500, 100, 10 и 1 нМ.

Для трансфекции клетки Hep3B (ATCC, Manassas, VA) выращивали почти до слияния при 37°C в атмосфере с 5% CO₂ в минимальной основной среде Игла (Eagle's Minimum Essential Medium (Gibco)) с

добавлением 10% FBS (ATCC) перед высвобождением из планшета путем трипсинизации. Трансфекцию осуществляли путем добавления 7,5 мкл Opti-MEM плюс 0,1 мкл Lipofectamine RNKiMax на лунку (Invitrogen, Carlsbad CA. cat # 13778-150) к 2,5 мкл каждого дуплекса siРНК в отдельную лунку в 384-луночном планшете. Затем смесь инкубировали при комнатной температуре в течение 15 мин. Затем к смеси siРНК добавляли 40 мкл полной питательной среды без антибиотика, содержащей 1.5×10^4 клеток НерЗВ. Клетки инкубировали в течение 24 ч перед очисткой РНК. Эксперименты с однократной дозой проводили при конечной концентрации дуплекса 50, 10, 1 и 0,1 нМ.

Выделение тотальной РНК проводили с использованием DYNABEADS. Вкратце, клетки лизировали в 10 мкл лизирующего/связывающего буфера, содержащего 3 мкл гранул на лунку, и перемешивали в течение 10 мин на электростатическом шейкере. Этапы промывки были автоматизированы на Biotek EL406 с использованием магнитной опоры для пластин. Гранулы промывали (в 3 мкл) один раз в буфере А, один раз в буфере В и дважды в буфере Е с промежуточными этапами аспирации. После последней аспирации в каждую лунку добавляли 12 мкл полной RT смеси, как описано ниже.

Для синтеза кДНК (сDNA) в каждую лунку добавляли мастер-микс, состоящий из: 1,5 мкл 10X буфера, 0,6 мкл 10X dNTP, 1,5 мкл случайных праймеров, 0,75 мкл обратной транскриптазы, 0,75 мкл ингибитора РНКазы и 9,9 мкл H₂O на реакцию. Планшеты запечатывали, встряхивали в течение 10 мин на электростатическом шейкере, а затем инкубировали при 37°C в течение 2 ч. После этого планшеты встряхивали при 80°C в течение 8 мин.

RT-qPCR выполняли, как описано выше, и относительное кратное изменение рассчитывали, как описано выше.

Результаты анализов трансфекции средств на основе dsРНК, перечисленных в таблицах 49 и 50, в клетках НерЗВ показаны в табл. 51. Результаты эксперимента по свободному поглощению средств на основе dsРНК, перечисленных в таблицах 49 и 50, первичными гепатоцитами яванского макака (PCH) показано в табл. 52.

Таблица 49. Немодифицированные последовательности смысловой и антисмысловой цепей средств на основе dsРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции в NM_025225.2	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Позиции в NM_025225.2
AD-67554.9	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2894	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3074	1738-1760
AD-1193317.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2895	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3075	1738-1760
AD-1193318.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2896	1740-1760	ATAAAAACCAACTCAGCUCAGA GG	3076	1738-1760
AD-1193319.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2897	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG ACC	3077	1738-1760
AD-1193320.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2898	1740-1760	ATAAAAACCAACTCAGCUCAGA CC	3078	1738-1760
AD-1193321.1	UGAGCUGAGUUGGUUUUA U	2899	1742-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG C	3079	1740-1760
AD-1193322.1	UGAGCUGAGUUGGUUUUA U	2900	1742-1760	ATAAAAACCAACTCAGCUCAGC	3080	1740-1760
AD-1193344.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2901	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3081	1738-1760
AD-1193324.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2902	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3082	1738-1760
AD-1193325.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2903	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3083	1738-1760
AD-1193326.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2904	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3084	1738-1760
AD-1193327.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2905	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3085	1738-1760
AD-1193328.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2906	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG AGG	3086	1738-1760
AD-1193329.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2907	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG ACC	3087	1738-1760

AD-1193330.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2908	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG ACC	3088	1738-1760
AD-1193331.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2909	1740-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG ACC	3089	1738-1760
AD-1193332.1	UGAGCUGAGUUGGUUUUA U	2910	1742-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG C	3090	1740-1760
AD-1193333.1	UGAGCUGAGUUGGUUUUA U	2911	1742-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG C	3091	1740-1760
AD-1193334.1	UGAGCUGAGUUGGUUUUA U	2912	1742-1760	AUAAAACCAACUCAGCUCAG C	3092	1740-1760
AD-1193335.1	UCUGAGCUGAGUUGGUUU UAU	2913	1740-1760	ATAAAACCAACTCAGCUCAGA GG	3093	1738-1760
AD-1193336.1	UCUGAGCUGAGUUGGUTU UAU	2914	1740-1760	ATAAAACCAACTCAGCUCAGA GG	3094	1738-1760
AD-519346.3	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2915	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3095	1211-1233
AD-1193337.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2916	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3096	1211-1233
AD-1193338.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2917	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3097	1211-1233
AD-1193339.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2918	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GCC	3098	1211-1233
AD-1193340.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2919	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GCC	3099	1211-1233
AD-1193341.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2920	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3100	1211-1233
AD-1193342.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2921	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3101	1211-1233
AD-1193343.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2922	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GCC	3102	1211-1233
AD-1193344.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2923	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GCC	3103	1211-1233
AD-1193345.1	AUUAGGAUAAUGUCUUAU U	2924	1215-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG G	3104	1213-1233
AD-1193346.1	AUUAGGAUAAUGUCUUAU U	2925	1215-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG G	3105	1213-1233
AD-1193347.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2926	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3106	1211-1233
AD-1193348.1	CCAUUAGGAUAAUGUCUU AAU	2927	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3107	1211-1233
AD-1193349.1	CCAUUAGGAUAAUGUCTU AAU	2928	1213-1233	AAUAAGACAUUAUCCUAAUG GGU	3108	1211-1233
AD-519347.4	CAUUAGGAUAAUGUCUUA UGU	2929	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GGG	3109	1212-1234
AD-1193350.1	CAUUAGGAUAAUGUCUUA UGU	2930	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GGG	3110	1212-1234
AD-1193351.1	CAUUAGGAUAAUGUCUUA UGU	2931	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GCC	3111	1212-1234
AD-1193352.1	CAUUAGGAUAAUGUCUUA UGU	2932	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GGG	3112	1212-1234
AD-1193353.1	CAUUAGGAUAAUGUCUUA UGU	2933	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GCC	3113	1212-1234
AD-1193354.1	UUAGGAUAAUGUCUUAUG U	2934	1216-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU G	3114	1214-1234
AD-1193355.1	CAUUAGGATAAUGUCUUA UGU	2935	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GGG	3115	1212-1234
AD-1193356.1	CAUUAGGATAAUGUCUTAU GU	2936	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GGG	3116	1212-1234
AD-1193357.1	CAUUAGGAUAAUGUCUUA UGU	2937	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GGG	3117	1212-1234
AD-1193358.1	CAUUAGGAUAAUGUCUTA UGU	2938	1214-1234	ACAUUAGACAUUAUCCUAAU GGG	3118	1212-1234
AD-519350.4	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2939	1217-1237	AUUACAUAAAGACAUUAUCCU AAU	3119	1215-1237
AD-1193359.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2940	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AAU	3120	1215-1237
AD-1193360.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2941	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AAU	3121	1215-1237

AD-1193361.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2942	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3122	1215-1237
AD-1193362.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2943	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3123	1215-1237
AD-1193363.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2944	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU ACC	3124	1215-1237
AD-1193364.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2945	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU ACC	3125	1215-1237
AD-1193365.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2946	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3126	1215-1237
AD-1193366.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2947	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3127	1215-1237
AD-1193367.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2948	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3128	1215-1237
AD-1193368.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2949	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3129	1215-1237
AD-1193369.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2950	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3130	1215-1237
AD-1193370.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2951	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3131	1215-1237
AD-1193371.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2952	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3132	1215-1237
AD-1193372.1	UAGGAUAAUGUCUUAUGU AAU	2953	1217-1237	AUUACATAAGACAUUAUCCU AGU	3133	1215-1237
AD-519757.4	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2954	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3134	1744-1766
AD-1193373.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2955	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3135	1744-1766
AD-1193374.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2956	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3136	1744-1766
AD-1193375.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2957	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GUC	3137	1744-1766
AD-1193376.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2958	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GUC	3138	1744-1766
AD-1193377.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2959	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3139	1744-1766
AD-1193378.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2960	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3140	1744-1766
AD-1193379.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2961	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3141	1744-1766
AD-1193380.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2962	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3142	1744-1766
AD-1193381.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2963	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GUC	3143	1744-1766
AD-1193382.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2964	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GUC	3144	1744-1766
AD-1193383.1	GAGUUGGUUUUAUGAAAA U	2965	1748-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCG G	3145	1746-1766
AD-1193384.1	GAGUUGGUUUUAUGAAAA U	2966	1748-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCG G	3146	1746-1766
AD-1193385.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2967	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3147	1744-1766
AD-1193386.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2968	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3148	1744-1766
AD-1193387.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2969	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GCU	3149	1744-1766
AD-1193388.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2970	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GUC	3150	1744-1766
AD-1193389.1	CUGAGUUGGUUUUAUGAA AAU	2971	1746-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCA GUC	3151	1744-1766
AD-1193390.1	GAGUUGGUUUUAUGAAAA U	2972	1748-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCG G	3152	1746-1766
AD-1193391.1	GAGUUGGUUUUAUGAAAA U	2973	1748-1766	AUUUCAUAAAACCAACUCG G	3153	1746-1766
AD-520018.9	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2974	2110-2130	AUUUUAGUAGUCAAGGUUAU CAU	3154	2108-2130
AD-1193392.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2975	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAU CAU	3155	2108-2130

AD-1193393.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2976	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CAU	3156	2108-2130
AD-1193394.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2977	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CAU	3157	2108-2130
AD-1193395.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2978	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CGU	3158	2108-2130
AD-1193396.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2979	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CGU	3159	2108-2130
AD-1193397.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2980	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CGU	3160	2108-2130
AD-1193398.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2981	2110-2130	AUUUUAGUAGUCAAGGUUAAU CAU	3161	2108-2130
AD-1193399.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2982	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CAU	3162	2108-2130
AD-1193400.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2983	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CAU	3163	2108-2130
AD-1193401.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2984	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CAU	3164	2108-2130
AD-1193402.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2985	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CGU	3165	2108-2130
AD-1193403.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2986	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CGU	3166	2108-2130
AD-1193404.1	GAUAACCUUGACUACUAA AAU	2987	2110-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU CGU	3167	2108-2130
AD-1193405.1	UAACCUUGACUACUAAAA U	2988	2112-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU C	3168	2110-2130
AD-1193406.1	UAACCUUGACUACUAAAA U	2989	2112-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU C	3169	2110-2130
AD-1193407.1	UAACCUUGACUACUAAAA U	2990	2112-2130	AUUUTAGUAGUCAAGGUUAAU C	3170	2110-2130
AD-520053.5	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2991	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3171	2169-2191
AD-1193408.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2992	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3172	2169-2191
AD-1193409.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2993	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3173	2169-2191
AD-1193410.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2994	2171-2191	AGUGAAAAAGGTGUUCUAAA AUU	3174	2169-2191
AD-1193411.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2995	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA ACC	3175	2169-2191
AD-1193412.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2996	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA ACC	3176	2169-2191
AD-1193413.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2997	2171-2191	AGUGAAAAAGGTGUUCUAAA ACC	3177	2169-2191
AD-1193414.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2998	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3178	2169-2191
AD-1193415.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	2999	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3179	2169-2191
AD-1193416.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	3000	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3180	2169-2191
AD-1193417.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	3001	2171-2191	AGUGAAAAAGGTGUUCUAAA AUU	3181	2169-2191
AD-1193418.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	3002	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3182	2169-2191
AD-1193419.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	3003	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3183	2169-2191
AD-1193420.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	3004	2171-2191	AGUGAAAAAGGUGUUCUAAA AUU	3184	2169-2191
AD-1193421.1	UUUUAGAACACCUUUUUC ACU	3005	2171-2191	AGUGAAAAAGGTGUUCUAAA AUU	3185	2169-2191
AD-1193422.1	GUGGAAUCUGCCAUGCG A	3006	1257-1275	UCGCAATGGCAGAUUCCACA G	3186	1255-1275
AD-1193423.1	GUGGAAUCUGCCAUGCG A	3007	1257-1275	UCGCAATGGCAGAUUCCACG G	3187	1255-1275
AD-1193424.1	UGGAAUCUGCCAUGCGA U	3008	1258-1276	AUCGCAAUGGCAGAUUCCAC A	3188	1256-1276
AD-1193425.1	UGGAAUCUGCCAUGCGA U	3009	1258-1276	AUCGCAAUGGCAGAUUCCAC G	3189	1256-1276

AD-1193426.1	GGAAUCUGCCAUGCGAUU	3010	1259-1277	AAUCGCAAUGGCAGAUUCCA C	3190	1257-1277
AD-1193427.1	GGAAUCUGCCAUGCGAUU	3011	1259-1277	AAUCGCAAUGGCAGAUUCCG C	3191	1257-1277
AD-1193428.1	GAAUCUGCCAUGCGAUU	3012	1260-1278	AAAUCGCAAUGGCAGAUUCC A	3192	1258-1278
AD-1193429.1	GAAUCUGCCAUGCGAUU	3013	1260-1278	AAAUCGCAAUGGCAGAUUCC G	3193	1258-1278
AD-1193430.1	AAUCUGCCAUGCGAUUG	3014	1261-1279	ACAATCGCAAUGGCAGAUUC C	3194	1259-1279
AD-1193431.1	AAUCUGCCAUGCGAUUG	3015	1261-1279	ACAATCGCAAUGGCAGAUUC C	3195	1259-1279
AD-1193432.1	AUCUGCCAUGCGAUUGU	3016	1262-1280	AACAAUCGCAAUGGCAGAUU C	3196	1260-1280
AD-1193433.1	AUCUGCCAUGCGAUUGU	3017	1262-1280	AACAAUCGCAATGGCAGAUU C	3197	1260-1280
AD-1193434.1	UCUGCCAUGCGAUUGUC	3018	1263-1281	AGACAATCGCAAUGGCAGAU U	3198	1261-1281
AD-1193435.1	UCUGCCAUGCGAUUGUC	3019	1263-1281	AGACAATCGCAAUGGCAGAU U	3199	1261-1281
AD-1193436.1	CUGCCAUGCGAUUGUCCA	3020	1264-1282	UGGACAAUCGCAAUGGCAGA U	3200	1262-1282
AD-1193437.1	CUGCCAUGCGAUUGUCCA	3021	1264-1282	UGGACAAUCGCAAUGGCAGA U	3201	1262-1282
AD-1193438.1	UGCCAUGCGAUUGUCCA	3022	1265-1283	AUGGACAAUCGCAAUGGCAG A	3202	1263-1283
AD-1193439.1	UGCCAUGCGAUUGUCCA	3023	1265-1283	AUGGACAAUCGCAAUGGCAG G	3203	1263-1283
AD-1193440.1	GCCAUGCGAUUGUCCAG	3024	1266-1284	UCUGGACAAUCGCAAUGGCC G	3204	1264-1284
AD-805631.3	CCAUGCGAUUGUCCAGA	3025	1267-1285	AUCUGGACAAUCGCAAUGG	3205	1267-1285
AD-1193441.1	CCAUGCGAUUGUCCAGA	3026	1267-1285	AUCUGGACAAUCGCAAUGG	3206	1267-1285
AD-1193442.1	CCAUGCGAUUGUCCAGA	3027	1267-1285	AUCUGGACAAUCGCAAUGGC A	3207	1265-1285
AD-1193443.1	CCAUGCGAUUGUCCAGA	3028	1267-1285	AUCUGGACAAUCGCAAUGGC G	3208	1265-1285
AD-1193444.1	CAUUGCGAUUGUCCAGAG	3029	1268-1286	UCUCTGGACAAUCGCAAUGG A	3209	1266-1286
AD-1193445.1	AUUGCGAUUGUCCAGAGA	3030	1269-1287	AUCUCUGGACAAUCGCAAUG G	3210	1267-1287
AD-1193446.1	CAUUGCGAUUGUCCAGAG	3031	1268-1288	AGUCTTGGACAAUCGCAAUG GC	3211	1266-1288
AD-1193447.1	UGCGAUUGUCCAGAGACU	3032	1271-1289	AAGUCUCUGGACAAUCGCAG U	3212	1269-1289
AD-1193448.1	GCGAUUGUCCAGAGACUG	3033	1272-1290	ACAGTCTCUGGACAAUCGCAA A	3213	1270-1290
AD-1193449.1	UUGCGAUUGUCCAGAGAC	3034	1270-1290	ACAGTCTCUGGACAAUCGCAA UG	3214	1268-1290
AD-1193450.1	CGAUUGUCCAGAGACUGG	3035	1273-1291	ACCAGUCUCUGGACAAUCGC A	3215	1271-1291
AD-1193451.1	CGAUUGUCCAGAGACUGG	3036	1273-1291	ACCAGUCUCUGGACAAUCGC G	3216	1271-1291
AD-1193452.1	GAUUGUCCAGAGACUGGU	3037	1274-1292	AACCAGTCUCUGGACAAUCGC	3217	1272-1292
AD-1193452.2	GAUUGUCCAGAGACUGGU	3038	1274-1292	AACCAGTCUCUGGACAAUCGC	3218	1272-1292
AD-1193453.1	AUUGUCCAGAGACUGGUG	3039	1275-1293	UCACCAGUCUCUGGACAAUC G	3219	1273-1293
AD-1193454.1	AUUGUCCAGAGACUGGUG	3040	1275-1293	UCACCAGUCUCTGGACAAUCG	3220	1273-1293
AD-1193455.1	UUGUCCAGAGACUGGUGA	3041	1276-1294	AUCACCAGUCUCUGGACAAU C	3221	1274-1294
AD-1193456.1	UUGUCCAGAGACUGGUGA	3042	1276-1294	AUCACCAGUCUCUGGACAAU C	3222	1274-1294
AD-1193457.1	UGUCCAGAGACUGGUGAC	3043	1277-1295	UGUCCAGUUCTCUGGACAG U	3223	1275-1295

AD-1193458.1	UGGUUUUAUGAAAAGCUA GGA	3044	1752-1772	UCCUAGCUUUUCAUAAAACC AAC	3224	1750-1772
AD-1193459.1	UGGUUUUAUGAAAAGCUA GGA	3045	1752-1772	UCCUAGCUUUUCAUAAAACC AGC	3225	1750-1772
AD-1193460.1	GGUUUUUAUGAAAAGCUAG GAA	3046	1753-1773	UUCCTAGCUUUUCAUAAAAC CGG	3226	1751-1773
AD-1193461.1	GUUUUAUGAAAAGCUAGG AAU	3047	1754-1774	AUUCUAGCUUUUCAUAAAA CCA	3227	1752-1774
AD-1193462.1	GUUUUAUGAAAAGCUAGG AAU	3048	1754-1774	AUUCUAGCUUUUCAUAAAA CCG	3228	1752-1774
AD-1193463.1	UUUAUGAAAAGCUAGGA AGU	3049	1755-1775	ACUUCCTAGCUUUUCAUAAA ACC	3229	1753-1775
AD-1193464.1	UUUAUGAAAAGCUAGGAA GCA	3050	1756-1776	UGCUTCCUAGCUUUUCAUAA AGC	3230	1754-1776
AD-1193465.1	UUUAUGAAAAGCUAGGAAG CAA	3051	1757-1777	UUGCTUCCUAGCUUUUCAU AGG	3231	1755-1777
AD-1193466.1	UAUGAAAAGCUAGGAAGC AAU	3052	1758-1778	AUUGCUTCCUAGCUUUUCAU AGG	3232	1756-1778
AD-1193467.1	AUGAAAAGCUAGGAAGCA ACU	3053	1759-1779	AGUUGCTUCCUAGCUUUUCA UGG	3233	1757-1779
AD-1193468.1	UGAAAAGCTAGGAAGCAA CCU	3054	1760-1780	AGGUTGCUUCCTAGCUUUUCA UG	3234	1758-1780
AD-1193469.1	GAAAAGCUAGGAAGCAAC CUU	3055	1761-1781	AAGGTUGCUUCCUAGCUUUU CGU	3235	1759-1781
AD-519773.3	AAAAGCUAGGAAGCAACC UUU	3056	1762-1782	AAAGGUUGCUUCCUAGCUUU UCA	3236	1760-1782
AD-1193470.1	AAAAGCUAGGAAGCAACC UUU	3057	1762-1782	AAAGGUTGCUUCCUAGCUUU UCA	3237	1760-1782
AD-1193471.1	AAAAGCUAGGAAGCAACC UUU	3058	1762-1782	AAAGGUTGCUUCCUAGCUUU UCG	3238	1760-1782
AD-1193472.1	AAAGCUAGGAAGCAACCU UUU	3059	1763-1783	AAAAGGTUGCUUCCUAGCUU UUC	3239	1761-1783
AD-1193473.1	AAGCUAGGAAGCAACCUU UCU	3060	1764-1784	AGAAAGGUUGCUUCCUAGCU UUU	3240	1762-1784
AD-1193474.1	AGCUAGGAAGCAACCUUU CGU	3061	1765-1785	ACGAAAGGUUGCUUCCUAGC UUU	3241	1763-1785
AD-1193475.1	CUAGGAAGCAACCUUUCG U	3062	1767-1785	ACGAAAGGUUGCUUCCUAGC U	3242	1765-1785
AD-1193476.1	GCUAGGAAGCAACCUUUC GCU	3063	1766-1786	AGCGAAAGGUUGCUUCCUAG CUU	3243	1764-1786
AD-1193477.1	UAGGAAGCAACCUUUCGC U	3064	1768-1786	AGCGAAAGGUUGCUUCCUAG C	3244	1766-1786
AD-1193478.1	CUAGGAAGCAACCUUUCGC CU	3065	1767-1787	AGGCGAAAGGUUGCUUCCUA GCU	3245	1765-1787
AD-1193479.1	AGGAAGCAACCUUUCGCCU UU	3066	1769-1787	AGGCGAAAGGUUGCUUCCUG G	3246	1767-1787
AD-1193480.1	UAGGAAGCAACCUUUCGCC UU	3067	1768-1788	AAGGCGAAAGGUUGCUUCCU AGC	3247	1766-1788
AD-1193481.1	GGAAGCAACCUUUCGCCUU GU	3068	1770-1788	AAGGCGAAAGGTUGCUUCCU G	3248	1768-1788
AD-1193482.1	AGGAAGCAACCUUUCGCCU GU	3069	1769-1789	ACAGGCGAAAGGUUGCUUCC UAG	3249	1767-1789
AD-1193483.1	GAAGCAACCUUUCGCCUGU U	3070	1771-1789	ACAGGCGAAAGGUUGCUUCC U	3250	1769-1789
AD-1193484.1	AAGCAACCUUUCGCCUGUU U	3071	1772-1790	AACAGGCGAAAGGUUGCUUC C	3251	1770-1790
AD-1193485.1	AGCAACCUUUCGCCUGUGU U	3072	1773-1791	ACACAGGCGAAAGGUUGCUU C	3252	1771-1791
AD-1193486.1	GCAACCUUUCGCCUGUCA U	3073	1774-1792	UGCACAGGCGAAAGGUUGCU U	3253	1772-1792

Таблица 50. Модифицированные последовательности смысловой и антисмысловой цепей средств на основе дсРНК PNPLA3

Название дуплекса	Смысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	Антисмысловая последовательность от 5' до 3'	SEQ ID NO:	целевая последовательность мРНК	SEQ ID NO:
AD-67554.9	uscsugagCfuGfAfGfuugguuuuau L96	325 4	asUfsaaaAfcCfAfacucAfgCfucagasgsg	343 4	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	361 4

AD-1193317.1	uscsugagCfuGfAfGfuugguuuuauL96	3255	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsg	3435	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3615
AD-1193318.1	uscsugagCfuGfAfGfuugguuuuauL96	3256	asdTsaadAadCcaacdTedAgdCucagsgsg	3436	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3616
AD-1193319.1	uscsugagCfuGfAfGfuugguuuuauL96	3257	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3437	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3617
AD-1193320.1	uscsugagCfuGfAfGfuugguuuuauL96	3258	asdTsaadAadCcaacdTedAgdCucagsgsc	3438	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3618
AD-1193321.1	usgsagCfuGfAfGfuugguuuuauL96	3259	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3439	UCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3619
AD-1193322.1	usgsagCfuGfAfGfuugguuuuauL96	3260	asdTsaadAadCcaacdTedAgdCucagsgsc	3440	UCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3620
AD-1193323.1	uscsugagCfudGadGuugguuuuauL96	3261	asUfsaaaAfcCfAfacucAfgCfucagsgsg	3441	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3621
AD-1193324.1	uscsugagCfugAfdGuugguuuuauL96	3262	asUfsaaaAfcCfAfacucAfgCfucagsgsg	3442	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3622
AD-1193325.1	uscsugagCfugadGUfuguuuuauL96	3263	asUfsaaaAfcCfAfacucAfgCfucagsgsg	3443	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3623
AD-1193326.1	uscsugagCfudGadGuugguuuuauL96	3264	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsg	3444	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3624
AD-1193327.1	uscsugagCfugAfdGuugguuuuauL96	3265	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsg	3445	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3625
AD-1193328.1	uscsugagCfugadGUfuguuuuauL96	3266	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsg	3446	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3626
AD-1193329.1	uscsugagCfudGadGuugguuuuauL96	3267	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3447	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3627
AD-1193330.1	uscsugagCfugAfdGuugguuuuauL96	3268	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3448	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3628
AD-1193331.1	uscsugagCfugadGUfuguuuuauL96	3269	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3449	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3629
AD-1193332.1	usgsagCfudGadGuugguuuuauL96	3270	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3450	UCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3630
AD-1193333.1	usgsagCfugAfdGuugguuuuauL96	3271	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3451	UCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3631
AD-1193334.1	usgsagCfugadGUfuguuuuauL96	3272	asUfsaadAadCcaacucAfgCfucagsgsc	3452	UCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3632
AD-1193335.1	uscsugagcudGadGuugguuuuauL96	3273	asdTsaadAadCcaacdTedAgdCucagsgsg	3453	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3633
AD-1193336.1	uscsugagcudGadGuuggudTuuuauL96	3274	asdTsaadAadCcaacdTedAgdCucagsgsg	3454	CCUCUGAGCUGAGUU GGUUUUUAU	3634
AD-519346.3	cscsauuaGfgAfUfAfaugucuuaauL96	3275	asAfsuaaGfaCfAfuuaucfcUfauggsgsu	3455	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3635
AD-1193337.1	cscsauuaGfgAfUfAfaugucuuaauL96	3276	asAfsuadAgdAcauuauCfcUfauggsgsu	3456	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3636
AD-1193338.1	cscsauuaGfgAfUfAfaugucuuaauL96	3277	asdAsuadAgdAcauuauCfcUfauggsgsu	3457	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3637
AD-1193339.1	cscsauuaGfgAfUfAfaugucuuaauL96	3278	asAfsuadAgdAcauuauCfcUfauggsgsc	3458	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3638
AD-1193340.1	cscsauuaGfgAfUfAfaugucuuaauL96	3279	asdAsuadAgdAcauuauCfcUfauggsgsc	3459	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3639
AD-1193341.1	cscsauuaggAfUfAfaugucuuaauL96	3280	asAfsuadAgdAcauuauCfcUfauggsgsu	3460	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3640
AD-1193342.1	cscsauuaggAfUfAfaugucuuaauL96	3281	asdAsuadAgdAcauuauCfcUfauggsgsu	3461	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3641
AD-1193343.1	cscsauuaggAfUfAfaugucuuaauL96	3282	asAfsuadAgdAcauuauCfcUfauggsgsc	3462	ACCCAUAAGGAUAAU GUCUUAUG	3642

AD-1193344.1	cscsauuaggAfUfAfaugucuuaauL96	3283	asdAsuadAgdAcuuuuCfcUfaaugsgsc	3463	ACCAUUAGGAUAAUGUCUUAUG	3643
AD-1193345.1	asusuaggAfUfAfaugucuuaauL96	3284	asAfsuadAgdAcuuuuCfcUfaaugsgsg	3464	CCAUUAGGAUAAUGUCUUAUG	3644
AD-1193346.1	asusuaggAfUfAfaugucuuaauL96	3285	asdAsuadAgdAcuuuuCfcUfaaugsgsg	3465	CCAUUAGGAUAAUGUCUUAUG	3645
AD-1193347.1	cscsauuaggdAudAaugucuuaauL96	3286	asAfsuadAgdAcuuuuCfcUfaaugsgsgsu	3466	ACCAUUAGGAUAAUGUCUUAUG	3646
AD-1193348.1	cscsauuaggdAudAaugucuuaauL96	3287	asdAsuadAgdAcuuuuCfcUfaaugsgsgsu	3467	ACCAUUAGGAUAAUGUCUUAUG	3647
AD-1193349.1	cscsauuaggdAudAaugucdTuuuL96	3288	asdAsuaagdAcuuuuCfcUfaaugsgsgsu	3468	ACCAUUAGGAUAAUGUCUUAUG	3648
AD-519347.4	csasuuagGfAfAfafugucuuaugL96	3289	asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg	3469	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3649
AD-1193350.1	csasuuagGfAfAfafugucuuaugL96	3290	asCfsaudAadGacuuuaUfcCfuaaugsgsg	3470	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3650
AD-1193351.1	csasuuagGfAfAfafugucuuaugL96	3291	asCfsaudAadGacuuuaUfcCfuaaugsgsc	3471	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3651
AD-1193352.1	csasuuaggaUfAfAfafugucuuaugL96	3292	asCfsaudAadGacuuuaUfcCfuaaugsgsg	3472	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3652
AD-1193353.1	csasuuaggaUfAfAfafugucuuaugL96	3293	asCfsaudAadGacuuuaUfcCfuaaugsgsc	3473	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3653
AD-1193354.1	ususaggaUfAfAfafugucuuaugL96	3294	asCfsaudAadGacuuuaUfcCfuaasusg	3474	CAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3654
AD-1193355.1	csasuuaggadTadAugucuuaugL96	3295	asCfsaudAadGacuuuaUfcCfuaaugsgsg	3475	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3655
AD-1193356.1	csasuuaggadTadAugucdTauguL96	3296	asCfsuaaadGacuuuaUfcCfuaaugsgsg	3476	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3656
AD-1193357.1	csasuuaggauadAUfgucuuaugL96	3297	asCfsaudAadGacuuuaUfcCfuaaugsgsg	3477	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3657
AD-1193358.1	csasuuaggauadAUfgucdTauguL96	3298	asCfsuaaadGacuuuaUfcCfuaaugsgsg	3478	CCCAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU	3658
AD-519350.4	usasggauAfaUfGfUfcuuanguaaL96	3299	asUfsuacAfUfAfafgacaUfuAfuccuasasu	3479	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3659
AD-1193359.1	usasggauAfaUfGfUfcuuanguaaL96	3300	asUfsuadCadTaagacaUfuAfuccuasasu	3480	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3660
AD-1193360.1	usasggauAfaUfGfUfcuuanguaaL96	3301	asUfsuadCadTaagacaUfudAuccuasasu	3481	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3661
AD-1193361.1	usasggauAfaUfGfUfcuuanguaaL96	3302	asUfsuadCadTaagacaUfuAfuccuasgsu	3482	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3662
AD-1193362.1	usasggauAfaUfGfUfcuuanguaaL96	3303	asUfsuadCadTaagacaUfudAuccuasgsu	3483	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3663
AD-1193363.1	usasggauAfaUfGfUfcuuanguaaL96	3304	asUfsuadCadTaagacaUfuAfuccuascs	3484	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3664
AD-1193364.1	usasggauAfaUfGfUfcuuanguaaL96	3305	asUfsuadCadTaagacaUfudAuccuascs	3485	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3665
AD-1193365.1	usasggauaaUfgUfcuuanguaaL96	3306	asUfsuadCadTaagacaUfuAfuccuasgsu	3486	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3666
AD-1193366.1	usasggauaaUfgUfcuuanguaaL96	3307	asUfsuadCadTaagacaUfudAuccuasgsu	3487	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3667
AD-1193367.1	usasggauaaUfgUfcuuanguaaL96	3308	asUfsuadCadTaagadCaUfuAfuccuasgsu	3488	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3668
AD-1193368.1	usasggauaaUfgUfcuuanguaaL96	3309	asUfsuadCadTaagadCaUfudAuccuasgsu	3489	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3669
AD-1193369.1	usasggauaaUfgUfcfuuanguaaL96	3310	asUfsuadCadTaagacaUfuAfuccuasgsu	3490	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3670

AD-1193370.1	usassgaaUfgUfCfuuaugaaauL96	3311	asUfsuadCadTaagacaUfudAuccuasgsu	3491	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3671
AD-1193371.1	usassgaaUfgUfCfuuaugaaauL96	3312	asUfsuadCadTaagadCaUfuAfcuucagsu	3492	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3672
AD-1193372.1	usassgaaUfgUfCfuuaugaaauL96	3313	asUfsuadCadTaagadCaUfudAuccuasgsu	3493	AUUAGGAUAAUGUCUUAUGUAAU	3673
AD-519757.4	csusgaguUfgGfUfUfuuaugaaauL96	3314	asUfsuuCfaUfAfaaacCfaAfcucagscsu	3494	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3674
AD-1193373.1	csusgaguUfgGfUfUfuuaugaaauL96	3315	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucagscsu	3495	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3675
AD-1193374.1	csusgaguUfgGfUfUfuuaugaaauL96	3316	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucagscsu	3496	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3676
AD-1193375.1	csusgaguUfgGfUfUfuuaugaaauL96	3317	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucagsusc	3497	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3677
AD-1193376.1	csusgaguUfgGfUfUfuuaugaaauL96	3318	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucagsusc	3498	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3678
AD-1193377.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3319	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucagscsu	3499	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3679
AD-1193378.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3320	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucagscsu	3500	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3680
AD-1193379.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3321	asUfsuudTc(A2p)uaaaacCfaAfcucagscsu	3501	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3681
AD-1193380.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3322	asUfsuudTc(A2p)uaaaacCfadAcucagscsu	3502	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3682
AD-1193381.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3323	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucagsusc	3503	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3683
AD-1193382.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3324	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucagsusc	3504	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3684
AD-1193383.1	gsasguUfggUfUfuuaugaaauL96	3325	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucsgsg	3505	CUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3685
AD-1193384.1	gsasguUfggUfUfuuaugaaauL96	3326	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucsgsg	3506	CUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3686
AD-1193385.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3327	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucagscsu	3507	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3687
AD-1193386.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3328	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucagscsu	3508	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3688
AD-1193387.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3329	asUfsuudTc(A2p)uaaaacCfadAcucagscsu	3509	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3689
AD-1193388.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3330	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucagsusc	3510	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3690
AD-1193389.1	csusgaguUfggUfUfuuaugaaauL96	3331	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucagsusc	3511	AGCUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3691
AD-1193390.1	gsasguUfggUfUfuuaugaaauL96	3332	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfaAfcucsgsg	3512	CUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3692
AD-1193391.1	gsasguUfggUfUfuuaugaaauL96	3333	asUfsuudTc(Agn)uaaaacCfadAcucsgsg	3513	CUGAGUUGGUUUUAUGAAAAG	3693
AD-520018.9	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3334	asUfsuuAfgUfAfgucaAfgGfuuaucsasu	3514	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3694
AD-1193392.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3335	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgGfuuaucsasu	3515	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3695
AD-1193393.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3336	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgdGuuaucsasu	3516	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3696
AD-1193394.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3337	asUfsuudTa(G2p)uagudCaAfgdGuuaucsasu	3517	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3697
AD-1193395.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3338	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgGfuuaucgsu	3518	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3698

AD-1193396.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3339	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgdGuuaucsgsu	3519	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3699
AD-1193397.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3340	asUfsuudTa(G2p)uagudCaAfgdGuuaucsgsu	3520	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3700
AD-1193398.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3341	asUfsuuuAfgUfAfgucaAfgGfuuaucsas	3521	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3701
AD-1193399.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3342	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgGfuuaucsas	3522	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3702
AD-1193400.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3343	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgdGuuaucsgsu	3523	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3703
AD-1193401.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3344	asUfsuudTa(G2p)uagudCaAfgdGuuaucsgsu	3524	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3704
AD-1193402.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3345	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgGfuuaucsgsu	3525	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3705
AD-1193403.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3346	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgdGuuaucsgsu	3526	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3706
AD-1193404.1	gsasuaacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3347	asUfsuudTa(G2p)uagudCaAfgdGuuaucsgsu	3527	AUGAUAACCUUGACUACUAAAAA	3707
AD-1193405.1	usasacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3348	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgGfuuasusc	3528	GAUAACCUUGACUACUAAAAA	3708
AD-1193406.1	usasacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3349	asUfsuudTa(G2p)uagucaAfgdGuuasusc	3529	GAUAACCUUGACUACUAAAAA	3709
AD-1193407.1	usasacCfuUfGfAfcuacuaaaauL96	3350	asUfsuudTa(G2p)uagudCaAfgdGuuasusc	3530	GAUAACCUUGACUACUAAAAA	3710
AD-520053.5	ususuuagAfaCfAfCfcuuuuucacuL96	3351	asGfsugaAfaAfAfggugUfuCfuuaaaasusu	3531	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3711
AD-1193408.1	ususuuagAfaCfAfCfcuuuuucacuL96	3352	asGfsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaasusu	3532	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3712
AD-1193409.1	ususuuagAfaCfAfCfcuuuuucacuL96	3353	asdGsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaasusu	3533	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3713
AD-1193410.1	ususuuagAfaCfAfCfcuuuuucacuL96	3354	asdGsugdAadAaaggdTgUfuCfuuaaaasusu	3534	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3714
AD-1193411.1	ususuuagAfaCfAfCfcuuuuucacuL96	3355	asGfsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaascsc	3535	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3715
AD-1193412.1	ususuuagAfaCfAfCfcuuuuucacuL96	3356	asdGsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaascsc	3536	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3716
AD-1193413.1	ususuuagAfaCfAfCfcuuuuucacuL96	3357	asdGsugdAadAaaggdTgUfuCfuuaaaascsc	3537	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3717
AD-1193414.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3358	asGfsugaAfaAfAfggugUfuCfuuaaaasusu	3538	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3718
AD-1193415.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3359	asGfsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaasusu	3539	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3719
AD-1193416.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3360	asdGsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaasusu	3540	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3720
AD-1193417.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3361	asdGsugdAadAaaggdTgUfuCfuuaaaasusu	3541	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3721
AD-1193418.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3362	asGfsugaAfaAfAfggugUfuCfuuaaaasusu	3542	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3722
AD-1193419.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3363	asGfsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaasusu	3543	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3723
AD-1193420.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3364	asdGsugdAadAaaggugUfuCfuuaaaasusu	3544	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3724
AD-1193421.1	ususuuagaaCfaCfcuuuuucacuL96	3365	asdGsugdAadAaaggdTgUfuCfuuaaaasusu	3545	AAUUUUAGAACACCUUUUCACC	3725
AD-1193422.1	gsusggaaUfCfUfgccauugcgaL96	3366	usCfsgcdAadTggcagaUfuCfcacsag	3546	CUGUGGAAUCUGCCA UUGCGA	3726

AD-1193423.1	gusgsgaaUfCfUfgccauugcgauL96	3367	usCfsgcdAadTggcagaUfuCfcacsosg	3547	CUGUGGAAUCUGCCA UUGCGA	3727
AD-1193424.1	usgsgaaUfCfUfgccauugcgauL96	3368	asUfsgcdCadAuggcagAfuUfccascsa	3548	UGUGGAAUCUGCCA UGCGAU	3728
AD-1193425.1	usgsgaaUfCfUfgccauugcgauL96	3369	asUfsgcdCadAuggcagAfuUfccascsg	3549	UGUGGAAUCUGCCA UGCGAU	3729
AD-1193426.1	gsgsaauUfGfCfcauugcgauL96	3370	asAfsudGedAauggcaGfaUfuccsasc	3550	GUGGAAUCUGCCA GCGAUU	3730
AD-1193427.1	gsgsaauUfGfCfcauugcgauL96	3371	asAfsudGedAauggdCadGaUfuccsgsc	3551	GUGGAAUCUGCCA GCGAUU	3731
AD-1193428.1	gsasaucUfGfCfcauugcgauL96	3372	asAfsaudCgdCaauugcAfgAfuucscsa	3552	UGGAAUCUGCCA CGAUUG	3732
AD-1193429.1	gsasaucUfGfCfcauugcgauL96	3373	asAfsaudCgdCaauugcAfgAfuucscsg	3553	UGGAAUCUGCCA CGAUUG	3733
AD-1193430.1	asasucUfCfCfAfuugcgauL96	3374	asCfsaadTcdGcaauugCfGfauuscsc	3554	GGAUCUGCCA GAUUGU	3734
AD-1193431.1	asasucUfCfCfAfuugcgauL96	3375	asCfsaadTcdGcaauugCfGfauuscsc	3555	GGAUCUGCCA GAUUGU	3735
AD-1193432.1	asuscUfCfAfuugcgauL96	3376	asAfsadAudCgcauugGfGfGaususc	3556	GAAUCUGCCA AUUGUC	3736
AD-1193433.1	asuscUfCfAfuugcgauL96	3377	asAfsadAudCgcauugTgdGcAfgaususc	3557	GAAUCUGCCA AUUGUC	3737
AD-1193434.1	uscsugccAfUfUfgcgauugcuL96	3378	asGfsacdAadTcgcauGfGcfagasusu	3558	AAUCUGCCA UUGUCC	3738
AD-1193435.1	uscsugccAfUfUfgcgauugcuL96	3379	asdGsacdAadTcgcauGfGcfagasusu	3559	AAUCUGCCA UUGUCC	3739
AD-1193436.1	csusgccaUfUfGfGcgauugcaL96	3380	usGfsgadCadAucgcaUfGfGcagsasu	3560	AUCUGCCA UGUCCA	3740
AD-1193437.1	csusgccaUfUfGfGcgauugcaL96	3381	usdGsgadCadAucgcaUfGfGcagsasu	3561	AUCUGCCA UGUCCA	3741
AD-1193438.1	usgscgauUfGfCfGauugcgaL96	3382	asUfsggdAcdAaucgcaAfuGfGcagsa	3562	UCUGCCA GUCCAG	3742
AD-1193439.1	usgscgauUfGfCfGauugcgaL96	3383	asUfsggdAcdAaucgdCaAfuGfGcagsg	3563	UCUGCCA GUCCAG	3743
AD-1193440.1	gscsgauUfGfCfGauugcgaL96	3384	usCfsugdGa(Cgn)aaucgAfaUfgcsgsg	3564	CUGCCA UCCAGA	3744
AD-805631.3	cscsaugCfGfAfuugcgaL96	3385	asUfscugGfacaucgCfaAfugg	3565	CCAUGCGAU AGAG	3745
AD-1193441.1	cscsaugCfGfAfuugcgaL96	3386	asUfscudGg(Agn)caucgCfaAfusgsg	3566	CCAUGCGAU AGAG	3746
AD-1193442.1	cscsaugCfGfAfuugcgaL96	3387	asUfscudGg(Agn)caucgCfaAfuggscsa	3567	UGCCA CCAGAG	3747
AD-1193443.1	cscsaugCfGfAfuugcgaL96	3388	asUfscudGg(Agn)caudCgCfaAfuggscsg	3568	UGCCA CCAGAG	3748
AD-1193444.1	csasaugCfGfAfuugcgaL96	3389	usCfsudTg(G2p)acaucdGcAfaugsgsc	3569	GCCA CAGAGA	3749
AD-1193445.1	asusugcgAfUfUfgcagagauL96	3390	asUfscudCu(G2p)gacaauCfGfAfausgsg	3570	CCAUGCGAU AGAGAC	3750
AD-1193446.1	csasaugcgaUfudGfGcagagacuL96	3391	asdGsudTc(Tgn)ggacaUfcdGcaaugsgsc	3571	GCCA CAGAGACU	3751
AD-1193447.1	usgscgauUfGfCfGcagagacuL96	3392	asAfsudCu(Cgn)uggadCaAfuCfGcagsu	3572	AUUGCGAU AGACUG	3752
AD-1193448.1	gscsgauUfGfCfGcagagacuL96	3393	asCfsagdTcdTcuggacAfaUfGcgsasa	3573	UUGCGAU GACUGG	3753
AD-1193449.1	usgscgauUfGfCfGcagagacuL96	3394	asCfsagdTcdTcuggacAfaUfGcgsasg	3574	CAUUGCGAU GAGACUGG	3754

AD-1193450.1	csgsauugUfCfCfagagacugguL96	339 5	asCfscadGudCucuggaCfaAfuagcsa	357 5	UGCGAUUGUCCAGAG ACUGGU	375 5
AD-1193451.1	csgsauugUfCfCfagagacugguL96	339 6	asCfscadGudCucuggaCfaAfuagcsag	357 6	UGCGAUUGUCCAGAG ACUGGU	375 6
AD-1193452.1	gsasuuguCfCfAfgagacugguL96	339 7	asAfsacdAg(Tgn)cucuggAfcAfaucsgsc	357 7	GCGAUUGUCCAGAGA CUGGUG	375 7
AD-1193452.2	gsasuuguCfCfAfgagacugguL96	339 8	asAfsacdAg(Tgn)cucuggAfcAfaucsgsc	357 8	GCGAUUGUCCAGAGA CUGGUG	375 8
AD-1193453.1	asusugucCfAfgagacugguL96	339 9	usCfsacdCadGucucugGfaCfaauscsg	357 9	CGAUUGUCCAGAGAC UGGUGA	375 9
AD-1193454.1	asusugucCfadGagacugguL96	340 0	usCfsacdCadGucucdTgdGaCfaauscsg	358 0	CGAUUGUCCAGAGAC UGGUGA	376 0
AD-1193455.1	ususguccAfGfAfgacugguL96	340 1	asUfscadCc(Agn)gucucuGfgAfaasusc	358 1	GAUUGUCCAGAGACU GGUGAC	376 1
AD-1193456.1	ususguccAfGfAfgacugguL96	340 2	asUfscadCc(Agn)gucudCudGgAfaasusc	358 2	GAUUGUCCAGAGACU GGUGAC	376 2
AD-1193457.1	usgsuccadGadGacugguL96	340 3	usdGsudAc(Cgn)agucdTcUfgdGacasgsu	358 3	AUUGUCCAGAGACUG GUGACA	376 3
AD-1193458.1	usgsuuuuuUfGfAfaagcuaggaL96	340 4	usCfscudAg(Cgn)uuuuaUfaAfaaccasasc	358 4	GUUGUUUUUUGAAA AGCUAGGA	376 4
AD-1193459.1	usgsuuuuuUfGfAfaagcuaggaL96	340 5	usCfscudAg(Cgn)uuuudCaUfaAfaaccasgs	358 5	GUUGUUUUUUGAAA AGCUAGGA	376 5
AD-1193460.1	gsgsuuuuugAfAfaagcuaggaL96	340 6	usUfscdTa(G2p)cuuuuUfaAfaaccsgsg	358 6	UUGUUUUUUGAAAA GCUAGGAA	376 6
AD-1193461.1	gsusuuuuugAfAfaagcuaggaL96	340 7	asUfsudCudAgcuuuUfaUfaaaacsca	358 7	UGUUUUUUGAAAAG CUAGGAAG	376 7
AD-1193462.1	gsusuuuuugAfAfaagcuaggaL96	340 8	asUfsudCudAgcuuuUfaUfaaaacsca	358 8	UGUUUUUUGAAAAG CUAGGAAG	376 8
AD-1193463.1	ususuuuugaAfAfaagcuaggaL96	340 9	asCfsuudCcdTagcuuuUfaUfaaaacsca	358 9	GUUUUUUUGAAAAGC UAGGAAGC	376 9
AD-1193464.1	ususuuuugaAfAfaagcuaggaL96	341 0	usdGsudTc(Cgn)uagcuUfuCfaaaasgsc	359 0	GUUUUUUUGAAAAGC AGGAAGCA	377 0
AD-1193465.1	ususuuuugaAfAfaagcuaggaL96	341 1	usUfsgdTu(Cgn)cuagCuUfuUfaaaasgs	359 1	UUUUUUGAAAAGCUA GGAAGCAA	377 1
AD-1193466.1	usasuuuugaCfUfaggaagcauL96	341 2	asUfsgdCu(Tgn)ccuagCuUfuUfauuasgsg	359 2	UUUUUUGAAAAGCUA GAAGCAAC	377 2
AD-1193467.1	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	341 3	asdGsudGc(Tgn)uccuagCuUfuUfaaaasgs	359 3	UUUUUUGAAAAGCUA AAGCAACC	377 3
AD-1193468.1	usgsuuuugcdTadGgaagcaacuL96	341 4	asdGsudTg(Cgn)uuccdTadGcUfuuuucasg	359 4	UAUUUUUUGAAAAGC AGCAACCU	377 4
AD-1193469.1	gsasuuuugcdAgdGgaagcaacuL96	341 5	asAfsaggTu(G2p)cuudCuAfgCfuuuucsgs	359 5	AUUUUUUGAAAAGC GCAACCUU	377 5
AD-519773.3	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	341 6	asAfsaggUfuGfCfuuccUfaGfcuuuucscsa	359 6	UUUUUUGAAAAGC CAACCUUU	377 6
AD-1193470.1	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	341 7	asAfsaggGudTgcuuccUfaGfcuuuucscsa	359 7	UUUUUUGAAAAGC CAACCUUU	377 7
AD-1193471.1	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	341 8	asAfsaggGudTgcuudCcUfadGcuuuucscsg	359 8	UUUUUUGAAAAGC CAACCUUU	377 8
AD-1193472.1	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	341 9	asAfsaadGg(Tgn)ucucCuAfgCfuuuucsc	359 9	UUUUUUGAAAAGC AACCUCU	377 9
AD-1193473.1	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	342 0	asdGsudAg(G2p)uugcuCfcUfagcuususu	360 0	UUUUUUGAAAAGC AACCUCU	378 0
AD-1193474.1	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	342 1	asCfsgadAadGguugCuUfcCfuagcususu	360 1	UUUUUUGAAAAGC AACCUCU	378 1
AD-1193475.1	asuuuugaCfUfaggaagcauL96	342 2	asCfsgadAadGguugdCuUfcCfuagcususu	360 2	UUUUUUGAAAAGC AACCUCU	378 2

AD-1193476.1	gscsuaggaaGfCfAfacuuucgcuL96	3423	asGfscgdAadAgguugCfuCfucagsusu	3603	AAGCUAGGAAGCAACCUUUCGCC	3783
AD-1193477.1	usasggaagCfAfacuuucgcuL96	3424	asdGscgdAadAgguugCfuCfucagsc	3604	GCUAGGAAGCAACCUUUCGCC	3784
AD-1193478.1	csusaggaagCfAfacuuucgcuL96	3425	asGfscgdGadAagguugCfuUfcuagscsu	3605	AGCUAGGAAGCAACCUUUCGCCU	3785
AD-1193479.1	asgsaagCfAfacuuucgcuL96	3426	asdGscgdGadAagguugCfuUfcusgsg	3606	CUAGGAAGCAACCUUUCGCCU	3786
AD-1193480.1	usasggaagCfAfacuuucgcuL96	3427	asAfsaggdCgdAaagguGfcUfuccuasgsc	3607	GCUAGGAAGCAACCUUUCGCCUG	3787
AD-1193481.1	gsgsaagCfAfacuuucgcuL96	3428	asAfsaggdCgdAaaggdTudGcUfuccusg	3608	UAGGAAGCAACCUUUCGCCUG	3788
AD-1193482.1	asgsaagcaAfcfCfuucgcuL96	3429	asCfsagdGcdGaaagguUfgCfuuccusag	3609	CUAGGAAGCAACCUUUCGCCUGU	3789
AD-1193483.1	gsasagcaAfcfCfuucgcuL96	3430	asCfsagdGcdGaaagguUfgCfuucscsu	3610	AGGAAGCAACCUUUCGCCUGU	3790
AD-1193484.1	asasgcaaCfCfUfucgcuL96	3431	asAfsadGg(Cgn)gaaaggUfudGcuuscsc	3611	GGAAGCAACCUUUCGCCUGUG	3791
AD-1193485.1	asgsaacCfUfUfucgcuL96	3432	asCfsadAg(G2p)cgaadAgdGuUfgcususc	3612	GAAGCAACCUUUCGCCUGUGC	3792
AD-1193486.1	gscsaaccUfUfUfucgcuL96	3433	usGfscadCa(G2p)cgadAadGgUfucgsusu	3613	AAGCAACCUUUCGCCUGUGCA	3793

Таблица 51. PNPLA3 Скрининг однократной дозы в клетках Hep3B Cells (% остаточной PNPLA3 мРНК)

Дуплекс	50нМ		10нМ		1нМ		0.1нМ	
	Среднее	SD	Среднее	SD	Среднее	SD	Среднее	SD
AD-67554.9	32.4	8.8	40.9	10.3	68.4	32.5	100.6	32.3
AD-1193317.1	36.2	5.0	43.8	7.4	47.6	10.5	106.5	28.4
AD-1193318.1	30.9	8.1	42.8	7.0	43.8	5.3	103.5	17.8
AD-1193319.1	22.6	12.2	33.3	7.1	48.8	9.9	63.9	7.5
AD-1193320.1	32.6	11.2	40.8	9.5	50.9	4.1	56.7	26.4
AD-1193321.1	28.1	3.9	27.9	2.0	44.1	8.2	65.1	9.2
AD-1193322.1	22.1	2.3	24.5	2.4	40.9	6.9	36.7	9.3
AD-1193323.1	25.5	5.4	27.2	10.4	39.8	14.1	36.6	15.6
AD-1193324.1	33.7	8.3	44.4	10.0	56.9	10.8	78.0	15.6
AD-1193325.1	75.3	17.9	63.9	3.9	85.6	30.8	101.9	34.7
AD-1193326.1	57.5	13.0	52.4	5.2	61.3	8.9	93.0	16.9
AD-1193327.1	48.8	6.3	45.3	9.9	48.8	10.3	69.8	14.0
AD-1193328.1	58.3	6.7	56.4	5.3	66.9	17.3	68.9	36.3
AD-1193329.1	46.8	7.4	42.2	8.2	55.3	6.3	82.5	8.0
AD-1193330.1	31.2	2.7	34.5	4.1	37.9	3.0	51.4	21.9
AD-1193331.1	54.5	12.4	41.1	6.3	54.9	13.4	58.0	18.2
AD-1193332.1	54.5	23.2	34.6	4.9	58.1	16.4	78.2	28.4
AD-1193333.1	33.7	1.5	42.2	2.2	50.5	3.7	83.9	15.4
AD-1193334.1	71.0	13.1	60.7	6.8	71.4	12.4	82.8	14.3
AD-1193335.1	61.4	13.8	56.9	4.5	60.3	6.3	78.7	21.2
AD-1193336.1	53.8	3.0	58.5	13.9	64.4	5.7	78.6	28.1
AD-519346.3	24.2	4.9	36.1	11.5	36.6	6.2	82.0	24.6
AD-1193337.1	18.2	3.6	22.6	3.8	43.5	19.6	39.8	9.5
AD-1193338.1	28.6	3.8	36.7	7.0	42.4	2.0	86.3	20.2
AD-1193339.1	25.9	3.6	31.4	3.6	45.5	9.0	78.7	15.8
AD-1193340.1	33.8	2.7	35.2	4.7	42.4	11.5	70.2	13.0
AD-1193341.1	28.6	5.5	34.0	2.4	57.0	10.4	63.2	19.3
AD-1193342.1	25.7	4.4	31.1	6.8	39.0	4.1	66.3	11.2
AD-1193343.1	24.6	5.9	32.5	2.5	37.8	4.9	81.0	16.1
AD-1193344.1	23.0	3.3	34.6	4.2	33.2	7.9	46.7	12.8
AD-1193345.1	23.4	4.2	35.3	11.8	40.6	9.6	79.2	10.7
AD-1193346.1	18.7	2.9	30.6	3.4	47.9	4.7	90.3	24.4
AD-1193347.1	28.5	6.6	43.9	3.9	57.9	9.7	73.1	21.1
AD-1193348.1	38.2	2.4	38.9	2.8	52.3	9.7	64.7	15.0
AD-1193349.1	26.4	3.9	40.9	7.1	43.5	4.6	75.6	4.4
AD-519347.4	24.5	2.7	33.1	9.0	48.9	15.5	79.8	27.0
AD-1193350.1	20.8	0.9	31.2	7.1	42.3	11.3	61.4	8.3
AD-1193351.1	19.2	3.4	31.3	3.1	40.2	5.4	58.2	24.1
AD-1193352.1	21.4	3.8	38.4	11.3	37.2	5.0	83.9	5.8
AD-1193353.1	26.3	4.3	36.5	5.3	55.2	10.8	96.6	16.1
AD-1193354.1	27.3	6.9	35.9	1.4	52.9	3.6	75.3	4.3
AD-1193355.1	37.3	4.4	43.7	9.4	57.4	7.0	86.3	12.1
AD-1193356.1	38.8	5.7	48.4	5.0	60.5	11.2	87.4	4.9
AD-1193357.1	37.2	4.5	49.0	11.9	59.1	17.2	84.1	8.9
AD-1193358.1	34.9	9.9	45.9	9.9	56.5	9.7	57.3	16.4
AD-519350.4	32.6	3.5	36.3	13.8	47.7	9.4	96.7	23.3

047519

AD-1193359.1	33.5	2.0	33.5	1.6	54.4	6.9	85.0	18.8
AD-1193360.1	28.7	5.5	39.8	3.3	50.9	9.7	85.3	14.3
AD-1193361.1	33.0	4.4	42.5	4.3	49.0	4.3	59.5	6.2
AD-1193362.1	33.3	6.6	46.4	10.6	62.4	12.3	61.4	7.8
AD-1193363.1	25.4	2.7	35.3	4.8	46.1	6.1	59.5	21.1
AD-1193364.1	28.7	3.3	29.0	3.4	53.3	14.5	67.2	13.3
AD-1193365.1	20.7	3.8	29.3	9.2	40.6	4.3	56.7	13.2
AD-1193366.1	30.5	1.7	39.8	7.1	41.7	6.3	82.0	30.9
AD-1193367.1	29.3	9.0	37.5	10.3	41.9	7.7	77.8	26.0
AD-1193368.1	36.2	7.7	42.7	6.1	52.5	9.8	72.3	16.8
AD-1193369.1	51.7	23.9	47.4	4.8	45.9	3.4	70.7	15.6
AD-1193370.1	29.9	4.6	43.4	2.9	52.7	14.2	76.6	20.3
AD-1193371.1	34.5	5.1	31.4	7.4	38.9	6.5	65.9	11.0
AD-1193372.1	30.8	3.7	39.4	8.7	48.0	6.4	77.3	5.3
AD-519757.4	32.3	1.1	58.0	8.1	61.1	8.0	83.2	15.0
AD-1193373.1	40.8	6.6	59.6	12.1	65.9	9.1	99.6	27.0
AD-1193374.1	55.5	4.7	61.5	8.3	78.6	11.7	97.8	22.6
AD-1193375.1	65.6	11.1	74.6	14.7	94.6	15.4	89.3	27.0
AD-1193376.1	65.7	3.1	78.8	11.1	94.1	19.5	85.4	16.2
AD-1193377.1	53.4	5.9	64.0	17.9	72.2	16.5	94.9	10.3
AD-1193378.1	53.3	6.9	72.6	8.3	72.1	10.2	70.6	25.9
AD-1193379.1	36.9	7.7	49.7	11.0	59.0	12.5	85.8	10.1
AD-1193380.1	40.9	9.3	61.5	19.2	71.9	12.0	101.4	13.9
AD-1193381.1	55.7	15.8	69.3	6.2	90.6	38.1	106.0	12.6
AD-1193382.1	78.9	14.3	96.4	13.8	94.3	20.3	130.7	11.3
AD-1193383.1	76.4	23.2	87.0	24.5	90.4	9.8	116.3	14.5
AD-1193384.1	107.4	7.9	97.1	13.0	104.3	17.4	140.3	15.9
AD-1193385.1	46.1	10.1	72.3	21.2	54.1	2.4	84.5	20.3
AD-1193386.1	53.4	9.5	64.9	10.2	79.4	7.1	102.8	12.3
AD-1193387.1	58.3	24.2	54.3	3.6	77.1	20.3	93.3	15.4
AD-1193388.1	42.9	4.4	63.4	8.0	89.4	7.3	109.9	33.5
AD-1193389.1	70.9	13.7	88.8	13.4	97.8	15.5	119.3	30.2
AD-1193390.1	62.6	14.5	70.4	7.1	100.9	35.3	120.1	21.6
AD-1193391.1	73.6	8.9	85.4	23.5	115.5	35.0	120.4	18.2
AD-520018.9	25.3	4.0	41.2	5.9	60.8	9.8	110.1	16.8
AD-1193392.1	27.9	6.9	42.9	11.9	51.1	17.6	85.4	10.3
AD-1193393.1	34.4	10.9	39.7	14.6	47.3	11.7	78.6	12.3
AD-1193394.1	33.8	6.8	52.5	16.4	56.8	4.6	62.7	23.2
AD-1193395.1	27.7	9.0	42.8	10.1	54.3	7.6	69.2	16.8
AD-1193396.1	36.3	11.7	51.3	3.4	58.4	18.1	90.3	23.6
AD-1193397.1	44.5	13.8	62.3	12.7	50.0	18.9	74.2	16.6
AD-1193398.1	27.3	7.4	47.5	5.1	52.8	4.0	87.0	19.6
AD-1193399.1	35.8	6.6	45.3	10.1	58.4	15.9	89.7	11.7
AD-1193400.1	27.1	5.8	47.1	14.5	59.1	13.8	72.1	16.1
AD-1193401.1	26.7	17.3	46.4	2.6	64.4	8.5	85.5	22.4
AD-1193402.1	25.9	14.1	38.7	12.2	48.1	3.9	64.4	22.7
AD-1193403.1	30.4	8.6	44.7	7.2	54.5	4.0	81.1	15.1
AD-1193404.1	27.6	12.1	46.4	4.7	36.0	13.6	76.3	18.6
AD-1193405.1	26.8	5.4	38.3	3.6	51.1	3.1	76.2	10.8
AD-1193406.1	29.0	9.9	35.3	6.9	54.2	3.3	96.3	21.3

047519

AD-1193407.1	21.5	7.1	32.0	7.3	47.7	5.0	61.4	11.1
AD-520053.5	11.3	6.6	23.9	5.3	30.9	8.0	49.2	14.7
AD-1193408.1	24.3	7.6	40.1	1.4	60.8	12.1	83.1	22.4
AD-1193409.1	21.1	6.9	26.7	4.8	51.4	15.8	76.5	9.6
AD-1193410.1	20.4	3.3	24.1	4.4	33.5	3.9	91.0	10.4
AD-1193411.1	23.3	12.5	28.3	7.0	48.4	6.2	83.1	30.9
AD-1193412.1	21.0	7.6	28.0	2.5	43.4	8.3	71.1	14.0
AD-1193413.1	28.6	5.1	23.2	1.6	45.1	8.0	65.8	4.7
AD-1193414.1	23.7	8.6	28.7	11.4	40.0	6.1	65.9	23.7
AD-1193415.1	11.1	3.3	30.7	5.2	38.1	9.0	58.4	11.2
AD-1193416.1	32.8	6.3	38.5	5.4	47.7	12.0	64.9	9.2
AD-1193417.1	29.1	3.7	43.6	12.4	58.3	4.0	87.4	15.6
AD-1193418.1	46.2	11.5	31.7	5.5	56.1	10.5	80.3	11.9
AD-1193419.1	29.7	2.2	42.7	5.6	59.5	11.8	79.1	9.3
AD-1193420.1	29.3	3.2	29.0	7.4	38.1	4.2	70.6	15.2
AD-1193421.1	18.7	6.7	25.6	9.7	29.1	8.7	47.1	7.6
AD-1193422.1	25.6	5.7	48.1	8.4	56.9	22.0	58.7	11.9
AD-1193423.1	55.6	8.9	68.1	6.7	78.2	3.1	77.5	12.5
AD-1193424.1	39.2	5.0	50.4	10.8	66.3	15.0	100.3	28.7
AD-1193425.1	58.7	9.2	54.7	5.1	69.9	12.0	88.5	17.5
AD-1193426.1	38.0	3.3	41.3	5.0	56.7	8.6	79.3	2.5
AD-1193427.1	41.7	7.8	37.6	6.0	60.0	5.3	72.0	4.0
AD-1193428.1	38.0	4.3	32.2	13.9	43.1	19.7	56.7	22.0
AD-1193429.1	40.2	10.5	43.4	13.4	50.0	11.4	52.3	13.4
AD-1193430.1	47.3	6.8	54.1	7.1	74.4	13.3	92.8	7.3
AD-1193431.1	45.8	7.9	53.6	7.7	71.8	7.3	116.6	14.1
AD-1193432.1	57.3	3.6	52.2	13.6	83.6	3.8	99.5	12.6
AD-1193433.1	35.2	13.7	47.6	14.8	73.4	22.0	71.7	7.4
AD-1193434.1	75.2	8.4	95.7	19.4	107.3	18.0	105.9	27.1
AD-1193435.1	75.3	7.5	63.1	10.9	79.2	18.9	70.4	20.0
AD-1193436.1	37.1	7.2	42.6	12.0	65.7	22.3	79.1	20.0
AD-1193437.1	26.3	7.3	76.6	41.5	50.4	16.0	61.8	14.3
AD-1193438.1	45.5	8.4	51.1	3.0	71.2	3.6	92.0	7.5
AD-1193439.1	60.8	6.5	66.7	4.4	91.7	8.3	125.9	18.1
AD-1193440.1	128.1	12.3	86.7	11.2	99.9	8.2	83.7	19.6
AD-805631.3	76.1	9.0	73.7	7.9	109.0	18.9	100.3	15.6
AD-1193441.1	71.4	12.6	91.6	13.0	116.1	20.7	103.1	26.0
AD-1193442.1	51.4	6.5	54.7	5.6	67.8	15.5	106.9	31.6
AD-1193443.1	31.6	8.6	41.7	11.1	44.0	12.5	79.0	29.5
AD-1193444.1	83.4	2.4	73.6	17.1	92.4	11.7	84.3	25.3
AD-1193445.1	86.5	4.5	85.5	15.1	94.5	27.8	103.3	9.7
AD-1193446.1	79.6	15.2	72.5	9.0	91.1	18.9	87.7	10.1
AD-1193447.1	117.4	18.9	99.1	15.4	115.7	27.8	91.8	20.5
AD-1193448.1	47.7	7.7	52.1	7.4	74.2	16.2	93.2	24.0
AD-1193449.1	43.0	12.3	52.4	10.0	64.4	1.9	84.5	10.8
AD-1193450.1	43.2	14.8	68.7	11.6	71.6	16.2	68.3	12.5
AD-1193451.1	52.4	13.9	72.2	6.5	77.8	15.9	63.2	10.4
AD-1193452.1	70.9	12.6	81.1	5.6	97.2	19.5	97.2	11.8
AD-1193452.2	71.9	14.7	89.6	13.0	112.4	14.3	109.8	22.8
AD-1193453.1	88.9	15.4	83.1	11.0	97.1	27.3	98.8	12.3

AD-1193454.1	119.8	17.1	96.2	18.7	120.9	12.9	112.1	16.2
AD-1193455.1	106.1	14.5	93.4	23.8	116.1	10.2	103.7	24.9
AD-1193456.1	85.1	22.7	86.9	10.6	97.3	25.7	102.0	11.2
AD-1193457.1	53.2	23.9	61.2	22.6	82.8	12.8	90.0	14.0
AD-1193458.1	46.2	33.5	76.4	16.5	82.2	15.3	76.4	11.7
AD-1193459.1	68.2	12.4	79.6	21.7	95.4	11.0	104.3	8.7
AD-1193460.1	58.1	14.5	69.8	10.3	95.6	12.7	85.6	20.4
AD-1193461.1	68.4	9.2	61.0	9.3	75.1	13.2	77.2	5.0
AD-1193462.1	46.4	9.0	56.5	10.5	74.9	13.1	78.3	14.0
AD-1193463.1	62.5	14.0	66.1	7.6	92.5	11.0	98.7	23.3
AD-1193464.1	52.2	13.4	49.0	10.1	50.8	15.8	54.5	18.4
AD-1193465.1	41.9	15.2	64.6	7.4	48.6	16.7	64.3	11.9
AD-1193466.1	53.0	7.2	55.1	9.1	75.8	12.0	77.0	24.4
AD-1193467.1	57.0	14.0	54.3	7.4	73.7	6.1	110.5	30.2
AD-1193468.1	86.8	13.8	94.0	14.8	98.8	9.8	108.8	19.6
AD-1193469.1	90.2	12.4	91.8	6.9	100.2	15.6	113.3	27.2
AD-519773.3	56.2	2.7	57.4	13.3	54.7	9.0	107.0	5.6
AD-1193470.1	55.4	8.7	39.1	7.8	42.3	9.2	68.4	10.3
AD-1193471.1	46.6	21.6	48.9	5.9	36.5	4.8	60.4	19.0
AD-1193472.1	70.7	22.1	76.2	10.3	101.6	15.8	63.0	1.2
AD-1193473.1	62.6	16.1	60.0	16.7	82.6	6.0	107.0	23.5
AD-1193474.1	55.0	15.6	57.0	12.2	70.5	15.9	81.5	14.3
AD-1193475.1	71.9	4.8	59.2	2.5	74.5	13.3	116.9	22.5
AD-1193476.1	67.6	12.1	65.6	6.0	76.1	6.5	132.8	18.8
AD-1193477.1	67.6	3.5	65.7	13.6	62.6	7.6	108.6	28.3
AD-1193478.1	65.9	18.6	50.6	5.2	49.8	8.2	91.1	16.4
AD-1193479.1	34.1	12.3	45.2	4.2	39.2	11.6	106.3	37.4
AD-1193480.1	30.1	8.0	52.1	11.6	51.3	5.7	83.1	14.8
AD-1193481.1	33.2	4.9	41.1	7.0	67.2	15.6	96.1	21.9
AD-1193482.1	38.8	5.8	52.8	13.4	57.2	6.8	99.4	26.1
AD-1193483.1	42.5	11.4	60.0	21.7	77.5	14.5	112.1	35.1
AD-1193484.1	47.2	6.9	48.9	7.7	80.6	6.7	79.2	16.9
AD-1193485.1	65.2	5.0	78.8	10.8	82.5	10.8	94.5	16.5
AD-1193486.1	94.3	12.1	93.6	10.7	71.4	30.8	106.2	9.5

Таблица 52. PNPLA3 Скрининг однократной дозы (свободное поглощение) первичными гепатоцитами яванского макака (PCH) (% остаточной PNPLA3 мРНК)

Дуплекс	500 нМ		100 нМ		10 нМ		1 нМ	
	Среднее	SD	Среднее	SD	Среднее	SD	Среднее	SD
AD-67554.9	54.4	n/a	38.5	21.8	50.1	6.1	108.8	100.6
AD-1193317.1	48.4	16.9	75.0	8.8	67.4	24.1	91.0	31.5
AD-1193318.1	55.5	14.8	58.5	54.9	51.7	19.9	98.1	19.1
AD-1193319.1	39.2	9.0	66.2	7.1	76.1	31.6	87.4	23.7
AD-1193320.1	64.8	7.0	52.4	24.2	79.4	1.2	110.3	38.3
AD-1193321.1	51.1	21.2	52.4	35.8	64.5	20.2	78.8	29.1
AD-1193322.1	52.6	21.1	43.0	25.8	75.4	19.2	119.5	9.9
AD-1193323.1	58.5	33.4	39.1	18.7	63.7	29.6	53.8	9.2
AD-1193324.1	54.6	6.9	47.4	25.4	63.6	11.5	70.1	18.0
AD-1193325.1	81.0	18.7	104.1	19.3	110.8	8.1	97.8	19.1
AD-1193326.1	57.7	5.5	79.2	13.0	85.4	6.9	93.8	14.6

047519

AD-1193327.1	81.2	33.7	81.9	1.5	96.2	21.0	92.6	9.1
AD-1193328.1	72.5	13.7	104.9	8.6	76.8	6.6	86.6	11.1
AD-1193329.1	74.1	6.9	109.9	21.1	91.1	11.3	100.0	21.9
AD-1193330.1	70.4	39.4	109.0	32.8	84.8	9.0	113.5	26.9
AD-1193331.1	85.6	31.9	82.9	34.6	71.1	19.3	129.4	38.7
AD-1193332.1	43.7	2.4	60.0	26.9	58.0	11.5	60.9	21.4
AD-1193333.1	52.7	15.8	77.7	5.7	85.6	7.9	72.4	16.0
AD-1193334.1	76.0	15.1	87.3	3.7	95.1	17.8	88.5	18.0
AD-1193335.1	66.4	11.9	84.4	8.0	81.4	12.6	83.1	9.1
AD-1193336.1	68.2	19.1	91.5	14.9	82.0	12.5	79.6	23.7
AD-519346.3	64.0	25.2	85.5	11.1	91.2	25.5	85.5	14.0
AD-1193337.1	38.0	4.8	72.8	28.5	78.0	18.5	90.7	1.8
AD-1193338.1	47.0	4.8	76.9	35.9	61.0	16.6	60.9	16.7
AD-1193339.1	54.1	20.8	60.2	11.0	86.7	23.9	80.9	16.3
AD-1193340.1	55.2	20.6	65.7	16.6	107.2	55.6	78.7	13.2
AD-1193341.1	45.4	9.6	55.8	3.2	78.0	5.9	78.2	8.1
AD-1193342.1	41.4	10.0	62.7	7.7	76.7	10.8	89.2	5.1
AD-1193343.1	45.6	12.4	71.8	8.6	68.6	8.3	88.4	6.0
AD-1193344.1	55.8	7.6	58.3	18.6	73.8	3.6	66.9	20.4
AD-1193345.1	62.1	3.6	74.5	36.7	78.6	36.5	58.7	19.9
AD-1193346.1	54.5	5.0	55.0	3.8	97.5	5.4	85.3	11.0
AD-1193347.1	66.3	19.3	67.3	5.6	107.0	29.0	95.2	9.4
AD-1193348.1	65.0	15.8	80.9	13.5	99.3	26.6	98.7	22.8
AD-1193349.1	50.3	14.0	70.3	22.0	91.5	11.7	85.3	10.7
AD-519347.4	76.6	24.3	55.9	8.7	91.0	14.8	88.7	10.3
AD-1193350.1	56.8	28.0	55.4	2.2	77.3	10.2	84.2	13.1
AD-1193351.1	47.1	5.1	82.5	11.7	89.6	17.1	93.2	9.6
AD-1193352.1	54.8	4.3	58.3	6.1	67.4	27.9	61.7	0.9
AD-1193353.1	58.3	15.9	59.3	9.9	98.3	8.7	81.2	14.2
AD-1193354.1	56.4	18.6	55.8	12.0	86.1	8.3	81.4	10.0
AD-1193355.1	94.6	28.6	85.5	21.2	93.8	5.1	92.3	16.1
AD-1193356.1	47.3	5.5	67.9	1.3	95.3	7.7	118.7	73.9
AD-1193357.1	77.6	29.8	71.4	4.8	105.7	13.6	100.2	18.9
AD-1193358.1	58.6	4.9	64.3	5.2	80.3	16.9	90.7	10.9
AD-519350.4	60.4	15.2	59.5	23.5	57.5	3.4	60.3	21.1
AD-1193359.1	80.7	10.4	96.2	7.6	112.2	13.5	91.1	16.0
AD-1193360.1	102.6	27.0	93.5	14.4	114.6	11.9	81.5	9.4
AD-1193361.1	82.2	14.8	87.1	n/a	115.4	19.7	165.0	127.4
AD-1193362.1	109.2	38.9	97.3	11.6	109.6	9.1	149.9	76.0
AD-1193363.1	77.0	20.4	91.1	5.8	90.6	8.1	90.0	5.6
AD-1193364.1	68.6	17.3	96.6	10.5	97.0	9.0	100.3	15.4
AD-1193365.1	77.6	29.1	96.0	13.2	100.9	5.3	90.6	9.3
AD-1193366.1	68.9	9.1	87.9	15.9	83.7	20.1	51.9	18.7
AD-1193367.1	75.7	15.2	96.0	16.5	112.8	9.9	74.0	4.5
AD-1193368.1	86.7	14.7	90.9	14.5	115.5	20.4	82.2	8.8
AD-1193369.1	72.4	26.0	101.3	5.4	142.9	32.6	125.0	45.8
AD-1193370.1	94.2	29.8	101.4	7.7	121.2	6.5	95.5	17.0
AD-1193371.1	72.8	21.4	90.5	5.3	113.5	10.1	87.6	8.0
AD-1193372.1	109.7	37.6	102.7	19.0	107.2	20.6	84.2	10.4

AD-519757.4	66.8	35.1	108.2	8.5	97.9	26.8	93.8	9.6
AD-1193373.1	53.5	7.3	75.7	20.4	74.5	29.8	102.6	55.7
AD-1193374.1	94.6	35.4	98.0	6.7	121.0	23.6	84.3	6.0
AD-1193375.1	89.8	20.3	103.1	3.3	122.8	8.5	89.2	24.7
AD-1193376.1	95.7	29.8	126.7	28.8	105.9	17.9	72.3	8.8
AD-1193377.1	61.4	9.9	116.9	20.0	105.4	14.0	78.6	11.8
AD-1193378.1	68.4	21.1	102.5	12.8	109.7	15.9	87.4	5.4
AD-1193379.1	57.7	13.8	99.3	27.4	99.5	32.7	86.4	1.7
AD-1193380.1	77.9	32.2	78.4	19.1	83.8	17.7	65.5	3.2
AD-1193381.1	71.1	9.8	109.6	19.8	122.9	25.7	135.4	52.7
AD-1193382.1	101.0	15.9	126.4	24.8	128.1	20.3	88.1	10.8
AD-1193383.1	91.0	19.6	114.0	13.5	107.7	13.0	87.5	14.8
AD-1193384.1	93.8	7.0	118.1	21.9	106.8	13.5	202.7	185.4
AD-1193385.1	70.8	17.3	92.1	9.2	109.5	6.6	103.7	9.0
AD-1193386.1	65.9	22.5	138.5	36.6	109.7	32.7	135.6	31.6
AD-1193387.1	46.6	3.6	83.9	36.6	64.8	15.3	230.5	271.8
AD-1193388.1	68.2	14.7	99.9	22.9	104.4	22.7	89.4	n/a
AD-1193389.1	72.9	9.2	120.7	23.0	106.3	8.8	n/a	n/a
AD-1193390.1	80.8	10.3	94.7	9.7	111.4	9.8	117.2	n/a
AD-1193391.1	93.0	29.3	117.7	7.0	108.9	14.0	n/a	n/a
AD-520018.9	75.1	35.9	85.7	11.8	86.3	2.5	n/a	n/a
AD-1193392.1	95.1	34.0	117.4	11.4	115.5	6.3	292.6	n/a
AD-1193393.1	57.7	28.7	148.4	13.8	104.6	38.8	121.0	44.6
AD-1193394.1	71.1	42.0	68.9	15.8	70.7	21.2	53.3	11.3
AD-1193395.1	79.1	22.9	91.2	27.2	84.3	9.7	164.8	152.7
AD-1193396.1	60.4	17.7	104.3	15.3	95.5	21.0	159.6	149.5
AD-1193397.1	106.2	42.2	89.2	26.0	90.7	20.4	92.0	n/a
AD-1193398.1	51.6	9.8	86.4	5.0	74.8	15.4	93.7	30.5
AD-1193399.1	94.0	19.4	100.9	27.6	88.2	28.8	114.5	7.3
AD-1193400.1	67.4	23.0	108.8	24.8	81.0	23.7	141.2	31.6
AD-1193401.1	58.2	46.0	104.3	n/a	95.3	33.1	51.2	14.7
AD-1193402.1	85.6	16.7	87.5	7.3	93.8	27.4	84.8	25.2
AD-1193403.1	85.6	5.7	78.6	10.2	93.4	31.2	81.0	10.0
AD-1193404.1	77.2	23.3	86.6	21.8	86.2	29.7	76.6	17.2
AD-1193405.1	64.6	14.4	83.3	4.5	104.0	40.2	95.9	24.6
AD-1193406.1	91.7	18.0	89.9	30.4	112.1	20.8	68.2	27.3
AD-1193407.1	98.2	43.4	109.1	62.9	144.8	1.4	54.1	19.2
AD-520053.5	66.3	18.3	88.0	41.5	103.2	44.9	56.0	15.6
AD-1193408.1	47.2	2.1	41.0	12.2	84.0	21.0	63.0	23.6
AD-1193409.1	64.7	10.7	59.4	8.3	76.3	9.7	95.1	5.2
AD-1193410.1	62.9	10.1	48.1	3.2	72.6	7.7	104.7	20.2
AD-1193411.1	53.0	5.2	48.3	3.5	70.9	14.0	95.5	11.5
AD-1193412.1	48.9	2.2	43.6	4.3	69.7	9.3	91.1	6.6
AD-1193413.1	58.6	4.9	55.0	8.9	84.6	5.4	100.2	11.6
AD-1193414.1	82.3	15.4	76.3	16.6	124.2	13.5	105.5	27.3
AD-1193415.1	80.8	14.3	111.6	10.4	120.4	34.2	84.8	5.2
AD-1193416.1	44.3	17.6	51.8	21.1	63.4	3.7	78.7	19.1
AD-1193417.1	54.6	19.1	51.2	4.5	65.4	6.7	82.0	5.4
AD-1193418.1	64.5	7.1	62.9	3.4	65.9	3.0	93.2	2.6

AD-1193419.1	55.5	3.0	51.8	3.6	67.3	1.4	77.9	13.2
AD-1193420.1	54.5	3.8	51.7	3.7	79.7	11.6	89.0	9.3
AD-1193421.1	63.3	4.7	62.3	4.1	101.2	8.2	80.0	10.4
AD-1193422.1	137.5	11.1	106.8	11.5	122.0	39.4	85.9	13.3
AD-1193423.1	63.3	37.2	79.9	2.0	110.5	47.4	102.9	13.4
AD-1193424.1	66.9	9.9	59.7	5.7	74.1	4.8	101.5	8.0
AD-1193425.1	80.4	8.1	78.9	13.3	73.7	8.3	94.9	4.0
AD-1193426.1	53.1	4.4	55.7	3.4	71.8	14.5	68.5	4.5
AD-1193427.1	71.1	5.7	81.1	14.3	81.3	11.3	79.5	10.2
AD-1193428.1	76.2	4.7	63.5	4.0	113.3	30.1	83.7	10.3
AD-1193429.1	101.4	3.2	116.4	47.0	160.6	n/a	89.7	28.5
AD-1193430.1	45.8	38.4	53.8	15.8	83.4	16.3	113.0	1.1
AD-1193431.1	63.6	4.2	65.2	6.5	72.9	1.8	113.3	9.6
AD-1193432.1	68.0	7.5	71.2	2.0	75.8	7.3	111.8	10.1
AD-1193433.1	71.7	5.2	70.2	8.4	70.6	2.3	106.4	11.2
AD-1193434.1	81.4	11.3	77.2	4.6	79.3	4.0	93.1	7.0
AD-1193435.1	87.4	8.7	87.6	6.8	94.9	22.5	90.5	12.3
AD-1193436.1	71.3	3.1	65.7	7.0	105.7	4.6	91.1	10.6
AD-1193437.1	77.3	5.3	72.6	11.3	141.9	9.7	95.0	15.0
AD-1193438.1	41.1	18.3	33.7	32.0	81.9	21.3	97.1	17.2
AD-1193439.1	65.3	5.1	69.9	1.3	70.4	8.2	127.4	20.2
AD-1193440.1	104.4	13.4	99.9	21.5	84.6	5.0	97.7	20.0
AD-805631.3	79.1	11.9	72.1	5.5	80.3	4.2	113.0	23.4
AD-1193441.1	86.8	4.5	83.1	5.8	97.6	43.6	100.0	4.8
AD-1193442.1	80.2	8.9	72.2	18.5	100.2	13.0	106.3	10.8
AD-1193443.1	78.1	6.5	82.3	13.4	128.2	33.5	95.1	12.7
AD-1193444.1	64.0	25.7	68.3	32.7	65.0	1.0	96.2	16.6
AD-1193445.1	89.9	3.1	82.1	8.0	83.9	6.2	122.6	17.3
AD-1193446.1	91.0	3.6	72.2	26.3	84.8	18.6	106.8	13.6
AD-1193447.1	89.7	13.6	90.9	4.7	89.7	17.9	120.1	8.8
AD-1193448.1	63.6	2.9	68.7	7.1	79.0	4.4	99.2	12.5
AD-1193449.1	74.6	3.9	70.3	6.9	95.2	15.3	96.7	13.9
AD-1193450.1	81.5	5.8	80.2	4.9	169.5	25.9	98.5	16.1
AD-1193451.1	95.7	26.0	82.5	8.3	216.4	n/a	106.5	5.6
AD-1193452.1	66.7	24.1	49.9	40.7	74.7	1.1	81.5	24.5
AD-1193452.2	87.1	6.8	88.1	8.1	90.0	13.8	137.9	18.9
AD-1193453.1	82.9	9.0	82.9	2.9	81.5	10.7	141.1	11.7
AD-1193454.1	87.6	23.1	88.8	3.9	101.0	19.5	111.0	17.2
AD-1193455.1	102.3	32.6	92.3	13.5	87.1	10.5	91.3	7.0
AD-1193456.1	96.7	14.6	87.2	5.4	105.9	12.1	115.5	10.1
AD-1193457.1	85.5	9.2	85.9	8.6	170.3	23.2	113.7	5.8
AD-1193458.1	75.7	17.2	91.9	22.6	142.2	22.9	90.9	2.9
AD-1193459.1	70.5	31.2	69.6	18.7	65.9	19.3	95.5	32.7
AD-1193460.1	83.5	4.8	77.5	9.3	75.2	0.5	121.8	17.7
AD-1193461.1	64.3	7.6	67.3	10.5	70.8	5.6	115.5	16.9
AD-1193462.1	62.9	1.3	61.4	4.1	81.9	8.5	109.8	15.6
AD-1193463.1	74.5	10.8	68.4	3.4	107.4	6.8	97.8	19.2
AD-1193464.1	77.3	5.6	78.5	11.5	147.0	26.5	105.9	13.6
AD-1193465.1	86.4	36.5	83.0	13.2	193.7	n/a	89.4	17.2

AD-1193466.1	51.6	12.2	48.2	10.9	68.8	12.4	91.0	26.1
AD-1193467.1	99.4	18.0	84.9	3.2	74.5	6.4	126.9	4.0
AD-1193468.1	97.3	13.6	97.0	12.8	88.4	8.6	123.7	14.9
AD-1193469.1	89.6	7.6	78.1	17.0	99.4	13.3	101.6	16.1
AD-519773.3	63.3	4.0	60.5	7.6	112.7	24.3	129.6	23.3
AD-1193470.1	70.9	9.0	64.6	4.3	135.9	24.9	106.4	23.0
AD-1193471.1	77.9	23.5	85.3	2.5	161.9	11.1	80.6	8.5
AD-1193472.1	63.9	39.9	64.2	26.0	77.2	15.5	74.3	17.8
AD-1193473.1	86.6	5.0	80.5	3.9	79.6	10.8	115.1	7.9
AD-1193474.1	90.1	2.3	81.1	4.6	79.5	5.5	124.9	14.6
AD-1193475.1	82.5	22.7	84.1	8.0	79.1	8.1	118.2	19.9
AD-1193476.1	86.6	5.2	85.2	8.8	83.2	3.5	122.2	9.6
AD-1193477.1	81.2	1.1	80.2	8.8	87.0	9.1	101.2	8.3
AD-1193478.1	100.9	16.7	85.4	5.6	155.3	20.6	109.3	6.3
AD-1193479.1	119.3	1.8	90.0	41.1	171.3	27.4	75.2	15.7
AD-1193480.1	46.4	25.9	62.2	19.4	57.8	12.2	72.1	18.6
AD-1193481.1	65.0	48.7	72.5	24.4	83.0	6.9	105.4	12.0
AD-1193482.1	76.5	22.8	74.0	16.5	86.0	18.6	108.5	9.9
AD-1193483.1	82.1	21.3	68.0	34.6	79.0	4.3	76.6	17.6
AD-1193484.1	85.8	38.5	63.2	38.2	81.8	11.2	83.2	18.2
AD-1193485.1	75.7	11.8	81.3	10.4	99.7	14.4	71.1	22.4
AD-1193486.1	106.3	27.5	86.8	11.7	172.4	64.3	77.1	28.3

Варианты осуществления изобретения.

В одном аспекте изобретение относится к двухцепочечной агент рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем средство на основе дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующую двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 1, а антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 1, 2 или 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2. В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК содержит по меньшей мере одну термически дестабилизирующую модификацию нуклеотида, например абазическую модификацию; мисматч (несовпадение) с противоположным нуклеотидом в дуплексе; и дестабилизирующую модификацию сахара, 2'-дезоксимодификацию, ациклический нуклеотид, разблокированную нуклеиновую кислоту (UNA) или глицериновую нуклеиновую кислоту (GNA), то есть антисмысловая цепь содержит по меньшей мере одну термически дестабилизирующую модификацию нуклеотида.

В другом аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной агент рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем указанная дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, при этом антисмысловая цепь содержит область комплементарности к мРНК, кодирующей белок 3, содержащий пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), и при этом область комплементарности содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличающиеся не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых нуклеотидных последовательностей в любой из табл. 2-11, 21, 24, 27, 30, 32, 33, 36, 37, 49 или 50.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной агент рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем указанная дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20, смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из нуклеотидной последовательности нуклеотидов 677-721; 683-721; 773-817; 1185-1295; 1185-1241; 1202-1295; 1202-1241; 1255-1295; 1738-1792; 1901-1945; 1920-1945; 2108-2208; 2108-2166; 2108-2136; 2121-2166; 2121-2208; 2169-2208; 2176-2208; или 2239-2265 нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 1, и антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 19 смежных нуклеотидов из соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной агент рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем указанная дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например, 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из нуклеотидных последовательностей нуклеотидов 574-596; 677-699; 683-705; 699-721; 773-795; 795-

817; 1185-1207; 1192-1214; 1202-1224; 1208-1230; 1209-1231; 1210-1232; 1211-1233; 1212-1234; 1213-1233; 1214-1234; 1214-1236; 1215-1237; 1216-1238; 1219-1237; 1219-1241; 1255-1275; 1256-1276; 1257-1275; 1257-1277; 1258-1278; 1259-1279; 1260-1278; 1260-1280; 1261-1281; 1262-1282; 1263-1283; 1264-1282; 1264-1284; 1265-1285; 1267-1285; 1266-1286; 1266-1288; 1267-1285; 1267-1287; 1268-1290; 1269-1289; 1270-1290; 1271-1291; 1272-1292; 1273-1293; 1274-1294; 1275-1295; 1631-1653; 1738-1760; 1739-1761; 1740-1760; 1740-1762; 1741-1763; 1744-1766; 1746-1766; 1750-1772; 1751-1773; 1752-1774; 1753-1775; 1754-1776; 1755-1777; 1756-1778; 1757-1779; 1758-1780; 1759-1781; 1760-1782; 1761-1783; 1762-1782; 1762-1784; 1763-1785; 1764-1786; 1765-1787; 1766-1786; 1766-1788; 1767-1787; 1768-1788; 1767-1789; 1769-1789; 1770-1788; 1770-1790; 1771-1791; 1772-1792; 1815-1837; 1901-1923, 1920-1942, 1923-1945; 2112-2130; 2169-2191; 2171-2191; 2176-2198, 2177-2199, 2178-2200; 2179-2201, 2180-2202; 2181-2203; 2183-2205; 2184-2206; 2186-2208; 2239-2261; 2241-2263; 2242-2264; или 2243-2265 нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 1, и антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 19 смежных нуклеотидов из соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса, выбранного из группы, состоящей из AD-517197.2; AD-517258.2; AD-516748.2; AD-516851.2; AD-519351.2; AD-519754.2; AD-519828.2; AD-520018.2; AD-520035.2; AD-520062.2; AD-520064.2; AD-520065.2; AD-520067.2; AD-75289.2; AD-520069.2; AD-520099.2; AD-67575.7; AD-520101.2; AD-67605.7; AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; и AD-1193481.1.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса, выбранного из группы, состоящей из AD-519345.1, AD-519346.1, AD-519347.1, AD-67554.7, AD-519752.3, AD-1010731.1, AD-1010732.1, AD-519343.1, AD-519344.1, AD-519349.1, AD-519350.1, AD-519753.2, AD-519932.1, AD-519935.2, AD-520018.6, AD-517837.2, AD-805635.2, AD-519329.2, AD-520063.2, AD-519757.2, AD-805631.2, AD-516917.2, AD-516828.2, AD-518983.2, AD-805636.2, AD-519754.7, AD-520062.2, AD-67575.9, AD-518923.3, AD-520053.4, AD-519667.2, AD-519773.2, AD-519354.2, AD-520060.4, AD-520061.4, AD-1010733.2, AD-1010735.2; AD-1193323.1; AD-1193344.1; AD-1193350.1; AD-1193365.1; AD-1193379.1; AD-1193407.1; AD-1193421.1; AD-1193422.1; AD-1193429.1; AD-1193437.1; AD-1193443.1; AD-1193471.1; и AD-1193481.1.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к двухцепочечной агент рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15 последовательных нуклеотидов, отличаясь не более чем на три нуклеотида от любой из последовательностей нуклеотидов 1200-1250, 1205-1250, 11210-1250, 1200-1245, 1200-1240, 1200-1235, 1200-1237, 1205-1237, 1210-1232, 1212-1237, 1212-1234, 1250-1300, 1255-1300, 1260-1300, 1250-1295, 1250-1390, 1250-1285, 1250-1282, 1255-1282, 1260-1282, 1262-1300, 1262-1295, 1262-1390, и 1262-1282 SEQ ID NO: 1, и антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15 смежных нуклеотидов от основной соответствующая нуклеотидная последовательность SEQ ID NO: 2.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса, выбранного из группы, состоящей из AD-519345, AD-1193350, AD-1193365, AD-1193437 и AD-519347.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса AD-519351.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса AD-1193350.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса AD-1193365.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса AD-1193437.

В одном варианте осуществления антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15, например 15, 16, 17, 18, 19 или 20 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на 0, 1, 2 или 3 нуклеотида от любой из антисмысловых цепей нуклеотидной последовательности дуплекса AD-519347.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК содержит по меньшей мере один мо-

дифицированный нуклеотид.

В одном варианте осуществления по существу все нуклеотиды смысловой цепи; по существу все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию; или по существу все нуклеотиды смысловой цепи и по существу все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию.

В одном варианте осуществления все нуклеотиды смысловой цепи содержат модификацию; все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию; или все нуклеотиды смысловой цепи и все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию.

В одном варианте осуществления по меньшей мере один из модифицированных нуклеотидов выбран из группы, включающей: дезоксинуклеотид, 3'-концевой дезокситиминовый (dT) нуклеотид, 2'-О-метилмодифицированный нуклеотид, 2'-фтор-модифицированный нуклеотид, 2'-дезоксидифицированный нуклеотид, заблокированный нуклеотид, разблокированный нуклеотид, конформационно-ограниченный нуклеотид, ограниченный этиловый нуклеотид, абазический нуклеотид, 2'-амино-модифицированный нуклеотид, 2'-О-аллил-модифицированный нуклеотид, 2'-С-алкил-модифицированный нуклеотид, 2'-гидроксимодифицированный нуклеотид, 2'-метоксиэтилмодифицированный нуклеотид, 2'-О-алкилмодифицированный нуклеотид, морфолинонуклеотид, фосфорамидат, нуклеотид с неприродным основанием, нуклеотид, модифицированный тетрагидропираном, нуклеотид, модифицированный 1,5-ангидрогекситолом, нуклеотид, модифицированный циклогексенилом, нуклеотид, содержащий фосфоротиоатную группу, нуклеотид, содержащий метилфосфонатную группу, нуклеотид, содержащий 5'-фосфат, нуклеотид, содержащий миметик 5'-фосфата, термически дестабилизирующий нуклеотид, нуклеотид, модифицированный гликолем (GNA), нуклеотид, модифицированный 2'-О-(N-метилацетамидом); и комбинации таковых.

В одном варианте модификации нуклеотидов выбирают из группы, состоящей из LNA, HNA, CeNA, 2'-метоксиэтила, 2'-О-алкила, 2'-О-аллила, 2'-С-аллила, 2'-О-аллила, 2'-фтор, 2'-дезоксид, 2'-гидроксил и гликоль; и комбинации таковых.

В одном варианте осуществления по меньшей мере один из модифицированных нуклеотидов выбран из группы, состоящей из дезоксинуклеотида, 2'-О-метилмодифицированного нуклеотида, 2'-фтор-модифицированного нуклеотида, 2'-дезоксимодифицированного нуклеотида, модифицированного гликолем (GNA), например, Ggn, Cgn, Tgn или Agn, и винилфосфонатного нуклеотида; и комбинации таковых.

В другом варианте осуществления по меньшей мере одна из модификаций нуклеотидов представляет собой термически дестабилизирующую модификацию нуклеотида.

В одном варианте осуществления термически дестабилизирующая модификация нуклеотида выбрана из группы, включающей: абазическую модификацию; мисматч (несовпадение) с противоположным нуклеотидом в дуплексе; и дестабилизирующую модификацию сахара, такую как 2'-дезоксидификация, ациклический нуклеотид, разблокированные нуклеиновые кислоты (UNA) и глицериновая нуклеиновая кислота (GNA).

В некоторых вариантах осуществления модифицированный нуклеотид содержит короткую последовательность 3'-концевых дезокситиминовых нуклеотидов (dT).

В некоторых вариантах осуществления модификации нуклеотидов представляют собой модификации 2'-О-метил, GNA и 2'-фтор.

В некоторых вариантах осуществления средство на основе дсРНК дополнительно содержит по меньшей мере одну фосфоротиоатную межнуклеотидную связь. В некоторых вариантах осуществления средство на основе дсРНК содержит 6-8 фосфоротиоатных межнуклеотидных связей. В одном варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 3'-конце одной цепи. Необязательно цепь представляет собой антисмысловую цепь. В другом варианте осуществления цепь представляет собой смысловую цепь. В сходном варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 5'-конце одной цепи. Необязательно цепь представляет собой антисмысловую цепь. В другом варианте осуществления цепь представляет собой смысловую цепь. В другом варианте осуществления фосфоротиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится как на 5'-, так и на 3'-конце одной цепи. Необязательно цепь представляет собой антисмысловую цепь. В другом варианте осуществления цепь представляет собой смысловую цепь.

Двухцепочечный участок может иметь 19-30 пар нуклеотидов в длину, 19-25 пар нуклеотидов в длину, 19-23 пар нуклеотидов в длину; 23-27 пар нуклеотидов в длину; или 21-23 пары нуклеотидов в длину.

В одном варианте осуществления каждая цепь независимо имеет длину не более 30 нуклеотидов.

В одном варианте осуществления смысловая цепь имеет длину 21 нуклеотид, а антисмысловая цепь имеет длину 23 нуклеотида.

Область комплементарности может иметь не менее 17 нуклеотидов в длину; от 19 до 23 нуклеотидов в длину; или 19 нуклеотидов в длину.

В одном варианте осуществления по меньшей мере одна цепь содержит выступающий 3'-конец по меньшей мере из 1 нуклеотида. В другом варианте осуществления по меньшей мере одна цепь содержит выступающий 3'-конец по меньшей мере из 2 нуклеотидов.

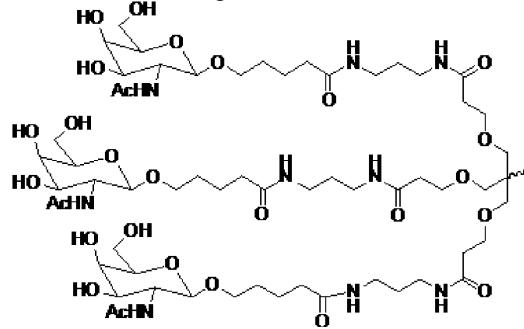
В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК дополнительно содержит лиганд.

В одном варианте осуществления лиганд конъюгирован с 3'-концом смысловой цепи средства на основе дсРНК.

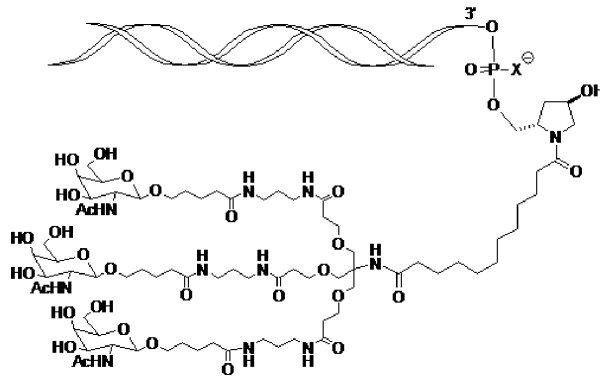
В одном варианте осуществления лиганд представляет собой производное N-ацетилгалактозамина (GalNAc).

В одном варианте осуществления лиганд представляет собой одно или более производных GalNAc, присоединенных через одновалентный, двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер.

В одном варианте осуществления лиганд представляет собой



В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК конъюгирован с лигандом, как показано на следующей схеме:



где X представляет собой O или S.

В одном варианте осуществления X представляет собой O.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК дополнительно содержит по меньшей мере одну фосфотиоатную или метилфосфонатную межнуклеотидную связь.

В одном варианте осуществления фосфотиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 3'-конце одной цепи, например антисмысловой цепи или смысловой цепи.

В другом варианте осуществления фосфотиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится на 5'-конце одной цепи, например антисмысловой цепи или смысловой цепи.

В одном варианте осуществления фосфотиоатная или метилфосфонатная межнуклеотидная связь находится как на 5'-, так и на 3'-конце одной цепи. В одном варианте осуществления цепь представляет собой антисмысловую цепь.

В одном варианте осуществления пара оснований в положении 1 от 5'-конца антисмысловой цепи дуплекса представляет собой пару оснований AU.

Настоящее изобретение также относится к клеткам, содержащим любой из средств на основе дсРНК по изобретению, и фармацевтическим композициям, содержащим любой из средств на основе дсРНК по изобретению.

Фармацевтическая композиция по изобретению может включать средство на основе дсРНК в незабуференном растворе, например физиологическом растворе или воде, или фармацевтическая композиция по изобретению может включать средство на основе дсРНК в буферном растворе, например в буферном растворе, содержащем ацетат, цитрат, проламин, карбонат или фосфат или любую комбинацию таковых; или фосфатно-солевым буфере (PBS).

В одном аспекте настоящее изобретение относится к способу ингибирования экспрессии гена белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке. Способ включает приведение клетки в контакт с любой из дсРНК по изобретению или любой из фармацевтических композиций по изобретению, что тем самым ингибирует экспрессию гена PNPLA3 в клетке.

В одном варианте осуществления клетка находится внутри субъекта, например человека, например субъекта, страдающего расстройством, ассоциированным с белком 3, содержащим пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), где расстройство/заболевание, ассоциируемое с белком 3, содержащим

пататин-подобной фосфолипазный домен (PNPLA3), выбрано из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения или неалкогольной жировой дистрофии печени (NAFLD).

В одном варианте осуществления контакт клетки с средством на основе дсРНК ингибирует экспрессию PNPLA3 по меньшей мере на 50, 60, 70, 80, 90 или 95%.

В одном варианте ингибирование экспрессии PNPLA3 снижает уровень белка PNPLA3 в сыворотке субъекта по меньшей мере на 50, 60, 70, 80, 90 или 95%.

В одном аспекте настоящее изобретение относится к способу лечения субъекта, страдающего расстройством, при котором было бы полезно снижение экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобной фосфолипазный домен (PNPLA3). Способ включает введение субъекту терапевтически эффективного количества любой из дсРНК по изобретению или любой из фармацевтических композиций по изобретению, что приводит к излечению субъекта, страдающего расстройством, для которого было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3.

В другом аспекте настоящее изобретение относится к способу предотвращения по меньшей мере одного симптома у субъекта, страдающего заболеванием, при котором было бы полезно снижение экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобной фосфолипазный домен (PNPLA3). Способ включает введение субъекту профилактически эффективного количества любой из дсРНК по изобретению или любой из фармацевтических композиций по изобретению, что приводит к предотвращению по меньшей мере одного симптома у субъекта, страдающего расстройством, при котором было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3.

В одном варианте осуществления расстройство представляет собой расстройство, связанное с связанным с белком 3, содержащим пататин-подобной фосфолипазный домен (PNPLA3), например, где расстройство, связанное с белком 3, содержащим пататин-подобной фосфолипазный домен (PNPLA3), выбрано из группы, включающей жировую дистрофию печени (стеатоз), неалкогольный стеатогепатит (NASH), цирроз печени, накопление жира в печени, воспаление печени, гепатоцеллюлярный некроз, фиброз печени, ожирение или неалкогольную жировую болезнь печени (NAFLD).

В одном варианте осуществления расстройство, связанное с PNPLA3, представляет собой NAFLD.

В одном варианте осуществления субъектом является человек.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК вводят субъекту в дозе от приблизительно 0,01 мг/кг до приблизительно 50 мг/кг.

В одном варианте осуществления средство на основе дсРНК вводят субъекту подкожно.

В одном варианте осуществления способы по изобретению включают дополнительное определение уровня PNPLA3 в образце(ах) субъекта.

В одном варианте осуществления уровень белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3) в образце(ах) субъекта, представляет собой уровень белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3) в образце(ах) крови или сыворотки.

В некоторых вариантах осуществления способы по изобретению дополнительно включают введение субъекту дополнительного терапевтического средства. В другом варианте осуществления дополнительное терапевтическое средство выбрано из группы, включающей: ингибитор HMG-CoA-редуктазы, фибрат, секвестрант желчных кислот, никотиновую кислоту (ниацин), антитромбоцитарное средство, ингибитор ангиотензинпревращающего фермента, антагонист рецептора ангиотензина II, ингибитор ацил-CoA холестеринацетилтрансферазы (ACAT), ингибитор абсорбции холестерина, ингибитор белка-переносчика эфира холестерина (CEPT), ингибитор микросомального белка-переносчика триглицеридов (MTPP), модулятор холестерина, модулятор желчных кислот, агонист рецептора активируемого пролиферацией пероксисом (PPAR), генную терапию, комплексный васкулярный протектант, ингибитор гликопротеина IIb/IIIa, аспирин или аспириноподобное соединение, ингибитор IBAT, ингибитор скваленсинтазы, ингибитор моноцитарного хемоаттрактантного белка (MCP)-I или рыбий жир.

Настоящее изобретение также относится к наборам, включающим любую из дсРНК по изобретению или любую из фармацевтических композиций по изобретению, и, необязательно, инструкции по применению таковых.

Эквиваленты

Специалисты в данной области определяют или смогут установить, используя не более чем рутинные эксперименты, многие эквиваленты конкретным вариантам осуществления и способам, описанным в настоящем изобретении. Такие эквиваленты охватываются объемом следующей формулы изобретения.

ФОРМУЛА ИЗОБРЕТЕНИЯ

1. Средство на основе двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, где указанная дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующую двухцепочечную область, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 15 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на три

нуклеотида от нуклеотидной последовательности нуклеотидов 1214-1234 SEQ ID NO: 1, и антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 15 смежных нуклеотидов, отличаясь не более чем на три нуклеотида от соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2, причем все нуклеотиды смысловой цепи и все нуклеотиды антисмысловой цепи содержат модификацию нуклеотида, выбранную из группы, состоящей из модификации 2'-О-метилнуклеотида и модификации 2'-фторнуклеотида, причем как смысловая цепь, так и антисмысловая цепь независимо содержат по меньшей мере одну фосфоротиоатную или метилфосфонатную межнуклеотидную связь, и причем по меньшей мере одна цепь конъюгирована с лигандом.

2. Средство на основе дсРНК по п.1, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 17 смежных нуклеотидов, отличающихся не более чем на 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности нуклеотидов 1214-1234 SEQ ID NO: 1, и антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 17 смежных нуклеотидов, отличающихся не более чем на три нуклеотида от соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2.

3. Средство на основе дсРНК по п.2, где смысловая цепь содержит по меньшей мере 19 смежных нуклеотидов, отличающихся не более чем на 3 нуклеотида от нуклеотидной последовательности нуклеотидов 1214-1234 SEQ ID NO: 1, и антисмысловая цепь содержит по меньшей мере 19 смежных нуклеотидов, отличающихся не более чем на три нуклеотида от соответствующей нуклеотидной последовательности SEQ ID NO: 2.

4. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-3, где смысловая цепь содержит 2-6 2'-фтормодифицированных нуклеотидов.

5. Средство на основе дсРНК по п.4, где смысловая цепь содержит 4 2'-фтормодифицированных нуклеотида.

6. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-4, где антисмысловая цепь содержит 2-8 2'-фтормодифицированных нуклеотидов.

7. Средство на основе дсРНК по п.6, где антисмысловая цепь содержит 6 2'-фтормодифицированных нуклеотидов.

8. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-7, где смысловая цепь содержит 4 2'-фтормодифицированных нуклеотида в нуклеотидах 7 и 9-11, считая от 5'-конца, и антисмысловая цепь содержит 6 2'-фтормодифицированных нуклеотидов в нуклеотидах 2, 6, 8, 9, 14 и 16, считая от 5'-конца.

9. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-8, где длина двухцепочечной области составляет 15-30 пар нуклеотидов.

10. Средство на основе дсРНК по п.9, где двухцепочечная область имеет длину 19-25 пар нуклеотидов.

11. Средство на основе дсРНК по п.9, где двухцепочечная область имеет длину 21-23 пары нуклеотидов.

12. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-11, где каждая цепь независимо имеет длину 15-30 нуклеотидов.

13. Средство на основе дсРНК по п.12, где каждая цепь независимо имеет длину 19-25 нуклеотидов.

14. Средство на основе дсРНК по любому из п.13, где смысловая цепь имеет длину 21 нуклеотид и антисмысловая цепь имеет длину 23 нуклеотида.

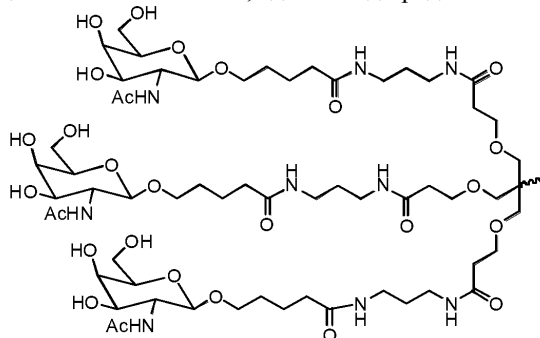
15. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-14, где по меньшей мере одна цепь содержит 3'-выступ по меньшей мере из 1 нуклеотида.

16. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-15, где лиганд конъюгирован с 3'-концом смысловой цепи средства на основе дсРНК.

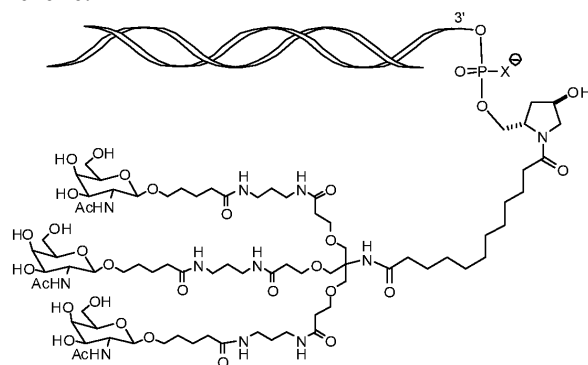
17. Средство на основе дсРНК по п.16, где лиганд представляет собой производное N-ацетилгалактозамина (GalNAc).

18. Средство на основе дсРНК по п.16 или 17, где лиганд представляет собой одно или более производных GalNAc, присоединенных через одновалентный, двухвалентный или трехвалентный разветвленный линкер.

19. Средство на основе дсРНК по п.17 или 18, где лиганд представляет собой



20. Средство на основе дсРНК по п.19, где средство на основе дсРНК конъюгировано с лигандом, как показано на следующей схеме:



и где X представляет собой O или S.

21. Средство на основе дсРНК по п.20, где X представляет собой O.

22. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-21, где смысловая цепь содержит две фосфориоатные или метилфосфонатные межнуклеотидные связи на 5'-конце.

23. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-22, где антисмысловая цепь содержит две фосфориоатные или метилфосфонатные межнуклеотидные связи как на 5'-, так и на 3'-конце.

24. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-23, где смысловая цепь содержит две фосфориоатные или метилфосфонатные межнуклеотидные связи на 5'-конце и антисмысловая цепь содержит две фосфориоатные или метилфосфонатные межнуклеотидные связи как на 5'-, так и на 3'-конце.

25. Средство на основе дсРНК по любому из пп.1-24, где смысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-CAUUAGGAUAAUGUCUUAUGU-3' (SEQ ID NO: 2480) и антисмысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-ACAUAAGACAUUAUCCUAAUGGG-3' (SEQ ID NO: 2564).

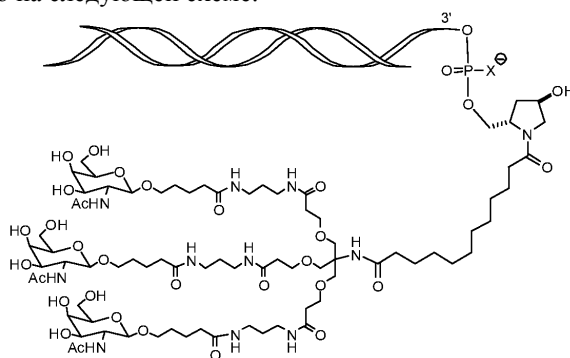
26. Средство на основе дсРНК по п.25, где смысловая цепь отличается не более чем на 3 модифицированных нуклеотида от нуклеотидной последовательности 5'-csasuuagGfaUfAfAfugucuuauugu-3' (SEQ ID NO: 2648) и где антисмысловая цепь отличается не более чем на 3 модифицированных нуклеотида от нуклеотидной последовательности 5'-asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg-3' (SEQ ID NO: 2732), где a, g, c и u представляют собой 2'-О-метил (2'-OMe) A, G, C и U соответственно; Af, Gf, Cf и Uf представляют собой 2'-фтор A, G, C и U соответственно; и s представляет собой фосфориоатную связь.

27. Средство на основе дсРНК по п.25, где смысловая цепь отличается не более чем на 2 модифицированных нуклеотида от нуклеотидной последовательности 5'-csasuuagGfaUfAfAfugucuuauugu-3' (SEQ ID NO: 2648) и где антисмысловая цепь отличается не более чем на 2 модифицированных нуклеотида от нуклеотидной последовательности 5'-asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg-3' (SEQ ID NO: 2732).

28. Средство на основе дсРНК по п.25, где смысловая цепь отличается не более чем на 1 модифицированный нуклеотид от нуклеотидной последовательности 5'-csasuuagGfaUfAfAfugucuuauugu-3' (SEQ ID NO: 2648) и где антисмысловая цепь отличается не более чем на 1 модифицированный нуклеотид от нуклеотидной последовательности 5'-asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg-3' (SEQ ID NO: 2732).

29. Средство на основе дсРНК по п.25, где смысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-csasuuagGfaUfAfAfugucuuauugu-3' (SEQ ID NO: 2648) и где антисмысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg-3' (SEQ ID NO: 2732), где a, g, c и u представляют собой 2'-О-метил (2'-OMe) A, G, C и U соответственно; Af, Gf, Cf и Uf представляют собой 2'-фтор A, G, C и U соответственно; и s представляет собой фосфориоатную связь.

30. Средство на основе дсРНК по любому из пп.26-29, где средство на основе дсРНК конъюгировано с лигандом, как показано на следующей схеме:



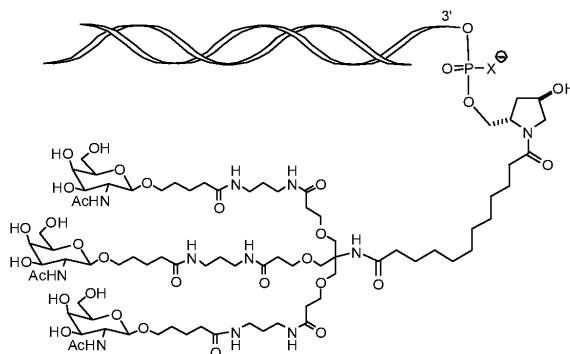
где X представляет собой O.

31. Средство на основе двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования

экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем средство на основе дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, причем смысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-csasuagGfaUfAfAfugucuuaugu-3' (SEQ ID NO: 2648) и причем антисмысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg-3' (SEQ ID NO: 2732), где а, g, с и u представляют собой 2'-О-метил (2'-ОМе) А, G, С и U соответственно; Af, Gf, Cf и Uf представляют собой 2'-фтор А, G, С и U соответственно; и s представляет собой фосфортиоатную связь.

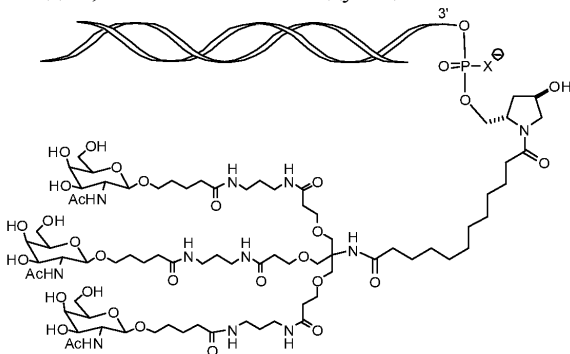
32. Средство на основе дсРНК по п.31, дополнительно содержащее лиганд.

33. Средство на основе дсРНК по п.32, где 3'-конец смысловой цепи конъюгирован с лигандом, как показано на следующей схеме:



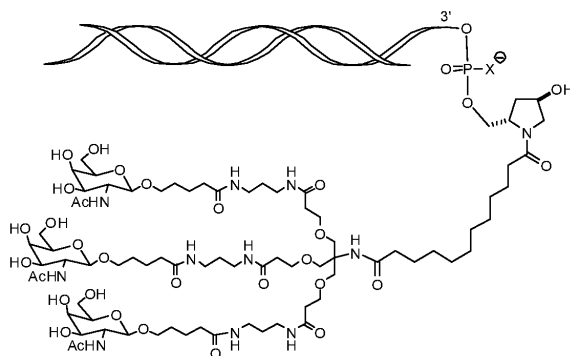
где X представляет собой O.

34. Средство на основе двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем средство на основе дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, причем смысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-csasuagGfaUfAfAfugucuuaugu-3' (SEQ ID NO: 2648) и причем антисмысловая цепь содержит нуклеотидную последовательность 5'-asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg-3' (SEQ ID NO: 2732), где а, g, с и u представляют собой 2'-О-метил (2'-ОМе) А, G, С и U соответственно; Af, Gf, Cf и Uf представляют собой 2'-фтор А, G, С и U соответственно; и s представляет собой тиофосфатную связь; и где 3'-конец смысловой цепи конъюгирован с лигандом, как показано на следующей схеме:



где X представляет собой O.

35. Средство на основе двухцепочечной рибонуклеиновой кислоты (дсРНК) для ингибирования экспрессии белка 3, содержащего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, причем средство на основе дсРНК содержит смысловую цепь и антисмысловую цепь, образующие двухцепочечную область, причем смысловая цепь состоит из нуклеотидной последовательности 5'-csasuagGfaUfAfAfugucuuaugu-3' (SEQ ID NO: 2648) и причем антисмысловая цепь состоит из нуклеотидной последовательности 5'-asCfsauaAfgAfCfauuaUfcCfuaaugsgsg-3' (SEQ ID NO: 2732), где а, g, с и u представляют собой 2'-О-метил (2'-ОМе) А, G, С и U соответственно; Af, Gf, Cf и Uf представляют собой 2'-фтор А, G, С и U соответственно; и s представляет собой тиофосфатную связь; и где 3'-конец смысловой цепи конъюгирован с лигандом, как показано на следующей схеме:



где X представляет собой O.

36. Клетка, содержащая средство на основе dsРНК по любому из пп.1-35.

37. Фармацевтическая композиция для ингибирования экспрессии гена белка 3, кодирующего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), содержащая средство на основе dsРНК по любому из пп.1-35.

38. Фармацевтическая композиция по п.37, где средство на основе dsРНК находится в незабуферном растворе.

39. Фармацевтическая композиция по п.38, где небуферный раствор представляет собой физиологический раствор или воду.

40. Фармацевтическая композиция по п.37, где указанное средство на основе dsРНК находится в буферном растворе.

41. Фармацевтическая композиция по п.40, где буферный раствор содержит ацетат, цитрат, проламин, карбонат или фосфат или любую их комбинацию.

42. Фармацевтическая композиция по п.41, где буферный раствор представляет собой фосфатно-солевой буфер (PBS).

43. Способ ингибирования *in vitro* экспрессии гена белка 3, кодирующего пататин-подобный фосфолипазный домен (PNPLA3), в клетке, включающий приведение клетки в контакт со средством на основе dsРНК по любому из пп.1-35 или фармацевтической композицией по любому из пп.37-42, что тем самым ингибирует экспрессию гена PNPLA3 в клетке.

44. Способ по п.43, где контактирование клетки с средством на основе dsРНК ингибирует экспрессию PNPLA3 по меньшей мере на 50, 60, 70, 80, 90 или 95%.

45. Способ лечения субъекта, имеющего PNPLA3-ассоциированное заболевание, выбранное из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения и неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD), включающий введение субъекту терапевтически эффективного количества средства на основе dsРНК по любому из пп.1-35 или фармацевтической композиции по любому из пп.37-42, что тем самым способствует излечению субъекта, страдающего расстройством, при котором было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3.

46. Способ предотвращения по меньшей мере одного симптома у субъекта, имеющего PNPLA3-ассоциированное заболевание, выбранное из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения и неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD), включающий введение субъекту профилактически эффективного количества средства на основе dsРНК по любому из пп.1-35 или фармацевтической композиции по любому из пп.37-42, что тем самым предотвращает по меньшей мере один симптом у субъекта, страдающего расстройством, для которого было бы полезно снижение экспрессии PNPLA3.

47. Способ по п.45 или 46, где расстройство, ассоциированное с PNPLA3, представляет собой неалкогольную жировую болезнь печени (NAFLD).

48. Способ по п.47, где субъектом является человек.

49. Способ по любому из пп.45-48, где средство на основе dsРНК вводят субъекту в дозе от приблизительно 0,01 мг/кг до приблизительно 50 мг/кг.

50. Способ по любому из пп.45-49, где средство на основе dsРНК вводят субъекту подкожно.

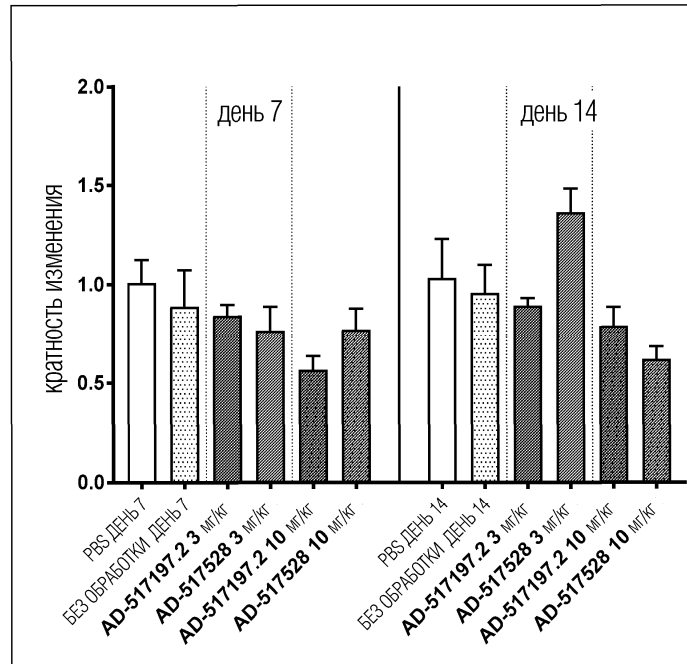
51. Способ по любому из пп.45-50, дополнительно включающий введение субъекту дополнительного терапевтического средства для лечения PNPLA3-ассоциированного расстройства.

52. Набор, содержащий средство на основе dsРНК по любому из пп.1-35 или фармацевтическую композицию по любому из пп.37-42, для лечения субъекта, имеющего PNPLA3-ассоциированное заболевание, выбранное из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения и неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).

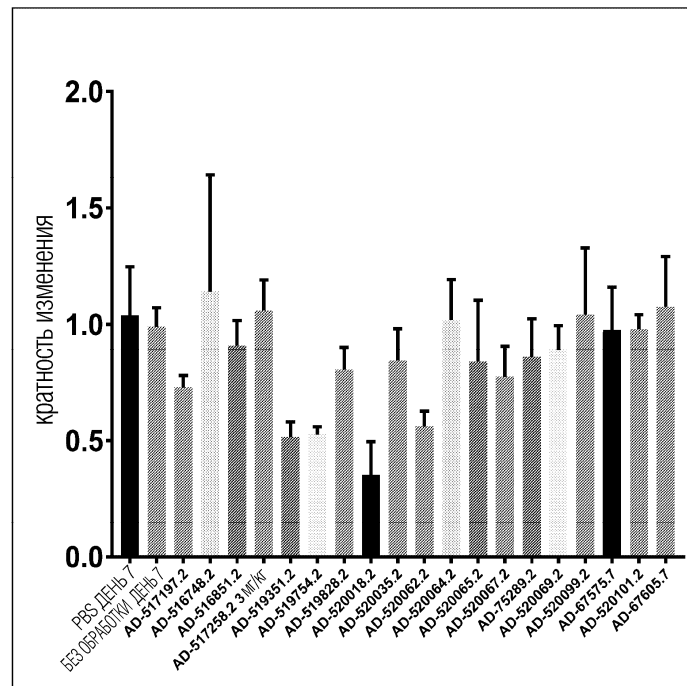
53. Флакон, содержащий средство на основе dsРНК по любому из пп.1-35 или фармацевтическую

композицию по любому из пп.37-42, для лечения субъекта, имеющего PNPLA3-ассоциированное заболевание, выбранное из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения и неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).

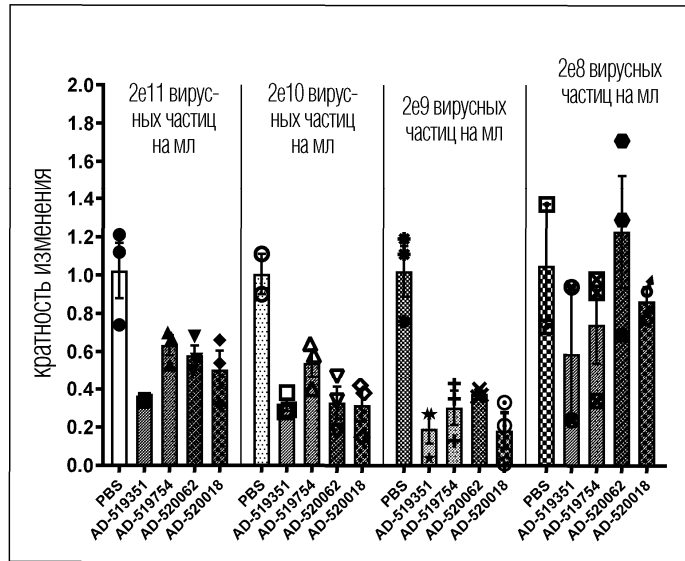
54. Шприц, содержащий средство на основе dsRNA по любому из пп.1-35 или фармацевтическую композицию по любому из пп.37-42, для лечения субъекта, имеющего PNPLA3-ассоциированное заболевание, выбранное из группы, состоящей из жировой дистрофии печени (стеатоза), неалкогольного стеатогепатита (NASH), цирроза печени, накопления жира в печени, воспаления печени, гепатоцеллюлярного некроза, фиброза печени, ожирения и неалкогольной жировой болезни печени (NAFLD).



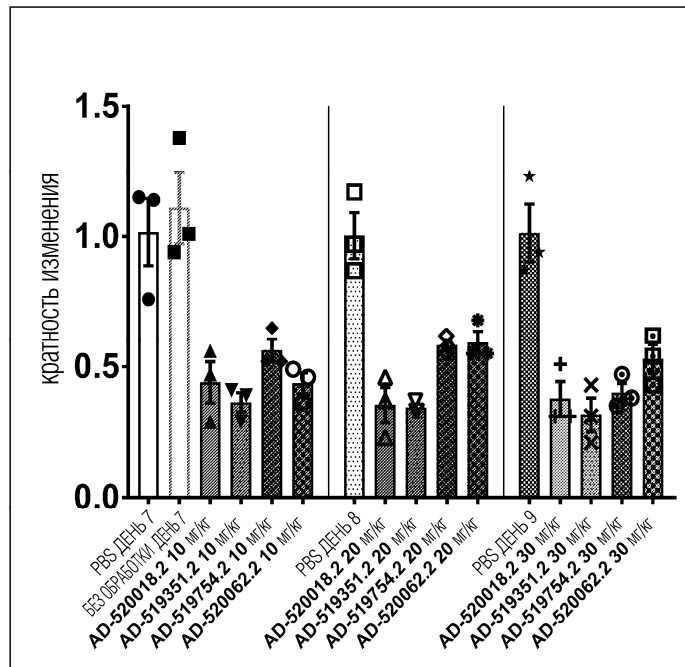
Фиг. 1



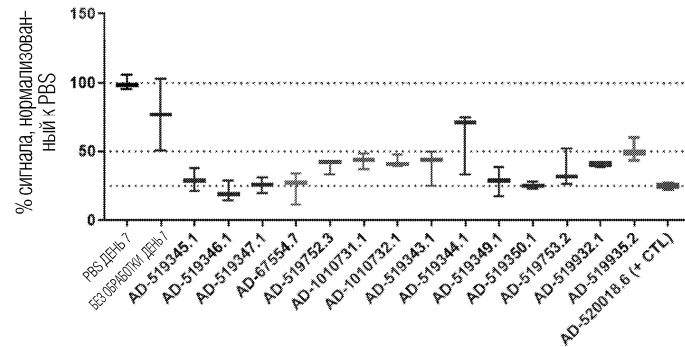
Фиг. 2



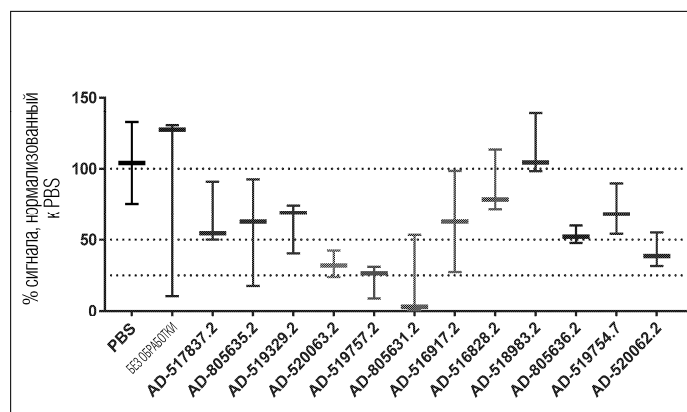
Фиг. 3



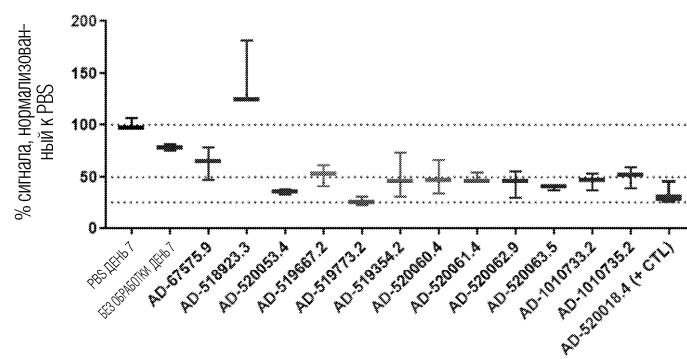
Фиг. 4



Фиг. 5



Фиг. 6



Фиг. 7

