(22) Дата подачи заявки 2022.06.02

(51) Int. Cl. *C07K 16/28* (2006.01) *A61K 39/00* (2006.01)

(54) АНТИТЕЛА К CCR8 И ПУТИ ИХ ПРИМЕНЕНИЯ

- (31) 63/197,271; 63/236,551
- (32) 2021.06.04; 2021.08.24
- (33) US
- (86) PCT/US2022/032011
- (87) WO 2022/256563 2022.12.08
- (71) Заявитель: ЭМДЖЕН ИНК. (US); ЭМДЖЕН РИСЕРЧ (МЮНИК) ГМБХ (DE)
- (72) Изобретатель:

Пирс Натан Уилльям, Келчевска Агнешка, Чэнь Вэньтао, Нолан-Стево Оливье, Бейтс Даррен Л. (US), Винкель Лиза, Дальхофф Кристоф, Раум Тобиас, Блюмель Клаудиа, Хонер Йонас Карл-Йозеф (DE)

(74) Представитель:Медведев В.Н. (RU)

(57) Настоящее изобретение предусматривает антитела к CCR8 и их антигенсвязывающие фрагменты и способы получения и применения указанных антител к CCR8 и их антигенсвязывающих фрагментов.

(12) ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К ЕВРАЗИЙСКОЙ ЗАЯВКЕ

ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ

2420-579937EA/019

АНТИТЕЛА К CCR8 И ПУТИ ИХ ПРИМЕНЕНИЯ

Перекрестная ссылка на родственные заявки

[0001] Данная заявка испрашивает преимущество приоритета предварительной заявки на патент США № 63/197271, поданной 4 июня 2021 г., и предварительной заявки на патент США № 63/236551, поданной 24 августа 2021 г., каждая из которых включена в данный документ посредством ссылки во всей своей полноте.

ОБЛАСТЬ ТЕХНИКИ, К КОТОРОЙ ОТНОСИТСЯ ИЗОБРЕТЕНИЕ

[0002] Настоящее изобретение относится к области онкологии. Настоящее изобретение относится к антителам к ССR8, обладающим ADCC-активностью, и к лечению больных раком с применением указанных антител. Антитела к ССR8 по настоящему изобретению связываются с уникальным эпитопом и не блокируют связывание лиганда с ССR8. Настоящее изобретение также относится к способам лечения с применением антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, и одного или нескольких из биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1.

ПРЕДПОСЫЛКИ ИЗОБРЕТЕНИЯ

[0003] Рецептор С-С-хемокинов 8 типа (ССЯ8) является членом семейства рецепторов бета-хемокинов и представляет собой связанный с G-белком рецептор с семью трансмембранными витками и внеклеточным N-концевым доменом из 35 аминокислот. CCL1 является лигандом для CCR8, ccr8, и CCL1-индуцированная передача сигналов ССR8 осуществляется посредством G-белков. Связывание CCL1 с CCR8 приводит к внутриклеточному выбросу кальция, который может ингибироваться коклюшным токсином. Последующая активация пути RAS/ERK1/2 МАР-киназы была продемонстрирована в линии клеток, экспрессирующей CCR8 (см., например, Louahed et al. (2003) "CCR8- dependent activation of the RAS/MAPK pathway mediates anti- apoptotic activity of I- 309/CCL1 and vMIP- I", European J. of Immunology; 33(2): 494-501).

[0004] Хемокины и их рецепторы важны для миграции различных типов клеток в очаги воспаления. Предыдущие исследования ССR8 и его лигандов предполагают роль в правильном позиционировании активированных Т-клеток в участках антигенной стимуляции и специализированных областях периферических и лимфоидных тканей. ССR8 может также способствовать регуляции хемотаксиса моноцитов и апоптоза клеток тимуса (Tiffany et al. (1997) "Identification of CCR8: a human monocyte and thymus receptor for the CC chemokine I-309", J Exp Med; Jul 7;186(1):165-70).

[0005] В недавних данных в отношении нескольких типов опухолей продемонстрировано, что экспрессия ССR8 является маркером опухолеспецифичных Т-регуляторных (Treg) клеток (см., например, Plitas et al. (2016) "Regulatory T Cells Exhibit Distinct Features in Human Breast Cancer", Immunity; 45(5):1122-1134; Villarreal et al. (Sept. 2018) "Targeting CCR8 Induces Protective Antitumor Immunity and Enhances Vaccine-Induced

Responses in Colon Cancer" Tumor Biol. And Immun.). ССR8 экспрессируется с гораздо большей распространенностью и при более высоких уровнях на поверхности резидентных для опухоли Treg по сравнению с Treg в кровотоке или в нормальных тканях и обычными эффекторными Т-клетками (Teff). Инфильтрация клетками Treg солидных опухолей ассоциирована с плохим клиническим исходом, и Treg подавляют противораковый иммунный ответ за счет ингибирования цитотоксичности клеток Teff.

[0006] Некоторые данные свидетельствуют о том, что обусловленное Treg подавление иммунного ответа в опухоли можно уменьшить, блокируя функцию ССR8, тем самым способствуя воспалительному ответу и уменьшению объема опухоли. Другая терапевтическая стратегия заключается в истощении количества клеток Treg в опухоли посредством уничтожения клеток (например, ADCC), зависимого от антитела к ССR8. В случае ADCC антитела к ССR8 могут индуцировать перенаправленный Т-клеточный лизис резидентных для опухоли ССR8+ Treg, сохраняя при этом Treg нормальных тканей, которые практически не экспрессируют ССR8, путем преимущественного связывания с ССR8 на резидентных для опухоли Treg и истощения количества этих резидентных для опухоли Treg посредством ADCC (например, Tanaka et al. (2019) "Targeting Treg cells in cancer immunotherapy" European J. of Immun.; 49(8)1140-1146).

[0007] Антитела, обеспечивающие истощение количества Treg, такие как антитела к ССR8, известны в данной области техники. Например, в публикации согласно РСТ № WO 2018/181425 описано антитело к ССR8, обладающее ADCC-активностью, для применения при лечении рака, и раскрыто коммерчески доступное крысиное антитело к мышиному ССR8 (SA214G2).

[0008] Существует потребность в альтернативных антителах к ССR8, которые 1) способны связывать ССR8 человека и яванского макака на резидентных для опухоли клетках Treg; 2) приводят к специфическому истощению количества резидентных для опухоли клеток Treg; 3) демонстрируют приемлемый фармакокинетический профиль (по сравнению с антителами к ССR8, которые связываются с другим эпитопом) и/или 4) демонстрируют достаточную активность для лечения рака.

[0009] Также существует потребность в антителах к CCR8, которые не блокируют связывание лиганда (такого как CCL1) с CCR8 и/или которые связываются с эпитопом на CCR8, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31.

СУЩНОСТЬ ИЗОБРЕТЕНИЯ

[0010] Настоящее изобретение предусматривает антитело, которое связывается с рецептором С-С-хемокинов человека 8 типа (ССR8), или его антигенсвязывающий фрагмент, где указанное антитело или его антигенсвязывающий фрагмент содержат: (а) аминокислотную последовательность определяющей комплементарность области тяжелой цепи (HCDR) 1 под SEQ ID NO: 1; (b) аминокислотную последовательность HCDR2 под SEQ ID NO: 2; (c) аминокислотную последовательность HCDR3 под SEQ ID NO: 3; (d) аминокислотную последовательность определяющей комплементарность области легкой

цепи (LCDR) 1 KSSQSVLYSSNNX₁NYLA (SEQ ID NO: 1235), где X₁ представляет собой К или R, (e) аминокислотную последовательность LCDR2 под SEQ ID NO: 5 и (f) аминокислотную последовательность LCDR3 под SEQ ID NO: 6. В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотную последовательность LCDR1 под SEQ ID NO: 4. В некоторых вариантах осуществления антитело антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотную последовательность вариабельной области тяжелой цепи (HCVR) под SEQ ID NO: 13 и вариабельную область легкой цепи (LCVR), содержащую аминокислотную последовательность: DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSVLYSSNNX₁NYLA WYX2QKPGQX3PKLLISWASTRESGVPDRFSGSGSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYCQQYY SIPITFGGGTKVEIKR (SEQ ID NO: 1236), где X_1 представляет собой K или R, X_2 представляет собой H или Q, и/или X₃ представляет собой S или P. В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотную последовательность вариабельной области тяжелой цепи (HCVR) под SEQ ID NO: 13 и аминокислотную последовательность вариабельной области легкой цепи (LCVR) под SEQ ID NO: 14 или SEQ ID NO: 363. В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотную последовательность тяжелой цепи (HC) под SEQ ID NO: 15 и аминокислотную последовательность легкой цепи (LC) под SEQ ID NO: 16 или SEQ ID NO: 365. В других вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат две НС и две LC, где обе НС содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, и обе LC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16. В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат две HC и две LC, и где обе HC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, и обе LC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 365. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0011] Настоящее изобретение предусматривает антитело, которое связывается с CCR8 человека, или его антигенсвязывающий фрагмент, содержащие тяжелую цепь (HC) и легкую цепь (LC), где HC содержит вариабельную область тяжелой цепи (HCVR), и где LC содержит вариабельную область легкой цепи (LCVR), где HCVR содержит HCDR1, HCDR2 и HCDR3, и LCVR содержит LCDR1, LCDR2 и LCDR3, и где HCDR1 содержит аминокислотную последовательность SEQ IDNO: 1; HCDR2 под содержит аминокислотную SEQ ID NO: 2; HCDR3 последовательность под содержит **SEQ** ID аминокислотную последовательность под NO: 3; LCDR1 содержит аминокислотную последовательность под **SEQ** ID NO: 4; LCDR2 содержит под SEQ ID NO: 5, и LCDR3 аминокислотную последовательность содержит аминокислотную SEQ ID NO: 6. В одном последовательность под варианте осуществления HCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 13, и LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 14 или SEQ ID

NO: 365. В одном варианте осуществления LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 14. В одном варианте осуществления LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 365. В одном варианте осуществления НС имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15 или SEQ ID NO: 573, и LC имеет аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 16. В другом варианте осуществления антитело содержит две НС и две LC, где каждая НС имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15 или SEQ ID NO: 573, и каждая LC имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0012] Настоящее изобретение также предусматривает антитело, которое связывается с CCR8 человека, или его антигенсвязывающий фрагмент, которые содержат аминокислотную последовательность HCDR1 под SEQ ID NO: 839; аминокислотную последовательность HCDR2 под SEQ ID NO: 840; аминокислотную последовательность HCDR3 под SEQ ID NO: 841; аминокислотную последовательность LCDR1 под SEQ ID NO: 842; аминокислотную последовательность LCDR2 под SEQ ID NO: 843 и аминокислотную последовательность LCDR3 под SEQ ID NO: 844. В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотную последовательность HCVR под SEQ ID NO: 1017 и аминокислотную последовательность LCVR под SEQ ID NO: 1018. В некоторых вариантах осуществления антитело содержит аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1125 или SEQ ID NO: 1237 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1126. В некоторых вариантах осуществления антитело содержит аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1125 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1126. В некоторых вариантах осуществления антитело содержит аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1237 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1126. Например, антитело может содержать две HC и две LC, где обе HC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1125 или SEQ ID NO: 1237, и обе LC содержат аминокислотную последовательность под NO: 1126. В осуществления одном варианте антитело антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0013] Настоящее изобретение также предусматривает антитело, которое связывается с ССR8 человека, или его антигенсвязывающий фрагмент, которые содержат аминокислотную последовательность HCDR1 под SEQ ID NO: 845; аминокислотную последовательность HCDR2 под SEQ ID NO: 846; аминокислотную последовательность HCDR3 под SEQ ID NO: 847; аминокислотную последовательность LCDR1 под SEQ ID NO: 848; аминокислотную последовательность LCDR2 под SEQ ID NO: 849 и аминокислотную последовательность LCDR3 под SEQ ID NO: 850. В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотную последовательность HCVR под SEQ ID NO: 1019 и аминокислотную

последовательность LCVR под SEQ ID NO: 1020. В некоторых вариантах осуществления антитело содержит аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1127 или SEQ ID NO: 1238 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1128.

[0014] Настоящее изобретение дополнительно предусматривает антитело, которое связывается с CCR8 человека, или его антигенсвязывающий фрагмент, которые содержат: (a) аминокислотную последовательность HCDR1 $X_1X_2GX_4H$, (SEQ ID NO: 1233), где (i) X_1 представляет собой N, S, D, G, T или R, (ii) X₂ представляет собой C, N, Y, S или F, и (iii) X₄ представляет собой М или F; (b) аминокислотную последовательность HCDR2 под SEO ID NO: 648, 654, 660, 666, 672, 678, 684, 690, 696, 702, 708, 714, 720, 726, 732, 738, 744, 750, 756, 762, 768, 774, 780, 786, 792, 798, 804, 810, 816, 822, 828, 834, 840, 846, 852, 858, 867, 873, 879, 885, 891, 897, 903, 909, 915, 921, 927, 933, 939, или 945 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен вышеуказанных аминокислотных последовательностей аминокислотную последовательность HCDR3 под SEQ ID NO: 649, 655, 661, 667, 673, 679, 685, 691, 697, 703, 709, 715, 721, 727, 733, 739, 745, 751, 757, 763, 769, 775, 781, 787, 793, 799, 805, 811, 817, 823, 829, 835, 847, 853, 859, 868, 874, 880, 886, 892, 898, 904, 910, 916, 922, 928, 934, 940, или 946 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей HCDR3; (d) аминокислотную последовательность LCDR1 под SEQ ID NO: 650, 656, 662, 668, 674, 680, 686, 692, 698, 704, 710, 716, 722, 728, 734, 740, 746, 752, 758, 764, 770, 776, 782, 788, 794, 800, 806, 812, 818, 824, 830, 836, 848, 854, 860, 863, 869, 875, 881, 887, 893, 899, 905, 911, 917, 923, 929, 935 или 941 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LCDR1; (e) аминокислотную последовательность LCDR2 $RX_2X_3X_4RPS$ (SEQ ID NO: 1234), где (i) X_2 представляет собой A, N, D, S или Q, (ii) X_3 представляет собой S, T, N, I, F или A, и (iii) X_4 представляет собой N или V, и (f) аминокислотную последовательность LCDR3 под SEQ ID NO: 652, 658, 664, 670, 676, 682, 688, 694, 700, 706, 712, 718, 724, 730, 736, 742, 748, 754, 760, 766, 772, 778, 784, 790, 796, 802, 808, 814, 820, 826, 832, 838, 850, 856, 862, 865, 871, 877, 883, 889, 895, 901, 907, 913, 919, 925, 931, 937, или 943 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LCDR3. В некоторых вариантах осуществления HCDR1 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 647, 653, 659, 665, 671, 677, 683, 689, 695, 701, 707, 713, 719, 725, 731, 737, 743, 749, 755, 761, 767, 773, 779, 785, 791, 797, 803, 809, 815, 821, 827, 833, 845, 851, 857, 866, 872, 878, 884, 890, 896, 902, 908, 914, 920, 926, 932, 938, или 944. В некоторых вариантах осуществления LCDR2 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 651, 657, 663, 669, 675, 681, 687, 693, 699, 705, 711, 717, 723, 729, 735, 741, 747, 753, 759, 765, 771, 777, 783, 789, 795, 801, 807, 813, 819, 825, 831, 837, 849, 855, 861, 864, 870, 876, 882, 888, 894, 900, 906, 912, 918, 924, 930, 936, или 942. В некоторых вариантах

осуществления HCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 953, 955, 957, 959, 961, 963, 965, 967, 969, 971, 973, 975, 977, 979, 981, 983, 985, 987, 989, 991, 993, 995, 997, 999, 1001, 1003, 1005, 1007, 1009, 1011, 1013, 1015, 1019, 1021, 1023, 1026, 1028, 1030, 1032, 1034, 1036, 1038, 1040, 1042, 1044, 1046, 1048, 1050, или 1052. В некоторых вариантах осуществления LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 964, 966, 968, 970, 972, 974, 976, 978, 980, 982, 984, 986, 988, 990, 992, 994, 996, 998, 1000, 1002, 1004, 1006, 1008, 1010, 1012, 1014, 1016, 1020, 1022, 1024, 1025, 1027, 1029, 1031, 1033, 1035, 1037, 1039, 1041, 1043, 1045, 1047, 1049, или 1051. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0015] В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат: (a) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1019, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1020; (b) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1021, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1022; (c) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1023, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1024; (d) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1026, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1025; (e) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1028, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1027; (f) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1030, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1029; (g) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1032, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1031; (h) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1034, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1033; (i) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1036, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1035; (j) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1038, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1037; (k) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1040, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1039; (1) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1042, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1041; (m) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1044, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1043; (n) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1046, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1045; (o) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1048, и LCVR,

содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1047; (р) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1050, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1049; или (q) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1052, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1051. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0016] В некоторых вариантах осуществления антитело содержит аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1127, 1129, 1131, 1134, 1136, 1138, 1140, 1142, 1144, 1146, 1148, 1150, 1152, 1154, 1156, 1158, 1160 или 1238-1254 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1128, 1130, 1132, 1133, 1135, 1137, 1139, 1141, 1143, 1145, 1147, 1149, 1151, 1153, 1155, 1157 или 1159. Например, в некоторых вариантах осуществления антитело содержит: (a) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1127 или SEQ ID NO: 1238 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1128; (b) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1129 или SEQ ID NO: 1239 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1130; (c) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1131 или SEQ ID NO: 1240 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1132; (d) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1134 или SEQ ID NO: 1241 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1133; (е) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1136 или SEQ ID NO: 1242 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1135; (f) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1138 или SEQ ID NO: 1243 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1137; (g) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1140 или SEQ ID NO: 1244 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1139; (h) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1142 или SEQ ID NO: 1245 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1141; (i) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1144 или SEQ ID NO: 1246 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1143; (j) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1146 или SEQ ID NO: 1247 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1145; (k) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1148 или SEQ ID NO: 1248 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1147; (1) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1150 или SEQ ID NO: 1249 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1149; (m) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1152 или SEQ ID NO: 1250 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1151; (n) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1154 или SEQ ID NO: 1251 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1153; (о) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1156 или SEQ ID NO: 1252 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1155; (р) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO:

1158 или SEQ ID NO: 1253 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1157 или (q) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1160 или SEQ ID NO: 1254 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1159. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0017]В некоторых вариантах осуществления антитело его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело. В некоторых вариантах осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой его антигенсвязывающий фрагмент. В некоторых вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент представляют собой одноцепочечный вариабельный фрагмент (scFv). некоторых вариантах осуществления антитело антигенсвязывающий фрагмент представляют собой Fab. В конкретных вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент представляют собой Fab одноцепочечный (scFab). В некоторых осуществления вариантах антигенсвязывающий фрагмент содержит аминокислотную последовательность любого из антител к CCR8 или их антигенсвязывающих фрагментов по настоящему изобретению.

[0018] Настоящее изобретение также предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8 человека, содержащие тяжелую цепь (НС) и легкую цепь (LC), где НС содержит вариабельную область тяжелой цепи (HCVR), и где LC содержит вариабельную область легкой цепи (LCVR), где HCVR содержит HCDR1, HCDR2 и HCDR3, и LCVR содержит LCDR1, LCDR2 и LCDR3, и где HCDR1 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 7; HCDR2 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 8, SEQ ID NO: 367 или SEQ ID NO: 377; HCDR3 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 9; LCDR1 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 10, SEQ ID NO: 369 или SEQ ID NO: 379; LCDR2 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 11, и LCDR3 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: одном варианте осуществления HCDR2 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 8. В одном варианте осуществления HCDR2 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 367. В одном варианте осуществления HCDR2 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 377. LCDR1 В одном варианте осуществления содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 10. В одном варианте осуществления LCDR1 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 369. В одном варианте осуществления LCDR1 содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 379. В одном варианте осуществления **HCVR** содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 17, SEQ ID NO: 372 или SEQ ID NO: 382, и LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 18, SEQ ID NO: 373 или SEQ ID NO: 383. В одном варианте осуществления HCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 17. В одном варианте осуществления HCVR

содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 372. В одном варианте осуществления HCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 382. варианте осуществления LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 18. В одном варианте осуществления LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 373. В одном варианте осуществления LCVR содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 383. В одном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEO ID NO: 19, SEO ID NO: 374 или SEO ID NO: 384, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20, SEQ ID NO: 375 или SEQ ID NO: 385. варианте осуществления HCВ одном содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19. В одном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 374. В одном варианте осуществления HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 384. В одном варианте осуществления LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20. В одном варианте осуществления LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 375. В одном варианте осуществления LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 385. В другом варианте осуществления антитело содержит две НС и две LC, где каждая НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19, SEQ ID NO: 374 или SEQ ID NO: 384, и каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20, SEQ ID NO: 375 или SEQ ID NO: 385. В одном варианте осуществления каждая НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19. В одном варианте осуществления каждая HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 374. В одном варианте осуществления каждая HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 384. В одном варианте осуществления каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20. В одном варианте осуществления каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 375. В одном варианте осуществления каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 385. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0019] изобретение Настоящее предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 1; SEQ ID NO: 2; SEQ ID NO: 3; SEQ ID NO: 4; SEQ ID NO: 5 и SEQ ID NO: 6 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 352 и SEQ ID NO: 353 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 354 и 355 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит НС и LC,

содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 573 и 355 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 1 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0020] Настоящее изобретение предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEO ID NO: 1; SEO ID NO: 2; SEQ ID NO: 3; SEQ ID NO: 4; SEQ ID NO: 5 и SEQ ID NO: 6 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 362 и SEQ ID NO: 363 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 364 и 365 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит НС и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 574 и 365 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 1.1 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0021] Настоящее изобретение предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 366; SEQ ID NO: 367; SEQ ID NO: 368; SEQ ID NO: 369; SEQ ID NO: 370 и SEQ ID NO: 371 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 372 и SEQ ID NO: 373 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 374 и 375 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 575 и 375 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 2.1 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0022] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 376; SEQ ID NO: 377; SEQ ID NO: 378; SEQ ID NO: 379; SEQ ID NO: 380 и SEQ ID NO: 381 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 382 и SEQ ID NO: 383 соответственно. В другом варианте осуществления

антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 384 и 385 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 576 и 385 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 2.2 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0023] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 386; SEQ ID NO: 387; SEQ ID NO: 388; SEQ ID NO: 389; SEQ ID NO: 390 H SEQ ID NO: 391 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 392 и SEQ ID NO: 393 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 394 и 395 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 577 и 395 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 3.0 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0024] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 396; SEQ ID NO: 397; SEQ ID NO: 398; SEQ ID NO: 399; SEQ ID NO: 400 M SEQ ID NO: 401 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 402 и SEQ ID NO: 403 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 404 и 405 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 578 и 405 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 4.0 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0025] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 406; SEQ ID NO: 407; SEQ ID NO: 408; SEQ ID NO: 409; SEQ ID NO: 410 и SEQ ID NO: 411 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий

фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 412 и SEQ ID NO: 413 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 414 и 415 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 579 и 415 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 4.1 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0026] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 416; SEQ ID NO: 417; SEQ ID NO: 418; SEQ ID NO: 419; SEQ ID NO: 420 и SEQ ID NO: 421 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 422 и SEQ ID NO: 423 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 424 и 425 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 580 и 425 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 4.2 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0027] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 426, SEQ ID NO: 427, SEQ ID NO: 428, SEQ ID NO: 429, SEQ ID NO: 430 µ SEQ ID NO: 431 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 432 и SEQ ID NO: 433 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 434 и 435 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 581 и 435 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.0 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0028] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 436, SEQ ID

NO: 437, SEQ ID NO: 438, SEQ ID NO: 439, SEQ ID NO: 440 и SEQ ID NO: 441 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 442 и SEQ ID NO: 443 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 444 и 445 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 582 и 445 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.1 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0029] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 446; SEQ ID NO: 447; SEQ ID NO: 448; SEQ ID NO: 449; SEQ ID NO: 450 и SEQ ID NO: 451 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 452 и SEQ ID NO: 453 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 454 и 455 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 583 и 455 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.2 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0030] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 456, SEQ ID NO: 457, SEQ ID NO: 458, SEQ ID NO: 459, SEQ ID NO: 460 и SEQ ID NO: 461 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 462 и SEQ ID NO: 463 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 464 и 465 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 584 и 465 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.3 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0031] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или

антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 466, SEQ ID NO: 467, SEQ ID NO: 468, SEQ ID NO: 469, SEQ ID NO: 470 и SEQ ID NO: 471 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 472 и SEQ ID NO: 473 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 474 и 475 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 585 и 475 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.4 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0032] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 476, SEQ ID NO: 477, SEQ ID NO: 478, SEQ ID NO: 479, SEQ ID NO: 480 u SEQ ID NO: 481 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 482 и SEQ ID NO: 483 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 484 и 485 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 586 и 485 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.5 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

Настоящее [0033] изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 486; SEQ ID NO: 487; SEQ ID NO: 488; SEQ ID NO: 489; SEQ ID NO: 490 и SEQ ID NO: 491 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 492 и SEQ ID NO: 493 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 494 и 495 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 587 и 495 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.6 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0034] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 496; SEQ ID NO: 497; SEQ ID NO: 498; SEQ ID NO: 499; SEQ ID NO: 500 и SEQ ID NO: 501 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 502 и SEQ ID NO: 503 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 504 и 505 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEO ID NO: 588 и 505 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.7 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0035] изобретение предусматривает Настоящее антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССЯ8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 506; SEQ ID NO: 507; SEQ ID NO: 508; SEQ ID NO: 509; SEQ ID NO: 510 и SEQ ID NO: 511 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 512 и SEQ ID NO: 513 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 514 и 515 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 589 и 515 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.8 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0036] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 516; SEQ ID NO: 517; SEQ ID NO: 518; SEQ ID NO: 519; SEQ ID NO: 520 и SEQ ID NO: 521 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 522 и SEQ ID NO: 523 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 524 и 525 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 590 и 525 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 5.9 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0037] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 526; SEQ ID NO: 527; SEQ ID NO: 528; SEQ ID NO: 529; SEQ ID NO: 530 M SEQ ID NO: 531 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 532 и SEQ ID NO: 533 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 534 и 535 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 591 и 535 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 6.0 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0038] изобретение Настоящее предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССЯ8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 536; SEQ ID NO: 537; SEQ ID NO: 538; SEQ ID NO: 539; SEQ ID NO: 540 u SEQ ID NO: 541 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 542 и SEQ ID NO: 543 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 544 и 545 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 592 и 545 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 6.1 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0039] Настоящее изобретение предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с ССR8, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 546; SEQ ID NO: 547; SEQ ID NO: 548; SEQ ID NO: 549; SEQ ID NO: 550 и SEQ ID NO: 551 соответственно. В одном варианте осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент содержат HCVR и LCVR, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 552 и SEQ ID NO: 553 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 554 и 555 соответственно. В другом варианте осуществления антитело содержит

HC и LC, содержащие аминокислотные последовательности под SEQ ID NO: 593 и 555 соответственно. В одном варианте осуществления антитело представляет собой антитело 6.2 IgG1. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0040] В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотные остатки HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCVR, LCVR, HC и/или LC, раскрытые в таблице 16, таблице 17, таблице 19 и/или таблице 20.

[0041] В другом варианте осуществления HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2 и/или LCDR3 антитела или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению содержат последовательность аминокислот, которая на по меньшей мере 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99% или 100% идентична последовательности последовательностей HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2 и/или LCDR3 антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению, перечисленных в данном документе. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 70%. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 80%. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот по меньшей мере 90%. В другом идентична варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 95%. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0042] В другом варианте осуществления HCVR и/или LCVR содержат последовательность аминокислот, которая на по меньшей мере 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99% или 100% идентична последовательности последовательностей HCVR и/или LCVR антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению, перечисленных в данном документе. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 70%. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 80%. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот 90%. идентична на по меньшей мере В другом варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 95%. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0043] В другом варианте осуществления НС и/или LC содержат последовательность аминокислот, которая на по меньшей мере 70%, 75%, 80%, 85%, 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99% или 100% идентична последовательности последовательностей НС и/или LC антитела к ССR8 или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению, перечисленных в данном документе. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 70%. В

одном варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 80%. В одном варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 90%. В другом варианте осуществления последовательность аминокислот идентична на по меньшей мере 95%. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0044] В одном варианте осуществления настоящее изобретение предусматривает афукозилированное антитело по настоящему изобретению. В одном варианте осуществления антитело к ССR8 по настоящему изобретению является человеческим или гуманизированным.

[0045] B некоторых вариантах осуществления антитело CCR8 или антигенсвязывающий фрагмент ПО настоящему изобретению онжом вводить одновременно, до или после ряда лекарственных средств и средств лечения, широко применяемых при лечении рака, таких как, например, химиотерапевтические средства, не относящиеся к химиотерапевтическим средства (например, ингибиторы контрольных точек, включая ингибиторы на основе антитела к PD-1 или антитела к PD-L1, такие как антитела-антагонисты), противоопухолевые средства и/или лучевая терапия. Например, введение может происходить до, во время и/или после любого из средств лечения, описанных в данном документе. Примеры химиотерапевтических средств обсуждаются в данном документе и включают без ограничения цисплатин, таксол, этопозид, митоксантрон (Novantrone®), актиномицин D, циклогексимид, камптотецин (или его водорастворимые производные), метотрексат, митомицин (например, митомицин С), (DTIC), противоопухолевые антибиотики, такие адриамицин (доксорубицин) и дауномицин, и все химиотерапевтические средства, упомянутые в документе. варианте осуществления данном одном его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

некоторых CCR8 [0046] В вариантах осуществления антитело или антигенсвязывающий фрагмент ПО настоящему изобретению онжом одновременно, до или после ингибитора контрольной точки, такого как антителоантагонист PD-1 или антитело-антагонист PD-L1. Термин "антитело-антагонист PD-1" относится к антителу, которое специфически связывается с PD-1 и уменьшает, блокирует, ингибирует, прекращает передачу сигнала, происходящую в результате взаимодействия PD-1 и одного или нескольких его лигандов, таких как PD-L1 и PD-L2, или препятствует ей. В некоторых вариантах осуществления антитело-антагонист PD-1 ингибирует связывание PD-1 с PD-L1 и/или PD-L2. Термин "антитело-антагонист PD-L1" относится к антителу, которое специфически связывается с PD-L1 и уменьшает, блокирует, ингибирует, прекращает передачу сигнала, происходящую в результате взаимодействия PD-L1 с рецептором PD-1, или препятствует ей. В некоторых вариантах осуществления антитело-антагонист PD-L1 ингибирует связывание PD-L1 с PD-1. В некоторых вариантах осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой любое из антитела 20С1.006

(содержащего аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, SEQ ID NO: 72-77 соответственно; HCDR3 под аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 78 и 79 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 80 и 81 соответственно); зелувалимаба (содержащего аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 SEO ID NO: 32-37 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 38 и 39 соответственно; аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 40 и аминокислотные последовательности HC под SEQ ID NO: 41 или 636); антитела 20A2.003 (содержащего аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEQ ID NO: 42-47 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 48 и 49 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 50 и 51 22D4.006 (содержащего соответственно); антитела аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEQ ID NO: 52-57 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 58 и 59 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 60 и 61 22D4.017 соответственно) или антитела (содержащего аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEQ ID NO: 62-67 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 68 и 69 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 70 и 71 соответственно). В одном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой пембролизумаб. В другом варианте осуществления антителоантагонист PD-1 представляет собой ниволумаб. В еще одном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой цемиплимаб. В конкретном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой зелувалимаб. Зелувалимаб также известен как AMG 404 и также известен как 20C1.009. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0047] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение эффективного количества антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента, где антитело к CCR8 или антигенсвязывающий фрагмент не блокируют связывание лиганда с CCR8. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0048] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение эффективного количества антитела к CCR8, где антитело к CCR8 обладает ADCC.

[0049] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение эффективного количества антитела к CCR8, где антитело к CCR8 не блокирует связывание лиганда с CCR8 и где антитело к CCR8 обладает ADCC. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 дополнительно характеризуется приемлемой

РК. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 связывается с эпитопом, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере два остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере три остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере пять остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит шесть или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит семь или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит восемь или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит девять или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит десять или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит одиннадцать или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит все двенадцать аминокислотных остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 22. Аминокислотная последовательность аминокислотных остатков 1-12 из SEQ ID NO: 31 представляет собой SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью определения связывания с пептидом CCR8, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 с мутацией T4R в CCR8 яванского макака. В одном варианте осуществления связывание с мутацией Т4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, представляющими собой клетки, экспрессирующие CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно демонстрирует пониженное связывание с CCR8, содержащим мутацию T4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно не демонстрирует выявляемого связывания с CCR8, содержащим мутацию T4R. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную

последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления ССR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556.

[0050] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение эффективного количества антитела к CCR8, где антитело к CCR8 не блокирует связывание лиганда с CCR8 и где антитело к CCR8 обладает ADCC. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 дополнительно характеризуется приемлемой РК. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 связывается с эпитопом, где эпитоп состоит из по меньшей мере одного остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере двух остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере трех остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере четырех остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере пяти остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из шести или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из семи или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из восьми или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из девяти или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из десяти или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из одиннадцати или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из всех двенадцати аминокислотных остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью определения связывания с пептидом CCR8, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 с мутацией T4R в CCR8 яванского макака. В одном варианте осуществления связывание с мутацией T4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых

вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно демонстрирует пониженное связывание с CCR8, содержащим мутацию T4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно не демонстрирует выявляемого связывания с CCR8, содержащим мутацию T4R. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556.

[0051] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение эффективного количества антитела к CCR8, где антитело к CCR8 не блокирует связывание лиганда с CCR8 и где антитело к CCR8 обладает ADCC. В одном варианте осуществления антитело к ССР дополнительно характеризуется приемлемой РК. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 связывается с эпитопом, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере два остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере три остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере пять остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит шесть или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит семь или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит восемь или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит девять или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит десять или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит одиннадцать или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит все двенадцать аминокислотных остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления связывания с эпитоп определен С помощью определения пептидом экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к ССЯ с мутацией Т4R в ССЯ яванского макака. В одном варианте осуществления связывание с мутацией T4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими ССR8 яванского макака, содержащий мутацию Т4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими ССR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно демонстрирует пониженное связывание с ССR8, содержащим мутацию Т4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к ССR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно не демонстрирует выявляемого связывания с ССR8, содержащим мутацию Т4R. В некоторых вариантах осуществления ССR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления ССR8 яванского макака, содержащий мутацию Т4R, содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556.

[0052] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение эффективного количества антитела к CCR8, где антитело к CCR8 не блокирует связывание лиганда с CCR8 и где антитело к CCR8 обладает ADCC. В одном варианте осуществления антитело к ССР дополнительно характеризуется приемлемой РК. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 связывается с эпитопом, где эпитоп состоит из по меньшей мере одного остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере двух остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере трех остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере четырех остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере пяти остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из шести или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из семи или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из восьми или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из девяти или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из десяти или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из одиннадцати или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из всех двенадцати аминокислотных остатков из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью определения связывания с пептидом CCR8, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под

SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 с мутацией T4R в CCR8 яванского макака. В одном варианте осуществления связывание с мутацией T4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно демонстрирует пониженное связывание с CCR8, содержащим мутацию T4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к ССКВ связывается с треонином в положении четыре, если оно не демонстрирует выявляемого связывания с CCR8, содержащим мутацию T4R. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556.

[0053] Настоящее изобретение также предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению. В одном варианте осуществления рак представляет собой солидную опухоль. В более конкретном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному, трижды негативный рак молочной железы, колоректальный рак, рак поджелудочной железы или метастатический кастрационно-резистентный рак предстательной железы. В одном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному или трижды негативный рак молочной железы. В одном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого. В одном варианте осуществления рак представляет собой колоректальный рак. В одном варианте осуществления рак представляет собой плоскоклеточную карциному головы и шеи. В некоторых вариантах осуществления способ дополнительно включает введение пациенту антитела-антагониста PD-1 или антитела-антагониста PD-L1. В некоторых таких вариантах осуществления антитело-антагонист PD-1 или антитело-антагонист PD-L1 вводят до введения антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента, одновременно с ним и/или после него. В конкретных вариантах осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой пембролизумаб, ниволумаб, цемиплимаб или зелувалимаб. В других конкретных вариантах осуществления антитело-антагонист PD-L1 представляет собой атезолизумаб, авелумаб или дурвалумаб. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0054] В некоторых вариантах осуществления способ дополнительно включает введение пациенту химиотерапевтического средства. В некоторых вариантах

осуществления способ включает введение пациенту антитела к ССR8 или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению и химиотерапевтического средства. В некоторых таких вариантах осуществления химиотерапевтическое средство можно вводить до введения антитела к ССR8 или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению, одновременно с ним или после него. В некоторых вариантах осуществления способ включает введение пациенту антитела к ССR8 по настоящему изобретению, антитела-антагониста PD-1 или PD-L1 и химиотерапевтического средства. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0055] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и/или антагониста пути PD-1/PD-L1. В некоторых вариантах осуществления пациенту вводят два антитела, биспецифической обеспечивающего истощение Treg, молекулы, количества привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1. В некоторых вариантах осуществления пациенту вводят три из антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1. В некоторых вариантах осуществления пациенту вводят каждое из антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1. В некоторых вариантах осуществления пациенту вводят биспецифическую привлекающую Т-клетки, молекулу, агонист Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагонист пути PD-1/PD-L1.

[0056] Настоящее изобретение также предусматривает способ лечения рака у включающий введение пациенту эффективного пациента, количества обеспечивающего истощение количества Treg. одного И или нескольких биспецифической Т-клетки, агониста привлекающей Т-клеточного молекулы, костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела, количества Treg, и биспецифической обеспечивающего истощение привлекающей Т-клетки. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, и антагониста пути PD-1/PD-L1. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, и агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, и антагониста пути PD-1/PD-L1. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, антагониста пути PD-1/PD-L1 и агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора.

[0057] В некоторых вариантах осуществления антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, представляет собой антитело к CCR8. В некоторых вариантах осуществления антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, представляет собой антитело к CTLA4. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к CCR8 и биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к CCR8 по настоящему изобретению и биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к CTLA-4 и биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к CCR8 и антагониста пути PD-1/PD-L1. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к CCR8 по настоящему изобретению и антагониста пути PD-1/PD-L1. В некоторых таких осуществления антагонист пути PD-1/PD-L1 представляет собой антитело-антагонист PD-1. Антитело 20С1.006 (содержащее аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEQ ID NO: 72-77 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 78 и 79 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 80 и 81 соответственно), зелувалимаб (содержащий аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEO IDNO: 32-37 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 38 и 39 соответственно; аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 40 и аминокислотные последовательности HC под SEQ ID NO: 41 или 636); антитело 20A2.003 (содержащее аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEQ ID NO: 42-47 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO:48 и 49 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 50 и 51 соответственно); антитело 22D4.006 (содержащее аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEQ ID NO: 52-57 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 58 и 59 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 60 и 61 соответственно); или антитело 22D4.017 (содержащее аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3 под SEQ ID NO: 62-67 соответственно; аминокислотные последовательности VL и VH под SEQ ID NO: 68 и 69 соответственно и аминокислотные последовательности LC и HC под SEQ ID NO: 70 и 71 соответственно). В одном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет

пембролизумаб. В другом варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой ниволумаб. В еще одном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой цемиплимаб. В конкретном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой зелувалимаб.

[0058] В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к ССR8, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, и антитела-антагониста PD-1. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к ССR8 по настоящему изобретению, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, и антитела-антагониста PD-1. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к СТLА-4, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, и антитела-антагониста PD-1.

[0059] В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к CCR8, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, антитела-антагониста PD-1 и агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту К CCR8 эффективного количества антитела по настоящему изобретению, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, антитела-антагониста PD-1 и агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора. В одном варианте осуществления способ включает введение пациенту эффективного количества антитела к CTLA-4, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, антитела-антагониста PD-1 и агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора.

[0060] В некоторых вариантах осуществления агонист Т-клеточного костимулирующего рецептора представляет собой агонист 4-1ВВ.

[0061] В некоторых вариантах осуществления биспецифическая молекула, привлекающая Т-клетки, содержит аминокислотную последовательность под любым из SEQ ID NO: 87-345 в таблице 15.

[0062] В некоторых вариантах осуществления антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, представляет собой антитело к CTLA-4, CCR8, CD25, TIGIT, CCR4, CD27, CD28, CD39, CD40, CD73, ICOS, OX40, 4-1BB, GITR, LAYN, IL1R2 или IL21R.

[0063] В некоторых вариантах осуществления антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, представляет собой антитело к CTLA-4.

[0064] В некоторых вариантах осуществления антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, представляет собой антитело к CCR8. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 способно обеспечивать истощение количества клеток Treg. В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 представляет собой антитело к CCR8, которое обладает ADCC-активностью. В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 не блокирует связывание лиганда с CCR8. В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с CCR8 человека и яванского

макака на резидентных для опухоли клетках Treg. В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с эпитопом на CCR8, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с эпитопом на CCR8, где эпитоп состоит из по меньшей мере одного остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 22. Аминокислотная последовательность аминокислотных остатков 1-12 из SEQ ID NO: 31 представляет собой SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления связывания определен помощью определения c экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 с мутацией T4R в CCR8 яванского макака. В одном варианте осуществления связывание с мутацией Т4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими ССR8 яванского макака, содержащий мутацию Т4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно демонстрирует пониженное связывание с CCR8, содержащим мутацию T4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к CCR8 связывается с треонином в положении четыре, если оно не демонстрирует выявляемого связывания с CCR8, содержащим мутацию T4R. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления ССR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556. В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 демонстрирует приемлемый фармакокинетический профиль. В конкретном варианте осуществления антитело к CCR8 представляет собой антитело к CCR8 по настоящему изобретению.

[0065] В одном варианте осуществления агонист костимулирующего рецептора иммунных клеток является агонистом CD2, TNFRSF4 (OX40), TNFRSF5 (CD40), TNFRSF7 (CD27), TNFRSF8 (CD30), TNFRSF9 (4-1BB), TNFRSF14 (HVEM), TNFRSF18 (GITR), TNFR2 или ICOS. В конкретном варианте осуществления агонист костимулирующего рецептора иммунных клеток представляет собой антитело-агонист 4-1BB.

[0066] В одном варианте осуществления антагонист пути PD-1/PD-L1 представляет

собой антитело-антагонист PD-1 или антитело-антагонист PD-L1, описанные в данном документе. В некоторых вариантах осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой любое из антитела 20C1.006, зелувалимаба, антитела 20A2.003, антитела 22D4.006 или антитела 22D4.017. В одном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой пембролизумаб. В другом варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой ниволумаб. В еще одном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой цемиплимаб. В конкретном варианте осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой зелувалимаб.

[0067] В одном варианте осуществления антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, вводят одновременно с биспецифической молекулой, привлекающей Т-клетки, агонистом костимулирующего рецептора иммунных клеток и/или антагонистом пути PD-1/PD-L1. В одном варианте осуществления антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, биспецифическую молекулу, привлекающую Т-клетки, агонист костимулирующего рецептора иммунных клеток и/или антагонист пути PD-1/PD-L1 вводят в разные моменты времени. В конкретном варианте осуществления пациенту вводят антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, биспецифическую молекулу, привлекающую Т-клетки, агонист костимулирующего рецептора иммунных клеток и антагонист пути PD-1/PD-L1. В другом конкретном варианте осуществления пациенту вводят антитело к ССR8, биспецифическую молекулу, привлекающую Т-клетки, антитело-агонист 4-1ВВ и антагонист пути PD-1/PD-L1. В конкретном варианте осуществления антитело к ССR8 представляет собой антитело к ССR8 по настоящему изобретению.

[0068] В одном варианте осуществления рак представляет собой солидную опухоль. В более конкретном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному, трижды негативный рак молочной железы, колоректальный рак, рак поджелудочной железы или метастатический кастрационнорезистентный рак предстательной железы. В одном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному или трижды негативный рак молочной железы. В одном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого. В одном варианте осуществления рак представляет собой колоректальный рак. В одном варианте осуществления рак представляет собой плоскоклеточную карциному головы и шеи.

[0069] Настоящее изобретение предусматривает антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению для применения в терапии. Настоящее изобретение предусматривает антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению для применения в лечении рака. В одном варианте осуществления рак представляет собой солидную опухоль. В одном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка,

плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному, трижды негативный рак молочной железы, колоректальный рак, рак поджелудочной железы или метастатический кастрационно-резистентный рак предстательной железы. В более конкретном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному или трижды негативный рак молочной железы. В некоторых вариантах осуществления применение дополнительно включает введение пациенту антителаантагониста PD-1 или антитела-антагониста PD-L1. В некоторых таких вариантах осуществления антитело-антагонист PD-1 или антитело-антагонист PD-L1 вводят до введения антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента, одновременно с ним и/или после него. В конкретных вариантах осуществления антитело-антагонист PD-1 представляет собой пембролизумаб, ниволумаб, цемиплимаб или зелувалимаб. В других конкретных вариантах осуществления антитело-антагонист PD-L1 представляет собой атезолизумаб, авелумаб или дурвалумаб. В некоторых вариантах осуществления применение дополнительно включает введение пациенту химиотерапевтического средства. В некоторых таких вариантах осуществления химиотерапевтическое средство можно вводить до введения антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента, одновременно с ним или после него. В некоторых вариантах осуществления применение включает введение пациенту антитела к ССРВ или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению и химиотерапевтического средства. В некоторых вариантах осуществления применение включает введение пациенту антитела к CCR8 или антигенсвязывающего фрагмента по настоящему изобретению, антитела-антагониста PD-1 или PD-L1 и химиотерапевтического средства. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0070] Настоящее изобретение предусматривает антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению для изготовления лекарственного препарата для лечения рака. В одном варианте осуществления рак представляет собой солидную опухоль. В одном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному, трижды негативный рак молочной железы, колоректальный рак, рак поджелудочной железы или метастатический кастрационно-резистентный рак предстательной железы. В более конкретном варианте осуществления рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному или трижды негативный рак молочной железы. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0071] Настоящее изобретение также предусматривает фармацевтическую композицию, содержащую антитело к CCR8 по настоящему изобретению или его антигенсвязывающий фрагмент и один или несколько фармацевтически приемлемых носителей, разбавителей или вспомогательных веществ. В одном варианте осуществления

антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[0072] В одном варианте осуществления антитело к ССR8 по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей **SEO** IDNO: 594, LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 595. В конкретном варианте осуществления HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 354, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 355. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 573, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 355.

[0073] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 596, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 597. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 364, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 365. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 574, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 365.

[0074] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 598, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 599. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 374, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 375. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 575, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 375.

[0075] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 600, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 601. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 384, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 385. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 576, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 385.

[0076] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 602, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 603. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 394, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 395. В другом конкретном варианте осуществления

HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 577, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 395.

[0077] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 604, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 605. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 404, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 405. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 578, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 405.

[0078] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 606, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 607. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 414, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 415. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 579, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 415.

[0079] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 608, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 609. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 424, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 425. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 580, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 425.

[0080] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 610, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 611. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 434, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 435. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 581, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 435.

[0081] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 612, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 613. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 444, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 445. В другом конкретном варианте осуществления

HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 582, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 445.

[0082] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 614, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 615. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 454, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 455. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 583, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 455.

[0083] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 616, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 617. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 464, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 465. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 584, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 465.

[0084] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 618, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 619. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 474, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 475. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 585, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 475.

[0085] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 620, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 621. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 484, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 485. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 586, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 485.

[0086] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 622, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 623. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 494, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 495. В другом конкретном варианте осуществления

HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 587, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 495.

[0087] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 624, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 625. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 504, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 505. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 588, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 505.

[0088] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 626, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 627. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 514, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 515. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 589, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 515.

[0089] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 628, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 629. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 524, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 525. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 590, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 525.

[0090] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 630, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 631. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 534, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 535. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 591, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 535.

[0091] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 632, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 633. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 544, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 545. В другом конкретном варианте осуществления

HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 592, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 545.

[0092] В одном варианте осуществления антитело по настоящему изобретению содержит НС, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 634, и LC, кодируемую полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 635. В конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 554, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 555. В другом конкретном варианте осуществления НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 593, и LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 555.

[0093] В данном документе также предусмотрены одна или несколько последовательностей нуклеиновой кислоты, кодирующих антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению. В некоторых вариантах изобретение осуществления настоящее предусматривает молекулу ДНК, предусматривающую полинуклеотид, который кодирует НС антитела по настоящему изобретению. Настоящее изобретение также предусматривает молекулу ДНК. предусматривающую полинуклеотид, который кодирует LC антитела по настоящему Настоящее изобретение также предусматривает предусматривающую полинуклеотид, который кодирует как LC антитела по настоящему изобретению, так и НС антитела по настоящему изобретению. В некоторых вариантах осуществления настоящее изобретение предусматривает последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую аминокислотную последовательность тяжелой цепи под SEQ ID NO: 1127, 1129, 1131, 1134, 1136, 1138, 1140, 1142, 1144, 1146, 1148, 1150, 1152, 1154, 1156, 1158 или 1160. В других вариантах осуществления настоящее изобретение предусматривает последовательность нуклеиновой кодирующую кислоты, аминокислотную последовательность легкой цепи под SEQ ID NO: 1128, 1130, 1132, 1133, 1135, 1137, 1139, 1141, 1143, 1145, 1147, 1149, 1151, 1153, 1155, 1157 или 1159.

[0094] Настоящее изобретение также предусматривает молекулу ДНК, предусматривающую полинуклеотид, который кодирует LC антитела, где LC имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16. В одном варианте осуществления полинуклеотид содержит полинуклеотидную последовательность под SEQ ID NO: 28. Настоящее изобретение также предусматривает молекулы ДНК, где одна молекула ДНК предусматривает полинуклеотид, который кодирует НС антитела, где НС имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, и другая молекула ДНК предусматривает полинуклеотид, который кодирует LC антитела, где LC имеет последовательность под SEQ ID NO: 16. В одном варианте аминокислотную который кодирует HC осуществления полинуклеотид, антитела, полинуклеотидную последовательность под SEQ ID NO: 27, и полинуклеотид, который кодирует LC антитела, содержит полинуклеотидную последовательность под SEQ ID NO: 28.

[0095] Настоящее изобретение дополнительно предусматривает клетку млекопитающего, трансформированную с применением молекулы ДНК по настоящему изобретению, где трансформированная клетка млекопитающего способна экспрессировать антитело по настоящему изобретению, где антитело содержит две НС и две LC.

[0096] Настоящее изобретение дополнительно предусматривает клетку млекопитающего, трансформированную с применением молекулы ДНК по настоящему изобретению, где трансформированная клетка млекопитающего способна экспрессировать антитело, содержащее две НС и две LC, где каждая НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, и каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16.

[0097] Настоящее изобретение также предусматривает способ получения антитела по настоящему изобретению, где антитело содержит две НС и две LC, и где способ включает культивирование клетки млекопитающего в условиях, при которых экспрессируется антитело, и выделение экспрессированного антитела. В одном варианте осуществления клетку млекопитающего трансформируют с применением молекулы ДНК по настоящему изобретению, где трансформированная клетка млекопитающего способна экспрессировать антитело по настоящему изобретению, содержащее две НС и две LC. Настоящее изобретение также предусматривает антитело, получаемое посредством данного способа.

[0098] Настоящее изобретение также предусматривает способ получения антитела, где антитело содержит две НС и две LC, где каждая НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, и каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16. В одном варианте осуществления способ включает культивирование клетки млекопитающего в условиях, при которых экспрессируется антитело, и выделение экспрессированного антитела, и где клетку млекопитающего трансформируют с применением молекулы ДНК по настоящему изобретению, где трансформированная клетка млекопитающего способна экспрессировать антитело, содержащее две НС и две LC, где каждая НС содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, и каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16. Настоящее изобретение также предусматривает антитело, получаемое посредством данного способа.

[0099] Настоящее изобретение предусматривает молекулу ДНК, предусматривающую полинуклеотид, который кодирует НС антитела, где НС имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19. В одном варианте осуществления полинуклеотидная последовательность содержит SEQ ID NO: 29.

[00100] Настоящее изобретение предусматривает молекулу ДНК, предусматривающую полинуклеотид, который кодирует LC антитела, где LC имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20. В одном варианте осуществления полинуклеотидная последовательность содержит SEQ ID NO: 30.

[00101] Настоящее изобретение предусматривает молекулу ДНК,

предусматривающую полинуклеотид, который кодирует НС антитела, где НС имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19. В одном варианте осуществления полинуклеотид, который кодирует HC антитела, содержит полинуклеотидную последовательность под SEQ ID NO: 29. Настоящее изобретение также предусматривает молекулу ДНК, предусматривающую полинуклеотид, который кодирует LC антитела, где LC имеет аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20. В одном варианте осуществления полинуклеотид, который кодирует LC, содержит полинуклеотидную последовательность под SEQ ID NO: 30. Настоящее изобретение также предусматривает клетку млекопитающего, трансформированную с применением молекулы ДНК по настоящему изобретению, где трансформированная клетка млекопитающего способна экспрессировать антитело, содержащее две НС и две LC, где каждая HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19, и каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20.

[00102] В некоторых вариантах осуществления последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая НС, описанную в данном документе, может содержать любую из SEQ ID NO: 1195, 1197, 1199, 1201, 1204, 1206, 1208, 1210, 1212, 1214, 1216, 1218, 1220, 1222, 1224, 1226, 1228 или 1230.

[00103] В некоторых вариантах осуществления последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая LC, описанную в данном документе, может содержать любую из SEQ ID NO: 1196, 1198, 1200, 1202, 1203, 1205, 1207, 1209, 1211, 1213, 1215, 1217, 1219, 1221, 1223, 1225, 1227 или 1229.

[00104] В некоторых вариантах осуществления последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая scFv, описанный в данном документе, может содержать любую из SEQ ID NO: 1163-1194.

[00105] Настоящее изобретение также предусматривает способ получения антитела, где антитело содержит две HC и две LC, где каждая HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19, и каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20. В одном варианте осуществления способ включает культивирование клетки млекопитающего в условиях, при которых экспрессируется антитело, и выделение экспрессированного антитела, где клетку млекопитающего трансформируют с применением молекулы ДНК по настоящему изобретению. В одном варианте осуществления трансформированная млекопитающего способна экспрессировать антитело, содержащее две HC и две LC, где каждая HC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 19, и каждая LC содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 20. Настоящее изобретение также предусматривает антитело, получаемое посредством данного способа.

[00106] Настоящее изобретение также предусматривает способ получения антитела, содержащего две НС и две LC, где способ включает культивирование вышеуказанной клетки млекопитающего в условиях, при которых экспрессируется антитело, и выделение экспрессированного антитела, где (а) обе НС содержат

аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, 1125, 1127, 1129, 1131, 1134, 1136, 1138, 1140, 1142, 1144, 1146, 1148, 1150, 1152, 1154, 1156, 1158 или 1160 или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей НС; и (b) обе LC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16, 365, 1126, 1128, 1130, 1132, 1133, 1135, 1137, 1139, 1141, 1143, 1145, 1147, 1149, 1151, 1153, 1155, 1157 или 1159 или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LC.

[00107] В другом варианте осуществления настоящее изобретение предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связывается с CCR8 человека по эпитопу, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере два остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере три остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере пять остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит шесть или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит семь или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит восемь или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит девять или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит десять или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит одиннадцать или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит все двенадцать аминокислотных остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 31. Аминокислотная последовательность аминокислотных остатков 1-12 из SEQ ID NO: 31 представляет собой SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 не блокирует связывание CCL1 с CCR8. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью определения связывания с пептидом CCR8, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В другом варианте осуществления настоящее изобретение предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые

связывается с ССR8 человека по эпитопу, где эпитоп состоит из по меньшей мере одного остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере двух остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере трех остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере четырех остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере пяти остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из шести или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из семи или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из восьми или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из девяти или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из десяти или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из одиннадцати или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из всех двенадцати аминокислотных остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 31. Аминокислотная последовательность аминокислотных остатков 1-12 из SEQ ID NO: 31 представляет собой SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 не блокирует связывание CCL1 с CCR8. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью определения связывания с пептидом CCR8, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к ССR8 или его антигенсвязывающего фрагмента с мутацией T4R в CCR8 яванского макака. В одном варианте осуществления связывание с мутацией T4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент связываются с треонином в положении четыре, если они демонстрируют пониженное связывание с CCR8, содержащим мутацию T4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к ССЯ8 или его антигенсвязывающий фрагмент связывают треонин в четвертом положении, если они не демонстрируют

выявляемого связывания с ССR8, содержащим мутацию Т4R. В некоторых вариантах осуществления ССR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления ССR8 яванского макака, содержащий мутацию Т4R, содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556. В одном варианте осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент представляют собой антитело.

[00108] В другом варианте осуществления настоящее изобретение предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связывается с CCR8 человека по эпитопу, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере два остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере три остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере пять остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит шесть или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит семь или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит восемь или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит девять или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит десять или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит одиннадцать или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит все двенадцать аминокислотных остатков из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 не блокирует связывание CCL1 с CCR8. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью определения связывания с пептидом ССЯВ, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 или его антигенсвязывающего фрагмента с мутацией T4R в CCR8 яванского макака. В одном варианте осуществления связывание с мутацией T4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых вариантах

осуществления антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент связываются с треонином в положении четыре, если они демонстрируют пониженное связывание с CCR8, содержащим мутацию T4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент связывают треонин в четвертом положении, если они не демонстрируют выявляемого связывания с CCR8, содержащим мутацию T4R. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 или его фрагмент представляют собой антитело.

[00109] В другом варианте осуществления настоящее изобретение предусматривает антитело или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связывается с ССR8 человека по эпитопу, где эпитоп состоит из по меньшей мере одного остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере двух остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере трех остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере четырех остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере пяти остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из шести или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из семи или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из восьми или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из девяти или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из десяти или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из одиннадцати или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из всех двенадцати аминокислотных остатков из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 не блокирует связывание CCL1 с CCR8. В одном варианте осуществления эпитоп с помощью эпитопспецифической сортировки. В одном осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея. В одном варианте осуществления эпитоп определен с помощью определения связывания с пептидом CCR8, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 или его антигенсвязывающего фрагмента с мутацией T4R в CCR8 яванского макака. В одном

варианте осуществления связывание с мутацией Т4R определяется с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака, содержащий мутацию Т4R, сравнивается со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа (содержащий треонин в положении четыре). В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент связываются с треонином в положении четыре, если они демонстрируют пониженное связывание с ССР, содержащим мутацию Т4R. В конкретных вариантах осуществления антитело к ССЯ или его антигенсвязывающий фрагмент связывают треонин в четвертом положении, если они не демонстрируют выявляемого связывания с CCR8, содержащим мутацию T4R. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака дикого типа содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22. В некоторых вариантах осуществления CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556. В одном варианте осуществления антитело к CCR8 или его фрагмент представляют собой антитело.

[00110] В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислоты из SEQ ID NO: 83. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислоты из SEQ ID NO: 86. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислоты из SEQ ID NO: 84. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с пептидом из аминокислот из SEQ ID NO: 85, SEQ ID NO: 83, SEQ ID NO: 86 и/или SEQ ID NO: 84. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислоты в положениях 13-35 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислоты в положениях 13, 14 или 15 из SEQ ID NO: 31.

[00111] В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, состоящим из аминокислот из SEQ ID NO: 83. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, состоящим из аминокислот из SEQ ID NO: 86. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, состоящим из аминокислот из SEQ ID NO: 84. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с пептидом из аминокислот из SEQ ID NO: 85, SEQ ID NO: 83, SEQ ID NO: 86 и/или SEQ ID NO: 84. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с

эпитопом, состоящим из аминокислот в положениях 13-35 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления антитело к CCR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, состоящим из аминокислот в положениях 13, 14 или 15 из SEQ ID NO: 31

[00112] В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислотные остатки в положениях 13-24 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислотные остатки в положениях 19-30 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, содержащим аминокислотные остатки в положениях 25-35 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с пептидом из аминокислот из SEQ ID NO: 85, SEQ ID NO: 83, SEQ ID NO: 86 и/или SEQ ID NO: 84.

[00113] В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, состоящим из аминокислотных остатков в положениях 13-24 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, состоящим из аминокислотных остатков в положениях 19-30 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или его фрагмент по настоящему изобретению не связываются с эпитопом, состоящим из аминокислотных остатков в положениях 25-35 из SEQ ID NO: 31. В некоторых вариантах осуществления эпитоп определен с помощью связывания антитела с пептидом из аминокислот из SEQ ID NO: 85, SEQ ID NO: 83, SEQ ID NO: 86 и/или SEQ ID NO: 84.

[00114] При использовании в данном документе термин "эпитоп" относится к участкам антигена, которые контактируют с вариабельной областью антитела. Эпитоп может быть непрерывным или прерывистым и может быть определен способом, известным специалисту в данной области, включая проточную цитометрию с применением связанного антитела к пептидам, водород-дейтериевый обмен, сканирование аланином и/или рентгеновскую кристаллографию.

[00115] Эпитоп может представлять собой эпитоп, содержащий аминокислотные остатки или состоящий из них, которые определяют с помощью связывания антитела с пептидом, как описано в данном документе. В некоторых таких вариантах осуществления пептид содержит аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 82. В некоторых таких вариантах осуществления пептид содержит аминокислотную последовательность из остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31.

[00116] Эпитоп может представлять собой эпитоп, содержащий аминокислотные остатки или состоящий из них, которые определяют с помощью эпитопспецифической сортировки. В некоторых таких вариантах осуществления эпитопспецифическую сортировку проводят с применением биотинилированных на N-конце пептидов ССR8.

[00117] Эпитоп может представлять собой эпитоп, содержащий аминокислотные остатки или состоящий из них, которые определяют с помощью связывания антитела с комплексами пептид CCR8-нанотело.

[00118] Эпитоп может представлять собой эпитоп, содержащий аминокислотные остатки или состоящий из них, которые определяют с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея.

[00119] Эпитоп может представлять собой эпитоп, содержащий треонин в положении четыре N-концевой области ССR8 или состоящий из него, что определяется по снижению связывания с ССR8, содержащим мутацию Т4R, по сравнению со связыванием с ССR8 дикого типа. Связывание с мутацией Т4R можно тестировать, например, путем определения связывания с ССR8 яванского макака дикого типа (содержащим аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 22) по сравнению со связыванием с ССR8 яванского макака, содержащим мутацию Т4R (содержащим аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 556).

[00120] Эпитоп может представлять собой эпитоп, содержащий аминокислотные остатки или состоящий из них, которые определяют с помощью определения связывания с пептидом ССR8, экспрессирующимся в клетках человека, где пептид содержит аминокислотную последовательность, представленную под SEQ ID NO: 82. Пептид ССR8 может быть слит с нанотелом или другим белком или Fc для экспрессии в клетках человека.

[00121] Настоящее изобретение дополнительно предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с эпитопом ССR8 человека, где указанный эпитоп содержит или состоит из SEQ ID NO: 82. В некоторых вариантах осуществления настоящее изобретение также предусматривает антитело или антигенсвязывающий фрагмент, где указанное антитело или антигенсвязывающий фрагмент: (а) связываются с эпитопом на ССR8 человека, где указанный эпитоп содержит или состоит из SEQ ID NO: 82; и (b) не блокируют связывание ССL1 с ССR8. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[00122] В некоторых вариантах осуществления настоящее изобретение предусматривает молекулу, которая конкурирует за связывание с ССR8 с антителом к ССR8 или антигенсвязывающим фрагментом по настоящему изобретению. Такая молекула, которая конкурирует за связывание, может представлять собой, например, антитело, фрагмент антитела или полипептид. В некоторых вариантах осуществления настоящее изобретение предусматривает молекулу, которая связывается с тем же эпитопом, что и антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению. В одном варианте осуществления антитело к ССR8 или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[00123] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела или

антигенсвязывающего фрагмента, которые связываются с ССR8 человека по эпитопу, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере два остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере три остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере пять остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит шесть или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит семь или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит восемь или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит девять или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит десять или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит одиннадцать или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп содержит все двенадцать аминокислотных остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 31. Аминокислотная последовательность аминокислотных остатков 1-12 из SEQ ID NO: 31 представляет собой SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 или антигенсвязывающий фрагмент не блокируют связывание CCL1 с CCR8. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[00124] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела или антигенсвязывающего фрагмента, которые связываются с ССR8 человека по эпитопу, где эпитоп состоит из по меньшей мере одного остатка в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере двух остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере трех остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере четырех остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере пяти остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из шести или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из семи или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из восьми или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из девяти или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из десяти или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из одиннадцати или более остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из всех двенадцати аминокислотных остатков в положениях 1-12 из SEQ ID NO: 31. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 31. Аминокислотная последовательность аминокислотных остатков 1-12 из SEQ ID NO: 31 представляет собой SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент не блокируют связывание ССL1 с ССR8. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[00125] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, пациенту эффективного количества антигенсвязывающего фрагмента, которые связываются с ССR8 человека по эпитопу, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере два остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере три остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит по меньшей мере пять остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит шесть или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит семь или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит восемь или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит девять или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит десять или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит одиннадцать или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп содержит все двенадцать аминокислотных остатков из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 или антигенсвязывающий фрагмент не блокируют связывание CCL1 с CCR8. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[00126] Настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела или антигенсвязывающего фрагмента, которые связываются с ССR8 человека по эпитопу, где эпитоп состоит из по меньшей мере одного остатка из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере двух остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере трех остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере четырех

остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из по меньшей мере пяти остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из шести или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из семи или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из восьми или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из девяти или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из десяти или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из одиннадцати или более остатков из SEQ ID NO: 82. В одном варианте осуществления эпитоп состоит из всех двенадцати аминокислотных остатков из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 82. В конкретном варианте осуществления эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 22. В некоторых таких вариантах осуществления антитело к CCR8 или антигенсвязывающий фрагмент не блокируют связывание CCL1 с CCR8. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

47

[00127] В некоторых вариантах осуществления настоящее изобретение предусматривает способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества молекулы, которая конкурирует за связывание с ССR8 с антителом к ССR8 или антигенсвязывающим фрагментом по настоящему изобретению. Такая молекула, которая конкурирует за связывание, может представлять собой, например, антитело, фрагмент антитела или полипептид. В некоторых вариантах осуществления настоящее изобретение предусматривает молекулу, которая связывается с тем же эпитопом, что и антитело к ССR8 по настоящему изобретению. В одном варианте осуществления антитело к ССR8 или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

[00128] В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению связываются с ССR8 отличного от человека вида. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению связываются с ССR8 яванского макака. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению связываются с ССR8 мыши. В некоторых вариантах осуществления антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению связываются как с ССR8 яванского макака, так и с ССR8 человека. В конкретном варианте осуществления антитело к ССR8 или антигенсвязывающий фрагмент по настоящему изобретению связываются с ССR8 яванского макака и ССR8 человека с аффинностями, которые находятся в пределах 10-кратного значения друг относительно друга. В одном варианте осуществления антитело или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

КРАТКОЕ ОПИСАНИЕ ГРАФИЧЕСКИХ МАТЕРИАЛОВ

[00129] Фигура 1. Противоопухолевая активность терапии на основе молекулы, представляющей собой биспецифическую молекулу к muCLDN18.2, привлекающую Т-клетки (BiTE®), в качестве отдельного средства (£), двойной комбинации молекула muCLDN18.2 BiTE/антитело к CTLA4 (ρ), тройной комбинации молекула muCLDN18.2 BiTE/антитело к 4-1BB (), четверной комбинации контрольная молекула BiTE/антитело к PD-1/антитело к 4-1BB/антитело к CTLA4 (□) или четверной комбинации молекула muCLDN18.2 BiTE/антитело к PD-1/антитело к 4-1BB/антитело к 4-1BB/антитело к CTLA4 (σ) в модели KPC-M5.

[00130] Фигура 2. Противоопухолевая активность афукозилированного антитела mIgG2a к CCR8 в сингенной мышиной модели MC38. Рост отдельных опухолей в случае антитела mIgG2a изотипического контроля (пунктирные линии) или афукозилированного антитела mIgG2a к CCR8 (сплошные линии) показан на фигурах 2C и 2B соответственно. На фигуре 2A продемонстрирован средний объем опухоли для каждой группы до дня 24. **** указывает p<0,0001.

[00131] **Фигура 3.** Процент выживаемости мышей, инокулированных опухолевыми клетками MC38 и обработанных либо антителом mIgG2a изотипического контроля (пунктирные линии), либо афукозилированным антителом mIgG2a к CCR8 (сплошные линии). **** указывает p<0,0001.

[00132] **Фигура 4.** Соотношение CD8+/Treg у мышей с опухолями MC38, обработанных либо антителом mIgG2a изотипического контроля (⁻), либо афукозилированным антителом mIgG2a к CCR8 (•). На фигурах 4A, 4B, 4C и 4D представлен % Foxp3+Treg, % CD25+Foxp3+Treg, CD8/Treg (Foxp3+) и CD8/Treg (CD25+Foxp3+) соответственно.

[00133] Фигура 5. Противоопухолевая активность афукозилированного mIgG2a к ССR8 в качестве монотерапии и в комбинации с молекулой TAA-BiTE в модели сингенной опухоли B16F10, экспрессирующей опухолеассоциированный антиген (TAA). Рост отдельных опухолей для групп обработки изображен в виде лепестковых диаграмм (фигуры 5A-5D). Животных без измеримых опухолей, определенных как животные с полным ответом (CR), оценивали до дня 48.

ПОДРОБНОЕ ОПИСАНИЕ

[00134] Настоящее изобретение предусматривает антитела к ССR8 и способы получения и применения указанных антител. Раскрытые в данном документе антитела к ССR8: 1) способны связываться с ССR8 человека и яванского макака на резидентных для опухоли клетках Treg; 2) приводят к специфическому истощению количества резидентных для опухоли клеток Treg; 3) демонстрируют приемлемый фармакокинетический профиль и/или 4) демонстрируют достаточную активность в отношении лечения рака. Антитела к ССR8 по настоящему изобретению имеют улучшенный профиль безопасности по сравнению с другими терапевтическими молекулами, обеспечивающими истощение количества Treg, нацеливающимися на другие маркеры, которые не обеспечивают специфическое истощение резидентных для опухоли Treg. Кроме того, воздействие

обеспечивающими истощение количества антителами к CCR8 приводила к значительному повышению соотношения CD8+/Treg в опухолях, тем самым обеспечивая усиление противоопухолевого иммунитета.

[00135] Настоящее изобретение включает антитела к ССR8, которые связываются с уникальным эпитопом на ССR8 и не блокируют связывание лиганда с ССR8 и, следовательно, не являются нейтрализующими антителами. Считается, что связывание с этим уникальным эпитопом по сравнению с антителами, которые связываются с другим эпитопом, способствует высокой аффинности и биологической активности антитела к ССR8, а также приемлемому фармакокинетическому профилю.

[00136] В присутствии лиганда (CCL1) антитела к CCR8 по настоящему изобретению, которые связываются с уникальным эпитопом на CCR8 и не блокируют связывание лиганда, демонстрируют АДСС-активность даже при самых высоких концентрациях лиганда, протестированных in vitro. Напротив, антитела к CCR8, которые связываются с другим эпитопом (и блокируют связывание лиганда), демонстрируют снижение ADCC-активности в присутствии повышенных уровней CCL1. Следовательно, считается, что связывание с этим уникальным эпитопом способствует большей активности (посредством ADCC) антител к CCR8 по настоящему изобретению даже в повышенной концентрации Поскольку присутствии лиганда. экспрессируется в таких опухолях, как рак молочной железы (см., например, Kuehnemuth et al., BMC Cancer 18, Article number: 1278 (2018)), предпочтительными являются антитела к CCR8, которые демонстрируют ADCC-активность в присутствии повышенных концентраций лиганда.

[00137] Антитела к CCR8 по настоящему изобретению предпочтительно являются афукозилированными и демонстрируют повышенную ADCC-активность.

[00138] Дополнительные способы воздействия в отношении истощения количества Treg, в которых участвуют антитела к CCR8 или их фрагменты по настоящему изобретению, включают антителозависимый клеточный фагоцитоз (ADCP) и/или комплементзависимую цитотоксичность (CDC).

[00139] При использовании в данном документе "антитело" представляет собой молекулу иммуноглобулина, содержащую 2 тяжелые цепи (HC) и 2 легкие цепи (LC), соединенные между собой дисульфидными связями. Аминоконцевая часть каждой LC и HC включает в себя вариабельную область из приблизительно 100-120 аминокислот, в первую очередь ответственную за распознавание антигена посредством содержащихся в ней CDR. CDR перемежаются с областями, которые являются более консервативными, называющимися каркасными областями ("FR"). Каждая вариабельная область легкой цепи (LCVR) и вариабельная область тяжелой цепи (HCVR) состоит из 3 CDR и 4 FR, расположенных от аминоконца к карбоксиконцу в следующем порядке: FR1, CDR1, FR2, CDR2, FR3, CDR3, FR4. 3 CDR из LC называют "LCDR1, LCDR2 и LCDR3", и 3 CDR из HC называют "HCDR1, HCDR2 и HCDR3". CDR содержат большинство остатков, которые обеспечивают формирование специфических взаимодействий с антигеном. Таким

образом, функциональная способность антитела связывать конкретный антиген в значительной степени зависит от аминокислотных остатков в пределах шести CDR. Отнесение аминокислот к доменам CDR в областях LCVR и HCVR антител по настоящему изобретению основано на хорошо известной системе нумерации согласно Kabat (Kabat, et al., Ann. NY Acad. Sci. 190:382-93 (1971); Kabat et al., Sequences of Proteins of Immunological Interest, Fifth Edition, U.S. Department of Health and Human Services, NIH Publication No. 91-3242 (1991)). Понятно, что также могут использоваться другие системы нумерации, такие как, например, согласно Chothia (Chothia et al., "Canonical structures for the hypervariable regions of immunoglobulins", Journal of Molecular Biology, 196, 901-917 (1987); Al-Lazikani et al., "Standard conformations for the canonical structures of immunoglobulins", Journal of Molecular Biology, 273, 927-948 (1997)) и/или согласно North (North et al., "A New Clustering of Antibody CDR Loop Conformations", Journal of Molecular Biology, 406, 228-256 (2011)). "Антитело к CCR8" представляет собой антитело, которое связывается с CCR8.

[00140] Антитела по настоящему изобретению могут представлять собой IgG1, IgG2 или IgG4. Предпочтительно антитела по настоящему изобретению представляют собой IgG1. Известно, что антитела IgG1 индуцируют ADCC. Антитела по настоящему изобретению могут представлять собой человеческие или гуманизированные антитела. В контексте моноклональных антител термины "человеческий" и "гуманизированный" хорошо известны специалистам в данной области (Weiner L J, J. Immunother. 2006; 29: 1-9; Mallbris L, et al., J. Clin. Aesthet. Dermatol. 2016; 9: 13-15).

[00141] Кроме того, антитела по настоящему изобретению предпочтительно являются афукозилированными. Удаление коровой фукозы из олигосахаридов типа биантенарных комплексов, присоединенных к Fc, приводило к значительному повышению эффекторной функции в виде АДСС без изменения связывания антигена или эффекторной функции в виде СDC. Известно несколько способов снижения или устранения фукозилирования молекул, содержащих Fc, например, антител. Они включают рекомбинантную экспрессию в определенных линиях клеток млекопитающих, в том числе линии клеток с нокаутом FUT8, вариантной линии CHO Lec13, линии клеток гибридомы крысы YB2/0, линии клеток, содержащих малую интерферирующую РНК, специфически FUT8, направленную на ген И линии клеток, коэкспрессирующих α-1,4-Nацетилглюкозаминилтрансферазу III и α-маннозидазу II Гольджи. Альтернативно, молекула, содержащая Fc, может экспрессироваться в клетке, отличной от клетки млекопитающего, например В растительной клетке, клетке дрожжей или прокариотической клетке, например, E. coli. Нуклеазы с цинковыми пальцами являются еще одним известным способом получения афукозилированных антител. См., например, Haryadi et al., Bioengineered 4:2, 90-94; March/April 2013; Ripka et al. Arch. Biochem. Biophys. 249:533-545 (1986); Yamane-Ohnuki et al. Biotech. Bioeng. 87: 614 (2004); Pereira et al. mAbs 2018 Jul; 10(5): 693-711.

[00142] Также предусматривается, что антитела к CCR8 или их фрагменты имеют

такие форматы, как scFv, scFab, Fab, биспецифические молекулы, привлекающие Тклетки, и биспецифические антитела (которые связываются с двумя разными эпитопами на одном и том же антигене или связывают два разных антигена).

[00143] scFv или Fab можно превратить в антитело известными способами (см., например, Reader et al., Molec. Bio. 61, 801-815 (2019)). Последовательности константной области известны в данной области техники. В данном документе также приведены примеры последовательностей константной области, например, аминокислотные последовательности константной области LC и HC представлены под SEQ ID NO: 1079 и SEQ ID NO: 1080 соответственно.

[00144] В конкретных вариантах осуществления антитела к ССR8 или их антигенсвязывающие фрагменты по настоящему изобретению представляют собой гетеродимерные антитела (используемые в данном документе взаимозаменяемо с "гетероиммуноглобулинами" или "гетеро-Ig"), которые относятся к антителам, содержащим две различные легкие цепи и две различные тяжелые цепи. В некоторых вариантах осуществления гетеро-Ig содержит два Fab и Fc-область. В некоторых вариантах осуществления каждый из двух Fab является N-концевым по отношению к Fc-области. В некоторых вариантах осуществления каждый из двух Fab является С-концевым по отношению к Fc-области. В некоторых вариантах осуществления по меньшей мере один Fab представляет собой фрагмент антитела к ССR8 по настоящему изобретению.

[00145] Гетеродимерные антитела могут содержать любую константную область иммуноглобулина. При использовании в данном документе термин "константная область" относится ко всем доменам антитела, отличным от вариабельной области. Константная область не участвует непосредственно в связывании антигена, но проявляет различные эффекторные функции. Как описано выше, антитела делятся на определенные изотипы (IgA, IgD, IgE, IgG и IgM) и подтипы (IgG1, IgG2, IgG3, IgG4, IgA1 IgA2) в зависимости от аминокислотной последовательности константной области их тяжелых цепей. Константная область легкой цепи может представлять собой, например, константную область легкой цепи каппа- или лямбда-типа, например, константную область легкой цепи каппа- или лямбда-типа человека, которые обнаружены во всех пяти изотипах антител.

[00146] Константная область тяжелой цепи гетеродимерных антител может представлять собой, например, константную область тяжелой цепи альфа-, дельта-, эпсилон-, гамма- или мю-типа, например, человеческую константную область тяжелой цепи альфа-, дельта-, эпсилон-, гамма- или мю-типа. В некоторых вариантах осуществления гетеродимерные антитела содержат константную область тяжелой цепи из иммуноглобулина IgG1, IgG2, IgG3 или IgG4.

[00147] Примером гетеродимерного антитела является DuobodyTM. Дуотела можно получить с помощью технологической платформы DuoBodyTM (Genmab A/S), которая описана, например, в международных публикациях №№ WO 2008/119353, WO 2011/131746, WO 2011/147986 и WO 2013/060867, Labrijn A F et al., PNAS, 110(13): 5145-5150 (2013), Gramer et al., mAbs, 5(6): 962-973 (2013) и Labrijn et al., Nature Protocols, 9(10):

2450-2463 (2014). Данную технологию можно использовать для объединения одной половины первого моноспецифического антитела, содержащего две тяжелые и две легкие цепи, с одной половиной второго моноспецифического антитела, содержащего две тяжелые и две легкие цепи. Полученный гетеродимер содержит одну тяжелую цепь и одну легкую цепь из первого антитела, спаренные с одной тяжелой цепью и одной легкой цепью из второго антитела. Если оба моноспецифических антитела распознают разные эпитопы на разных антигенах, то полученный гетеродимер представляет собой полиспецифическое антитело.

[00148] Другой иллюстративный способ получения полиспецифических антител предусматривает применение технологии выступы-во-впадины (Ridgway et al., Protein Eng., 9:617-621 (1996); WO 2006/028936). Проблема неправильного образования пар тяжелых цепей Ig, которая является основным недостатком получения полиспецифических антител, уменьшается при применении данной технологии посредством осуществления мутации выбранных аминокислот, образующих поверхность взаимодействия тяжелых цепей в IgG. В положениях в пределах тяжелой цепи, в которых две тяжелые цепи взаимодействуют напрямую, аминокислота с небольшой боковой цепью (впадина) вводится в последовательность одной тяжелой цепи, а аминокислота с крупной боковой цепью (выступ) вводится в положение противоположного взаимодействующего остатка на другой тяжелой цепи. В некоторых случаях антитела по настоящему изобретению содержат цепи иммуноглобулина, в которых тяжелые цепи были модифицированы посредством осуществления мутации выбранных аминокислот, которые взаимодействуют на поверхности взаимодействия между двумя полипептидами, таким образом, предпочтительно образуется полиспецифическое Полиспецифические антитела могут состоять из цепей иммуноглобулина одного и того же подкласса или различных подклассов.

[00149] Еще одним способом получения полиспецифических антител является технология CrossMab. CrossMab представляют собой химерные антитела, состоящие из половин двух полноразмерных антител. Для надлежащего образования пар цепей она сочетает в себе две технологии: (i) выступ-в-впадину, что способствует надлежащему образованию пар между двумя тяжелыми цепями, и (ii) обмен между тяжелой и легкой цепями одного из двух Fab для введения асимметрии, что позволяет избежать ненадлежащего образования пар легких цепей. См. Ridgway et al., Protein Eng., 9:617-621 (1996); Schaefer et al., PNAS, 108:11187-11192 (2011). CrossMab могут сочетать в себе два или более антигенсвязывающих доменов для нацеливания на две или более мишеней или для внедрения бивалентности к одной мишени, например, в формате 2:1.

[00150] Молекулы гетеро-Ід также могут предусматривать неканоническую дисульфидную связь и образование поверхности взаимодействия на основе асимметричного цистеина, как описано в международной публикации № WO 2022/040466, в которой также раскрыты специфические пары мутаций, которые можно применять в антителах по настоящему изобретению. Для облегчения связывания конкретной тяжелой

цепи с ее когнатной легкой цепью как тяжелая, так и легкая цепи могут содержать взаимодополняющие аминокислотные замены. При использовании в данном документе термин "взаимодополняющие аминокислотные замены" относится к замене положительно заряженной аминокислоты в одной цепи в паре с заменой отрицательно заряженной аминокислоты в другой цепи. Например, тяжелая цепь содержит по меньшей мере одну аминокислотную замену с введением заряженной аминокислоты, и соответствующая легкая цепь содержит по меньшей мере одну аминокислотную замену с введением заряженной аминокислоты, где заряженная аминокислота, введенная в тяжелую цепь, характеризуется зарядом, противоположным заряду аминокислоты, введенной в легкую цепь. Один или несколько положительно заряженных остатков (например, лизин, гистидин или аргинин) можно ввести в первую легкую цепь (LC1) и один или несколько отрицательно заряженных остатков (например, аспарагиновую кислоту или глутаминовую кислоту) можно ввести в сопутствующую тяжелую цепь (НС1) на поверхности связывания LC1/HC1, тогда как один или несколько отрицательно заряженных остатков (например, аспарагиновую кислоту или глутаминовую кислоту) можно ввести во вторую легкую цепь (LC2) и один или несколько положительно заряженных остатков (например, лизин, гистидин или аргинин) можно ввести в сопутствующую тяжелую цепь (НС2) на поверхности связывания LC2/HC2. Электростатические взаимодействия будут направлять LC1 к образованию пары с HC1, а LC2 к образованию пары с HC2, поскольку противоположно заряженные остатки (полярность) на поверхности взаимодействия притягиваются. Пары тяжелой/легкой цепи с одинаковыми заряженными остатками (полярность) на поверхности взаимодействия (например, LC1/HC2 и LC2/HC1) будут отталкиваться, что приведет к подавлению образования нежелательных пар HC/LC.

[00151] В некоторых вариантах осуществления гетеро-Ід содержит по меньшей мере один фрагмент антитела к ССR8 по настоящему изобретению. В конкретных вариантах осуществления фрагмент антитела к ССR8 представляет собой Fab. В конкретных вариантах осуществления фрагмент антитела к ССR8 представляет собой scFab. В конкретных вариантах осуществления фрагмент антитела к ССR8 представляет собой scFv. Иллюстративные аминокислотные последовательности scFv к ССR8 включают без ограничения любую из SEQ ID NO: 1093-1124.

[00152] В некоторых вариантах осуществления гетеро-Ід содержит фрагмент антитела к ССR8 по настоящему изобретению, присоединенный к гетеро-Ід. Указанный фрагмент антитела к ССR8 может иметь любой формат, описанный в данном документе, включая scFv, Fab или scFab. Такое присоединение может осуществляться посредством линкера, С-концевого или N-концевого по отношению к Fc-области, или N-концевого или С-концевого по отношению к другому связывающему домену (например, Fab) в гетеро-Ід. В некоторых вариантах осуществления гетеро-Ід содержит по меньшей мере одно связывающее плечо, которое представляет собой одну цепь, содержащую фрагмент антитела к ССR8 по настоящему изобретению и дополнительный scFab или scFv.

[00153] Настоящее изобретение также охватывает молекулы, привлекающие Т-

клетки ("TCE"), содержащие фрагмент антитела к CCR8 по настоящему изобретению. Такие молекулы TCE предпочтительно представляют собой одноцепочечные молекулы TCE. Охвачена одноцепочечная молекула TCE, характеризующаяся следующей ориентацией: scFv, который связывается с CCR8 (VH, линкер, VL), линкер, scFv, который связывается с CD3 (VH, линкер, VL). В одном из вариантов осуществления молекула TCE дополнительно содержит scFc и характеризуется следующей ориентацией: scFv, который связывается с CCR8 (VH, линкер, VL), линкер, scFv, который связывается с CD3 (VH, линкер, VL)-линкер-Fc1 (шарнир, CH2, CH3), линкер, Fc2 (шарнир, CH2, CH3). В некоторых вариантах осуществления scFv, который связывается с CCR8, представляет собой фрагмент антитела к CCR8 по настоящему изобретению.

[00154] Настоящее изобретение также предусматривает молекулу ТСЕ, характеризующуюся следующей ориентацией от N-конца к C-концу: scFv, который связывается с ССR8 (VH, линкер, VL)-линкер-scFv, который связывается с CD3 (VH, линкер, VL)-линкер-Fc1 (CH2-CH3)-линкер-Fc2 (CH2-CH3). В одном из вариантов осуществления молекула ТСЕ связывается с ССR8 и CD3. Настоящее изобретение также предусматривает молекулу ТСЕ, характеризующуюся следующей ориентацией от N-конца к C-концу: scFv, который связывается с CCR8 (VL-линкер-VH)-линкер-scFv, который связывается с CD3 (VH-линкер-VL)-линкер-Fc1. (CH2-CH3)-линкер-Fc2 (CH2-CH3). В одном из вариантов осуществления молекула ТСЕ связывается с ССR8 и CD3. В некоторых вариантах осуществления scFv, который связывается с ССR8, представляет собой фрагмент антитела к ССR8 по настоящему изобретению.

[00155] Настоящее изобретение предусматривает молекулу ТСЕ, содержащую в ориентации от N-конца к C-концу scFab, который связывается с ССR8 (VH, CH1, линкер, VL, либо Ск, либо Сλ), линкер, scFv, который связывается с CD3 (VH, линкер, VL). В некоторых вариантах осуществления scFab, который связывается с ССR8, представляет собой фрагмент антитела к ССR8 по настоящему изобретению.

[00156] scFc представляет собой слитый белок, в котором CH2 и CH3 (Fc1) соединены посредством линкера с другими CH2 и CH3 (Fc2) с образованием непрерывной белковой цепи, где линкер является достаточно длинным, чтобы обеспечить возможность белковой цепи свернуться обратно на себя.

[00157] "Одноцепочечный антигенсвязывающий фрагмент" ("scFab") представляет собой слитый белок, в котором VH и CH1 соединены посредством линкера с VL и Ск с образованием непрерывной белковой цепи, где линкер является достаточно длинным, чтобы обеспечить возможность белковой цепи свернуться обратно на себя и образовать моновалентный антигенсвязывающий участок. Линкер может представлять собой, например, линкер (G4S)6, (G4S)7 или (G4S)8.

[00158] scFab, scFv и/или scFc также могут иметь "цистеиновый зажим". "Цистеиновый зажим" включает введение цистеина в полипептидный домен в конкретном месте, обычно путем замены существующей аминокислоты в конкретном местоположении, так что при нахождении рядом с другим полипептидным доменом,

также содержащим цистеин, введенный в конкретное местоположение, между двумя доменами может образовываться дисульфидная связь ("цистеиновый зажим"). В определенных вариантах осуществления scFc содержит по меньшей мере один цистеиновый зажим, что приводит к образованию дисульфидной связи между обоими доменами CH2. В дополнительном конкретном варианте осуществления scFc содержит по меньшей мере два цистеиновых зажима, что приводит к образованию дисульфидных связей между обоими доменами CH2. В других вариантах осуществления домены VH и VL связывающей конструкции могут содержать цистеиновый(-ые) зажим(ы), что приводит к образованию дисульфидной связи между доменами VH и VL. Эти цистеиновые зажимы будут стабилизировать домены VH и VL в антигенсвязывающей конфигурации.

[00159] Цистеиновый зажим может быть встречающимся в природе или быть результатом конструирования молекулы с содержанием цистеинов. Например, scFab может иметь природный цистеиновый зажим между константными доменами тяжелой и легкой цепей. scFab может также иметь природный цистеиновый зажим между константными доменами тяжелой и легкой цепей и сконструированный цистеиновый зажим между цистеинами по остатку 44 вариабельной области тяжелой цепи и остатку 100 вариабельной области легкой цепи. Кроме того, scFv к мишени может также содержать цистеиновый зажим между цистеинами по остатку 44 вариабельной области тяжелой цепи и остатку 100 вариабельной области легкой цепи, тогда как scFv к CD3 не содержит сконструированного цистеинового зажима. scFc может содержать цистеиновые зажимы шарнира, природные цистеиновые зажимы CH2/CH3 и/или сконструированный цистеиновый зажим CH2 (внутрицепочечный).

[00160] Антигенсвязывающие фрагменты, получаемые из антитела, можно получать, например, посредством протеолитического гидролиза антитела, например, расщепления пепсином или папаином целых антител в соответствии с общепринятыми фрагменты антител могут быть получены посредством способами. Например, ферментативного расщепления антител пепсином с получением 5S-фрагмента, называемого F(ab')2. Этот фрагмент можно дополнительно расщепить с использованием тиолвосстанавливающего средства с получением моновалентных фрагментов 3.5S Fab'. Необязательно реакцию расщепления можно проводить с использованием блокирующей группы для сульфгидрильных групп, которые образуются в результате расщепления дисульфидных связей. В качестве альтернативы ферментативное расщепление с использованием папаина напрямую приводит к двум моновалентным фрагментам Fab и фрагменту Fc. Эти способы описаны, например, Goldenberg, патент США № 4331647, Nisonoff et al., Arch. Biochem. Biophys. 89:230, 1960; Porter, Biochem. J. 73:119, 1959; Edelman et al., в Methods in Enzymology 1:422 (Academic Press 1967); и Andrews, S. M. and Titus, J. A. B Current Protocols in Immunology (Coligan J. E., et al., eds), John Wiley & Sons, New York (2003), стр. 2.8.1-2.8.10 и 2.10А.1-2.10А.5. Также можно использовать другие способы расщепления антител, такие как разделение тяжелых цепей с образованием

моновалентных фрагментов легкая-тяжелая цепь (Fd), дополнительное расщепление фрагментов или другие ферментативные, химические или генетические методики, при условии, что фрагменты связываются с антигеном, который распознается интактным антителом.

[00161] Фрагмент антитела также может представлять собой любой синтетический или генетически сконструированный белок. Например, фрагменты антитела включают выделенные фрагменты, содержащие вариабельную область легкой цепи, "Fv"-фрагменты, содержащие вариабельные области тяжелой и легкой цепей, и рекомбинантные одноцепочечные полипептидные молекулы, в которых легкая и тяжелая вариабельные области соединены пептидным линкером (белки scFv).

[00162] Другой формой фрагмента антитела является пептид, содержащий одну или несколько определяющих комплементарность областей (CDR) антитела. CDR (также называемые "минимальными единицами распознавания" или "гипервариабельной областью") можно получить путем конструирования полинуклеотидов, которые кодируют представляющую интерес CDR. Такие полинуклеотиды получают, например, с применением полимеразной цепной реакции для синтеза вариабельной области с использованием мРНК клеток, продуцирующих антитела, в качестве матрицы (см., например, Larrick et al., Methods: A Companion to Methods in Enzymology 2:106, 1991; Courtenay-Luck, "Genetic Manipulation of Monoclonal Antibodies", в Monoclonal Antibodies: Production, Engineering and Clinical Application, Ritter et al. (eds.), стр. 166 (Cambridge University Press 1995); и Ward et al., "Genetic Manipulation and Expression of Antibodies," в Monoclonal Antibodies: Principles and Applications, Birch et al., (eds.), стр. 137 (Wiley-Liss, Inc. 1995)).

[00163] Антитела и антигенсвязывающие фрагменты по настоящему изобретению связываются с ССR8 человека. Предпочтительно антигенсвязывающие фрагменты по настоящему изобретению связываются с ССR8 человека по эпитопу, содержащему или состоящему из аминокислотных остатков из SEQ ID NO: 82. В частности, антигенсвязывающие фрагменты по настоящему изобретению связываются с ССR8 человека и не блокируют связывание лиганда с ССR8.

[00164] В самом общем смысле молекула, привлекающая Т-клетки ("ТСЕ"), описанная в данном документе, содержит одноцепочечный полипептид, который может связываться с двумя разными антигенами. "Молекула ТСЕ" может использоваться взаимозаменяемо с "молекулой ВіТЕ". Молекула ВіТЕ может содержать scFv или scFab при условии, что она биспецифична, что означает, что она связывает две мишени (целевой антиген (в данном документе ССR8) и СD3) одновременно. Молекула ТСЕ представляет собой антигенсвязывающую молекулу. Молекула ТСЕ по настоящему изобретению может содержать scFab, который связывает мишень (например, опухолевый или целевой антиген; ССR8), и scFv, который связывает СD3. Такая молекула может содержать в ориентации от N-конца к C-концу: scFab (VH, CH1, линкер, VL, либо Ск, либо Сλ), линкер, scFv (VH, линкер, VL). В качестве альтернативы такие молекулы могут содержать

в ориентации от N-конца к C-концу: scFab (VL, либо Ск, либо Сλ, линкер, VH, CH1), линкер, scFv (VH, линкер, VL). В некоторых вариантах осуществления scFab связывается с ССR8. В конкретных вариантах осуществления молекула ТСЕ содержит Ск. Такая молекула ТСЕ может характеризоваться следующей ориентацией от N-конца к C-концу: scFv, который связывается с ССR8 (VH, линкер, VL), линкер, scFv, который связывается с СD3 (VH, линкер, VL). В некоторых таких вариантах осуществления scFv или scFab, которые связываются с ССR8, представляют собой фрагмент антитела к ССR8 по настоящему изобретению.

[00165] Молекула ТСЕ по настоящему изобретению также может содержать структурную единицу, обеспечивающую увеличение периода полужизни (HLE). Структурная единица HLE может обеспечивать увеличение периода полужизни in vivo молекул ТСЕ по настоящему изобретению. Неограничивающие примеры структурных единиц, обеспечивающих увеличение периода полужизни, включают полипептид Fc, одноцепочечный полипептид Fc (scFc), альбумин, фрагмент альбумина, структурную единицу, которая связывается с альбумином или неонатальным Fc-рецептором (FcRn), производное фибронектина, которое было сконструировано для связывания альбумина или его фрагмента, пептид, однодоменный белковый фрагмент или другой полипептид, который может обеспечивать повышение периода полужизни в сыворотке крови. В других вариантах осуществления структурная единица, обеспечивающая увеличение периода полужизни, может представлять собой отличную от полипептида молекулу, такую как, например, полиэтиленгликоль (PEG). В некоторых вариантах осуществления HLE представляет собой одноцепочечный Fc ("scFc").

"Последовательность нуклеиновой кислоты" предназначено для охватывания полимера ДНК или РНК, т. е. полинуклеотида, который может быть однонитевым или двухнитевым и который может содержать неприродные или измененные нуклеотиды. Термины "нуклеиновая кислота", "молекула нуклеиновой кислоты", "последовательность нуклеиновой кислоты" и "полинуклеотид" могут использоваться в данном документе взаимозаменяемо для обозначения полимерной либо рибонуклеотидов формы нуклеотидов любой длины, (PHK), либо дезоксирибонуклеотидов (ДНК). Эти термины относятся к первичной структуре молекулы и, таким образом, включают двух- и однонитевую ДНК и двух- и однонитевую РНК. Эти термины включают в качестве эквивалентов аналоги РНК или ДНК, полученные из аналогов нуклеотидов, и модифицированные полинуклеотиды, такие как без ограничения метилированные и/или кэппированные полинуклеотиды.

[00167] Молекула ДНК по настоящему изобретению представляет собой молекулу ДНК, которая содержит полинуклеотидную не встречающуюся В природе последовательность, кодирующую полипептид, имеющий аминокислотную последовательность по меньшей мере одного из полипептидов в антителе к CCR8 по настоящему изобретению (например, тяжелой цепи, легкой цепи, вариабельной области тяжелой цепи и вариабельной области легкой цепи).

[00168] Выделенную ДНК, кодирующую область HCVR, можно превратить в ген полноразмерной тяжелой цепи путем функционального связывания ДНК, кодирующей HCVR, с другой молекулой ДНК, кодирующей константные области тяжелой цепи. Последовательности генов константной области тяжелой цепи человека, а также других млекопитающих известны из уровня техники. Фрагменты ДНК, охватывающие эти области, можно получить, например, с помощью стандартной ПЦР-амплификации.

[00169] Выделенную ДНК, кодирующую область LCVR, можно преобразовать в ген полноразмерной легкой цепи путем функционального связывания ДНК, кодирующей LCVR, с другой молекулой ДНК, кодирующей константную область легкой цепи. Последовательности генов константной области легкой цепи человека, а также других млекопитающих известны из уровня техники. Фрагменты ДНК, охватывающие эти области, можно получить с помощью стандартной ПЦР-амплификации. Константная область легкой цепи может представлять собой константную область каппа или лямбда. В некоторых вариантах осуществления константная область легкой цепи представляет собой константную каппа-область.

[00170] Термин "кодирующая" или "кодирует" относится к полинуклеотидной последовательности, кодирующей одну или несколько аминокислот. Термин не требует наличия старт- или стоп-кодона. Настоящее изобретение охватывает молекулы нуклеиновой кислоты, кодирующие полипептидные последовательности антитела к ССR8.

[00171] Полинуклеотиды по настоящему изобретению можно экспрессировать в клетке-хозяине после того, как последовательности были функционально связаны с последовательностью контроля экспрессии. Векторы экспрессии обычно реплицируемы в организме-хозяине либо в виде эписом, либо как неотъемлемая часть хромосомной ДНК хозяина. Обычно векторы экспрессии будут содержать маркеры для отбора, например, тетрациклиновый, неомициновый и дигидрофолатредуктазный, чтобы обеспечить обнаружение тех клеток, которые трансформированы требуемыми последовательностями ДНК.

[00172] Трансформированные клетки можно культивировать в условиях, которые способствуют экспрессии полипептида, и данный полипептид выделяют с помощью традиционных процедур очистки белка. Полипептиды, предусмотренные для применения в данном документе, включают по существу гомогенные рекомбинантные полипептиды млекопитающих, по существу не содержащие загрязняющих эндогенных материалов. Клетки, содержащие нуклеиновую кислоту, кодирующую антитело к ССR8 по настоящему изобретению, также включают гибридомы.

[00173] Полинуклеотид, кодирующий аминокислотную последовательность антитела к CCR8 по настоящему изобретению, может быть любой длины, подходящей для требуемого применения или функции, и может содержать одну или несколько дополнительных последовательностей, например, регуляторных последовательностей, и/или может быть частью большей нуклеиновой кислоты, например, вектора.

Специалисту в данной области техники будет понятно, что из-за вырожденности генетического кода каждая из полипептидных последовательностей, раскрытых в данном документе, кодируется большим количеством других последовательностей нуклеиновых кислот. Мутации также могут быть введены в нуклеиновую кислоту без существенного изменения биологической активности полипептида, который она кодирует. Например, можно выполнять нуклеотидные замены, приводящие к аминокислотным заменам в несущественных аминокислотных остатках.

[00174] Следует понимать, что антитело к CCR8 по настоящему изобретению может иметь по меньшей мере одну аминокислотную замену, при условии что антитело к CCR8 сохраняет ту же или лучшую требуемую специфичность связывания (например, связывания с CCR8). Таким образом, модификации антитела к CCR8 включены в объем настоящего изобретения. Такие модификации могут включать аминокислотные замены, которые могут быть консервативными или неконсервативными, которые не разрушают требуемую связывающую способность связывающей конструкции. Консервативные аминокислотные замены могут охватывать не встречающиеся в природе аминокислотные остатки, которые обычно вводятся с помощью химического пептидного синтеза, а не с помощью синтеза в биологических системах. Они включают пептидомиметики и другие обращенные или инвертированные формы аминокислотных фрагментов. Консервативная аминокислотная замена может также предусматривать замену нативного аминокислотного ненативный остаток, остатка вследствие чего на полярность аминокислотного остатка в данном положении оказывается незначительное влияние или влияние отсутствует.

[00175] ССЯ8 человека включает последовательность ССЯ8 человека дикого типа и ее варианты и изоформы. Аминокислотная последовательность CCR8 человека включает аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 21. При использовании в данном документе термин "вариант" в отношении последовательности нуклеиновой кислоты означает (і) часть или фрагмент эталонной нуклеотидной последовательности; (іі) последовательность, комплементарную эталонной нуклеотидной последовательности или ее части; (ііі) нуклеиновую кислоту, по существу идентичную эталонной нуклеиновой кислоте или комплементарной ей последовательности; или (iv) нуклеиновую кислоту, которая гибридизируется в жестких условиях с эталонной нуклеиновой кислотой, последовательностью, комплементарной ей, или последовательностями, по существу идентичными им. Что касается пептида или полипептида, термин "вариант" при использовании в данном документе относится к пептиду или полипептиду, который отличается эталонного пептида или полипептида ПО аминокислотной последовательности вставкой, делецией или консервативной заменой аминокислот, но сохраняет по меньшей мере один вид биологической активности эталонного пептида или Вариант может означать белок c аминокислотной полипептида. также последовательностью, идентична которая ПО существу аминокислотной последовательности эталонного белка, который сохраняет по меньшей мере один вид биологической активности. Термин "изоформа" может использоваться в данном документе для обозначения варианта полипептида или белка. Как правило, изоформа белка является членом группы очень похожих белков, которые происходят из одного гена или семейства генов и являются результатом генетических различий. Хотя некоторые изоформы белка обладают одинаковыми или сходными биологическими функциями, некоторые изоформы обладают уникальными функциями. Изоформы могут быть получены в результате альтернативного сплайсинга, использования вариабельного промотора или других посттранскрипционных модификаций одного гена.

[00176] Вариант может представлять собой последовательность нуклеиновой кислоты, которая по существу идентична по всей длине полной последовательности гена или ее фрагменту. Последовательность нуклеиновой кислоты может быть на 80%, 81%, 82%, 83%, 84%, 85%, 86%, 87%, 88%, 89%, 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99% или 100% идентична по всей длине последовательности гена или ее фрагменту. В других вариантах осуществления вариант может представлять собой аминокислотную последовательность, которая по существу идентична по всей длине аминокислотной последовательности или ее фрагменту. Аминокислотная последовательность может быть на 80%, 81%, 82%, 83%, 84%, 85%, 86%, 87%, 88%, 89%, 90%, 91%, 92%, 93%, 94%, 95%, 96%, 97%, 98%, 99% или 100% идентична по всей длине аминокислотной последовательности или ее фрагменту.

[00177] Аминокислотная последовательность CCR8 яванского макака предусматривает аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 22.

[00178] Антитела по настоящему изобретению можно легко получить в клетках млекопитающих, неограничивающие примеры которых включают клетки CHO, NSO, HEK293 или COS. Клетки-хозяева культивируют с применением методик, хорошо известных в данной области техники.

[00179] Векторы, содержащие представляющие интерес полинуклеотидные последовательности (например, полинуклеотиды, кодирующие полипептиды антитела и последовательности контроля экспрессии), можно переносить в клетку-хозяина хорошо известными способами, которые варьируются в зависимости от типа клетки-хозяина. Примеры векторов включают без ограничения плазмиды, вирусные векторы, неэписомные векторы млекопитающих и векторы экспрессии, например, рекомбинантные векторы экспрессии.

[00180] Рекомбинантные векторы экспрессии по настоящему изобретению могут содержать нуклеиновую кислоту по настоящему изобретению в форме, подходящей для экспрессии нуклеиновой кислоты в клетке-хозяине. Рекомбинантные векторы экспрессии включают одну или несколько регуляторных последовательностей, выбранных исходя из клеток-хозяев, подлежащих применению для экспрессии, которые функционально связаны с последовательностью нуклеиновой кислоты, подлежащей экспрессии. Регуляторные последовательности включают в себя последовательности, которые управляют конститутивной экспрессией нуклеотидной последовательности в клетках-

хозяевах многих типов (например, энхансер ранних генов SV40, промотор вируса саркомы Рауса и промотор цитомегаловируса), последовательности, которые управляют экспрессией нуклеотидной последовательности только в некоторых клетках-хозяевах (например, тканеспецифические регуляторные последовательности, см. Voss et al., 1986, Trends Biochem. Sci. 11:287, Maniatis et al., 1987, Science 236:1237, включенный в данный документ посредством ссылки во всей своей полноте), а также последовательности, которые управляют индуцибельной экспрессией нуклеотидной последовательности в ответ на определенную обработку или условие (например, металлотиониновый промотор в клетках млекопитающих и tet-чувствительный и/или стрептомицин-чувствительный промотор как в прокариотических, так и в эукариотических системах (см. там же). Специалисты в данной области техники будут принимать во внимание, что разработка вектора экспрессии может зависеть от таких факторов, как выбор клетки-хозяина, подлежащей трансформации, уровень экспрессии требуемого белка и т. д. Векторы экспрессии по настоящему изобретения могут быть введены в клетки-хозяева, чтобы посредством этого получать белки или пептиды, включая слитые белки или пептиды, которые кодируются нуклеиновыми кислотами, описанными в данном документе.

[00181] Как правило, векторы экспрессии, применяемые в любой из клеток-хозяев, будут содержать последовательности для поддержания плазмид, а также для клонирования и экспрессии экзогенных нуклеотидных последовательностей. Такие последовательности, совокупности "фланкирующими В называемые последовательностями", как правило, включают в себя одну или несколько из следующих нуклеотидных последовательностей: промотор, одну или несколько последовательностей, точку начала репликации, последовательность терминации транскрипции, полную интронную последовательность, содержащую донорный и акцепторный сайт сплайсинга, последовательность, кодирующую лидерную последовательность секреции полипептида, сайт связывания рибосомы, для последовательность полиаденилирования, полилинкерную область для встраивания нуклеиновой кислоты, кодирующей полипептид, подлежащий экспрессии, селектируемый маркерный элемент. Лидерная последовательность может NO: 557 предусматривать аминокислотную последовательность под SEO ID (MDMRVPAQLLGLLLULRGARC), ID NO: 558 которая кодируется SEQ (atggacatgagagtgcctgcacagctgctggggcctgctgctgctgtgggtgagaggcgccagatgc). Лидерная последовательность может предусматривать аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 559. (MAWALLLTLLTQGTGSWA), которая кодируется SEQ ID NO: 560 (atggcctggg ctctgctgct cctcaccctc ctcactcagg gcacagggtc ctgggcc). Настоящее изобретение предусматривает белковые последовательности антител без лидерных последовательностей.

[00182] Настоящее изобретение также предусматривает антитела к CCR8 по настоящему изобретению, которые характеризуются отсечением С-концевого остатка лизина в НС антитела. Предусмотрены антитела к CCR8, содержащие аминокислотную

последовательность НС антитела, лишенную С-концевого остатка лизина.

[00183] Для очистки белков можно применять различные способы очистки белков, включая без ограничения антитела, и такие способы известны в данной области.

[00184] Антитела к CCR8 по настоящему изобретению можно биологически синтезировать, очищать и составлять для введения хорошо известными способами. Например, подходящую клетку-хозяина, такую как НЕК 293 или СНО, либо временно, либо стабильно трансфицируют с применением системы экспрессии для секреции антител с применением заранее определенного соотношения векторов НС:LC, если используются два вектора, или системы с одним вектором, одновременно кодирующим тяжелую цепь и легкую цепь. Векторы, подходящие для экспрессии и секреции антител из этих традиционно применяемых клеток-хозяев, хорошо известны. После экспрессии и секреции антитела среду осветляют с удалением клеток и осветленную среду очищают с применением любой из множества традиционно применяемых методик. Например, среду можно нанести на колонку с белком А или G, уравновешенную буфером, таким как фосфатно-солевой буфер (рН 7,4). Колонку промывают для удаления неспецифических связывающих компонентов. Связанное антитело элюируют, например, с помощью градиента рН (например, от 0,1 М натрий-фосфатного буфера с рН 6,8 до 0,1 М натрийцитратного буфера с рН 2,5). Фракции антитела обнаруживают, например, с помощью SDS-PAGE, и затем объединяют. Дополнительная очистка не является обязательной и зависит от предполагаемого применения. Антитело можно концентрировать и/или стерильно фильтровать с применением обычных методик. Другие материалы, помимо антитела, такие как компоненты клетки-хозяина и питательной среды, и растворимые агрегаты и мультимеры антитела, можно эффективно количественно уменьшить или удалить обычными методами, включая эксклюзионную хроматографию, хроматографию с гидрофобным взаимодействием, катионообменную, анионообменную, аффинную или гидроксиапатитную хроматографию. Чистота антитела после этих стадий хроматографии обычно превышает 95%. Продукт можно замораживать при температуре -70°C или лиофилизировать.

[00185] В иллюстративных аспектах антитело по настоящему изобретению содержит НС, содержащую С-концевой лизин, как в SEQ ID NO: 354, 364, 374, 384, 394, 404, 414, 424, 434, 444, 454, 464, 474, 484, 494, 504, 514, 524, 534, 544, 554, 1127, 1129, 1131, 1134, 1136, 1138, 1140, 1142, 1144, 1146, 1148, 1150, 1152, 1154, 1156, 1158, или 1160. В альтернативных аспектах антитело содержит НС без С-концевого лизина, как в SEQ ID NO: 573-592 или SEQ ID NO: 1238-1254. Кроме того, N-концевой глутамин и/или N-концевую глутаминовую кислоту НС можно преобразовать в пироглутаминовую кислоту. В случае антител по настоящему изобретению предусмотрена любая форма.

[00186] Аналогично, в иллюстративных аспектах антитело к PD-1 содержит тяжелую цепь, содержащую С-концевой лизин, как в SEQ ID NO: 41, например. В альтернативных аспектах антитело к PD-1 содержит тяжелую цепь под SEQ ID NO: 636 без С-концевого лизина. В других иллюстративных аспектах антитело к PD-1 содержит

тяжелую цепь, содержащую С-концевой лизин. В альтернативных аспектах антитело к PD-1 содержит тяжелую цепь без С-концевого лизина.

[00187] Антитело к CCR8 по настоящему изобретению или фармацевтическую композицию, содержащую его, онжом вводить парентеральными путями, неограничивающими примерами которых являются подкожное введение и внутривенное Другими возможными путями введения являются внутримышечная, внутриартериальная, внутриочаговая и перитонеальная болюсная инъекция. Антитело к ССЯ также можно вводить посредством инфузии, например, внутривенной или подкожной инфузии. Антитело к CCR8 по настоящему изобретению можно вводить носителями, разбавителями пациенту фармацевтически приемлемыми или вспомогательными веществами в однократных или многократных дозах. Необязательно композиция дополнительно содержит один или несколько физиологически активных средств. Фармацевтические композиции по настоящему изобретению могут быть получены с помощью способов, хорошо известных в данной области техники (например, Remington: The Science and Practice of Pharmacy, 22nd ed. (2012), A. Loyd et al., Pharmaceutical Press), и содержат антитело, раскрытое в данном документе, и один или несколько фармацевтически приемлемых носителей, разбавителей или вспомогательных веществ.

[00188] При использовании в данном документе взаимозаменяемо термины "лечение", и/или "осуществление лечения", и/или "лечить" предназначены для обозначения всех процессов, в которых может происходить замедление, прерывание, прекращение, контроль, остановка или обращение вспять прогрессирования нарушений, описанных в данном документе, но не обязательно указывают на полное устранение всех симптомов нарушения. Лечение включает введение антитела к ССR8 по настоящему изобретению для лечения заболевания или состояния у человека, при котором будет полезна активность антитела к ССR8 по настоящему изобретению, и включает: (а) подавление дальнейшего прогрессирования заболевания; и (b) облегчение заболевания, т. е. обеспечение регрессии заболевания или нарушения или облегчение его симптомов или осложнений.

[00189] Можно вводить терапевтически эффективные количества (или дозу) антитела к ССR8 по настоящему изобретению. При использовании в данном документе "эффективное количество" означает количество антитела к ССR8 по настоящему изобретению или фармацевтической композиции, содержащей такое антитело, которое будет вызывать биологический или медицинский ответ или оказывать требуемое терапевтическое воздействие на ткань, систему, животное, млекопитающее или человека, которое необходимо исследователю, лечащему врачу или другому клиницисту. Эффективное количество антитела может варьироваться в зависимости от таких факторов, как стадия заболевания, возраст, пол и вес индивидуума, а также способность антитела вызывать требуемый ответ у индивидуума. Эффективное количество также относится к такому количеству, при котором любой токсический или вредный эффект антитела

перевешивается терапевтически благоприятными эффектами. Такая польза включает улучшение в отношении признаков или симптомов рака. Эффективное количество антитела к ССR8 по настоящему изобретению можно вводить в виде однократной дозы или в виде многократных доз. При определении эффективного количества для пациента лечащий врач учитывает ряд факторов, включая без ограничения размер пациента (например, вес или массу), площадь поверхности тела, возраст и общее состояние здоровья; конкретное заболевание или нарушение; выраженность или поражение или степень тяжести заболевания или нарушения; ответ отдельного пациента; конкретное вводимое соединение; способ введения; характеристики биодоступности вводимого препарата; выбранную схему введения доз; применение сопутствующих лекарственных препаратов и другие соответствующие обстоятельства, известные практикующим врачам.

[00190] Также могут быть определены дозировки, частота введения, состав и эффективное количество антагониста пути PD-1/PD-L1, биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, и/или агониста костимулирующего рецептора иммунных клеток, как описано в данном документе.

[00191] Подходящие антитела-антагонисты PD-L1 для применения в способах по настоящему изобретению включают без ограничения атезолизумаб, авелумаб или дурвалумаб. Примеры антител-антагонистов PD-1, подходящих для применения в способах по настоящему изобретению, включают без ограничения пембролизумаб, ниволумаб, цемиплимаб, пидилизумаб, спартализумаб, камрелизумаб, синтилимаб, тислелизумаб, торипалимаб, достарлимаб, антитело 20С1.006, зелувалимаб, антитело 20А2.003, антитело 22D4.006 или антитело 22D4.017 и любое из антител-антагонистов PD-1, описанных в WO 2019/140196. Такие способы включают способ лечения рака у пациента, предусматривающий введение эффективного количества антитела-антагониста PD-1. Такие способы также включают способ лечения рака у пациента, предусматривающий введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, и одного или нескольких из биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1.

[00192] Биспецифические молекулы, привлекающие Т-клетки, представляют собой рекомбинантные белковые конструкции, составленные из двух полученных из антитела связывающих доменов, соединенных гибкой связью. "Биспецифическая молекула, привлекающая Т-клетки" может использоваться взаимозаменяемо с "молекулой BiTE®". Один связывающий домен биспецифического активатора, привлекающего Т-клетки, является специфичным по отношению к выбранному опухолеассоциированному поверхностному антигену на клетках-мишенях; второй связывающий домен является специфичным по отношению к CD3, субъединице Т-клеточного рецепторного комплекса на Т-клетках. Благодаря своей особенной структуре биспецифические молекулы, привлекающие Т-клетки, уникальным образом подходят для временного соединения Т-

клеток с клетками-мишенями и, в то же самое время, эффективно активируют цитолитический потенциал, присущий Т-клеткам, направленный против клеток-мишеней (Yang, Fa; Wen, Weihong; Qin, Weijun (2016). "Bispecific Antibodies as a Development Platform for New Concepts and Treatment Strategies". International Journal of Molecular Sciences. 18 (1): 48 (2016)). Биспецифическая молекула, привлекающая Т-клетки, является биспецифической, то есть она связывает две мишени (целевой антиген и CD3) одновременно. Последовательности примеров scFv, которые связываются с CD3, включают I2E и I2C и описаны в таблице 15. Подходящие биспецифические молекулы, привлекающие Т-клетки, для применения в способах по настоящему изобретению включают без ограничения биспецифические молекулы, привлекающие Т-клетки, представленные в таблице 15.

[00193] CD3-связывающий I2C содержит домен аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3, VH, VL и VH-VL под SEQ ID NO: 87-95. CD3-связывающий домен I2E содержит аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3, VH и VL под SEQ ID NO: 96-103. Примером молекулы для CD33, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 104-118. Примером молекулы для EGFRVIII, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 119-129. Примером молекулы для MSLN, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 130-141. Примером молекулы для CDH19, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 142-159. Примером молекулы для FLT3, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 160-170. Примером молекулы для DLL3, привлекающей Тклетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 171-181. Примером молекулы для СD19, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 182-191. Примером молекулы для BCMA, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 192-202. Примером молекулы для PSMA, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 203-240. Примером молекулы для CD70, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR,

область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 241-250. Примером молекулы для CLDN18.2, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 251-266. Примером молекулы для MUC17, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 267-302. Примером молекулы для CDH3, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 303-313. Примером молекулы для CD19, привлекающей Т-клетки, является молекула, которая содержит CDR, область VH/VL и аминокислотные последовательности биспецифической одноцепочечной молекулы под SEQ ID NO: 314-332.

[00194] Способы по настоящему изобретению включают способ лечения рака у пациента, включающий введение эффективного количества антитела к ССR8 по настоящему изобретению и биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки. Такие способы также включают способ лечения рака у пациента, предусматривающий введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Тreg, и одного или нескольких из биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1.

[00195] Агонист костимулирующего рецептора иммунных клеток представляет собой молекулу, которая связывается с костимулирующим рецептором на иммунной клетке (такой как активированная Т-клетка) и способствует активности рецептора. Примеры костимулирующих рецепторов включают CD2, TNFRSF4 (OX40), TNFRSF5 (CD40), TNFRSF7 (CD27), TNFRSF8 (CD30), TNFRSF9 (4-1BB), TNFRSF14 (HVEM), TNFRSF18 (GITR) и ICOS.

ПРИМЕРЫ

Пример 1. Специфичность в отношении CCR8

[00196] Трансфицированные клетки использовали для оценки специфичности связывания антитела с применением проточной цитометрии на клетках-хозяевах эмбриональной почки человека (HEK) 293Т. Белки экспрессировали на клетках НЕК 293Т путем трансфекции с использованием ССR8 человека (SEQ ID NO: 21), ССR8 человека с точечной мутацией A27G (SEQ ID NO: 23), ССR8 мыши (SEQ ID NO: 24), ССR8 крысы (SEQ ID NO: 25), ССR4 человека (SEQ ID NO: 26) или контрольных векторов экспрессии, среды GibcoTM Opti-MEM® (Gibco) и реагента 293FectinTM (Invitrogen) в соответствии с инструкциями производителя. Линии клеток Т-клеточной лимфомы человека (HuT78) также использовали для определения специфичности в отношении эндогенно экспрессирующегося ССR8.

[00197] Трансфицированные клетки НЕК293Т (через 24 часа после трансфекции) или клетки HuT78 ресуспендировали в буфере для FACS (PBS+2% эмбриональной бычьей

сыворотки) и добавляли в 96-луночный планшет. Образцы надосадочной жидкости гибридомы, содержащие контрольные антитела 433H (BD Biosciences) или L263G8 (BioLegend), антитело 1 IgG2 или антитело 2 IgG2, добавляли в конечной концентрации 5,0 мкг/мл, клетки ресуспендировали и инкубировали в течение 1 часа при 4°С. Планшеты дважды промывали буфером для FACS, центрифугировали с осаждением клеток, а надосадочную жидкость удаляли и ресуспендировали в буфере для FACS с удалением несвязавшихся антител.

[00198] Вторичные козьи антитела с Alexa Fluor 647 к IgG человека или крысы (специфичные к Fcγ-фрагменту) (Jackson ImmunoResearch), приготовленные в буфере для FACS в концентрации 5,0 мкг/мл, добавляли в каждую лунку и клетки ресуспендировали и инкубировали в течение 15 минут при 4°С. Планшеты дважды промывали буфером для FACS, центрифугировали с осаждением клеток, а надосадочную жидкость удаляли и ресуспендировали в буфере для FACS с удалением несвязавшихся вторичных антител. Образцы ресуспендировали в буфере для FACS и анализировали на проточном цитометре IntelliCyt® iQue или BD Ассигітм с автоматическим пробоотборником Intellicyt HyperCyt. Данные, полученные от трех когорт иммунизированных животных, представлены в таблице 2.

<u>Таблица 2. Связывание надосадочных жидкостей гибридом (конечная концентрация Ab 5 мкг/мл) с нативной конформацией CCR8, экспрессирующегося на поверхности клеток, как определено при помощи анализа FACS.</u>

Антитело	CCR8 человека	HUT78	CCR8 крысы,	CCR8 мыши,
надосадочной	[А27G], временно	(эндогенный	временно	временно
жидкости	экспрессирующийс	CCR8	экспрессирующийся	экспрессирующ
гибридомы	я на НЕК293Т	человека)	на НЕК293Т	ийся на
				НЕК293Т
Антитело 1	36924	7756,9	105325	24729
IgG2				
Антитело 2	24205	1466,0	11023	3597
IgG2				
L263G8	41425	4500	N.D.	N.D.
SA214G2	N.D.	N.D.	1594	56829

[00199] Эти данные демонстрируют, что надосадочная жидкость гибридомы, содержащая антитело 1 IgG2 или антитело 2 IgG2, связывается с CCR8 человека, включая ССR8 человека с мутацией A27G, CCR8 крысы и мыши. Ни одно из протестированных антител в надосадочной жидкости не связалось с CCR4 человека или клетками 293T, трансфицированными контрольным вектором экспрессии.

Пример 2. Связывание антител с регуляторными Т-клетками человека и яванского макака

[00200] Связывание антител к ССR8 с эндогенным ССR8, экспрессируемым первичными регуляторными Т-клетками человека и яванского макака (Т-гед человека или яванского макака), оценивали с помощью проточной цитометрии. Свежевыделенные мононуклеарные клетки периферической крови человека (N=3) и яванского макака (N=2) инкубировали с надосадочными жидкостями культуры гибридомы антитела к ССR8 в конечной концентрации 20% в присутствии блокатора Fc человека в течение одного часа при 4°C. Первичные антитела вымывали из клеток и добавляли вторичные антитела к Fc IgG человека или крысы и смесь перекрестнореактивных антител к CD4/CD25/CD127 человека/яванского макака и инкубировали в течение тридцати минут при 4°C. С помощью проточного цитометра FACS Canto собрали 200000 объектов и выявляли связывание на гейтированных по CD4+/CD25+/CD127- жизнеспособных клетках. Процент положительных клеток представляет собой процентную долю Treg человека или яванского макака, которые были окрашены надосадочной жидкостью культуры гибридомы, содержащей исследуемое антитело. Контрольное антитело 433H очищали и использовали в концентрации 20 мкг/мл. Результаты представлены в таблице 3.

Таблица 3. Связывание надосадочных жидкостей гибридом с первичными

регуляторными Т-клетками человека и яванского макака.

Антитело	ССR8+CD127-CD25+CD4, % положительных					
	Человек (3 образца)			Яванский макак (2 образца)		
Антитело 2 IgG2	24,4	9,4	11,9	8,5	17,9	
Антитело 1 IgG2	23,3	Не тестировали	32,7	9,4	17,1	
Антитело 3 IgG2	55,6	Не тестировали	15,1	15,5	21,9	
Антитело 4 IgG2	72,6	26,5	34,8	7,7	17,6	
IgG2b чел.	1,5	0,0	1,9	11,9	11,3	
433H	83,4	29,4	67,5	66,2	63,7	
IgG2а яв. мак.	0,0	0,1	0,0	0,3	0,8	

[00201] Эти данные демонстрируют, что надосадочные жидкости гибридом, содержащие антитела по настоящему изобретению, связываются с эндогенно экспрессирующимися ССR8 человека и яванского макака, экспрессирующимися на первичных Т-клетках.

Пример 3. Эпитопспецифическая сортировка

[00202] Чтобы обеспечить картирование эпитопов антител к ССR8, надосадочные жидкости гибридом, связывающихся с ССR8 человека, тестировали на связывание с пятью биотинилированными на N-конце пептидами ССR8, полученными из N-концевой части ССR8, состоящей из 1-35 аминокислот (SEQ ID NO: 31). Длина каждого из пяти пептидов составляла двенадцать аминокислот, при этом шесть аминокислот перекрывались. Аминокислотные последовательности пептида 1, пептида 2, пептида 3,

пептида 4 и пептида 5 содержат аминокислоты 1-12 (SEQ ID NO: 82), 7-18 (SEQ ID NO: 85), 13-24 (SEQ ID NO: 83), 19-30 (SEQ ID NO: 86) и 25-35 (SEQ ID NO: 84) из SEQ ID NO: 31 соответственно.

[00203] Биотинилированные пептиды ССR8 человека иммобилизовали на полистироловых гранулах со стрептавидином (Spherotech) в буфере для FACS (PBS+2% эмбриональной бычьей сыворотки) при конечной концентрации белка 50-100 нг/мл и инкубировали в течение 30 минут при комнатной температуре. Гранулы дважды промывали буфером для FACS для удаления несвязавшегося белка, центрифугировали с осаждением гранул и ресуспендировали и объединяли в StabilGuard (SurModics). Объединенные гранулы, покрытые биотинилированным ССR8 человека, добавляли к образцам надосадочной жидкости гибридомы в 96-луночном планшете так, чтобы конечная концентрация антител составляла 5,0 мкг/мл, и затем инкубировали в течение одного часа при комнатной температуре.

[00204] Планшеты дважды промывали буфером для FACS, центрифугировали с осаждением гранул и удаляли надосадочную жидкость и ресуспендировали в буфере для FACS с удалением несвязавшихся антител. Вторичные козьи антитела с Alexa Fluor 488 к IgG человека или крысы (специфичные к Fcγ-фрагменту) (Jackson ImmunoResearch), приготовленные в буфере для FACS при 5,0 мкг/мл, ресуспендировали с гранулами и инкубировали в течение 15 минут при комнатной температуре. Планшеты дважды промывали буфером для FACS, центрифугировали с осаждением гранул, а надосадочную жидкость удаляли и ресуспендировали в буфере для FACS с удалением несвязавшихся вторичных антител. Затем образцы ресуспендировали в буфере для FACS и анализировали на любом проточном цитометре IntelliCyt® iQue.

[00205] Результаты представлены в таблице 4. Данные представлены как отношение, представляющее собой среднее геометрическое связывание с гранулами, покрытыми конкретным пептидом, деленное на среднее геометрическое связывания с гранулами, покрытыми пептидом отрицательного контроля (пептидом с неродственной последовательностью). Значение выше двух означает наличие связывания.

<u>Таблица 4. Связывание надосадочных жидкостей гибридом с биотинилированными</u> пептидами, нанесенными на гранулы со стрептавидином, определенное с помошью FACS.

	Покрытие пептидным антигеном: 100 нг/мл				
Антитело	Пептид 1	Пептид 2	Пептид 3	Пептид 4	Пептид 5
Антитело 2 IgG2	0	0	157	1	0
Антитело 1 IgG2	3	0	0	0	1
Антитело 3 IgG2	1	1	83	1	1
Антитело 4 IgG2	1	2	8	2	1
Антитело 5 IgG2	0	0	120	0	0

Антитело 6 IgG2	0	0	154	0	0
433H	1	1	1	1	1
L263G8	1	0	0	1	0

[00206] Интересно, что надосадочные жидкости гибридомы, содержащие антитело 1 IgG2, связываются с большей частью N-концевой области (1-12), позволяя предположить, что антитело 1 IgG2 связывается с уникальным эпитопом на ССR8, что, как полагают, способствует высокой аффинности и биологической активности антитела 1 IgG2.

ПРИМЕР 4. Кластеризация эпитопа

[00207] Внеклеточный домен ССR8 человека состоит из трех петель и N-концевого пептида из 35 аминокислот. Для картирования эпитопа N-концевой пептид ССR8 человека (обозначенный P_1-35 (SEQ ID NO: 31)) разделили на три последовательных сегмента (обозначенные P_1-12 (SEQ ID NO: 82), P_13-24 (SEQ ID NO: 83) и P_25-35 (SEQ ID NO: 84)). Чтобы покрыть соседние N- или C-концевые области последовательных сегментов, создали два дополнительных перекрывающихся фрагмента (обозначенные P_7-18 (SEQ ID NO: 85 и P_19-30 (SEQ ID NO: 86)). С С-концом полноразмерного N-концевого пептида и всех усеченных N-концевых пептидов ССR8 человека, описанных выше, обеспечивали слияние метки V5 посредством G4S-линкера. После метки V5 обеспечивали слияние куриного альбумина посредством дополнительного G4S-линкера, за которым следовала метка FLAG, ВАР (белок-акцептор биотина) для биотинилирования *in vivo* и H3G, слияние каждого из которых обеспечивали посредством SG-линкера. Все описанные выше конструкции клонировали в вектор рЕFDHFR и временно трансфицировали в клетки НЕК 293.

[00208] Клетки НЕК 293 (1×10^8) ресуспендировали в 100 мл среды для экспрессии FreeStyle (Gibco 12338-018) и трансфицировали с применением 4 мл OptiMEM (Gibco 31985-047), 100 мкл 293fectin (Invitrogen 12347-019) и 50 мкг ДНК, кодирующей либо полноразмерные, либо усеченные N-концевые конструкции CCR8 согласно протоколу производителя. Клетки выращивали в среде для экспрессии FreeStyle в течение 72 часов при 130 об./мин во влажном инкубаторе с 8% СО2. Клетки центрифугировали при 1500 об./мин в течение 10 минут и собирали надосадочную жидкость. 10 мл надосадочной жидкости каждой из трансфицированных клеток или 9 мл клеток НЕК 293 в качестве отрицательного контроля концентрировали в 20 раз с помощью пробирок Amicon Ultra-15 (UFC901008) до 500 мкл. Для каждой полноразмерной и усеченной N-концевой конструкции CCR8, а также HEK 293 отрицательного контроля, 18×10^6 промытых гранул Microspheres, 6 мкм; Polysciences стрептавидином (Streptavidin ресуспендировали в 500 мкл концентрированной надосадочной жидкости и инкубировали при медленном встряхивании в течение одного часа. Гранулы, связанные с соответствующим антигеном или отрицательным контролем, промывали и хранили при 4°С в течение ночи.

[00209] Для проверки экспрессии и связывания полноразмерных и усеченных N-концевых конструкций ССR8 с гранулами со стрептавидином по 2×10⁵ гранул на окрашивание инкубировали с 5 мкг/мл антитела к FLAG (клон M2, Sigma F3165/ F1804), 5 мкг/мл антитела к V5 (клон SV5-Pk1; AbD Serotec, MCA 1360) и вторичным антителом к мышиному Fcy, меченным PE (Jackson 115-116-071), в разведении 1:100. Связанные с антигеном гранулы инкубировали с тремя различными антителами к ССR8 человека. Связывание двух антител к ССR8 человека (клон L263G8; BioLegend, 360602 и клон 433H; BD 747578; 5 мкг/мл каждое) обнаруживали с помощью вторичного антитела к мышиному Fcy, меченного PE (Jackson 115-116-071), в разведении 1:100. Связывание антитела к ССR8 человека (поликлональное; Abcam, ab140796) обнаруживали с помощью вторичного антитела к козьему Fcy, меченного PE (Jackson 109-116-098), в разведении 1:50.

[00210] Определяли связывание ССR8-связывающих молекул ТСЕ и scFabсодержащих ССR8-связывающих молекул ТСЕ с полноразмерными и усеченными Nконцевыми конструкциями CCR8, связанными с гранулами со стрептавидином. В самом общем смысле молекула, привлекающая Т-клетки ("ТСЕ"), содержит одноцепочечный полипентид, который может связываться с двумя разными антигенами. Термин "молекула ТСЕ" может использоваться взаимозаменяемо с терминами "молекула BiTE®" или молекула "биспецифического активатора, привлекающего Т-клетки". Тестируемые молекулы TCE включали молекулы, содержащие scFab, который связывается с CCR8, и scFv, который связывается с CD3 (scFab-содержащие молекулы TCE), а также молекулы, содержащие scFv, который связывается с CCR8, и scFv, который связывается с CD3. Тестируемые молекулы TCE также включали scFc на C-конце в качестве структурной единицы, обеспечивающей увеличение периода полужизни (HLE). CDR из антител на основе антитела 1 являются такими же, как CDR из TCE1 (аминокислотные последовательности CDR TCE1 предусматривают SEQ ID NO: 561-566). CDR антитела 2 IgG2 являются такими же, как CDR TCE2 (аминокислотные последовательности CDR TCE2 предусматривают SEQ ID NO: 567-572).

[00211] Гранулы инкубировали с 5 мкг/мл соответствующей молекулы ТСЕ. Связывание этих ССR8-связывающих молекул ТСЕ и scFab-содержащих ССR8-связывающих молекул ТСЕ обнаруживали с использованием 2 мкг/мл антитела к His (клон AD1.1.10; AbD Serotec MCA 1396) и вторичного антитела к мышиному Fcy, меченного PE (Jackson 115-116-071), в разведении 1:100. Все антитела, ССR8-связывающие молекулы ТСЕ и scFab-содержащие ССR8-связывающие молекулы ТСЕ разводили в PBS с 2% FBS и все инкубации проводили при 4°С в течение 45 минут (первичные антитела) или в течение 30 минут (вторичные антитела). Промывки осуществляли с использованием PBS с 2% FBS, и конечный буфер для суспензии перед анализом методом FACS также представлял собой PBS с 2% FBS. Связывание антител и ТСЕ обнаруживали с использованием Intellicyte IQue. Изменения средней флуоресценции анализировали с помощью Intellicyte IQue и FlowJo. Связывание с различными полноразмерными и усеченными N-концевыми конструкциями ССR8 отражалось в виде

положительного сигнала, обнаруживаемого с помощью проточной цитометрии.

[00212] Экспрессию и связывание полноразмерных и различных усеченных N-концевых конструкций ССR8 с гранулами со стрептавидином устанавливали с помощью проточной цитометрии, как показано в таблицах 5 и 6.

<u>Таблица 5. Анализ связывания антител к CCR8 с полноразмерными или</u> усеченными N-концевыми пептидами CCR8 человека с помощью проточной цитометрии.

ř ·	выми пентидами ССКо человека с помощью проточной цитометрии.							
Образец		Пептид или контроли						
	Гранулы	HEK (MANAGERY)	1-35	1-12	7-18	13-24	19-30	25-35
		(контроль)						
	Медианна	я флуоресце	нция (образца	/медиан	ная фл	уоресце	нция
		отр	ицател	ірносо і	сонтрол	ІЯ		
PBS	0,9	0,9	0,9	0,9	0,9	0,9	0,9	1,9
Flag	0,9	0,9	522,0	596,0	588,7	628,1	589,5	582,0
V5-метка	0,9	0,9	952,6	1091,5	1085,9	1303,2	1016,2	1094,2
Антитело к CCR8	1,2	0,9	751,2	0,9	0,9	284,8	0,9	0,9
(клон L263G8)	1,2	0,2	731,2	0,5	0,5	201,0	0,5	0,5
Антитело к CCR8	1,8	0,9	290,2	0,9	0,9	300,3	0,9	0,9
(клон BV510)	1,0	0,,	2,0,2	0,7	0,7	500,5	0,7	0,7
Антитело к CCR8	0,9	1,0	259,7	0,9	222,6	385,6	0,9	0,9
(поликлональное)	0,9	1,0	239,1	0,9	222,0	303,0	0,9	0,9

[00213] Данные в таблице 5 демонстрируют, что антитела к ССR8 человека связывали полноразмерный N-концевой пептид ССR8 человека P_1-35, указывая на то, что они распознавали N-концевой пептид ССR8 человека. Ни одно из антител не продемонстрировало связывания ни с гранулами со стрептавидином отдельно, ни с контролем на основе НЕК 293. Антитела к ССR8 человека (клон L263G8 и клон 433H) продемонстрировали одинаковый профиль связывания, тогда как поликлональное антитело к ССR8 человека продемонстрировало дополнительное связывание с перекрывающимся фрагментом P_7-18.

<u>Таблица 6. Анализ связывания антител к CCR8 и scFab-содержащих CCR8-связывающих молекул TCE с полноразмерными или усеченными N-концевыми пептидами CCR8 человека с помощью проточной цитометрии.</u>

	Пептид или контроли							
Конструкция	Гранулы (контроль)	НЕК (контроль)	1-35	1-12	7-18	13-24	19-30	25-35
	Медианная флуоресценция образца/медианная флуоресценция отрицательного контроля							

PBS	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0
CCR8 TCE1 scFab x I2E x scFc	1,2	1,1	470,8	413,5	1,0	1,1	1,1	1,1
CCR8 TCE1 scFv x I2E x scFc	1,1	1,0	381,8	306,2	1,0	1,1	1,1	1,0
CCR8 TCE2 scFab x I2E x scFc	1,0	1,0	814,0	1,0	1,0	432,5	1,1	1,0
Отрицательный контроль	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0	1,0	1,1

[00214] Данные в таблице 5 демонстрируют, что ССR8-связывающие молекулы ТСЕ и scFab-содержащие ССR8-связывающие молекулы ТСЕ связывались с полноразмерным N-концевым пептидом ССR8 P_1-35. ТСЕ2 связывалась с усеченным N-концевым пептидом ССR8 P_13-24. Интересно, что ТСЕ1 связывалась с усеченным N-концевым пептидом ССR8 P_1-12, демонстрируя, что ТСЕ1 связывается с уникальным эпитопом на ССR8.

Пример 5. Функциональная активность антител

[00215] Надосадочные жидкости гибридом тестировали в отношении блокирования CLL-1-зависимого хемотаксиса в клетках HUT78 (клеточная линия Т-лимфоцитов человека, которая эндогенно экспрессирует CCR8). Тестирование проводили в 96-луночном планшете Transwell с размером пор 5 мкм в полной питательной среде HUT-78. Клетки предварительно инкубировали с очищенными антителами в течение тридцати минут и переносили в верхние камеры Transwell (общий объем 50 мкл и 50000 клеток на лунку).

[00216] Рекомбинантный Hu CCL1 (R&D) получали в субоптимальной концентрации 100 пМ и добавляли в нижние камеры Transwell по 100 мкл на лунку. Планшеты Transwell инкубировали при 37°C с 5% CO₂ в течение ночи. Субоптимальную концентрацию CCL1 устанавливали на основе хемотаксической кривой доза-ответ клеток и обеспечивали возможность отбора антител с $IC_{50} \le 100$ пМ. По окончании инкубации верхние камеры удаляли и в нижние камеры с мигрировавшими клетками добавляли по 50 мкл/лунка peareнтa CellTiterGlo (Promega). Через десять минут инкубации при комнатной температуре 100 мкл смеси из нижней камеры переносили в планшеты с черными лунками с прозрачным дном для считывания люминесценции (считыватель планшетов ингибирования Envision). Процент хемотаксиса рассчитывали применением контрольных лунок исходного и максимального хемотаксиса, присутствующих в каждом планшете. Процент ингибирования и значения IC_{50} рассчитывали с применением программного обеспечения для анализа Screener. Среднее значение по трем экспериментам показано в таблице 7.

Таблица 7. Ингибирование хемотаксиса HUT78, экспрессирующих CCR8, после

обработки антителом.

	Процент
	ингибирования
Антитело	(IC ₅₀ нМ)
Антитело 1 IgG1	>690
Антитело 2.2 IgG1	0,076
Антитело 3.0 IgG1	3,7
Антитело 4.0 IgG1	8,4
Антитело 5.0 IgG1	13,6
Антитело 6.0 IgG1	20,1

[00217] Эти данные демонстрируют, что антитело 1, которое связывается с уникальным эпитопом, не блокирует хемотаксическую активность, несмотря на связывание с ССR8, и не является нейтрализующим антителом. Эти данные демонстрируют, что антитело 1 не блокирует связывание лиганда с ССR8. Аналогичные данные наблюдались также в эксперименте по тестированию антител в надосадочной жидкости гибридомы.

Пример 6. Анализ антителоопосредованной цитотоксичности

[00218] Чтобы определить, могут ли антитела к ССR8 опосредовать антителоопосредованную цитотоксичность (ADCC), разработали цитолитический анализ с использованием клеток-мишеней HUT78.luc, которые были стабильно трансфицированы репортерным геном люциферазы и экспрессируют эндогенный ССR8 человека. В качестве эффекторных клеток использовали первичные NK-клетки с фенотипом VF от шести разных доноров (для данных из таблицы 8a и таблицы 8b); в качестве эффекторных клеток использовали первичные NK-клетки с фенотипом VF от двух разных доноров (для данных из таблицы 8c) или в качестве эффекторных клеток использовали первичные NK-клетки с фенотипом FF от трех разных доноров с тремя отдельными отборами крови для одного из них (для данных из таблицы 8d). Отрицательный отбор NK-клеток проводили из лейкопака с использованием набора для выделения StemCell EasySep Hu NK.

[00219] Очищенные антитела тестировали в диапазоне концентраций, начиная с 5 мкг/мл (35 нМ с разведениями 1:10). Антитела инкубировали с клетками-мишенями и эффекторными клетками в 384-луночном планшете при 5% CO₂, 37°C во влажном инкубаторе в течение ночи. Соотношение эффектора к мишени составляло 5:1 с 20000 клеток-мишеней на лунку, всего 50 мкл на лунку. По окончании инкубации добавляли по 30 мкл на лунку реагента BioGlo (таблицы 8а и 8b) или SteadyGlo (таблица 8c), перемешивали и считывали люминесценцию на считывателе планшетов Envision. Сигнал люминесценции был пропорционален количеству жизнеспособных клеток-мишеней. Процент ADCC рассчитывали как (1 - (сигнал люминесценции в присутствии Ab/сигнал люминесценции для клеток T+E отдельно)) х 100. EC₅₀ рассчитывали с применением

GraphPad Prism 7. Результаты показаны в таблицах 8a, 8b, 8c и 8d (N.D. означает не определено).

<u>Таблица 8а. Антитело к CCR8 опосредовало ADCC CCR8-экспрессирующих</u> клеток HUT78 (EC50 пM).

Процент нежизнеспособных клеток (EC ₅₀ пМ)					
Антитело	Донор 1	Донор 2	Донор 3		
Антитело 1 IgG1	<0,256	5,582	1,3		
Антитело 1.1 IgG1	<0,256	8,129	2,2		
Антитело 2.1 IgG1	<0,256	13,3	1		
Антитело 2.2 IgG1	<0,256	6,035	1,8		
Антитело 3.0 IgG1	<0,256	15,47	N.D.		
Антитело 4.0 IgG1	<0,256	217,9	N.D.		
Антитело 5.0 IgG1	<0,256	167	N.D.		
Антитело 6.0 IgG1	2	37,39	N.D.		

<u>Таблица 8b. Антитело к CCR8 опосредовало ADCC CCR8-экспрессирующих</u> клеток HUT78 (EC50 пM).

Процент нежизнеспособных клеток (E C_{50} пM)					
Антитело	Донор 4	Донор 5	Донор 6		
Антитело 5.1 IgG1	3,684	0,8653	4,891		
Антитело 5.2 IgG1	6,198	1,008	6,112		
Антитело 5.3 IgG1	3,342	0,6424	3,479		
Антитело 5.4 IgG1	3,429	0,8886	4,615		
Антитело 5.5 IgG1	4,891	0,837	3,771		
Антитело 6.1 IgG1	4,518	1,047	3,617		
Антитело 6.2 IgG1	4,119	2,04	5,136		

<u>Таблица 8с. Антитело к CCR8 опосредовало ADCC CCR8-экспрессирующих</u> клеток HUT78 (EC50 пM).

Процент нежизнеспособных клеток (ЕС ₅₀ пМ)				
Антитело	Донор 7			
SEQ ID NO: 1239 HC; SEQ ID NO: 1130 LC	0,52			
SEQ ID NO: 1240 HC; SEQ ID NO: 1132 LC	0,28			
SEQ ID NO: 1238 HC; SEQ ID NO: 1128 LC	0,48			
SEQ ID NO: 573 HC; SEQ ID NO: 16 LC	1,14			

<u>Таблица 8d. Антитело к CCR8 опосредовало ADCC CCR8-экспрессирующих клеток HUT78 (EC50 пМ).</u>

Процент нежизнеспособных клеток (ЕС ₅₀ пМ)				
Антитело	Донор 8	Донор 9		
huCCR8(32360LC:K38R)_huIgG1z (mAb)	3,0	2,7		
(SEQ ID NO: 1237 HC; SEQ ID NO: 1126 LC				

[00220] Эти данные демонстрируют, что антитела по настоящему изобретению проявляют цитолиз на основе ADCC посредством рецептора CCR8, экспрессирующегося на поверхности клеток HUT78.

Пример 7. Аффинность антител к CCR8

[00221] Надосадочные жидкости гибридом, содержащие антитело 1 IgG2, антитело 2 IgG2 или антитело 4 IgG2, оценивали с помощью анализа кинетического исключения (KinExA) в отношении их аффинности к нативному CCR8 яванского макака, временно экспрессирующемуся на клетках 293T, или к нативному CCR8 человека, экспрессирующемуся на клетках HUT78.

CCR8 яванского макака: клетки 293T

[00222] Проводили KinExA, в котором K_d определяли исходя из концентрации свободного антитела, которое остается в растворе после достижения равновесия между антителом и антигеном, экспрессирующимся на клеточной поверхности. KinExA обеспечивает более чувствительное определение аффинности связывания для нативной формы CCR8 по сравнению с растворимым CCR8. Способ анализа кинетического исключения проводили, как по существу описано в Rathanaswami et al. Anal. Biochem: 373(1): 52-60 (2008).

[00223] Вкратце, устанавливали совокупности условий равновесного состояния для каждого антитела с использованием либо клеток HUT78, экспрессирующих ССR8 человека, либо клеток 293Т, экспрессирующих ССR8 яванского макака. Клетки подсчитывали с помощью гемоцитометра. Клетки HUT78 титровали и инкубировали с двумя различными постоянными концентрациями антител, одной при 48 пМ, а другой при 2 нМ, в среде HUT (RPMI 1640, 10% FBS, 10 мМ НЕРЕS, 2 мМ L-глут., 1 мМ пир. натр., 0,1 мМ NEAA, 50 мкМ 2-МЕ) с 0,05% азида натрия. Для совокупности условий равновесного состояния с высоким значением [Аb] клетки HUT78 титровали от концентрации 62,5 миллиона на миллилитр в соотношении 1:2 по 10 точкам в пробирках Эппендорф и уравновешивали с применением 2 нМ антитела в общем объеме 400 мкл. Для совокупностиусловий равновесного состояния с низким значением [Ab] клетки HUT78 титровали от концентрации 3,89 миллиона на миллилитр в соотношении 1:2 по 10 точкам в пробирках Fulcon объемом 50 мл и уравновешивали с применением 48 пМ антитела в общем объеме 15,5 мл.

[00224] Клетки 293Т, экспрессирующие ССR8 яванского макака, титровали и инкубировали с двумя различными постоянными концентрациями антител, одной при 118 пМ, а другой при 5 нМ, в среде 293Т (среда Freestyle для экспрессии 293Т с 2% FBS и 50 мкг/мл G418) с 0,05% азида натрия. Для совокупности условий равновесного состояния с

высоким значением [Ab] клетки 293Т титровали от концентрации 25 миллиона на миллилитр в соотношении 1:3 по 10 точкам в пробирках Эппендорф и уравновешивали с применением 5 нМ антитела в общем объеме 200 мкл. Для совокупности условий равновесного состояния с низким значением [Ab] клетки 293Т титровали от концентрации 0,98 миллиона на миллилитр в соотношении 1:3 по 10 точкам в пробирках Fulcon объемом 15 мл и уравновешивали с применением 118 пМ антитела в общем объеме 10,2 мл.

[00225] Для каждой совокупности условий равновесного состояния контрольные точки включали образец только с клеточной средой и образец без клеток. С использованием совокупностей условий равновесного состояния проводили инкубацию в течение 24 часов при комнатной температуре со встряхиванием. Через 24 часа инкубации надосадочные жидкости отделяли от клеточных осадков посредством центрифугирования при 500 х g в течение пяти минут. Надосадочные жидкости, полученные с применением совокупностей условий равновесного состояния как с высоким значением [Ab], так и с низким значением [Ab], затем анализировали с помощью аппарата KinExA 3200.

[00226] Каждую совокупность равновесных образцов анализировали в двух повторностях с помощью аппарата КіпЕхА. Для равновесных образцов с низким значением [Ab] анализировали по 6,8 мл и 4,6 мл каждого образца в двух повторностях соответственно для экспериментов по состоянию равновесия с ССR8 человека и яванского макака. Для равновесных образцов с высоким значением [Ab] анализировали по 16 мкл и 75 мкл каждого образца в двух повторностях соответственно для экспериментов по состоянию равновесия с ССR8 человека и яванского макака.

[00227] Гранулы РММА (частицы полиметилметакрилата) покрывали козьим Аb к Fc человека или козьим Ab к hIgG (H+L) и последовательно блокировали с применением блокирующего раствора (1X PBS, pH 7,4+10 мг/мл BSA+0,05% азида натрия). Для каждого равновесного образца свободное [Ab] обнаруживали посредством пропускания равновесных образцов через покрытые гранулы с последующей быстрой промывкой подвижным буфером (1X PBS, pH 7,4+1% BSA+0,05% азида натрия). Вторичное детекторное антитело (козье антитело к huIgG (H+L) с Alexa 647) пропускали через проточную ячейку при 680 нг/мл и 500 мкл за цикл. Сигнал выходного напряжения КіпЕхА применяли в программном обеспечении КіпЕхА для расчета K_d. Из графиков с двумя различными исходными общими концентрациями [Ab] получали K_d путем аппроксимации кривой с применением анализа N-кривой в программном обеспечении КіпЕхА Рго версии 4.3.11 (Sapidyne Instruments Inc.). 95% доверительный интервал задавали в виде низкого значения K_d и высокого значения K_d. Результаты представлены в таблице 9.

<u>Таблица 9. Определение К_d надосадочных жидкостей гибридом, содержащих антитела к CCR8, для экспрессируемого на клеточной мембране CCR8 яванского макака.</u>

Антитело	Kd	95% доверительный интервал		
	Антитело Ки	Низкая Kd	Высокая Kd	

Антитело 1 IgG2	229 пМ	73,2 пМ	552,9 пМ
Антитело 2 IgG2	>50 нМ	<1,85 нМ	>500 нМ
Антитело 4 IgG2	>50 нМ	<2 пМ	>179 нМ

<u>Нативный CCR8 человека, экспрессирующийся на клетках HUT78</u>

[00228] Клетки в среде последовательно разбавляли и инкубировали с концентрацией активного сайта связывания антитела 48 пМ или 2 нМ в среде в присутствии 0,05% NaN3 и обеспечивали уравновешивание. Свободное mAb, оставшееся в надосадочной жидкости, измеряли, как описано выше. Процент свободного антитела наносили на график в зависимости от концентрации клеток. Анализ N-кривой проводили с помощью равновесного способа с использованием целых клеток для определения оптимальных значений K_d и уровня экспрессии антигена. 95% доверительные интервалы определили с помощью программного обеспечения путем многократного изменения оптимизированного значения для Kd или уровня экспрессии антигена при сохранении других параметров на их оптимальных значениях.

[00229] Аффинность тестируемых антител к эндогенному CCR8 человека, экспрессируемому на клетках HUT78, показана в таблице 10.

<u>Таблица 10. Аффинность надосадочной жидкости гибридомы, содержащей</u> антитела, к эндогенному ССR8 человека, экспрессирующемуся на клетках HUT78.

Антитело	Kd	95% доверительный интервал		
		Низкая Kd	Высокая Kd	
Антитело 1 IgG2	216 пМ	112,5 пМ	420,1 пМ	
Антитело 2 IgG2	>5 нМ	816 пМ	>50 нМ	
Антитело 4 IgG2	378 пМ	275,5 пМ	540,6 пМ	

[00230] Антитела IgG2 дополнительно конструировали для повышения аффинности к CCR8 человека и/или яванского макака.

Пример 8. Т4R-вариант ССR8 яванского макака: клетки СНО

[00231] Клетки СНО, экспрессирующие ССR8 яванского макака (содержит треонин в четвертом положении; SEQ ID NO: 22) или ССR8 яванского макака (Т4R; содержит аргинин в четвертом положении; SEQ ID NO: 556), инкубировали с уменьшающимися концентрациями антител к ССR8 (0,005-100 нМ, шаг 1:3, 10 шагов) в течение 30 минут при 4°С. Связанные молекулы антител к ССR8 обнаруживали с помощью конъюгированного с Alexa Fluor 647 козьего антитела к человеческому IgG (H+L). Затем клетки окрашивали красителем для определения жизнеспособности Zombie Violet, фиксировали с применением 4% PFA на льду и обнаруживали с помощью флуоресцентной цитометрии. Значения равновесной константы диссоциации (К_d) рассчитывали с помощью нелинейной регрессии с применением инструмента оценки специфического связывания одного сайта в программе GraphPad Prism. Значения аффинности антител к ССR8 показаны в таблице 11. "N.D." означает не обнаружено.

<u>Таблица 11. Аффинность антител к CCR8 к T4R-варианту CCR8 яванского макака,</u> экспрессирующемуся на клеточной мембране.

Антитело	Клеточная аффинность к	Клеточная аффинность к
	CCR8 яванского макака, Kd	CCR8 (T4R) яванского макака,
	[HM]	Kd [HM]
HuIgG1	N.D.	N.D.
отрицательного		
контроля		
Антитело 1 IgG1	0,635	N.D.
Антитело 1.1 IgG1	0,172	N.D.
Антитело 2.2 IgG1	0,399	0,989

[00232] Эти данные показывают, что связывание антител на основе антитела 1 с ССR8 яванского макака уменьшалось при наличии мутации Т4R, в то время как антитело 2 не подвергалось воздействию, что согласуется с их соответствующими эпитопспецифической сортировкой и кластеризацией, определенными выше. Эти данные демонстрируют, что антитела, которые связываются с уникальным эпитопом, как описано в данном документе, связываются с ССR8 по треонину в четвертом положении.

Пример 9. Афукозилированные антитела IgG1

[00233] Получали афукозилированные антитела IgG1 к ССR8. Примерами аминокислотных последовательностей афукозилированных антител являются SEQ ID NO: 346-555, SEQ ID NO: 1125-1160 и SEQ ID NO: 1238-1254. SEQ ID NO: 573-592 и SEQ ID NO: 1237-1254 соответствуют HC антитела без С-концевого лизина. Антитела обозначали в соответствии с исходной молекулой. Например, все из антитела 5.1, антитела 5.2, антитела 5.3, антитела 5.4, антитела 5.5, антитела 5.6, антитела 5.7, антитела 5.8 и антитела 5.9 относятся к антителам, сконструированным на основе антитела 5. "Антитело 1 IgG2" и "антитело 2 IgG2" относятся к антителу IgG2, тогда как "антитело 1 IgG1" и "антитело 2 IgG1" относятся к афукозилированному антителу IgG1. Кроме того, например, дополнительно сконструировали молекулы антитела 2 IgG1 из антител на основе антитела 2 IgG2, как описано в таблице последовательностей (таблица 16), с получением афукозилированных антител антитела 2.1 и антитела 2.2 IgG1. Антитело 2.2 IgG1, например, содержит аминокислотные последовательности HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCVR, LCVR, HC и LC, изложенные под SEQ ID NO: 376-385.

[00234] Сконструированные молекулы могут демонстрировать требуемые свойства, такие как без ограничения повышенная аффинность в отношении человека и/или яванского макака. Участки конструирования описаны в таблице последовательностей (таблица 19).

[00235] Описанные в данном документе примеры демонстрируют активность афукозилированных антител к ССR8, например ADCC-активность (пример 16), исследования in vivo, демонстрирующие противоопухолевую активность (пример 11) и повышенную выживаемость (пример 12).

Пример 10. Комбинированная терапия, обеспечивающая истощение количества Treg

[00236] Определяли эффективность введения биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, антитела-антагониста PD-1, антитела-агониста 4-1BB и антитела, обеспечивающего истощение количества Treg. Мышам, генетически сконструированным для экспрессии гуманизированной молекулы CD3є на поверхности их Т-клеток, подкожно имплантировали линию сингенных опухолевых клеток KPC-M5 с помощью инокулята, состоящего из 10⁵ раковых клеток KPC-M5 в 50 мкл PBS, смешанного с 50 мкл Matrigel. Когда опухоли достигали объема 50-100 мм³, мышам вводили одно или несколько из биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки (биспецифическая молекула, которая связывается с CD3 и целевым антигеном), антитела-антагониста PD-1, антитела-агониста 4-1BB и антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, и измеряли объем опухоли с течением времени. В зависимости от вводимой биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, биспецифическую молекулу, привлекающую Т-клетки, вводили в дозах в диапазоне от 15 до 5000 мкг/кг.

[00237] Мышам, несущим опухоль, один раз в неделю вводили внутривенно молекулу BiTE® к CLDN18.2 мыши в дозе 150 мкг/кг. Мышам совместно внутривенно инъецировали каждые три дня антитело-антагонист к мышиному PD-1 mIgG1 в дозе 100 мкг на мышь, антитело-агонист к костимулирующему рецептору 4-1BB (rIgG1 к мышиному 41BB (клон LOB12.3, BioXcell)) в дозе 150 мкг на мышь и/или антитело, обеспечивающее истощение Treg, (mIgG1) в дозе 300 мкг на мышь. Объем опухоли измеряли в дни 7, 10, 14, 17 и 20 после имплантации.

[00238] Данные на фигуре 1 демонстрируют, что, хотя минимальная активность наблюдалась с применением комбинации антитела к CTLA4 с агонистом 4-1BB+антитело к PD-1 или молекулы CLDN18.2 BiTE® в отдельности, четвертная комбинация молекула BiTE® **CLDN18.2** агонист 4-1BB+антитело PD-1+антитело CTLA4 продемонстрировала высокую эффективность, аналогичную той, которая наблюдается при истощении количества CD4⁺ Т-клеток. Примечательно, что этот противоопухолевый эффект был ассоциирован с выраженным повышением внутриопухолевого соотношения CD8⁺ Т-клетка: Treg. В совокупности эти данные демонстрируют селективную активность и зависимость биспецифических молекул, привлекающих Т-клетки, от CD8⁺ Т-клеток и предполагают контекстно-зависимые ингибирующие роли CD4⁺ Т-клеток в отношении противоопухолевой эффективности, опосредованной биспецифическими молекулами, предполагают Т-клетки. Результаты также привлекающими доминирующую роль Тгед в подавлении активности комбинированной иммунотерапии на основе биспецифического активатора, привлекающего Т-клетки+антитело к

1BB+антитело к PD-1.

Пример 11. Антитело, обеспечивающее истощение количества CCR8, является эффективным в модели опухоли MC38 in vivo

[00239] Определяли противоопухолевую активность афукозилированного антитела mIgG2a к ССR8 в модели сингенной опухоли МС38. Опухолевые клетки МС38 имплантировали подкожно в правый бок самкам животных hCD3eKI в день исследования 0. В день 10 опухоли распределили по различным группам обработки (n=10/группа) со средним объемом опухоли, составляющим 99,93 мм³. Животным внутрибрющинно вводили дозу 10 мг/кг контрольного изотипического mIgG2a или афукозилированного антитела mIgG2a к CCR8 в дни исследования 11, 14, 17 и 20 (Q3D x 4). mIgG2a К CCR8 Афукозилированное антитело содержит аминокислотные последовательности LCDR1, LCDR2, LCDR3, HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCVR, HCVR, LC и HC под SEQ ID NO: 637-646 соответственно.

[00240] Объем опухоли измеряли два раза в неделю. Статистический анализ для оценки влияния обработки антителом к ССR8 относительно изотипического контроля на размер опухоли с течением времени проводили с применением линейной модели со смешанными эффектами (LME) с апостериорным критерием Даннетта. **** указывает p<0,0001.

[00241] Рост отдельных опухолей для групп обработки изображен в виде лепестковых диаграмм на фигурах 2С и 2В. На фигуре 2А показан средний объем опухоли +/- стандартная ошибка среднего для каждой группы до последнего момента времени (день 24). У мышей, обработанных афукозилированным антителом mIgG2a к CCR8, к дню 24 наблюдался статистически сниженный объем опухоли по сравнению с животными, обработанными изотипическим контролем. Было одно животное с полным ответом, как показано на фигуре 2В. Это животное с полным ответом оценивали до дня 48, в этот момент не было никакой измеримой опухоли. Животных без измеримых опухолей, определенных как животные с полным ответом (CR), оценивали до дня 48. Эти данные демонстрируют, что у животных с опухолями МС38 наблюдалось значительное уменьшение объема опухоли при обработке афукозилированным антителом mIgG2a к ССR8 (66,44% TGI, ****p<0,0001) по сравнению с изотипическим контролем.

Пример 12. Обработка с помощью антител, обеспечивающих истощение количества CCR8, повышает выживаемость in vivo

[00242] Опухолевые клетки МС38 имплантировали подкожно в правый бок самкам животных hCD3eKI в день исследования 0. В день 10 опухоли распределили по различным группам обработки (n=10/группа) со средним объемом опухоли, составляющим 99,93 мм³. Животным внутрибрюшинно вводили дозу 10 мг/кг mIgG2a изотипического контроля или афукозилированного антитела mIgG2a к CCR8 в дни исследования 11, 14, 17 и 20 (Q3D х 4). Всех животных оценивали до тех пор, пока объем их опухолей не достигал 800 мм³, или в соответствии со стандартами содержания животных IACUC. Статистический анализ проводили с применением логарифмического

рангового критерия (Мантела-Кокса), сравнивая афукозилированное антитело mIgG2a к CCR8 (гр. 2 обработки) с mIgG2a изотипического контроля (контрольная гр. 1). **** указывает p<0,0001.

[00243] Данные о выживаемости показаны на фигуре 3. Медианное значение выживаемости животных, обработанных mIgG2a изотипического контроля, составляла 24 дня, тогда как медианное значение выживаемости животных, обработанных афукозилированным антителом mIgG2a к CCR8, составляла 27 дней (****p<0,0001). Эти данные демонстрируют, что животные, несущие опухоли MC38, имеют повышенную выживаемость при обработке афукозилированным антителом mIgG2a к CCR8 по сравнению с животными, обработанными антителом изотипического контроля.

Пример 13. Истощение количества Treg с помощью антитела mIgG2a к CCR8 приводит к увеличению соотношения CD8+/Treg в опухолях

[00244] Животных, несущих опухоли МС38, обрабатывали с применением 10 однократной дозы мг/кг контрольного изотипического mIgG2a или афукозилированного антитела mIgG2a к CCR8 внутрибрюшинно в одиннадцатый день исследования. Оценку фармакодинамики (РD) проводили через 48 часов после обработки (день 13). Показатели массы опухолей получали во время сбора образцов для разных групп и использовали для нормализации при определении значений абсолютного количества клеток в опухолях. Суспензии отдельных клеток опухоли, дренирующего лимфатического узла (DLN) и селезенки готовили для анализа относительного содержания и фенотипа Т-клеток с помощью проточной цитометрии.

[00245] Совокупность Т-клеток гейтировали с применением окрашивания с $TCR\beta+Thy1.2+$ в пределах фракции живые/CD45+. Процентное содержание и абсолютные количества клеток Treg, изображенные на фигуре 4A, оценивали в компартменте CD4+ Т-клеток с применением гейтирования как по Foxp3+, так и по CD25+Foxp3+. CD8+ Т-клетки гейтировали в отношении совокупности Т-клеток и рассчитывали соотношения CD8/Treg в опухоли, как показано на фигуре 4B. Каждая точка представляет данные, полученные от отдельной мыши. Статистический анализ проводили с применением непарного Т-критерия (двустороннего) для сравнения группы обработки с контрольной группой (* p < 0,05, ** p < 0,01).

[00246] Эти данные демонстрируют снижение процентного содержания Treg после однократной дозы афукозилированного антитела к CCR8, что оценивалось с применением схем гейтирования как по Foxp3+, так и по CD25+Foxp3+ (фигуры 4A и 4B). Важно отметить, что обработка обеспечивающими истощение антителами к CCR8 приводила к значительному увеличению соотношений CD8+/Treg в опухолях (фигуры 4C и 4D), тем самым обеспечивая усиление противоопухолевого иммунитета.

Пример 14. CCR8-связывающие scFv, подвергнутые скринингу с применением фагового дисплея

[00247] Предпочтительный тип варианта CCR8-связывающих молекул с заменами аминокислот, описанных в данном документе, предусматривает замену одного или

нескольких остатков CDR родительского антитела (например, гуманизированного или человеческого антитела). Как правило, полученный вариант(варианты), отобранный для дальнейшей разработки, будет иметь улучшенные биологические свойства по сравнению с родительским антителом, из которого они получены. Один из способов создания таких вариантов с заменами включает созревание аффинности с применением фагового дисплея. Вкратце, несколько сайтов CDR (например, 6-7 сайтов) подвергали мутации с получением всех возможных аминокислотных замен в каждом сайте. Полученные таким образом варианты антител подвергали дисплею в моновалентном виде на частицах нитевидного фага в качестве слияний, например, с продуктом гена III М13, упакованных в каждой частице. Затем фаг-дисплейные варианты подвергали скринингу в отношении их биологической активности (например, аффинности связывания), как раскрыто в данном документе. Чтобы идентифицировать сайты CDR, являющиеся кандидатами для проведения модификаций, проводили аланин-сканирующий мутагенез для идентификации остатков CDR, которые вносят существенный вклад в связывание антигена.

[00248] После получения таких вариантов панель вариантов подвергали описанному в данном документе скринингу и для дальнейшей разработки отбирали антитела с лучшими свойствами в одном или нескольких релевантных анализах. Фаговый дисплей описан, например, в Ladner et al., патенте США № 5223409; Smith (1985) Science 228:1315-1317, Clackson et al., Nature, 352: 624-628 (1991) и Marks et al., J. Mol. Biol., 222: 581-597 (1991).

[00249] Получали scFv к CCR8, которые связываются с эпитопом из 1-12 аминокислот (аминокислотная последовательность, представленная под SEQ ID NO: 82), и подвергали скринингу в отношении связывания эпитопа с помощью фагового дисплея, по существу как описано выше. Аминокислотные последовательности тяжелой и легкой цепей scFv, которые связываются с CCR8 в эпитопном кластере из 1-12 аминокислот, показаны в таблице 12.

Молекула scFv	Аминокислотная последовательность HCVR, SEQ ID NO	Аминокислотная последовательность LCVR, SEQ ID NO
MPK20298-A4_SCFV huCCR8	953	954
MPK20299-D2_SCFV huCCR8	955	956
MPK20299-F11_SCFV huCCR8	957	958
MPK20298-H6_SCFV huCCR8	959	960
MPK20297-A4_SCFV huCCR8	961	962
MPK20299-H8_SCFV huCCR8,	963	964
MPK20300-C11_SCFV huCCR8	965	966

MPK20298-B1_SCFV huCCR8	967	968
MPK20297-E5_SCFV huCCR8	969	970
MPK20299-A3_SCFV huCCR8	971	972
MPK20297-B4_SCFV huCCR8	973	974
MPK20298-F6_SCFV huCCR8	975	976
MPK20299-H3_SCFV huCCR8	977	978
MPK20298-B9_SCFV huCCR8	979	980
MPK20299-E2_SCFV huCCR8	981	982
MPK20299-D6_SCFV huCCR8	983	984
MPK20299-A4_SCFV huCCR8	985	986
MPK20300-G5_SCFV huCCR8	987	988
MPK20299-C3_SCFV huCCR8	989	990
MPK20299-B7_SCFV huCCR8	991	992
MPK20299-A5_SCFV huCCR8	993	994
MPK20299-D1_SCFV huCCR8	995	996
MPK20299-C5_SCFV huCCR8	997	998
MPK20299-B5_SCFV huCCR8	999	1000
MPK20299-G9_SCFV huCCR8	1001	1002
MPK20299-G5_SCFV huCCR8	1003	1004
MPK20298-C10_SCFV huCCR8	1005	1006
MPK20298-B5_SCFV huCCR8	1007	1008
MPK20299-F2_SCFV huCCR8	1009	1010
MPK20298-D4_SCFV huCCR8	1011	1012
MPK20297-F5_SCFV huCCR8	1013	1014
MPK20299-D9_SCFV huCCR8	1015	1016

[00250] Дополнительно сконструировали scFv к CCR8 MPK20299-A4 и преобразовали в афукозилированные антитела к CCR8 с получением дополнительных антител к CCR8, которые связывают 1-12.

Пример 15. Аффинность ССR8-связывающих антител в отношении комплексов пептид ССR8-нанотело

[00251] Показатели аффинности связывания (равновесную константу диссоциации K_D) и константы скорости (константу скорости ассоциации k_a , константу скорости диссоциации k_d) антитела 1 Fab и CCR8-связывающих моноклональных антител (mAb) по настоящему изобретению со слитым белком эпитоп CCR8 1-12 (SEQ ID NO: 82)-нанотело (Nb) измеряли с применением системы для биослойной интерферометрии OCTET® (Sartorius AG, Геттинген, Германия). Слитые белки CCR8-нанотело экспрессировали в

клетках человека. Для оценки связывания Fab биотинилированные слияния пептид ССR8-Nb захватывали на биосенсорах со стрептавидином SAX до уровней загрузки от 2 до 4 нм и затем инкубировали с серией разведений растворимого Fab (верхнее значение 100 нМ, 6-точечное, серийное разведение 1:3) в течение 300 секунд, а затем 500 секунд в буфере для диссоциации. Для оценки связывания mAb их захватывали на биосенсоре захвата Fc к huIgG до уровней загрузки от 1 до 2 нм и затем инкубировали с серией разведений небиотинилированных слияний пептид ССR8-Nb (верхнее значение 100 нМ, 6-точечное, серийное разведение 1:3) в течение 300 секунд, а затем 500 секунд в буфере для диссоциации.

[00252] Система ОСТЕТ® собирает данные с течением времени (секунды) с применением механизма, называемого биослойной интерферометрией; поскольку белки связываются с наконечниками биосенсоров, прибор измеряет чувствительный сигнал связывания в нм. Все волоконно-оптические наконечники применяли один раз, а затем отбрасывали, т. е. восстановление не осуществляли. Исходные условия для буфера ОСТЕТ®, стадии диссоциации и разведения белков выполнили с помощью буфера ОСТЕТ® (10 мМ TRIS pH 7,5, 150 мМ NaCl, 1 мМ CaCl₂, 0,13% (об./об.) Triton X-100 и 0,10 мг/мл BSA).

[00253] Необработанные данные обрабатывали с помощью пакета SPR GeneData Screener v.18, в котором применяется та же обработка данных, что и в программном обеспечении для анализа данных прибора OCTET® (вычитание среднего значения двух эталонных лунок на колонку; выравнивание оси Y по исходному уровню; выравнивание межшаговой коррекции по диссоциации и фильтрация методом Савицкого-Голея). Каждое взаимодействие Fab или mAb группировали в свою отдельную сенсорограмму и глобально аппроксимировали согласно модели связывания 1:1 для определения константы скорости ассоциации (k_a ; единицы измерения - M^{-1} сек. M^{-1}) и константы скорости диссоциации (k_d ; единицы измерения - сек. M^{-1}). Равновесную константу диссоциации (M^{-1}) единицы измерения - наномоль (M^{-1}) затем рассчитывали в виде отношения M^{-1}

[00254] Результаты показаны в таблицах 13а и 13b. Ошибки при аппроксимации модели 1:1 относительно обработанных данных были представлены как стандартные ошибки (т. е. ошибка k_a представляла собой стандартную ошибку измерения константы скорости ассоциации, тогда как ошибка k_d представляла собой стандартную ошибку измерения константы скорости диссоциации). Стандартная ошибка равновесной константы диссоциации (ΔK_D) рассчитывается на основе статистического распространения ошибки, определенной для отношения двух измеряемых переменных и их стандартных ошибок (k_a , Δk_a , k_d , Δk_d).

<u>Таблица 13а. Показатели аффинности связывания и константы скорости для ССR8-</u> связывающих антител и комплексов эпитоп ССR8-нанотело (1-12).

Fab и mAb к CCR8	huCCR8(1-12)-Nb					Изотип Nb
	k _a (Ош	$\mathbf{k_d}$	Ош	K	O

	M ⁻ 1c ⁻¹)	ибк а ка	(c ⁻¹)	ибк a kd	D (н М	ши бка KD	
Fab (HCVR, SEQ ID NO: 13; LCVR, SEQ ID NO: 14)	5,84 E+0 5	6,19 E+0 3	1,32 E-02	9,20 E-05	,6	0,2	связывание отсутствует
huCCR8_44379(VH:D61A_D72A, VL:N67Q_M99E_W109F_S111A)_ huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1239; LC, SEQ ID NO: 1130)	1,42 E+0 5	1,05 E+0 3	1,34 E-03	1,15 E-05	9,	0,1	связывание отсутствует
huCCR8_44379(VH:D61S, VL:N67Q_M99G_W109F_S111A)_ huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1240; LC, SEQ ID NO: 1132)	1,32 E+0 5	1,40 E+0 3	1,07 E-03	1,60 E-05	8,	0,2	связывание отсутствует
huCCR8_44379(VH:D72S, VL: N67A_S68A_ M99G_W109F_S111A)_huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1238; LC, SEQ ID NO: 1128)	1,22 E+0 5	1,11 E+0 3	1,10 E-03	1,33 E-05	9,	0,1	связывание отсутствует
huCCR8(32360LC:K38R)_huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1237; LC, SEQ ID NO: 1126	3,97 E+0 5	1,42 E+0 4	2,40 E-02	5,59 E-04	60 ,6	2,1	связывание отсутствует

<u>Таблица 13b.</u> Показатели аффинности связывания и константы скорости для ССR8связывающих антител и комплексов эпитоп ССR8-нанотело (1-25).

]	huCCR	8(1-25)	[C25S]	-Nb		Изотип Nb
Fab и mAb к CCR8	k _a (M ⁻ 1c ⁻¹)	Ош ибк a ka	k _d (c ⁻¹)	Ош ибк a kd	К D (н М	О ши бка KD	

Fab (HCVR, SEQ ID NO: 13; LCVR, SEQ ID NO: 14)	6,06 E+0 5	5,75 E+0 3	1,06 E-02	6,36 E-05	17 ,4	0,2	связывание отсутствует
huCCR8_44379(VH:D61A_D72A, VL:N67Q_M99E_W109F_S111A)_ huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1239; LC, SEQ ID NO: 1130)	1,46 E+0 5	1,32 E+0 3	1,14 E-03	1,39 E-05	7,	0,1	связывание отсутствует
huCCR8_44379(VH:D61S, VL:N67Q_M99G_W109F_S111A)_ huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1240; LC, SEQ ID NO: 1132)	1,10 E+0 5	1,18 E+0 3	7,98 E-04	1,53 E-05	7,	0,2	связывание отсутствует
huCCR8_44379(VH:D72S, VL: N67A_S68A_ M99G_W109F_S111A)_huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1238; LC, SEQ ID NO: 1128)	9,93 E+0 4	9,76 E+0 2	9,75 E-04	1,37 E-05	9,	0,2	связывание отсутствует
huCCR8(32360LC:K38R)_huIgG1z (mAb) (HC, SEQ ID NO: 1237; LC, SEQ ID NO: 1126	Двухфазное связывание				связывание отсутствует		

[00255] Эти данные демонстрируют, что ССR8-связывающие антитела по настоящему изобретению связываются с N-концевыми пептидами ССR8 человека, содержащими аминокислоты 1-12 (SEQ ID NO: 82) и аминокислоты 1-25 (остатки 1-25 из SEQ ID NO: 31), экспрессирующимися в клетках человека, с высокой аффинностью.

Пример 16. ADCC в присутствии или при отсутствии лиганда

[00256] Для определения ADCC с помощью антител к CCR8, которые либо блокируют связывание лиганда, либо не блокируют связывание лиганда, применяли проточную цитометрию для измерения живых и мертвых клеток в присутствии различных концентраций лиганда и антитела к CCR8. В эксперименте ("исследование А") 100 пМ афукозилированного антитела к CCR8 по настоящему изобретению, которое связывается с уникальным эпитопом и не блокирует связывание лиганда (антитело, содержащее аминокислотные последовательности HCDR1, HCDR2, HCDR3, LCDR1, LCDR2 и LCDR3 под SEQ ID NO:1-6 соответственно; "неблокирующее mAb"), или три антитела к CCR8,

которые блокируют связывание лиганда ("блокирующее mAb"), инкубировали с клетками HUT78, которые экспрессируют CCR8, линией NK-клеток NK92MI, экспрессирующей CD16 (эффекторные клетки), и увеличивающимися концентрациями CCL1 (лиганд) от 0,128 пМ до 50 нМ. В другом эксперименте ("исследование В") следовали аналогичным процедурам, как описано выше, за исключением того, что сначала к клеткам HUT78 добавляли увеличивающиеся концентрации CCL1 на тридцать минут, а затем добавляли 100 пМ антитела и эффекторные клетки. Значения IC_{50} и нижние значения % уничтожения приведены в таблице 14.

Следуя по существу описанным процедурам, получили следующие данные.

<u>Таблица 14. ADCC-активность блокирующих и неблокирующих антител к CCR8 в</u> присутствии CCL1.

	Исследование А	Исследование А	Исследование В	Исследование В
Антитело	IC ₅₀ (CCL1) HM	Нижнее значение % уничтожения	IC ₅₀ (CCL1) HM	Нижнее значение % уничтожения
Неблокирующее mAb	0,34	19,6	1,0	12,9
Блокирующее mAb 1	3,0	-2,6	2,3	-8,7
Блокирующее mAb 2	1,0	4,3	1,1	7,0
Блокирующее mAb 3	2,4	3,6	2,8	2,8
huIgG1, контроль	N/A	-1,5	N/A	1,3

[00257] Эти данные демонстрируют, что как в исследовании А, так и в исследовании В в присутствии лиганда антитело к ССR8 по настоящему изобретению, которое связывается с уникальным эпитопом и не блокирует связывание лиганда, характеризовалось высокой активностью и также демонстрировало самое высокое нижнее значение % уничтожения, что обеспечивает измерение способности к АDCC при высоких концентрациях ССL1.

Пример 17. Комбинация антитела к ССR8 и молекулы BiTE® in vivo

Мышиное суррогатное истощающее антитело к CCR8 оценивали в комбинации с суррогатной молекулой TAA-BiTE в отношении его способности усиливать

противоопухолевую активность в модели опухоли B16F10. Для этого исследования эффективности комбинации выбрали модель опухоли B16F10, поскольку эта модель невосприимчива к ингибиторам контрольных точек (антитело к PD1 и антитело к CTLA4) и, следовательно, может использоваться для оценки значимых различий при комбинированной терапии на основе молекулы BiTE и mAb к CCR8 в этом примере.

Опухолевые клетки B16F10 сконструировали с обеспечением экспрессии молекулы BiTE опухолеассоциированного антигена (TAA) и имплантировали иммунокомпетентной гуманизированной линии CD3e KI, что позволяет оценивать молекулы TAA-BiTE с помощью scFv к CD3 I2C, распознающего CD3e человека. Животных, несущих опухоль B16F10-TAA, обрабатывали либо истощающим антителом mIgG2a к CCR8, молекулой TAA-BiTE в качестве отдельных средств, либо комбинацией истощающего антитела mIgG2a к CCR8 и молекулы TAA-BiTE.

Опухолевые клетки, экспрессирующие B16F10-TAA, имплантировали подкожно в иммунокомпетентной мышиной модели, экспрессирующей цепь гуманизированного CD3e (huCD3e KI) в день 0. Опухоли распределили в день 12 в различные группы обработки (n=10/группа) со средним объемом опухоли, составляющим 108,37 мм3. Животным ретроорбитально вводили дозу 50 мкг/кг или контрольной молекулы BiTE, или TAA-BiTE в дни исследования 13 и 20 (QWk x 2). Животные также получали 10 мг/кг или контрольного изотипического mIgG2a, или афукозилированного антитела mIgG2a к CCR8, дозу которых вводили внутрибрюшинно в дни исследования 13, 16 и 19 (Q3D x 3).

Объем опухоли измеряли два раза в неделю. Рост отдельных опухолей для групп обработки изображен в виде лепестковых диаграмм на фигуре 5. Животных без измеримых опухолей, определенных как животные с полным ответом (CR), оценивали до дня 48.

Как показано на фигуре 5, монотерапия на основе mIgG2a к CCR8 (гр. 3; фигура 5C) не была эффективной в этой модели холодной опухоли, невосприимчивой к антителу к CTLA4. Монотерапия с применением TAA-BiTE (гр. 2; фиг. 5B) привела к задержке роста опухоли и появлению 1 животного без опухоли/с полным ответом (CR) по окончании исследования. Интересно, что комбинация mIgG2a к CCR8 и TAA-BiTE (гр. 4; фиг. 5D) привела к 7 CR, демонстрируя значительную пользу комбинации истощающих mAb к CCR8 с молекулами BiTE для усиления противоопухолевого иммунитета.

ПОСЛЕДОВАТЕЛЬНОСТИ

Антитело 1 IgG2, HCDR1 (SEQ ID NO: 1)

NARMG

Антитело 1 IgG2, HCDR2 (SEQ ID NO: 2)

RIKSKTEGGTRDYAAPVKG

Антитело 1 IgG2, HCDR3 (SEQ ID NO: 3)

YSGV

Антитело 1 IgG2, LCDR1 (SEQ ID NO: 4)

KSSQSVLYSSNNKNYLA

Антитело 1 IgG2, LCDR2 (SEQ ID NO: 5)

WASTRES

Антитело 1 IgG2, LCDR3 (SEQ ID NO: 6)

QQYYSIPIT

Антитело 2 IgG2, HCDR1 (SEQ ID NO: 7)

NYGMH

Антитело 2 IgG2, HCDR2 (SEQ ID NO: 8)

VISYDGSNKFYADSVKG

Антитело 2 IgG2, HCDR3 (SEQ ID NO: 9)

AGGIGRFDY

Антитело 2 IgG2, LCDR1 (SEQ ID NO: 10)

KYSQSLLHSDGKTYLF

Антитело 2 IgG2, LCDR2 (SEQ ID NO: 11)

EVSNRFS

Антитело 2 IgG2, LCDR3 (SEQ ID NO: 12)

MQTLKLPLT

Антитело 1 IgG2, HCVR (SEQ ID NO: 13)

EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSNARMGWVRQAPGKGLEWVGRIKS KTEGGTRDYAAPVKGRFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYYCTSYSGVWGQGTM VTVSS

Антитело 1 IgG2, LCVR (SEQ ID NO: 14)

DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSVLYSSNNKNYLAWYHQKPGQSPKLLIS WASTRESGVPDRFSGSGSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYCQQYYSIPITFGGGTKVEIKR

Антитело 1 IgG2, HC (SEQ ID NO: 15)

EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSNARMGWVRQAPGKGLEWVGRIKS
KTEGGTRDYAAPVKGRFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYYCTSYSGVWGQGTM
VTVSSASTKGPSVFPLAPCSRSTSESTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPA
VLQSSGLYSLSSVVTVPSSNFGTQTYTCNVDHKPSNTKVDKTVERKCCVECPPCPAPPV
AGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
QFNSTFRVVSVLTVVHQDWLNGKEYKCKVSNKGLPAPIEKTISKTKGQPREPQVYTLPP
SREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPMLDSDGSFFLYSKLTV
DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK

Антитело 1 IgG2, LC (SEQ ID NO: 16)

DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSVLYSSNNKNYLAWYHQKPGQSPKLLIS WASTRESGVPDRFSGSGSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYCQQYYSIPITFGGGTKVEIKRT VAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDS KDSTYSLSSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC

Антитело 2 IgG2, HCVR (SEQ ID NO: 17)

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGLEWVAVISY DGSNKFYADSVKGRFTISRDNSKKTLYLQMSSLRVEDTAVYYCARAGGIGRFDYWGQG **TLVTVSS**

Антитело 2 IgG2, LCVR (SEQ ID NO: 18)

 $DFVMTQTPLSLSVTPGQPASISCKYSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQPPHLLIYE\\ VSNRFSGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDVGLYYCMQTLKLPLTFGGGTKVEIN$

Антитело 2 IgG2, HC (SEQ ID NO: 19)

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGLEWVAVISY DGSNKFYADSVKGRFTISRDNSKKTLYLQMSSLRVEDTAVYYCARAGGIGRFDYWGQG TLVTVSSASTKGPSVFPLAPCSRSTSESTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTF PAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSNFGTQTYTCNVDHKPSNTKVDKTVERKCCVECPPCPAPP VAGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVQFNWYVDGVEVHNAKTKPR EEQFNSTFRVVSVLTVVHQDWLNGKEYKCKVSNKGLPAPIEKTISKTKGQPREPQVYTL PPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPMLDSDGSFFLYSKL TVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK

Антитело 2 IgG2, LC (SEQ ID NO: 20)

DFVMTQTPLSLSVTPGQPASISCKYSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQPPHLLIYE VSNRFSGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDVGLYYCMQTLKLPLTFGGGTKVEINRTV AAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSK DSTYSLSSTLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC

hCCR8 (SEQ ID NO: 21)

MDYTLDLSVTTVTDYYYPDIFSSPCDAELIQTNGKLLLAVFYCLLFVFSLLGNSL VILVLVVCKKLRSITDVYLLNLALSDLLFVFSFPFQTYYLLDQWVFGTVMCKVVSGFYY IGFYSSMFFITLMSVDRYLAVVHAVYALKVRTIRMGTTLCLAVWLTAIMATIPLLVFYQ VASEDGVLQCYSFYNQQTLKWKIFTNFKMNILGLLIPFTIFMFCYIKILHQLKRCQNHNK TKAIRLVLIVVIASLLFWVPFNVVLFLTSLHSMHILDGCSISQQLTYATHVTEIISFTHCCV NPVIYAFVGEKFKKHLSEIFQKSCSQIFNYLGRQMPRESCEKSSSCQQHSSRSSSVDYIL

ССR8 яванского макака (SEQ ID NO: 22)

MDYTLDPSMTTMTDYYYPDSLSSPCDGELIQRNDKLLLAVFYCLLFVFSLLGNSL VILVLVVCKKLRNITDIYLLNLALSDLLFVFSFPFQTYYQLDQWVFGTVMCKVVSGFYYI GFYSSMFFITLMSVDRYLAVVHAVYAIKVRTIRMGTTLSLVVWLTAIMATIPLLVFYQV ASEDGVLQCYSFYNQQTLKWKIFTNFEMNILGLLIPFTIFMFCYIKILHQLKRCQNHNKT KAIRLVLIVVIASLLFWVPFNVVLFLTSLHSMHILDGCSISQQLNYATHVTEIISFTHCCVN PVIYAFVGEKFKKHLSEIFQKSCSHIFIYLGRQMPRESCEKSSSCQQHSFRSSSIDYIL

CCR8 человека [A27G] (SEQ ID NO: 23)

MDYTLDLSVTTVTDYYYPDIFSSPCDGELIQTNGKLLLAVFYCLLFVFSLLGNSL VILVLVVCKKLRSITDVYLLNLALSDLLFVFSFPFQTYYLLDQWVFGTVMCKVVSGFYY IGFYSSMFFITLMSVDRYLAVVHAVYALKVRTIRMGTTLCLAVWLTAIMATIPLLVFYQ VASEDGVLQCYSFYNQQTLKWKIFTNFKMNILGLLIPFTIFMFCYIKILHQLKRCQNHNK TKAIRLVLIVVIASLLFWVPFNVVLFLTSLHSMHILDGCSISQQLTYATHVTEIISFTHCCV NPVIYAFVGEKFKKHLSEIFQKSCSQIFNYLGRQMPRESCEKSSSCQQHSSRSSSVDYIL

mCCR8 (SEQ ID NO: 24)

MDYTMEPNVTMTDYYPDFFTAPCDAEFLLRGSMLYLAILYCVLFVLGLLGNSLV ILVLVGCKKLRSITDIYLLNLAASDLLFVLSIPFQTHNLLDQWVFGTAMCKVVSGLYYIG FFSSMFFITLMSVDRYLAIVHAVYAIKVRTASVGTALSLTVWLAAVTATIPLMVFYQVA SEDGMLQCFQFYEEQSLRWKLFTHFEINALGLLLPFAILLFCYVRILQQLRGCLNHNRTR AIKLVLTVVIVSLLFWVPFNVALFLTSLHDLHILDGCATRQRLALAIHVTEVISFTHCCVN PVIYAFIGEKFKKHLMDVFQKSCSHIFLYLGRQMPVGALERQLSSNQRSSHSSTLDDIL

CCR8 крысы (SEQ ID NO: 25)

MDYTLEPNVTMTDYYPDFFTTPCDTELLLRGGTLYLAVLYCILFVLGLLGNSLVI LVLVACKKLRSITDVYLLNLAASDLLFVLSIPFQTHNLLDQWVFGTVMCKVVSGLYYIG FFSSMLFITLMSVDRYLAVVHPVHAIKVRTARVGTALSLAVWLAAIAATVPLMVFYQVS SEDGMLQCFQLYDEQSLRWKLFTHFEVNALGLLLPFAILLFCYVRILQQLRGCLNHNRT RAIKLVLTIVVVSLLFWVPFNVVLFLTSLHDMHILEGCATRQRLALATHVTEVISFMHCC VNPVIYAFIGEKFKKHLVDVFQKSCSHIFLYVGRQMPVGALERQLSSNQRSSHSSTLDYI L

hCCR4 (SEQ ID NO: 26)

MNPTDIADTTLDESIYSNYYLYESIPKPCTKEGIKAFGELFLPPLYSLVFVFGLLGN SVVVLVLFKYKRLRSMTDVYLLNLAISDLLFVFSLPFWGYYAADQWVFGLGLCKMISW MYLVGFYSGIFFVMLMSIDRYLAIVHAVFSLRARTLTYGVITSLATWSVAVFASLPGFLF STCYTERNHTYCKTKYSLNSTTWKVLSSLEINILGLVIPLGIMLFCYSMIIRTLQHCKNEK KNKAVKMIFAVVVLFLGFWTPYNIVLFLETLVELEVLQDCTFERYLDYAIQATETLAFV HCCLNPIIYFFLGEKFRKYILQLFKTCRGLFVLCQYCGLLQIYSADTPSSSYTQSTMDHDL HDAL

Антитело 1 IgG2, ДНК HC (SEQ ID NO: 27)

GAGGTGCAGCTGGGGGGTCCCC TGAGACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATTTACTTTCAGTAACGCCCGGATGGGCTGGG TCCGCCAGGCTCCAGGGAAGGGGCTGGAGTGGCTTGGCCGTATTAAAAGCAAAACT GAAGGTGGGACAAGAGACTACGCTGCACCCGTGAAAGGCAGATTCACCATCTCAAG AGATGATTCAAAAAACACGCTGTATCTGCAAATGAACAGCCTGAAAACCGAGGACA CAGCCGTGTATTATTGTACCTCGTATAGTGGGGTCTGGGGCCAAGGGACAATGGTCA CCGTCTCTCAGCCTCCACCAAGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGGCGCCCTGCTCCA GGAGCACCTCCGAGAGCACAGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTCAAGGACTACTTCCCC GAACCGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAGGCGCTCTGACCAGCGGCGTGCACACCTTCCCAGCTGTCCTACAGTCCTCAGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGTGGTGACCGTGCCCTCCAGCAACTTCGGCACCCAGACCTACACCTGCAACGTAGATCACAAGCCCAGCAACACCAAGGTGGACAAGACAGTTGAGCGCAAATGTTGTGTCGAGTGCCCACCGTGC CCAGCACCACCTGTGGCAGGACCGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCCAAAACCCAAGGAC ACCCTCATGATCTCCCGGACCCCTGAGGTCACGTGCGTGGTGGTGGACGTGAGCCAC GAAGACCCCGAGGTCCAGTTCAACTGGTACGTGGACGGCGTGGAGGTGCATAATGC CAAGACAAAGCCACGGGAGGAGCAGTTCAACAGCACGTTCCGTGTGGTCAGCGTCC TCACCGTTGTGCACCAGGACTGGCTGAACGGCAAGGAGTACAAGTGCAAGGTCTCC

AACAAAGGCCTCCCAGCCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAAACCAAAGGGCAGCC
CCGAGAACCACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGGAGGAGATGACCAAGAACC
AGGTCAGCCTGACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTACCCCAGCGACATCGCCGTGGAGT
GGGAGAGCAATGGGCAGCCGGAGAACAACTACAAGACCACACCTCCCATGCTGGAC
TCCGACGGCTCCTTCTTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGTGGCAG
CAGGGGAACGTCTTCTCATGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCACAACCACTACACG
CAGAAGAGCCTCTCCCTGTCTCCCGGGTAAATAG

Антитело 1 IgG2, ДНК LC (SEQ ID NO: 28)

GACATCGTGATGACCCAGTCTCCAGACTCCCTGGCTGTCTCTCTGGGCGAGA
GGGCCACCATCAACTGCAAGTCCAGCCAGAGTGTTTTATACAGTTCCAACAATAAG
AACTACTTAGCTTGGTACCATCAGAAACCAGGACAGTCTCCTAAGCTGCTCATTTCC
TGGGCATCTACCCGGGAATCCGGGGTCCCTGACCGATTCAGTGGCAGCGGGTCTGG
GACAGATTTCACTCTCACCATCAACAGCCTGCAGGCTGAAGATGTGGCAGTTTATTA
CTGTCAACAATATTATAGTATTCCGATCACTTTCGGCGGAGGGACCAAGGTGGAGAT
CAAACGA

Антитело 2 IgG2, ДНК HC (SEQ ID NO: 29)

TGAGACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATTCACCTTCAGTAACTATGGCATGCACTGGG TCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGCAGTCATATCATATGATGGA AGTAATAAATTCTATGCAGACTCCGTGAAGGGCCGATTCACCATCTCCAGAGACAAT TCCAAGAAGACTCTGTATCTTCAAATGAGCAGCCTGAGAGTTGAGGACACGGCTGT ATATTATTGTGCGAGAGCCGGGGGTATAGGGCGTTTTGACTACTGGGGCCAGGGAA CCCTGGTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCAAGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGGCGC CCTGCTCCAGGAGCACCTCCGAGAGCACAGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTCAAGGAC TACTTCCCCGAACCGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAGGCGCTCTGACCAGCGGCGTG CACACCTTCCCAGCTGTCCTACAGTCCTCAGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGTGGTG ACCGTGCCCTCCAGCAACTTCGGCACCCAGACCTACACCTGCAACGTAGATCACAA GCCCAGCAACACCAAGGTGGACAAGACAGTTGAGCGCAAATGTTGTGTCGAGTGCC CACCGTGCCCAGCACCACCTGTGGCAGGACCGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCAAAAC GTGAGCCACGAAGACCCCGAGGTCCAGTTCAACTGGTACGTGGACGCGTGGAGGT GCATAATGCCAAGACAAAGCCACGGGAGGAGCAGTTCAACAGCACGTTCCGTGTGG TCAGCGTCCTCACCGTTGTGCACCAGGACTGGCTGAACGGCAAGGAGTACAAGTGC AAGGTCTCCAACAAAGGCCTCCCAGCCCCCATCGAGAAAACCATCTCCAAAACCAA AGGGCAGCCCGAGAACCACAGGTGTACACCCTGCCCCCATCCCGGGAGGAGATGA CCAAGAACCAGGTCAGCCTGACCTGCTGGTCAAAGGCTTCTACCCCAGCGACATC GCCGTGGAGTGGGAGAGCAATGGGCAGCCGGAGAACAACTACAAGACCACACCTC CCATGCTGGACTCCGACGGCTCCTTCTTCCTCTACAGCAAGCTCACCGTGGACAAGA GCAGGTGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCATGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGCAC AACCACTACACGCAGAAGAGCCTCTCCCTGTCTCCGGGTAAATAG

Антитело 2 IgG2, ДНК LC (SEQ ID NO: 30)

CCR8 человека 1-35 (SEQ ID NO: 31)

MDYTLDLSVTTVTDYYYPDIFSSPCDAELIQTNGK

Зелувалимаб, LCDR1 (SEQ ID NO: 32)

RASQGISNWLA

Зелувалимаб, LCDR2 (SEQ ID NO: 33)

AASSLQS

Зелувалимаб, LCDR3 (SEQ ID NO: 34)

QQAESFPHT

Зелувалимаб, HCDR1 (SEQ ID NO: 35)

SYDMS

Зелувалимаб, HCDR2 (SEQ ID NO: 36)

LISGGGSQTYYAESVKG

Зелувалимаб, HCDR3 (SEQ ID NO: 37)

PSGHYFYAMDV

Зелувалимаб, VL (SEQ ID NO: 38)

DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISNWLAWYQQKPGKAPKLLIFAASSLQ SGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQAESFPHTFGGGTKVEIK

Зелувалимаб, VH (SEQ ID NO: 39)

EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYDMSWVRQAPGKGLEWVSLISGG GSQTYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCASPSGHYFYAMDVWG QGTTVTVSS

Зелувалимаб, LC (SEQ ID NO: 40)

DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISNWLAWYQQKPGKAPKLLIFAASSLQ SGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQAESFPHTFGGGTKVEIKRTVAAPSVFI FPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDSTYSLS STLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC

Зелувалимаб, HC (SEQ ID NO: 41)

EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYDMSWVRQAPGKGLEWVSLISGG GSQTYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCASPSGHYFYAMDVWG QGTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGV HTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHN AKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGS FFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK

Антитело 20A2.003, LCDR1 (SEQ ID NO: 42)

SGDKLGDKYAS

Антитело 20A2.003, LCDR2 (SEQ ID NO: 43)

QDRKRPS

Антитело 20A2.003, LCDR3 (SEQ ID NO: 44)

QAFESSTEV

Антитело 20A2.003, HCDR1 (SEQ ID NO: 45)

NYGMH

Антитело 20A2.003, HCDR2 (SEQ ID NO: 46)

LIWYDASKKYYAESVKG

Антитело 20A2.003, HCDR3 (SEQ ID NO: 47)

DPSSLTGSTGYYGMDV

Антитело 20A2.003, VL (SEQ ID NO: 48)

 $SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQQKPGQSPVLVIYQDRKRPS\\ GIPERFSGSNSGNTATLTISGTQAMDEADYYCQAFESSTEVFGGGTKLTVL$

Антитело 20A2.003, VH (SEQ ID NO: 49)

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGLEWVALIW YDASKKYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAAYYCARDPSSLTGSTGYY GMDVWGQGTTVTVSS

Антитело 20A2.003, LC (SEQ ID NO: 50)

SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQQKPGQSPVLVIYQDRKRPS GIPERFSGSNSGNTATLTISGTQAMDEADYYCQAFESSTEVFGGGTKLTVLGQPKAAPSV TLFPPSSEELQANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAA SSYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPTECS

Антитело 20A2.003, HC (SEQ ID NO: 51)

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGLEWVALIW YDASKKYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAAYYCARDPSSLTGSTGYY GMDVWGQGTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSC DKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV DGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPP VLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK

Антитело 22D4.006, LCDR1 (SEQ ID NO: 52)

SGDALPKKYAY

Антитело 22D4.006, LCDR2 (SEQ ID NO: 53)

EDAKRPS

Антитело 22D4.006, LCDR3 (SEQ ID NO: 54)

YSTDASGNHRV

Антитело 22D4.006, HCDR1 (SEQ ID NO: 55)

DYSMS

Антитело 22D4.006, HCDR2 (SEQ ID NO: 56)

GINWNGGRTRYADAVKG

Антитело 22D4.006, HCDR3 (SEQ ID NO: 57)

EFNNFESNWFDP

Антитело 22D4.006, VL (SEQ ID NO: 58)

SYELTQPPSVSVSPGQTARITCSGDALPKKYAYWYQQKPGQAPVLVISEDAKRPS GIPERFSGSSSGTMATLTISGAOVEDEADYYCYSTDASGNHRVFGGGTKLTVL

Антитело 22D4.006, VH (SEQ ID NO: 59)

EVQLVESGGSVVRPGGSLRLSCAASGFTVDDYSMSWVRQVPGKGLEWVSGINW NGGRTRYADAVKGRFTISRDSAKNSLYLQMNSLRAEDTALYYCAREFNNFESNWFDPW GQGTLVTVSS

Антитело 22D4.006, LC (SEQ ID NO: 60)

SYELTQPPSVSVSPGQTARITCSGDALPKKYAYWYQQKPGQAPVLVISEDAKRPS GIPERFSGSSSGTMATLTISGAQVEDEADYYCYSTDASGNHRVFGGGTKLTVLGQPKAA PSVTLFPPSSEELQANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAGVETTTPSKQSNNK YAASSYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPTECS

Антитело 22D4.006, HC (SEQ ID NO: 61)

EVQLVESGGSVVRPGGSLRLSCAASGFTVDDYSMSWVRQVPGKGLEWVSGINW NGGRTRYADAVKGRFTISRDSAKNSLYLQMNSLRAEDTALYYCAREFNNFESNWFDPW GQGTLVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG VHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTC PPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVH NAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQP REPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDG SFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK

Антитело 22D4.017, LCDR1 (SEQ ID NO: 62)

SGDALPKKYAY

Антитело 22D4.017, LCDR2 (SEQ ID NO: 63)

EDAKRPS

Антитело 22D4.017, LCDR3 (SEQ ID NO: 64)

YSTDASGNHRV

Антитело 22D4.017, HCDR1 (SEQ ID NO: 65)

DYSMS

Антитело 22D4.017, HCDR2 (SEQ ID NO: 66)

GINWNAGRTRYADAVKG

Антитело 22D4.017, HCDR3 (SEQ ID NO: 67)

EFNNFESNWFDP

Антитело 22D4.017, VL (SEQ ID NO: 68)

SYELTQPPSVSVSPGQTARITCSGDALPKKYAYWYQQKPGQAPVLVISEDAKRPS GIPERFSGSSSGTMATLTISGAQVEDEADYYCYSTDASGNHRVFGGGTKLTVL

Антитело 22D4.017, VH (SEQ ID NO: 69)

EVQLVESGGSVVRPGGSLRLSCAASGFTVDDYSMSWVRQVPGKGLEWVSGINW NAGRTRYADAVKGRFTISRDSAKNSLYLQMNSLRAEDTALYYCAREFNNFESNWFDPW GQGTLVTVSS

Антитело 22D4.017, LC (SEQ ID NO: 70)

SYELTQPPSVSVSPGQTARITCSGDALPKKYAYWYQQKPGQAPVLVISEDAKRPS GIPERFSGSSSGTMATLTISGAQVEDEADYYCYSTDASGNHRVFGGGTKLTVLGQPKAA PSVTLFPPSSEELQANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAGVETTTPSKQSNNK YAASSYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPTECS

Антитело 22D4.017, HC (SEQ ID NO: 71)

EVQLVESGGSVVRPGGSLRLSCAASGFTVDDYSMSWVRQVPGKGLEWVSGINW NAGRTRYADAVKGRFTISRDSAKNSLYLQMNSLRAEDTALYYCAREFNNFESNWFDPW GQGTLVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG VHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTC PPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVH NAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQP REPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDG SFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK

Антитело 20С1.006, LCDR1 (SEQ ID NO: 72)

RASQGISNWLA

Антитело 20С1.006, LCDR2 (SEQ ID NO: 73)

AASSLQS

Антитело 20С1.006, LCDR3 (SEQ ID NO: 74)

QQAESFPHT

Антитело 20С1.006, HCDR1 (SEQ ID NO: 75)

SYDMS

Антитело 20С1.006, HCDR2 (SEQ ID NO: 76)

LISGGGSNTYYAESVKG

Антитело 20С1.006, HCDR3 (SEQ ID NO: 77)

PSGHYFYAMDV

Антитело 20С1.006, VL (SEQ ID NO: 78)

 $DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISNWLAWYQQKPGKAPKLLIFAASSLQ\\ SGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQAESFPHTFGGGTKVEIK$

Антитело 20С1.006, VH (SEQ ID NO: 79)

 $EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYDMSWVRQAPGKGLEWVSLISGG\\GSNTYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCASPSGHYFYAMDVWG$

QGTTVTVSS

Антитело 20С1.006, LC (SEQ ID NO: 80)

DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISNWLAWYQQKPGKAPKLLIFAASSLQ SGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPEDFATYYCQQAESFPHTFGGGTKVEIKRTVAAPSVFI FPPSDEQLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQWKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDSTYSLS STLTLSKADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC

Антитело 20С1.006, НС (SEQ ID NO: 81)

EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYDMSWVRQAPGKGLEWVSLISGG GSNTYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCASPSGHYFYAMDVWG QGTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGV HTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHN AKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGS FFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK

Пептид CCR8 P_1-12 (SEQ ID NO: 82)

MDYTLDLSVTTV

Пептид CCR8 P_13-24 (SEQ ID NO: 83)

TDYYYPDIFSSP

Пептид CCR8 P_25-35 (SEQ ID NO: 84)

CDAELIQTNGK

Пептид CCR8 P_7-18 (SEQ ID NO: 85)

LSVTTVTDYYYP

Пептид CCR8 P_19-30 (SEQ ID NO: 86)

DIFSSPCDAELI

Таблица 15. Последовательности молекул ВіТЕ.

	ОПИСАНИЕ	ПОСЛЕДОВАТЕЛЬНОСТЬ			
СДЗ-СВЯ	СD3-СВЯЗЫВАЮЩИЙ ДОМЕН (I2C)				
87	CDR-L1 к CD3	GSSTGAVTSGNYPN			
	(I2C)				
88	CDR-L2 к CD3	GTKFLAP			
	(I2C)				
89	CDR-L3 к CD3	VLWYSNRWV			
	(I2C)				
90	CDR-H1 к CD3	KYAMN			
	(I2C)				
91	CDR-H2 к CD3	RIRSKYNNYATYYADSVKD			
	(I2C)				

92	CDR-H3 к CD3	HGNFGNSYISYWAY
	(I2C)	
93	VH к CD3 (I2C)	EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSS
94	VL к CD3 (I2C)	QTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPN
		WVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGK
		AALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLT
		VL
95	VH-VL κ CD3	EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
	(I2C)	WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY
		PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG
		GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
		KLTVL
CD3-CH	ВЯЗЫВАЮЩИЙ ДО	MEH (I2E)
96	CDR-L1 к CD3	GSSTGAVTSGNYPN
	(I2E)	
97	CDR-L2 к CD3	GTKFLAP
	(I2E)	
98	CDR-L3 к CD3	VLWYSNRWV
	(I2E)	
99	CDR-H1 к CD3	KYAIN
	(I2E)	
100	CDR-H2 к CD3	RIRSKYNNYATYYADAVKD
	(I2E)	
101	CDR-H3 к CD3	AGNFGSSYISYWAY
	(I2E)	
102	VH к CD3 (I2E)	EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAINW
		VRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADAVKDRF
		TISRDDSKNTVYLQMNNLKTEDTAVYYCARAGNFG

		SSYISYWAYWGQGTLVTVSS
103	VL к CD3 (I2E)	QTVVTQEPSLTVSPGGTVTITCGSSTGAVTSGNYPN
		WVQKKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLSGGK
		AALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGSGTKLT
		VL
CD33	-	
104	CDR-L1 к CD33	KSSQSVLDSSTNKNSLA
	(E11)	
105	CDR-L2 к CD33	WASTRES
	(E11)	
106	CDR-L3 к CD33	QQSAHFPIT
	(E11)	
107	CDR-H1 к CD33	NYGMN
	(E11)	
108	CDR-H2 к CD33	WINTYTGEPTYADKFQG
	(E11)	
109	CDR-H3 к CD33	WSWSDGYYVYFDY
	(E11)	
110	VH к CD33 c	QVQLVQSGAEVKKPGESVKVSCKASGYTFTNYGMN
	цистеиновым	WVKQAPGQCLEWMGWINTYTGEPTYADKFQGRVT
	зажимом (Е11)	MTTDTSTSTAYMEIRNLGGDDTAVYYCARWSWSD
		GYYVYFDYWGQGTSVTVSS
111	VH к CD33 без	QVQLVQSGAEVKKPGESVKVSCKASGYTFTNYGMN
	цистеинового	WVKQAPGQGLEWMGWINTYTGEPTYADKFQGRVT
	зажима (Е11)	MTTDTSTSTAYMEIRNLGGDDTAVYYCARWSWSD
		GYYVYFDYWGQGTSVTVSS
112	VL к CD33 c	DIVMTQSPDSLTVSLGERTTINCKSSQSVLDSSTNKN
	цистеиновым	SLAWYQQKPGQPPKLLLSWASTRESGIPDRFSGSGS
	зажимом (Е11)	GTDFTLTIDSPQPEDSATYYCQQSAHFPITFGCGTRLE
		IK
113	VL к CD33 без	DIVMTQSPDSLTVSLGERTTINCKSSQSVLDSSTNKN
	цистеинового	SLAWYQQKPGQPPKLLLSWASTRESGIPDRFSGSGS
	зажима (Е11)	GTDFTLTIDSPQPEDSATYYCQQSAHFPITFGQGTRL
		EIK

114	scFv к CD33 с	QVQLVQSGAEVKKPGESVKVSCKASGYTFTNYGMN
	цистеиновым	WVKQAPGQCLEWMGWINTYTGEPTYADKFQGRVT
	зажимом Е11	MTTDTSTSTAYMEIRNLGGDDTAVYYCARWSWSD
		GYYVYFDYWGQGTSVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		DIVMTQSPDSLTVSLGERTTINCKSSQSVLDSSTNKN
		SLAWYQQKPGQPPKLLLSWASTRESGIPDRFSGSGS
		GTDFTLTIDSPQPEDSATYYCQQSAHFPITFGCGTRLE
		IK
115	scFv к CD33 без	QVQLVQSGAEVKKPGESVKVSCKASGYTFTNYGMN
	цистеинового	WVKQAPGQGLEWMGWINTYTGEPTYADKFQGRVT
	зажима Е11	MTTDTSTSTAYMEIRNLGGDDTAVYYCARWSWSD
		GYYVYFDYWGQGTSVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		DIVMTQSPDSLTVSLGERTTINCKSSQSVLDSSTNKN
		SLAWYQQKPGQPPKLLLSWASTRESGIPDRFSGSGS
		GTDFTLTIDSPQPEDSATYYCQQSAHFPITFGQGTRL
		EIK
116	Биспецифическая	QVQLVQSGAEVKKPGESVKVSCKASGYTFTNYGMN
	молекула	WVKQAPGQCLEWMGWINTYTGEPTYADKFQGRVT
	к СD33 с	MTTDTSTSTAYMEIRNLGGDDTAVYYCARWSWSD
	цистеиновым	GYYVYFDYWGQGTSVTVSSGGGGSGGGGGGGGG
	зажимом (Е11) х к	DIVMTQSPDSLTVSLGERTTINCKSSQSVLDSSTNKN
	CD3 (I2C)	SLAWYQQKPGQPPKLLLSWASTRESGIPDRFSGSGS
		GTDFTLTIDSPQPEDSATYYCQQSAHFPITFGCGTRLE
		IKSGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFT
		FNKYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYY
		ADSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYY
		CVRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG
		GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA
		VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF
		SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV
		FGGGTKLTVL
117	Биспецифическая	QVQLVQSGAEVKKPGESVKVSCKASGYTFTNYGMN
	молекула scFc с	WVKQAPGQCLEWMGWINTYTGEPTYADKFQGRVT
	HLE	MTTDTSTSTAYMEIRNLGGDDTAVYYCARWSWSD
	к СD33 с	GYYVYFDYWGQGTSVTVSSGGGGSGGGGSGGGS
]

DIVMTQSPDSLTVSLGERTTINCKSSQSVLDSSTNKN цистеиновым зажимом (Е11) х к SLAWYQQKPGQPPKLLLSWASTRESGIPDRFSGSGS CD3 (I2C) **GTDFTLTIDSPQPEDSATYYCQQSAHFPITFGCGTRLE** IKSGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFT FNKYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYY ADSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYY CVRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV FGGGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL **FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY** VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGG LLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSV LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKG **QPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIA** VEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDK SRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 118 QVQLVQSGAE VKKPGESVKV SCKASGYTFT Биспецифическая NYGMNWVKQA PGQGLEWMGW INTYTGEPTY молекула к CD33 с His-меткой (без ADKFQGRVTM TTDTSTSTAY MEIRNLGGDD TAVYYCARWS WSDGYYVYFD YWGQGTSVTV цистеинового SSGGGGSGG GSGGGSDIV MTQSPDSLTV зажима) SLGERTTINC KSSQSVLDSS TNKNSLAWYQ QKPGQPPKLL LSWASTRESG IPDRFSGSGS GTDFTLTIDS PQPEDSATYY CQQSAHFPIT FGQGTRLEIK SGGGGSEVQL VESGGGLVQP GGSLKLSCAA SGFTFNKYAM NWVRQAPGKG LEWVARIRSK YNNYATYYAD SVKDRFTISR

		DDSKNTAYLQ MNNLKTEDTA VYYCVRHGNF
		GNSYISYWAY WGQGTLVTVS SGGGGSGGGG
		SGGGGSQTVV TQEPSLTVSP GGTVTLTCGS
		STGAVTSGNY PNWVQQKPGQ APRGLIGGTK
		FLAPGTPARF SGSLLGGKAA LTLSGVQPED
		EAEYYCVLWY SNRWVFGGGT KLTVLHHHHH H
EGFRVII	[
119	CDR-L1 к	RSSQSLVHSDGNTYLS
	EGFRvIII	
120	CDR-L2 к	RISRRFS
	EGFRvIII	
121	CDR-L3 к	MQSTHVPRT
	EGFRvIII	
122	CDR-H1 к	NYGMH
	EGFRvIII	
123	CDR-H2 к	VIWYDGSDKYYADSVRG
	EGFRvIII	
124	CDR-H3 к	DGYDILTGNPRDFDY
	EGFRvIII	
125	VH к EGFRvIII	QVQLVESGGGVVQSGRSLRLSCAASGFTFRNYGMH
		WVRQAPGKCLEWVAVIWYDGSDKYYADSVRGRFT
		ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARDGYDILT
		GNPRDFDYWGQGTLVTVSS
126	VL к EGFRvIII	DTVMTQTPLSSHVTLGQPASISCRSSQSLVHSDGNTY
		LSWLQQRPGQPPRLLIYRISRRFSGVPDRFSGSGAGT
		DFTLEISRVEAEDVGVYYCMQSTHVPRTFGCGTKVE
		IK
127	scFv к EGFRvIII	QVQLVESGGGVVQSGRSLRLSCAASGFTFRNYGMH
		WVRQAPGKCLEWVAVIWYDGSDKYYADSVRGRFT
		ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARDGYDILT
		GNPRDFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		DTVMTQTPLSSHVTLGQPASISCRSSQSLVHSDGNTY
		LSWLQQRPGQPPRLLIYRISRRFSGVPDRFSGSGAGT
		DFTLEISRVEAEDVGVYYCMQSTHVPRTFGCGTKVE

		IK
128	Биспецифическая	QVQLVESGGGVVQSGRSLRLSCAASGFTFRNYGMH
	молекула	WVRQAPGKCLEWVAVIWYDGSDKYYADSVRGRFT
	EGFRvIII_CCxCD	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARDGYDILT
	3	GNPRDFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		DTVMTQTPLSSHVTLGQPASISCRSSQSLVHSDGNTY
		LSWLQQRPGQPPRLLIYRISRRFSGVPDRFSGSGAGT
		DFTLEISRVEAEDVGVYYCMQSTHVPRTFGCGTKVE
		IKSGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFT
		FNKYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYY
		ADSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYY
		CVRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG
		GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA
		VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF
		SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV
		FGGGTKLTVL
129	Биспецифическая	QVQLVESGGGVVQSGRSLRLSCAASGFTFRNYGMH
	молекула с HLE	WVRQAPGKCLEWVAVIWYDGSDKYYADSVRGRFT
	EGFRvIII_CCxCD	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARDGYDILT
	3-scFc	GNPRDFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		DTVMTQTPLSSHVTLGQPASISCRSSQSLVHSDGNTY
		LSWLQQRPGQPPRLLIYRISRRFSGVPDRFSGSGAGT
		DFTLEISRVEAEDVGVYYCMQSTHVPRTFGCGTKVE
		IKSGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFT
		FNKYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYY
		ADSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYY
		CVRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG
		GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA
		VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF
		SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV
		FGGGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
		FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN

		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGG
		GSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
		LLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSV
		LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKG
		QPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIA
		VEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDK
		SRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
MSLN		
130	CDR-H1 к MSLN	DYYMT
131	CDR-H2 к MSLN	YISSSGSTIYYADSVKG
132	CDR-H3 к MSLN	DRNSHFDY
133	CDR-L1 к MSLN	RASQGINTWLA
134	CDR-L2 к MSLN	GASGLQS
135	CDR-L3 к MSLN	QQAKSFPRT
136	VH к MSLN	QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSDYYMT
		WIRQAPGKGLEWLSYISSSGSTIYYADSVKGRFTISR
		DNAKNSLFLQMNSLRAEDTAVYYCARDRNSHFDY
		WGQGTLVTVSS
137	VL ĸ MSLN	DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGINTWLAWY
		QQKPGKAPKLLIYGASGLQSGVPSRFSGSGSGTDFTL
		TISSLQPEDFATYYCQQAKSFPRTFGQGTKVEIK
138	scFv к MSLN	QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSDYYMT
		WIRQAPGKGLEWLSYISSSGSTIYYADSVKGRFTISR
		DNAKNSLFLQMNSLRAEDTAVYYCARDRNSHFDY
		WGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
		SVSASVGDRVTITCRASQGINTWLAWYQQKPGKAP
		KLLIYGASGLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPED
		FATYYCQQAKSFPRTFGQGTKVEIK
139	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSDYYMT
	молекула	WIRQAPGKGLEWLSYISSSGSTIYYADSVKGRFTISR
	к MSLN_5 х CD3	DNAKNSLFLQMNSLRAEDTAVYYCARDRNSHFDY

	(I2C)	WGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGDIQMTQSPS
		SVSASVGDRVTITCRASQGINTWLAWYQQKPGKAP
		KLLIYGASGLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPED
		FATYYCQQAKSFPRTFGQGTKVEIKSGGGGSEVQLV
		ESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNWVRQA
		PGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFTISRD
		DSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGNSYIS
		YWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGQTVV
		TQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNWVQQ
		KPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKAALTL
		SGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTVL
140	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSDYYMT
	молекула к	WIRQAPGKGLEWLSYISSSGSTIYYADSVKGRFTISR
	MSLN_5xCD3-	DNAKNSLFLQMNSLRAEDTAVYYCARDRNSHFDY
	scFc c HLE	WGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
		SVSASVGDRVTITCRASQGINTWLAWYQQKPGKAP
		KLLIYGASGLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPED
		FATYYCQQAKSFPRTFGQGTKVEIKSGGGGSEVQLV
		ESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNWVRQA
		PGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFTISRD
		DSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGNSYIS
		YWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGQTVV
		TQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNWVQQ
		KPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKAALTL
		SGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTVLGG
		GGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT
		KPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKN
		QVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPV
		LDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEAL
		HNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGGGGG
		GGGGSGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKP
		KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGV
		EVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGK

		EYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPS
1		REEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
141	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSDYYMT
	молекула к	WIRQAPGKCLEWLSYISSSGSTIYYADSVKGRFTISR
	MSLN_5_CCxCD	DNAKNSLFLQMNSLRAEDTAVYYCARDRNSHFDY
	3-scFc c HLE (c	WGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
	цистеиновым	SVSASVGDRVTITCRASQGINTWLAWYQQKPGKAP
	зажимом)	KLLIYGASGLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSLQPED
		FATYYCQQAKSFPRTFGCGTKVEIKSGGGGSEVQLV
		ESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNWVRQA
		PGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFTISRD
		DSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGNSYIS
		YWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGTVV
		TQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNWVQQ
		KPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKAALTL
		SGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTVLGG
		GGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT
		KPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKN
		QVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPV
		LDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEAL
		HNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGGGGG
		GGGGSGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKP
		KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGV
		EVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGK
		EYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPS
		REEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
CDH19	•	•
142	CDR-H1 к CDH19	SYGMH
143	CDR-H2 к CDH19	FIWYEGSNKYYAESVKD

144	CDR-H3 к CDH19	RAGIIGTIGYYYGMDV
145	CDR-L1 к CDH19	SGDRLGEKYTS
146	CDR-L2 к CDH19	QDTKRPS
147	CDR-L3 к CDH19	QAWESSTVV
148	VH к CDH19	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH
		WVRQAPGKGLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
		SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
		GYYYGMDVWGQGTTVTVSS
149	VH CDH19	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH
	65254.007 c	WVRQAPGKCLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
	цистеиновым	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
	зажимом	GYYYGMDVWGQGTTVTVSS
150	VL к CDH19	SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ
		RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS
		GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGGGTKLTVLS
151	VL CDH19	SVELTODDSVSVSDCOTA SITCSCDDI CEVVTSWVOO
	65254.007 c	SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS
	цистеиновым	GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGCGTKLTVL
	зажимом	GTQAMDEADTTCQAWESSTV VTGCGTRETVE
152	VH-VL κ CDH19	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH
		WVRQAPGKGLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
		SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
		GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGGG
		SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ
		RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS
		GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGGGTKLTVLS
153	scFv CDH19	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH
	65254.007 c	WVRQAPGKCLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
	цистеиновым	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
	зажимом	GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ
		RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS
		GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGCGTKLTVL
154	Биспецифическая	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH

	молекула	WVRQAPGKGLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
	к CDH19	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
		GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGGG
		SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ
		RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS
		GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGGGTKLTVLSGG
		GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYA
		MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK
		DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG
		NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGN
		YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLL
		GGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGG
		TKLTVLHHHHHH
155	Биспецифическая	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH
	молекула CDH19	WVRQAPGKCLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
	65254.007 c	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
	цистеиновым	GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGG
	зажимом	SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ
		RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS
		GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGCGTKLTVLSGG
		GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYA
		MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK
		DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG
		NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG
		GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGN
		YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLL
		GGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGG
		TKLTVL
156	Биспецифическая	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH
	молекула CDH19	WVRQAPGKGLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
	65254.007 x I2C-	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
	scFc c HLE	GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ
		RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS

GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGGGTKLTVLSGG GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYA MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGN YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLL GGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGG TKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKP KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGV EVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGK EYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPS REEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS VMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGG FLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH **QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP** QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 157 Биспецифическая QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH молекула CDH19 WVRQAPGKGLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI 65254.007 x I2C -SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI scFc c HLE GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGGG SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGGGTKLTVLSGG GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYA MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGN YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLL

TKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPF KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVD	GV
EVIDIA ETEROCECOVOCTVROVCA TVI HORWI N	IGK
EVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLN	
EYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLI	PPS
REEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPI	ENN
YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFS	SCS
VMHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGG	SG
GGGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSV	FL
FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN	$_{NY}$
VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQ	D
WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP	QV
YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE	SN
GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ	QG
NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK	
158 Биспецифическая QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGM	1H
молекула CDH19 WVRQAPGKCLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDR	FTI
65254.007 x I2C - SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIC	TI
scFc c HLE c GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGG	GS
цистеиновым SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWY	′QQ
зажимом RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLT	TIS
GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGCGTKLTVLSC	GG
GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNK	XA
MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADS	VK
DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVR	HG
NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGG	GG
GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTS0	GN
YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGS	LL
GGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFG	GG
TKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPI	KP
KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVD	GV
EVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLN	IGK
EYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLI	PPS
REEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPI	enn
YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFS	SCS

		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGGGGGG
		SGGGGSGGGSGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSV
		FLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP
		QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE
		SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
159	Биспецифическая	QVQLVESGGGVVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYGMH
	молекула CDH19	WVRQAPGKCLEWVAFIWYEGSNKYYAESVKDRFTI
	65254.007 x I2C -	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARRAGIIGTI
	scFc_delGK c HLE	GYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGGGG
	с цистеиновым	SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDRLGEKYTSWYQQ
	зажимом	RPGQSPLLVIYQDTKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIS
		GTQAMDEADYYCQAWESSTVVFGCGTKLTVLSGG
		GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYA
		MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK
		DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG
		NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGG
		GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGN
		YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLL
		GGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGG
		TKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKP
		KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGV
		EVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGK
		EYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPS
		REEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGG
		GGGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
		FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG

		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
FLT3		
160	CDR-H1 к FLT3	NARMGVS
161	CDR-H2 к FLT3	HIFSNDEKSYSTSLKN
162	CDR-H3 ĸ FLT3	IVGYGSGWYGFFDY
163	CDR-L1 к FLT3	RASQGIRNDLG
164	CDR-L2 к FLT3	AASTLQS
165	CDR-L3 к FLT3	LQHNSYPLT
166	VH ĸ FLT3	QVTLKESGPTLVKPTETLTLTCTLSGFSLNNARMGV
		SWIRQPPGKCLEWLAHIFSNDEKSYSTSLKNRLTISK
		DSSKTQVVLTMTNVDPVDTATYYCARIVGYGSGWY
		GFFDYWGQGTLVTVSS
167	VL ĸ FLT3	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIRNDLGWY
		QQKPGKAPKRLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTEFTL
		TISSLQPEDFATYYCLQHNSYPLTFGCGTKVEIK
168	VH-VL κ FLT3	QVTLKESGPTLVKPTETLTLTCTLSGFSLNNARMGV
		SWIRQPPGKCLEWLAHIFSNDEKSYSTSLKNRLTISK
		DSSKTQVVLTMTNVDPVDTATYYCARIVGYGSGWY
		GFFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGSDIQM
		TQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIRNDLGWYQQKP
		GKAPKRLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTEFTLTISSL
		QPEDFATYYCLQHNSYPLTFGCGTKVEIK
169	Биспецифическая	QVTLKESGPTLVKPTETLTLTCTLSGFSLNNARMGV
	молекула FLT3_7	SWIRQPPGKCLEWLAHIFSNDEKSYSTSLKNRLTISK
	A8xCD3	DSSKTQVVLTMTNVDPVDTATYYCARIVGYGSGWY
		GFFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGDIQM
		TQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIRNDLGWYQQKP
		GKAPKRLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTEFTLTISSL
		QPEDFATYYCLQHNSYPLTFGCGTKVEIKSGGGGSE
		VQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNW
		VRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFT
		ISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGN
		SYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGQ
		TVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNW

		VQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKA
		ALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTV
		L
170	Биспецифическая	QVTLKESGPTLVKPTETLTLTCTLSGFSLNNARMGV
	молекула FLT3_7	SWIRQPPGKCLEWLAHIFSNDEKSYSTSLKNRLTISK
	A8xCD3-scFc c	DSSKTQVVLTMTNVDPVDTATYYCARIVGYGSGWY
	HLE	GFFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQM
		TQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIRNDLGWYQQKP
		GKAPKRLIYAASTLQSGVPSRFSGSGSGTEFTLTISSL
		QPEDFATYYCLQHNSYPLTFGCGTKVEIKSGGGGSE
		VQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNW
		VRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFT
		ISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGN
		SYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		TVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNW
		VQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKA
		ALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTV
		LGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTL
		MISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHN
		AKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKC
		KVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEM
		TKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMH
		EALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGGGG
		GGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF
		PPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
		DGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWL
		NGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
		LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQ
		PENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
		FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
DLL3		
171	HCDR1 к DLL3	SYYWS
172	HCDR2 к DLL3	YVYYSGTTNYNPSLKS
173	HCDR3 к DLL3	IAVTGFYFDY

174	LCDR1 к DLL3	RASQRVNNNYLA
175	LCDR2 к DLL3	GASSRAT
176	LCDR3 к DLL3	QQYDRSPLT
177	VH к DLL3 с	QVQLQESGPGLVKPSETLSLTCTVSGGSISSYYWSWI
	цистеиновым	RQPPGKCLEWIGYVYYSGTTNYNPSLKSRVTISVDTS
	зажимом	KNQFSLKLSSVTAADTAVYYCASIAVTGFYFDYWG
		QGTLVTVSS
178	VL к DLL3 с	EIVLTQSPGTLSLSPGERVTLSCRASQRVNNNYLAW
	цистеиновым	YQQRPGQAPRLLIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT
	зажимом	LTISRLEPEDFAVYYCQQYDRSPLTFGCGTKLEIK
179	VH-VL к DLL3 с	QVQLQESGPGLVKPSETLSLTCTVSGGSISSYYWSWI
	цистеиновым	RQPPGKCLEWIGYVYYSGTTNYNPSLKSRVTISVDTS
	зажимом	KNQFSLKLSSVTAADTAVYYCASIAVTGFYFDYWG
		QGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGSEIVLTQSPGTLS
		LSPGERVTLSCRASQRVNNNYLAWYQQRPGQAPRL
		LIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFA
		VYYCQQYDRSPLTFGCGTKLEIK
180	Биспецифическая	QVQLQESGPGLVKPSETLSLTCTVSGGSISSYYWSWI
	молекула	RQPPGKCLEWIGYVYYSGTTNYNPSLKSRVTISVDTS
	DLL3_1_CCxCD3	KNQFSLKLSSVTAADTAVYYCASIAVTGFYFDYWG
		QGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGSEIVLTQSPGTLS
		LSPGERVTLSCRASQRVNNNYLAWYQQRPGQAPRL
		LIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFA
		VYYCQQYDRSPLTFGCGTKLEIKSGGGGSEVQLVES
		GGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNWVRQAP
		GKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFTISRDD
		SKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGNSYISY
		WAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGQTVVT
		QEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNWVQQK
		PGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKAALTLS
		GVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTVL
181	Биспецифическая	QVQLQESGPGLVKPSETLSLTCTVSGGSISSYYWSWI
	молекула	RQPPGKCLEWIGYVYYSGTTNYNPSLKSRVTISVDTS
	DLL3_1_CCxCD3	KNQFSLKLSSVTAADTAVYYCASIAVTGFYFDYWG
	i	

	-scFc_ c HLE	QGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGSEIVLTQSPGTLS
		LSPGERVTLSCRASQRVNNNYLAWYQQRPGQAPRL
		LIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFA
		VYYCQQYDRSPLTFGCGTKLEIKSGGGGSEVQLVES
		GGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNWVRQAP
		GKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFTISRDD
		SKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGNSYISY
		WAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGTVVT
		QEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNWVQQK
		PGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKAALTLS
		GVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTVLGGG
		GDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRT
		PEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTK
		PCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVL
		DSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALH
		NHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGGGGGG
		GSGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDT
		LMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVH
		NAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYK
		CKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREE
		MTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVM
		HEALHNHYTQKSLSLSPGK
CD19		
182	CDR-H1 к CD19	SYGMH
	(97-G1RE-C2)	
183	CDR-H2 к CD19	VISYEGSNKYYAESVKG
184	CDR-H3 к CD19	DRGTIFGNYGLEV
185	CDR-L1 к CD19	RSSQSLLHKNAFNYLD
186	CDR-L2 к CD19	LGSNRAS
187	CDR-L3 к CD19	MQALQTPFT
188	VH к CD19	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYGMH

		WVRQAPGKCLEWVAVISYEGSNKYYAESVKGRFTI
		SRDNSKNTLYLQMNSLRDEDTAVYYCARDRGTIFG
		NYGLEVWGQGTTVTVSS
189	VL κ CD19	DIVMTQSPLSLPVISGEPASISCRSSQSLLHKNAFNYL
		DWYLQKPGQSPQLLIYLGSNRASGVPDRFSGSGSGT
		DFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPFTFGCGTKVD
		IK
190	VL-VH к CD19	DIVMTQSPLSLPVISGEPASISCRSSQSLLHKNAFNYL
		DWYLQKPGQSPQLLIYLGSNRASGVPDRFSGSGSGT
		DFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPFTFGCGTKVD
		IKGGGGSGGGSGGGSQVQLVESGGGVVQPGRSL
		RLSCAASGFTFSSYGMHWVRQAPGKCLEWVAVISY
		EGSNKYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRDE
		DTAVYYCARDRGTIFGNYGLEVWGQGTTVTVSSGG
		GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYA
		MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK
		DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG
		NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG
		GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGN
		YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLL
		GGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGG
		TKLTVL
191	CD19 97-G1RE-	DIVMTQSPLSLPVISGEPASISCRSSQSLLHKNAFNYL
	C2 CC x I2C-scFc	DWYLQKPGQSPQLLIYLGSNRASGVPDRFSGSGSGT
		DFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPFTFGCGTKVD
		IKGGGGSGGGSGGGVVQPGRSL
		RLSCAASGFTFSSYGMHWVRQAPGKCLEWVAVISY
		EGSNKYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRDE
		DTAVYYCARDRGTIFGNYGLEVWGQGTTVTVSSGG
		GGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYA
		MNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK
		DRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG
		NFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG
		GGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGN
		YPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLL

		GGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGG
		TKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKP
		KDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGV
		EVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGK
		EYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPS
		REEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGG
		SGGGGGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSV
		FLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP
		QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE
		SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
BCMA		
192	CDR-H1 к BCMA	NHIIH
	(27-C4-G7)	Nama
193	CDR-H2 к BCMA	YINPYPGYHAYNEKFQG
194	CDR-H3 к BCMA	DGYYRDTDVLDY
195	CDR-L1 к BCMA	QASQDISNYLN
196	CDR-L2 к BCMA	YTSRLHT
197	CDR-L3 к BCMA	QQGNTLPWT
198	VH к BCMA	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNHIIH
		WVRQAPGQCLEWMGYINPYPGYHAYNEKFQGRAT
		MTSDTSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARDGYYRD
		TDVLDYWGQGTLVTVSS
199	VL к BCMA	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCQASQDISNYLNWY
		QQKPGKAPKLLIYYTSRLHTGVPSRFSGSGSGTDFTF
		TISSLEPEDIATYYCQQGNTLPWTFGCGTKLEIK
200	VH-VL к BCMA	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNHIIH
		WVRQAPGQCLEWMGYINPYPGYHAYNEKFQGRAT
		MTSDTSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARDGYYRD
		TDVLDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGDIQ

		MTQSPSSLSASVGDRVTITCQASQDISNYLNWYQQK
		PGKAPKLLIYYTSRLHTGVPSRFSGSGSGTDFTFTISS
		LEPEDIATYYCQQGNTLPWTFGCGTKLEIK
201	Биспецифическая	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNHIIH
	молекула к ВСМА	WVRQAPGQCLEWMGYINPYPGYHAYNEKFQGRAT
	Ic320	MTSDTSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARDGYYRD
	c HLE	TDVLDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGSDIQ
	с цистеиновым	MTQSPSSLSASVGDRVTITCQASQDISNYLNWYQQK
	зажимом	PGKAPKLLIYYTSRLHTGVPSRFSGSGSGTDFTFTISS
		LEPEDIATYYCQQGNTLPWTFGCGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY
		PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG
		GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
		KLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPK
		DTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVE
		VHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR
		EEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGG
		SGGGGSGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSV
		FLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP
		QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE
		SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
202	Биспецифическая	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTNHIIH
	молекула к ВСМА	WVRQAPGQCLEWMGYINPYPGYHAYNEKFQGRAT
	IC20	MTSDTSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARDGYYRD
	с цистеиновым	TDVLDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGDIQ

	зажимом	MTQSPSSLSASVGDRVTITCQASQDISNYLNWYQQK
		PGKAPKLLIYYTSRLHTGVPSRFSGSGSGTDFTFTISS
		LEPEDIATYYCQQGNTLPWTFGCGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY
		PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG
		GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
		KLTVLHHHHHH
PSMA		
203	CDR-H1 к PSMA	DYYMY
	PM76-B10.17	
204	CDR-H2 к PSMA	IISDAGYYTYYSDIIKG
205	CDR-H3 к PSMA	GFPLLRHGAMDY
206	CDR-L1 к PSMA	KASQNVDANVA
207	CDR-L2 к PSMA	SASYVYW
208	CDR-L3 к PSMA	QQYDQQLIT
209	VH к PSMA c	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	цистеиновым	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
	зажимом	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	PM76-B10.17	MDYWGQGTLVTVSS
210	VL к PSMA c	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWY
	цистеиновым	QQKPGQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFT
	зажимом	LTISSVQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIK
	PM76-B10.17	
211	VH-VL к PSMA с	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	цистеиновым	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
	зажимом	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	PM76-B10.17	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGDIQMT
		QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP
		GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
		VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIK
		, ASPRIMITICA ALPAGEMENTA

212	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула к PSMA	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
	x CD3 c	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	цистеиновым	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGDIQMT
	зажимом	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP
	PM76-B10.17	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
		VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY
		PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG
		GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
		KLTVL
213	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
213	молекула к PSMA	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
	x CD3-scFc	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	c HLE	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGDIQMT
	PM76-B10.17	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP
		GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
		VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY
		PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG
		GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
		KLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPK
		DTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVE
		VHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR
		EEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		THE TENED CONTENTS OF THE PROPERTY OF THE PROP

		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGGGGGG
		SGGGGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSV
		FLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP
		QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE
		SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
214	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула к PSMA	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
	x CD3-scFc_	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	c HLE	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
	PM76-B10.17	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP
		GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
		VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY
		PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG
		GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
		KLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPK
		DTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVE
		VHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR
		EEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGG
		GGGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
		FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG

		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
215	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула РМ 76-	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
	B10.17	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	(цистеиновый	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
	зажим) x CD3	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP
	(цистеиновый	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
	зажим 103/43)	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
		NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG
		KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
		LTVL
216	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула РМ 76-	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
	B10.17	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	(цистеиновый	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
	зажим) x CD3	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP
	(цистеиновый	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
	зажим 103/43)-	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
	scFc	EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
	c HLE	WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
		NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG
		KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
		LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD
		TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV
		HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY
		KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE
		EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY

MHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGGGSGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGG			KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV
LFPPKRDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW YVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 217 Биспецифическая молекула РМ 76- B10.17 QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA (цистенновый MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGSDIQMT 3ажим) x CD3 QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP (цистенновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS 3ажим 103/43)- vQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGGSGGGGGGG GGSGGGGGGGGGGGGGG			MHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGG
YVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 217 Биспецифическая MOЛЕКУЛЯ РМ 76- B10.17 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA (цистеиновый Зажим) x CD3 QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP (цистенновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS Зажим 103/43)- vQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS SCFC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSSGGGGSGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSSGGGSGGGGSGG GGSGGGGSGGGGGGGGGG			GGGGSGGGSGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVF
WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 217 Виспецифическая молекула РМ 76- B10.17 (цистеиновый Зажим) х CD3 (цистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS 3ажим 103/43)- vQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGGSGGGGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQGGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			LFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW
YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 217 Биспецифическая молекула РМ 76- B10.17 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA (цистеиновый MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGSDIQMT зажим) x CD3 QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP (цистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS зажим 103/43)- scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGGSGGGGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGGSGGGGGGG GGSGGGGSGGGGSGKGTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF			YVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 217 Биспецифическая молекула PM 76- B10.17 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA (цистеиновый MDYWGQGTLVTVSSGGGSSGGGGSGGGSDIQMT зажим) x CD3 (цистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS зажим 103/43)- scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGGSGGGGGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGGSGGGGGGGG GGSGGGGGGGGGGGGG			WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK			YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
Биспецифическая молекула РМ 76- В10.17 Сщистеиновый МРУЖОДЕТ VTVSSGGGSGGGSGGGSDIQMT Зажим) х CD3 Сщистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS Зажим 103/43)- SCFC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN C HLE WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGSDIQMT 30жим 103/43)- SCFC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN C HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGSGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGSGGGGSGG GGSGGGSGGGGSGGGSGGGGSGGGGSGG GGSGGGSGGGGSGGGSGGGGSGGGGSGGGGGG			GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
МОЛЕКУЛА РМ 76- В10.17 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA (ЦИСТЕИНОВЫЙ MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGSDIQMT ЗАЖИМ) х CD3 QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP (ЦИСТЕИНОВЫЙ GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS ЗАЖИМ 103/43)- VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS SCFC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN C HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
В 10.17 (цистеиновый MDYWGQGTLVTVSSGGGSGGGGGGGGSDIQMT 3ажим) х CD3 (цистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS 3ажим 103/43)- усмератуус QYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGS EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	217	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
(цистеиновый MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGDIQMT зажим) х CD3 QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP (цистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS зажим 103/43)- VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGS scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGG GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGGGGGGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG		молекула РМ 76-	WVRQAPGKCLEWVAIISDAGYYTYYSDIIKGRFTISR
Зажим) x CD3 (цистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS 3ажим 103/43)- scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG		B10.17	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
(цистеиновый GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS зажим 103/43)- VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGS scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGG GSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGSGG GGSGGGSGGGSGGGSGG		(цистеиновый	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
ScFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG		зажим) x CD3	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDANVAWYQQKP
scFc EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN c HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG		(цистеиновый	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
© HLE WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGGGGGGG SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG		зажим 103/43)-	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG		scFc	EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG		c HLE	WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG
TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD
KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV
EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY
KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE
MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG			EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
GGSGGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF			KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV
			MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGSGGGGGGGGGG
PPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV			GGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF
			PPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
DGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWL			DGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWL
NGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT			NGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQ			LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQ

		PENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
		FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
PSMA		
218	CDR-H1 к PSMA	DYYMY
	(PM76-B10.11)	
219	CDR-H2 к PSMA	IISDGGYYTYYSDIIKG
220	CDR-H3 к PSMA	GFPLLRHGAMDY
221	CDR-L1 к PSMA	KASQNVDTNVA
222	CDR-L2 к PSMA	SASYVYW
223	CDR-L3 к PSMA	QQYDQQLIT
224	VH к PSMA без	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	цистеинового	WVRQAPGKGLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	зажима	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	PM76-B10.11	MDYWGQGTLVTVSS
225	VH к PSMA c	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	цистеиновым	WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	зажимом	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	PM76-B10.11	MDYWGQGTLVTVSS
226	VL к PSMA без	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWY
	цистеинового	QQKPGQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFT
	зажима	LTISSVQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIK
	PM76-B10.11	
227	VL к PSMA c	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWY
	цистеиновым	QQKPGQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFT
	зажимом	LTISSVQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIK
	PM76-B10.11	
228	VH-VL к PSMA	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	без цистеинового	WVRQAPGKGLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	зажима	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	PM76-B10.11	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
		QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP
		GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
		VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIK
229	VH-VL к PSMA с	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY

DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRI PM76-B10.11 MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	MT KP SS IY ISR IGA MT
QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIK 230 Биспецифическая молекула к PSMA х CD3 без цистеинового зажима QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM MОЛЕКУЛА к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	KP SS IY ISR IGA MT
GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIK 230 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM МОЛЕКУЛА К РЅМА X CD3 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRF ОВЗ ЦИСТЕИНОВОГО ЗАЖИМА QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGG EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 БИСПЕЦИФИЧЕСКАЯ МОЛЕКУЛА К PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	IY ISR IGA MT
VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIK 230 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM МОЛЕКУЛА К РЅМА X CD3 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRE MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGSDIQI GSAЖИМА QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGG EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGSGGGSGGGSGGGSGGGSGGGSGG	IY ISR IGA MT
230 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM молекула к PSMA WVRQAPGKGLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT x CD3 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRF без цистеинового MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGSDIQQ 28PSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGSGGGGSGGGGSGGGGSGGG	ISR IGA MT
молекула к PSMA x CD3 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRE без цистеинового MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGSDIQ GSBXима QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	ISR IGA MT
x CD3 без цистеинового зажима QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	IGA MT
без цистеинового зажима QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYN молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	ΜT
Зажима QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYN молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	
PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT. VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	
VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGC EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	CP
EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	ss
WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	GS
FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	ЛN
GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG	DR
GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYN молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	NF
PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYN молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	зG
GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYN молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	١Y
KLTVL 231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYM молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	LG
231 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYN молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	ЗΤ
молекула к PSMA WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFT	
	ĪΥ
	ISR
x CD3 DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRF	GA
с цистеиновым MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGSDIQ	ЛT
зажимом QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQ	<Ρ
PM76-B10.11 GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLT:	SS
VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGG	GS
EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAI	ЛN
WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVK	DR
FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHG	
GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGSG	NF
GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSG	
PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSL	GG
GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGG	GG NY

		KLTVL
232	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула к PSMA	WVRQAPGKGLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	x CD3 -scFc c HLE	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	без цистеинового	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGDIQMT
	зажима	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP
	PM76-B10.11	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
		VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY
		PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG
		GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
		KLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPK
		DTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVE
		VHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR
		EEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGG
		SGGGGSGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSV
		FLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP
		QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE
		SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
233	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула РМ 76-	WVRQAPGKGLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	B10.11 x CD3 -	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	scFc_	MDYWGQGTLVTVSSGGGGGGGGGGGGGGGDIQMT
	с НЬЕ (без	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP
	цистеинового	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS

WVRQAPGKGLEWVA FTISRDDSKNTAYLQ GNSYISYWAYWGQO GSQTVVTQEPSLTVS PNWVQQKPGQAPRO	GGSLKLSCAASGFTFNKYAMN ARIRSKYNNYATYYADSVKDR MNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGG PGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY GLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG EAEYYCVLWYSNRWVFGGGT CPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPK
FTISRDDSKNTAYLQ GNSYISYWAYWGQO GSQTVVTQEPSLTVS PNWVQQKPGQAPRO	MNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
GNSYISYWAYWGQC GSQTVVTQEPSLTVS PNWVQQKPGQAPRO	FTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
GSQTVVTQEPSLTVS PNWVQQKPGQAPRO	PGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY SLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG EAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
PNWVQQKPGQAPRO	EAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
	EAEYYCVLWYSNRWVFGGGT
CITALITET CONTORERS	
GKAALTLSGVQPEDI	CPPCPAPELI GGPSVFI FPPKPK
KLTVLGGGGDKTHT	CIT CITIL LLLCOI S VI LI I I IXI K
DTLMISRTPEVTCVV	VDVSHEDPEVKFNWYVDGVE
VHNAKTKPCEEQYG	STYRCVSVLTVLHQDWLNGKE
YKCKVSNKALPAPIE	KTISKAKGQPREPQVYTLPPSR
EEMTKNQVSLTCLVI	KGFYPSDIAVEWESNGQPENN
YKTTPPVLDSDGSFF.	LYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
VMHEALHNHYTQKS	LSLSPGGGGGGGGGGGG
GGGSGGGSGGGS	DKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
FPPKPKDTLMISRTPE	EVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
VDGVEVHNAKTKPC	EEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
WLNGKEYKCKVSNK	KALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
YTLPPSREEMTKNQV	SLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
GQPENNYKTTPPVLE	OSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
NVFSCSVMHEALHN	HYTQKSLSLSPGK
234 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPO	GESLRLSCAASGFTFSDYYMY
молекула РМ 76- WVRQAPGKGLEWV	AIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
B10.11 x CD3 DNAKNSLYLQMNSL	KAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
(цистеиновый MDYWGQGTLVTVSS	GGGGSGGGGSDIQMT
зажим 103/43) QSPSSLSASVGDRVT	ITCKASQNVDTNVAWYQQKP
GQAPKSLIYSASYVY	WDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
VQSEDFATYYCQQY	DQQLITFGGGTKLEIKSGGGGS
EVQLVESGGGLVQPO	GGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
WVRQAPGKGLEWV	ARIRSKYNNYATYYADSVKDR
FTISRDDSKNTAYLQ	MNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
GNSYISYWAYCGQG	TLVTVSSGGGGSGGGGGGG
SQTVVTQEPSLTVSP	GGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
NWVQQKPGQCPRGL	JGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG

		KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
		LTVL
235	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула РМ 76-	WVRQAPGKGLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	B10.11 x CD3	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	(цистеиновый	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
	зажим 103/43)-	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP
	scFc	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
	c HLE	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG
		SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
		NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG
		KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
		LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD
		TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV
		HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY
		KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE
		EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
		KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV
		MHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGGGGGG
		GGGGSGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVF
		LFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW
		YVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
236	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула РМ 76-	WVRQAPGKGLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	B10.11 x CD3	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	(цистеиновый	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
	зажим 103/43)-	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP

	scFc_	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
	c HLE	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGGGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
		NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG
		KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
		LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD
		TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV
		HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY
		KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE
		EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
		KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV
		MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGGG
		GGSGGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF
		PPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
		DGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWL
		NGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
		LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQ
		PENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
		FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
237	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула к PSMA	WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	x CD3 c	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	цистеиновым	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGDIQMT
	зажимом, scFc,	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP
	c HLE	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
	PM76-B10.11	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
		EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
		WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY

PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT KLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPK DTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVE VHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKE YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR EEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS VMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGG SGGGGGGGGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSV FLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH **QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP** QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK 238 Биспецифическая QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY молекула РМ 76-WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR B10.11 CD3 c DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGDIQMT цистеиновым QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP зажимом, scFc c HLE GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF GNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGG GSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNY PNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLG GKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGT KLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPK DTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVE VHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKE YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR EEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN

		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGG
		GGGSGGGSGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
		FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
239	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула РМ 76-	WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	B10.11 x CD3 scFc	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	c HLE (c	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGDIQMT
	цистеиновым	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP
	зажимом; второй	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
	цистеиновый	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
	зажим при CD3	EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
	103/43)	WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
		FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
		NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG
		KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
		LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD
		TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV
		HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY
		KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE
		EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
		KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV
		MHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGG
		GGGGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVF
		LFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW
		YVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
L	l .	I

		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
240	Биспецифическая	QVQLVESGGGLVKPGESLRLSCAASGFTFSDYYMY
	молекула РМ 76-	WVRQAPGKCLEWVAIISDGGYYTYYSDIIKGRFTISR
	B10.11 x CD3 -	DNAKNSLYLQMNSLKAEDTAVYYCARGFPLLRHGA
	scFc_	MDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGGGDIQMT
	c HLE (c	QSPSSLSASVGDRVTITCKASQNVDTNVAWYQQKP
	цистеиновым	GQAPKSLIYSASYVYWDVPSRFSGSASGTDFTLTISS
	зажимом; второй	VQSEDFATYYCQQYDQQLITFGCGTKLEIKSGGGGS
	цистеиновый	EVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMN
	зажим при CD3	WVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDR
	103/43-)	FTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNF
		GNSYISYWAYCGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGG
		SQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYP
		NWVQQKPGQCPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGG
		KAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTK
		LTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKD
		TLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEV
		HNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEY
		KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSRE
		EMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
		KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSV
		MHEALHNHYTQKSLSLSPGGGGGGGGGGGGGGG
		GGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF
		PPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
		DGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWL
		NGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
		LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQ
		PENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
		FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
CD70	1	
241	CDR-H1 к CD70	TYAMS
242	CDR-H2 к CD70	AISGSGGRTFYAESVEG
243	CDR-H3 к CD70	HDYSNYPYFDY
244	CDR-L1 к CD70	RASQSVRSTYLA

245	CDR-L2 к CD70	GASSRAT
246	CDR-L3 к CD70	QQYGDLPFT
247	VH к CD70	EVQLLESGGGMVQPGGSLRLSCAASGFTFSTYAMS
		WVRQAPGKCLEWVSAISGSGGRTFYAESVEGRFTIS
		RDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKHDYSNYP
		YFDYWGQGTLVTVSS
248	VL к CD70	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVRSTYLAWY
		QQK
		PGQAPRLLIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISR
		LE
		PEDFAVYSCQQYGDLPFTFGCGTKLEIK
249	scFv к CD70	EVQLLESGGGMVQPGGSLRLSCAASGFTFSTYAMS
	(цистеиновый	WVRQAPGKCLEWVSAISGSGGRTFYAESVEGRFTIS
	зажим)	RDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKHDYSNYP
		YFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGSEIVLT
		QSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVRSTYLAWYQQKP
		GQAPRLLIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRL
		EPEDFAVYSCQQYGDLPFTFGCGTKLEIK
250	VH-VL к CD70,	EVQLLESGGGMVQPGGSLRLSCAASGFTFSTYAMS
	scFc	WVRQAPGKCLEWVSAISGSGGRTFYAESVEGRFTIS
		RDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKHDYSNYP
		YFDYWGQGTLVTVSSGGGGGGGGGGGGGSEIVLT
		QSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVRSTYLAWYQQKP
		GQAPRLLIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRL
		EPEDFAVYSCQQYGDLPFTFGCGTKLEIKSGGGGSE
		VQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNKYAMNW
		VRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADSVKDRFT
		ISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVRHGNFGN
		SYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGGQ
		TVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTSGNYPNW
		VQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGSLLGGKA
		ALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFGGGTKLTV
		LGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTL
		MISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHN
		AKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKC

		T
		KVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEM
		TKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMH
		EALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGGG
		GGSGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF
		PPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
		DGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWL
		NGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
		LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQ
		PENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNV
		FSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
CLDN18,2	1	
251	CDR-H1 VH	GYYMH
	CL-1 и CL-2	GTTWIII
252	CDR-H2 VH	WINPNSGGTKYAQKFQG
253	CDR-H3 VH	DRITVAGTYYYYGMDV
254	CDR-L1 VL	RASQGVNNWLA
255	CDR-L2 VL	TASSLQS
256	CDR-L3 VL	QQANSFPIT
257		QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYM
	VH	HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
	CL-1	TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
		GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSS
258		DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLAW
	VL	YQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFT
	CL-1	LTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIK
259		QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYM
		HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
		TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
	scFv	GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGSGGG
	CL-1	GSDIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLA
		WYQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTD
		FTLTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIK
260	Биспецифическая	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYM
	, 1	

	молекула	HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
	CL-1 xI2C	TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
		GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSDIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLA
		WYQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTD
		FTLTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIKS
		GGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNK
		YAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADS
		VKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVR
		HGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGG
		GGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTS
		GNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGS
		LLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFG
		GGTKLTVL
261		QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTGYYM
		HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
		TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
		GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGSGGG
		GSDIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLA
		WYQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTD
		FTLTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIKS
		GGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNK
	Биспецифическая молекула scFc	YAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADS
		VKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVR
		HGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGG
		GGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTS
	CL-1 xI2C-scFc	GNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGS
		LLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFG
		GGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVD
		GVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLN
		GKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLP
		PSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPE
		NNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFS
		CSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGGSGG
	L	I

		GGSGGGSGGGSGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKF
		NWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVL
		HQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPRE
		PQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEW
		ESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
262		QVQMVQSGAEVKKHGASVKVSCKASGYTFTGYYM
	VH	HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
	CL-2	TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
		GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSS
263	VL	DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLAW
	CL-2	YQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTDFT
	CL-2	LTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIK
264		QVQMVQSGAEVKKHGASVKVSCKASGYTFTGYYM
		HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
	scFv	TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
	CL-2	GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGG
	CL-2	GSDIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLA
		WYQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTD
		FTLTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIK
265		QVQMVQSGAEVKKHGASVKVSCKASGYTFTGYYM
		HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
		TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
		GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSDIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLA
	Биспецифическая	WYQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTD
	молекула	FTLTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIKS
	CL-2xI2C	GGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNK
	CL-2XI2C	YAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADS
		VKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVR
		HGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGG
		GGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTS
		GNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGS
		LLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFG

		GGTKLTVL
266		QVQMVQSGAEVKKHGASVKVSCKASGYTFTGYYM
		HWVRQAPGQCLEWMGWINPNSGGTKYAQKFQGRV
		TMTRDTSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDRITVA
		GTYYYYGMDVWGQGTTVTVSSGGGGSGGGGGGG
		GSDIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGVNNWLA
		WYQQKPGKAPKLLIYTASSLQSGVPSRFSGSGSGTD
		FTLTIRSLQPEDFATYYCQQANSFPITFGCGTRLEIKS
		GGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFNK
		YAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYADS
		VKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYCVR
		HGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGG
		GGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGAVTS
	Биспецифическая	GNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARFSGS
	молекула	LLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWVFG
	scFc	GGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	CL-2xI2C-scFc	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVD
		GVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLN
		GKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLP
		PSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPE
		NNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFS
		CSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGG
		GGSGGGGGGGGGGGCCKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKF
		NWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVL
		HQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPRE
		PQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEW
		ESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
MUC17		
267	CDR1 VH MU-2-	NHGMH
	C2	
268	CDR2 VH MU-2-	GIWSEGSNKYYADAVKG
	C2	
269	CDR3 VH MU-2-	ATYTTGWSYFDY

	C2	
270	CDR1 VL MU-2-	SGDKLGDKYAS
	C2	
271	CDR2 VL MU-2-	QDAKRPS
	C2	
272	CDR3 VL MU-2-	QAFHQSTWV
	C2	
273		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNHGMH
	VH	WVRQAPGKCLEWVAGIWSEGSNKYYADAVKGRFTI
	MU-2-C2	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARATYTTG
		WSYFDYWGQGTLVTVSS
274	VL	SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQ
	MU-2-C2	QKSGQSPVLVIYQDAKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTI
	W10-2-C2	SGTQAMDEADYYCQAFHQSTWVFGCGTQLTVL
275		<u>QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNHGMH</u>
		<u>WVRQAPGKCLEWVAGIWSEGSNKYYADAVKGRFTI</u>
		<u>SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARATYTTG</u>
		WSYFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGSSY
		ELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQQK
		<u>SGQSPVLVIYQDAKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISG</u>
		<u>TQAMDEADYYCQAFHQSTWVFGCGTQLTVL</u>
		SGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFN
	Биспецифическая	KYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYA
	молекула	DSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYC
	MU-2-C2 x CD3 -	VRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG
	scFc (scFv MUC17	GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA
	подчеркнут)	VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF
		SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV
		FGGGTKLTVL
		GGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMI
		SRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTK
		NQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPP
		VLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEA

		LHNHYTQKSLSLSPGKGGGGGGGGGGGGGG
		SGGGGGGGGSDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPPK
		PKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDG
		VEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNG
		KEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPP
		SREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPEN
		NYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
276	CDR1 VH	NHAMH
	MU-32-G6	
277	CDR2 VH	GIWSEGSNKYYAESVKG
	MU-32-G6	
278	CDR3 VH	ATYTTGWSYFDY
	MU-32-G6	
279	CDR1 VL	SGDKLGDKYAS
	MU-32-G6	
280	CDR2 VL	QDRKRPS
	MU-32-G6	
281	CDR3 VL	QAYDASTWV
	MU-32-G6	
282		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNHAMH
	VH	WVRQAPGKCLEWVAGIWSEGSNKYYAESVKGRFTI
	MU-32-G6	SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARATYTTG
		WSYFDYWGQGTLVTVSS
283	M	SYELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQ
	VL	QKSGQSPVLVIYQDRKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTI
	MU-32-G6	SGTQAMDEADYYCQAYDASTWVFGCGTQLTVL
284	Биспецифическая молекула MU-32-G6 x CD3 - scFc (scFv MUC17	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNHAMH
		<u>WVRQAPGKCLEWVAGIWSEGSNKYYAESVKGRFTI</u>
		<u>SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARATYTTG</u>
		WSYFDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGSSY
		ELTQPPSVSVSPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQQK
		<u>SGQSPVLVIYQDRKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISG</u>
	подчеркнут)	TQAMDEADYYCQAYDASTWVFGCGTQLTVL
	1	<u> </u>

	SGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFN
	KYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYA
	DSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYC
	VRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG
	GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA
	VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF
	SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV
	FGGGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
	FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
	VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
	WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
	YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
	GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
	NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGG
	GSGGGSGGGSGGGSGGGSDKTHTCPPCPAPE
	LLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSV
	LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKG
	QPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIA
	VEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDK
	SRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
CDR1 VH	GYYWS
MU 8-B7	
CDR2 VH	DIDASGSTKYNPSLKS
MU 8-B7	
CDR3 VH	KKYSTVWSYFDN
MU 8-B7	
CDR1 VL	SGDKLGDKYAS
MU 8-B7	
CDR2 VL	QDRKRPS
MU 8-B7	
CDR3 VL	QAWGSSTAV
MU 8-B7	
VH	QVQLQQWGAGLLKPSETLSLTCAVYGGSFSGYYWS
	MU 8-B7 CDR2 VH MU 8-B7 CDR3 VH MU 8-B7 CDR1 VL MU 8-B7 CDR2 VL MU 8-B7 CDR3 VL MU 8-B7

	MU 8-B7	WIRQPPGKCLEWIGDIDASGSTKYNPSLKSRVTISLD
		TSKNQFSLKLNSVTAADTAVYFCARKKYSTVWSYF
		DNWGQGTLVTVSS
292	VL MH 8 P7	SYELTQPSSVSVPPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQ
		QKPGQSPVLVIYQDRKRPSGVPERFSGSNSGNTATLT
	MU 8-B7	ISGTQAMDEADYYCQAWGSSTAVFGCGTKLTVL
293		QVQLQQWGAGLLKPSETLSLTCAVYGGSFSGYYWS
		WIRQPPGKCLEWIGDIDASGSTKYNPSLKSRVTISLD
		TSKNQFSLKLNSVTAADTAVYFCARKKYSTVWSYF
		DNWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGSSYELTQP
		SSVSVPPGQTASITCSGDKLGDKYASWYQQKPGQSP
		VLVIYQDRKRPSGVPERFSGSNSGNTATLTISGTQAM
		<u>DEADYYCQAWGSSTAVFGCGTKLTVL</u>
		SGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFN
		KYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYA
		DSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYC
		VRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG
	Биспецифическая	GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA
	молекула	VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF
	MU 8-B7 x CD3 -	SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV
	scFc (scFv MUC17	FGGGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
	подчеркнут)	FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
	подчеркнуту	VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN
		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG
		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGG
		GSGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
		LLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSV
		LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKG
		QPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIA
		VEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDK
		SRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
294	CDR1 VH	GYYWS

	MU 1-B6	
295	CDR2 VH	DIDYSGSTKYNPSLKS
	MU 1-B6	
296	CDR3 VH	KKYSTVWSYFDY
	MU 1-B6	
297	CDR1 VL	SGDKLGDKYAN
	MU 1-B6	
298	CDR2 VL	HDNKRPS
	MU 1-B6	
299	CDR3 VL	QAYGISSAV
	MU 1-B6	
300		QVQLQQWGAGLLKPSETLSLTCAVYGGSFSGYYWS
	VH	WIRQPPGKCLEWIGDIDYSGSTKYNPSLKSRVTISLD
	MU 1-B6	TSKNQFSLKLNSVTAADTAVYFCARKKYSTVWSYF
		DYWGQGTLVTVSS
301	VL	SYELTQPASASVSPGQTASITCSGDKLGDKYANWYQ
	MU 1-B6	QKPGQSPILVIYHDNKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTI
	MIO 1-RO	SGTQAMDEADYYCQAYGISSAVFGCGTKLTVL
302		QVQLQQWGAGLLKPSETLSLTCAVYGGSFSGYYWS
		WIRQPPGKCLEWIGDIDYSGSTKYNPSLKSRVTISLD
		<u>TSKNQFSLKLNSVTAADTAVYFCARKKYSTVWSYF</u>
	Биспецифическая молекула	<u>DYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGSGGGSSYELTQP</u>
		<u>ASASVSPGQTASITCSGDKLGDKYANWYQQKPGQS</u>
		<u>PILVIYHDNKRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQAM</u>
		<u>DEADYYCQAYGISSAVFGCGTKLTVL</u>
	MU 1-B6 x CD3 -	SGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGFTFN
	scFc (scFv MUC17	KYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATYYA
	подчеркнут)	DSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVYYC
		VRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSGG
		GGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTGA
		VTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPARF
		SGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNRWV
		FGGGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFL
		FPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY

		VDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQD	
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV	
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESN	
		GQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQG	
		NVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSGGG	
		GSGGGGGGGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC	
		LLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED	
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSV	
		LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKG	
		QPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIA	
		VEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDK	
		SRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK	
CDH3			
303	CDR1 VH CDH3	G. I.D. I.	
	G8A 6-B12	SYPIN	
304	CDR2 VH CDH3		
	G8A 6-B12	VIWTGGGTNYASSVKG	
305	CDR3 VH CDH3		
	G8A 6-B12	SRGVYDFDGRGAMDY	
306	CDR1 VL CDH3	Waaaa Haaanaya waa	
	G8A 6-B12	KSSQSLLYSSNQKNYFA	
307	CDR2 VL CDH3	W. L. GED. D.G.	
	G8A 6-B12	WASTRES	
308	CDR3 VL CDH3		
	G8A 6-B12	QQYYSYPYT	
309	CDH3 VH G8A 6-	EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFSFSSYPINWV	
	B12	RQAPGKGLEWVGVIWTGGGTNYASSVKGRFTISRD	
		NSKNTVYLQMNSLRAEDTAVYYCAKSRGVYDFDG	
		RGAMDYWGQGTLVTVSS	
310	CDH3 VL G8A 6-	DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSLLYSSNQKN	
	B12	YFAWYQQKPGQPPKLLIYWASTRESGVPDRFSGSGS	
		GTDFTLTISSLQAEDVAVYYCQQYYSYPYTFGQGTK	
		LEIK	
311	CDH3 G8A 6-B12	EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFSFSSYPINWV	

	scFv	RQAPGKGLEWVGVIWTGGGTNYASSVKGRFTISRD
		NSKNTVYLQMNSLRAEDTAVYYCAKSRGVYDFDG
		RGAMDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGSDI
		VMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSLLYSSNQKNY
		FAWYQQKPGQPPKLLIYWASTRESGVPDRFSGSGSG
		TDFTLTISSLQAEDVAVYYCQQYYSYPYTFGQGTKL
		EIK
312	Биспецифическая	EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFSFSSYPINWV
	молекула CDH3	RQAPGKGLEWVGVIWTGGGTNYASSVKGRFTISRD
	G8A 6-B12 x CD3	NSKNTVYLQMNSLRAEDTAVYYCAKSRGVYDFDG
		RGAMDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGSDI
		VMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSLLYSSNQKNY
		FAWYQQKPGQPPKLLIYWASTRESGVPDRFSGSGSG
		TDFTLTISSLQAEDVAVYYCQQYYSYPYTFGQGTKL
		EIKSGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGF
		TFNKYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATY
		YADSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVY
		YCVRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSG
		GGGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTG
		AVTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPA
		RFSGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNR
		WVFGGGTKLTVL
313	Биспецифическая	EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFSFSSYPINWV
	молекула CDH3	RQAPGKGLEWVGVIWTGGGTNYASSVKGRFTISRD
	G8A 6-B12 x I2C0	NSKNTVYLQMNSLRAEDTAVYYCAKSRGVYDFDG
	c HLE	RGAMDYWGQGTLVTVSSGGGGSGGGGGGGDI
		VMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSLLYSSNQKNY
		FAWYQQKPGQPPKLLIYWASTRESGVPDRFSGSGSG
		TDFTLTISSLQAEDVAVYYCQQYYSYPYTFGQGTKL
		EIKSGGGGSEVQLVESGGGLVQPGGSLKLSCAASGF
		TFNKYAMNWVRQAPGKGLEWVARIRSKYNNYATY
		YADSVKDRFTISRDDSKNTAYLQMNNLKTEDTAVY
		YCVRHGNFGNSYISYWAYWGQGTLVTVSSGGGGSG
		GGGSGGGSQTVVTQEPSLTVSPGGTVTLTCGSSTG
		AVTSGNYPNWVQQKPGQAPRGLIGGTKFLAPGTPA

		DECCTI CCVAALTI COVODEDEAEVVOVI WYGND
		RFSGSLLGGKAALTLSGVQPEDEAEYYCVLWYSNR
		WVFGGGTKLTVLGGGGDKTHTCPPCPAPELLGGPS
		VFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPREP
		QVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWE
		SNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPGKGGGGSG
		GGGSGGGGGGGGGGGGGCKTHTCPPCPA
		PELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSH
		EDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPCEEQYGSTYRCV
		SVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKA
		KGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPS
		DIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLT
		VDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
		K
CD19		
314	CDR1 VL CD19	KASQSVDYDGDSYLN
315	CDR2 VL CD19	DASNLVS
316	CDR3 VL CD19	QQSTEDPWT
317	CDR1 VH CD19	SYWMN
318	CDR2 VH CD19	QIWPGDGDTNYNGKFKG
319	CDR3 VH CD19	RETTTVGRYYYAMDY
320	VL CD19	DIQLTQSPASLAVSLGQRATISCKASQSVDYDGDSYL
		NWYQQIPGQPPKLLIYDASNLVSGIPPRFSGSGSGTD
		FTLNIHPVEKVDAATYHCQQSTEDPWTFGGGTKLEI
		K
321	VH CD19	QVQLQQSGAELVRPGSSVKISCKASGYAFSSYWMN
		WVKQRPGQGLEWIGQIWPGDGDTNYNGKFKGKAT
		LTADESSSTAYMQLSSLASEDSAVYFCARRETTTVG
		RYYYAMDYWGQGTTVTVSS
322	scFv CD19	DIQLTQSPASLAVSLGQRATISCKASQSVDYDGDSYL
		NWYQQIPGQPPKLLIYDASNLVSGIPPRFSGSGSGTD
		FTLNIHPVEKVDAATYHCQQSTEDPWTFGGGTKLEI

		KGGGGSGGGSGGGSQVQLQQSGAELVRPGSSVK
		ISCKASGYAFSSYWMNWVKQRPGQGLEWIGQIWPG
		DGDTNYNGKFKGKATLTADESSSTAYMQLSSLASE
		DSAVYFCARRETTTVGRYYYAMDYWGQGTTVTVS
		S
323	CDR1 VH CD3	RYTMH
324	CDR2 VH CD3	YINPSRGYTNYNQKFKD
325	CDR3 VH CD3	YYDDHYCLDY
326	CDR1 VL CD3	RASSSVSYMN
327	CDR2 VL CD3	DTSKVAS
328	CDR3 VL CD3	QQWSSNPLT
329	VH CD3	DIKLQQSGAELARPGASVKMSCKTSGYTFTRYTMH
		WVKQRPGQGLEWIGYINPSRGYTNYNQKFKDKATL
		TTDKSSSTAYMQLSSLTSEDSAVYYCARYYDDHYC
		LDYWGQGTTLTVSS
330	VL CD3	VDDIQLTQSPAIMSASPGEKVTMTCRASSSVSYMNW
		YQQKSGTSPKRWIYDTSKVASGVPYRFSGSGSGTSY
		SLTISSMEAEDAATYYCQQWSSNPLTFGAGTKLELK
331	scFv CD3	DIKLQQSGAELARPGASVKMSCKTSGYTFTRYTMH
		WVKQRPGQGLEWIGYINPSRGYTNYNQKFKDKATL
		TTDKSSSTAYMQLSSLTSEDSAVYYCARYYDDHYC
		LDYWGQGTTLTVSSVEGGSGGSGGSGGSGGVDDIQ
		LTQSPAIMSASPGEKVTMTCRASSSVSYMNWYQQK
		SGTSPKRWIYDTSKVASGVPYRFSGSGSGTSYSLTIS
		SMEAEDAATYYCQQWSSNPLTFGAGTKLELK
332	scFv CD19xCD3,	DIQLTQSPASLAVSLGQRATISCKASQSVDYDGDSYL
	включая линкер и	NWYQQIPGQPPKLLIYDASNLVSGIPPRFSGSGSGTD
	his-метку	FTLNIHPVEKVDAATYHCQQSTEDPWTFGGGTKLEI
		KGGGGSGGGSGGGSQVQLQQSGAELVRPGSSVK
		ISCKASGYAFSSYWMNWVKQRPGQGLEWIGQIWPG
		DGDTNYNGKFKGKATLTADESSSTAYMQLSSLASE
		DSAVYFCARRETTTVGRYYYAMDYWGQGTTVTVS
		SGGGGSDIKLQQSGAELARPGASVKMSCKTSGYTFT
		RYTMHWVKQRPGQGLEWIGYINPSRGYTNYNQKFK

		DKATLTTDKSSSTAYMQLSSLTSEDSAVYYCARYYD
		DHYCLDYWGQGTTLTVSSVEGGSGGSGGSGGSGGV
		DDIQLTQSPAIMSASPGEKVTMTCRASSSVSYMNWY
		QQKSGTSPKRWIYDTSKVASGVPYRFSGSGSGTSYS
		LTISSMEAEDAATYYCQQWSSNPLTFGAGTKLELKH
		ННННН
333	Пептидный	GGGG
	линкер	
334	Пептидный	GGGGS
	линкер	
335	Пептидный	GGGGQ
	линкер	
336	Пептидный	PGGGGS
	линкер	
337	Пептидный	PGGDGS
	линкер	
338	Пептидный	SGGGGS
	линкер	
339	Пептидный	GGGGSGGS
	линкер	ddddddd
340	Пептидный	GGGGSGGGS
	линкер	dddddddd
341	Пептидный	CCCCCCCCCCCCC
	линкер	GGGGSGGGGGS
342	Пептидный	(CCCCS) = 1 2 2 = 1 4
	линкер	(GGGGS)x, x= 1, 2, 3, или 4
343	Гистидиновая	тинин
	метка	НННННН
344	scFc 1	DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT
		LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD
		GVEVHNAKTK PCEEQYGSTY RCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK
		GQPREPQVYT LPPSREEMTK NQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS

		DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE
		ALHNHYTQKS LSLSPGKGGG GSGGGGSGGG
		GSGGGSGGG GSGGGSDKT HTCPPCPAPE
		LLGGPSVFLF PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV
		VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPCE
		EQYGSTYRCV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV
		SNKALPAPIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP
		SREEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES
		NGQPENNYKT TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD
		KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SPGK
345 scF	Fc 2	DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT
		LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD
		GVEVHNAKTK PCEEQYGSTY RCVSVLTVLH
		QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK
		GQPREPQVYT LPPSREEMTK NQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS
		DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE
		ALHNHYTQKS LSLSPGGGGS GGGGSGGGS
		GGGGSGGGS GGGGSDKTHT CPPCPAPELL
		GGPSVFLFPP KPKDTLMISR TPEVTCVVVD
		VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPCEEQ
		YGSTYRCVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN
		KALPAPIEKT ISKAKGQPRE PQVYTLPPSR
		EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG
		QPENNYKTTP PVLDSDGSFF LYSKLTVDKS
		RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSP GK

<u>Таблица 16. Иллюстративные последовательности антител к CCR8 по настоящему</u> изобретению.

SEQ ID	Описание	Последовательность
NO		
346	Антитело 1 IgG1, HCDR1	NARMG
347	Антитело 1 IgG1, HCDR2	RIKSKTEGGTRDYAAPVKG
348	Антитело 1 IgG1, HCDR3	YSGV
349	Антитело 1 IgG1, LCDR1	KSSQSVLYSSNNKNYLA
350	Антитело 1 IgG1, LCDR2	WASTRES

351	Антитело 1 IgG1, LCDR3	QQYYSIPIT
352	Антитело 1 IgG1, HCVR	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
		ASGFTFSNARMGWVRQAPGKGL
		EWVGRIKSKTEGGTRDYAAPVKG
		RFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTED
		TAVYYCTSYSGVWGQGTMVTVS
		S
353	Антитело 1 IgG1, LCVR	DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCK
		SSQSVLYSSNNKNYLAWYHQKPG
		QSPKLLISWASTRESGVPDRFSGS
		GSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYC
		QQYYSIPITFGGGTKVEIKR
354	Антитело 1 IgG1, HC	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
		ASGFTFSNARMGWVRQAPGKGL
		EWVGRIKSKTEGGTRDYAAPVKG
		RFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTED
		TAVYYCTSYSGVWGQGTMVTVS
		SASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTA
		ALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGAL
		TSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKV
		DKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELL
		GGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVT
		CVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGV
		EVHNAKTKPREEQYNSTYRVVSV
		LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKA
		LPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLP
		PSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPS
		DIAVEWESNGQPENNYKTTPPVL
		DSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGN
		VFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
355	Антитело 1 IgG1, LC	DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCK
		SSQSVLYSSNNKNYLAWYHQKPG
		QSPKLLISWASTRESGVPDRFSGS

		GSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYC
		QQYYSIPITFGGGTKVEIKRTVAA
		PSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLN
		NFYPREAKVQWKVDNALQSGNS
		QESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSK
		ADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVT
		KSFNRGEC
356	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	NARMG
	H45Q_S51P), HCDR1	
357	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	RIKSKTEGGTRDYAAPVKG
	H45Q_S51P), HCDR2	
358	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	YSGV
	H45Q_S51P), HCDR3	
359	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	KSSQSVLYSSNNKNYLA
	H45Q_S51P), LCDR1	
360	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	WASTRES
	H45Q_S51P), LCDR2	
361	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	QQYYSIPIT
	H45Q_S51P), LCDR3	
362	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
	H45Q_S51P), HCVR	ASGFTFSNARMGWVRQAPGKGL
		EWVGRIKSKTEGGTRDYAAPVKG
		RFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTED
		TAVYYCTSYSGVWGQGTMVTVS
		S
363	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCK
	H45Q_S51P), LCVR	SSQSVLYSSNNKNYLAWYQQKPG
		QPPKLLISWASTRESGVPDRFSGS
		GSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYC
		QQYYSIPITFGGGTKVEIKR
364	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
	H45Q_S51P), HC	ASGFTFSNARMGWVRQAPGKGL
		EWVGRIKSKTEGGTRDYAAPVKG
		RFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTED

		TAVYYCTSYSGVWGQGTMVTVS
		SASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTA
		ALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGAL
		TSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKV
		DKKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELL
		GGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVT
		CVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGV
		EVHNAKTKPREEQYNSTYRVVSV
		LTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKA
		LPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLP
		PSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPS
		DIAVEWESNGQPENNYKTTPPVL
		DSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGN
		VFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
365	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCK
	H45Q_S51P), LC	SSQSVLYSSNNKNYLAWYQQKPG
		QPPKLLISWASTRESGVPDRFSGS
		GSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYC
		QQYYSIPITFGGGTKVEIKRTVAA
		PSVFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLN
		NFYPREAKVQWKVDNALQSGNS
		QESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSK
		ADYEKHKVYACEVTHQGLSSPVT
		KSFNRGEC
366	Антитело 2.1 IgG1, HCDR1 (LC:	NYGMH
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	
367	Антитело 2.1 IgG1, HCDR2 (LC:	VISYDGSNKFYIRSVKG
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	
368	Антитело 2.1 IgG1, HCDR3 (LC:	AGGIGRFDY

	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	
369	Антитело 2.1 IgG1, LCDR1 (LC:	KAAQSLLHSDGKTYLF
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	
370	Антитело 2.1 IgG1, LCDR2 (LC:	EVSNRFS
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	
371	Антитело 2.1 IgG1, LCDR3 (LC:	MQTLKLPLT
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	
372	Антитело 2.1 IgG1, HCVR (LC:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	ASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGL
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	EWVAVISYDGSNKFYIRSVKGRFT
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARAGGIGRFDYWGQGTLV
		TVSS
373	Антитело 2.1 IgG1, LCVR (LC:	DIVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	AAQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	SPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		TLKLPLTFGGGTKVEIKR
374	Антитело 2.1 IgG1, HC (LC:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	ASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGL
	HC: K87N_S94N_V98A)(LC:	EWVAVISYDGSNKFYIRSVKGRFT
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARAGGIGRFDYWGQGTLV
		TVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGG
		TAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSV
		VTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNT

		KVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAP
		ELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTP
		EVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
		DGVEVHNAKTKPREEQYNSTYRV
		VSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKG
		FYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTP
		PVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSL
		SLSPGK
375	Антитело 2.1 IgG1, LC (LC:	DIVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	AAQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	SPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		TLKLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
376	Антитело 2.2 IgG1, HCDR1 (LC:	NYGMH
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	
	HC: A71L_D72K)	
377	Антитело 2.2 IgG1, HCDR2 (LC:	VISYDGSNKFYLKSVKG
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	
	HC: A71L_D72K)	
378	Антитело 2.2 IgG1, HCDR3 (LC:	AGGIGRFDY
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	
	HC: A71L_D72K)	
379	Антитело 2.2 IgG1, LCDR1 (LC:	KASQSLLHSDGKTYLF
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	

	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	
	HC: A71L_D72K)	
380	Антитело 2.2 IgG1, LCDR2 (LC:	EVSNRFS
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	
	HC: A71L_D72K)	
381	Антитело 2.2 IgG1, LCDR3 (LC:	MQTLKLPLT
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	
	HC: A71L_D72K)	
382	Антитело 2.2 IgG1, HCVR (LC:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	ASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGL
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	EWVAVISYDGSNKFYLKSVKGRF
	HC: A71L_D72K)	TISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDT
		AVYYCARAGGIGRFDYWGQGTL
		VTVSS
383	Антитело 2.2 IgG1, LCVR (LC:	DIVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	ASQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	SPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
	HC: A71L_D72K)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		TLKLPLTFGGGTKVEIKR
384	Антитело 2.2 IgG1, HC (LC:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	ASGFTFSNYGMHWVRQAPGKGL
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	EWVAVISYDGSNKFYLKSVKGRF
	HC: A71L_D72K)	TISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDT
		AVYYCARAGGIGRFDYWGQGTL
		VTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSS
		VVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSN
		TKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPA
		PELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRT
		PEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV

		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
385	Антитело 2.2 IgG1, LC (LC:	DIVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	ASQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	SPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
	HC: A71L_D72K)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		TLKLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
386	Антитело 3.0 IgG1, HCDR1	NAWMS
387	Антитело 3.0 IgG1, HCDR2	RIKRRTDGGTTDYAAPVKD
388	Антитело 3.0 IgG1, HCDR3	VTMVRGVIADY
389	Антитело 3.0 IgG1, LCDR1	RASQSVSSGSLA
390	Антитело 3.0 IgG1, LCDR2	GASSRAT
391	Антитело 3.0 IgG1, LCDR3	QQYGSSRT
392	Антитело 3.0 IgG1, HCVR	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
		ASGFIFSNAWMSWVRQAPGKGLE
		WVARIKRRTDGGTTDYAAPVKD
		RFTISRDDSKNTLFLQMNSLKTED
		TAVYYCTTVTMVRGVIADYWGQ
		GTLVTVSS
393	Антитело 3.0 IgG1, LCVR	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRA
		SQSVSSGSLAWYQQKLGQAPRLL
		IYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT
		LTISSLEPEDFAVYYCQQYGSSRT
		FGQGTKVELKR
394	Антитело 3.0 IgG1, HC	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA

		ASGFIFSNAWMSWVRQAPGKGLE
		WVARIKRRTDGGTTDYAAPVKD
		RFTISRDDSKNTLFLQMNSLKTED
		TAVYYCTTVTMVRGVIADYWGQ
		GTLVTVSSASTKGPSVFPLAPSSK
		STSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS
		WNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLY
		SLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNH
		KPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTL
		MISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKF
		NWYVDGVEVHNAKTKPREEQYN
		STYRVVSVLTVLHQDWLNGKEY
		KCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQP
		REPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTC
		LVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDK
		SRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
395	Антитело 3.0 IgG1, LC	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRA
		SQSVSSGSLAWYQQKLGQAPRLL
		IYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT
		LTISSLEPEDFAVYYCQQYGSSRT
		FGQGTKVELKRTVAAPSVFIFPPS
		DEQLKSGTASVVCLLNNFYPREA
		KVQWKVDNALQSGNSQESVTEQ
		DSKDSTYSLSSTLTLSKADYEKHK
		VYACEVTHQGLSSPVTKSFNRGE
		С
396	Антитело 4.0 IgG1, HCDR1	NAWMS
397	Антитело 4.0 IgG1, HCDR2	RIKRKTDGGTTDYAAPVKG
398	Антитело 4.0 IgG1, HCDR3	VTLVRGIIFDY
399	Антитело 4.0 IgG1, LCDR1	RVSQSVSSSQLA
400	Антитело 4.0 IgG1, LCDR2	GASSRAT

401	Антитело 4.0 IgG1, LCDR3	QQYGNSRT
402	Антитело 4.0 IgG1, HCVR	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
		ASGFIFSNAWMSWVRQAPGKGLE
		WVGRIKRKTDGGTTDYAAPVKG
		RFTISRDDSKNTLYLLMNSLKIED
		TAVYYCTVVTLVRGIIFDYWGQG
		TLVTVSS
403	Антитело 4.0 IgG1, LCVR	EIVLTQSPGTLSLSPGESATLSCRV
		SQSVSSSQLAWYQQKPGQAPRLLI
		YGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT
		LTISRLEPEDFAVYYCQQYGNSRT
		FGQGTKVEIKR
404	Антитело 4.0 IgG1, HC	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
		ASGFIFSNAWMSWVRQAPGKGLE
		WVGRIKRKTDGGTTDYAAPVKG
		RFTISRDDSKNTLYLLMNSLKIED
		TAVYYCTVVTLVRGIIFDYWGQG
		TLVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSW
		NSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSL
		SSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKP
		SNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPC
		PAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMIS
		RTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW
		YVDGVEVHNAKTKPREEQYNST
		YRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC
		KVSNKALPAPIEKTISKAKGQPRE
		PQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCL
		VKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
		KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKS
		RWQQGNVFSCSVMHEALHNHYT
		QKSLSLSPGK
405	Антитело 4.0 IgG1, LC	EIVLTQSPGTLSLSPGESATLSCRV
		SQSVSSSQLAWYQQKPGQAPRLLI
		YGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT

		LTISRLEPEDFAVYYCQQYGNSRT
		FGQGTKVEIKRTVAAPSVFIFPPSD
		EQLKSGTASVVCLLNNFYPREAK
		VQWKVDNALQSGNSQESVTEQD
		SKDSTYSLSSTLTLSKADYEKHKV
		YACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC
406	Антитело 4.1 IgG1, HCDR1 (VH:	NAWLQ
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65Q_G66L)	
407	Антитело 4.1 IgG1, HCDR2 (VH:	RIKRKTDQLTTDYAAPVKG
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65Q_G66L)	
408	Антитело 4.1 IgG1, HCDR3 (VH:	VTRSRGIIFDY
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65Q_G66L)	
409	Антитело 4.1 IgG1, LCDR1 (VH:	RVSQSVSSSQLA
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65Q_G66L)	
410	Антитело 4.1 IgG1, LCDR2 (VH:	GASSRAT
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65Q_G66L)	
411	Антитело 4.1 IgG1, LCDR3 (VH:	QQYGNPRT
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65Q_G66L)	
412	Антитело 4.1 IgG1, HCVR (VH:	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	ASGFIFSNAWLQWVRQAPGKGLE
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	WVGRIKRKTDQLTTDYAAPVKG
	R18S, HC: G65Q_G66L)	RFTISRDDSKNTLYLLMNSLKIED

		TAVYYCTVVTRSRGIIFDYWGQG
		TLVTVSS
413	Антитело 4.1 IgG1, LCVR (VH:	EIVLTQSPGTLSLSPGESATLSCRV
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	SQSVSSSQLAWYQQKPGQAPRLLI
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	YGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT
	R18S, HC: G65Q_G66L)	LTISRLEPEDFAVYYCQQYGNPRT
		FGQGTKVEIKR
414	Антитело 4.1 IgG1, HC (VH:	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	ASGFIFSNAWLQWVRQAPGKGLE
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	WVGRIKRKTDQLTTDYAAPVKG
	R18S, HC: G65Q_G66L)	RFTISRDDSKNTLYLLMNSLKIED
		TAVYYCTVVTRSRGIIFDYWGQG
		TLVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSW
		NSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSL
		SSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKP
		SNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPC
		PAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMIS
		RTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNW
		YVDGVEVHNAKTKPREEQYNST
		YRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC
		KVSNKALPAPIEKTISKAKGQPRE
		PQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCL
		VKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
		KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKS
		RWQQGNVFSCSVMHEALHNHYT
		QKSLSLSPGK
415	Антитело 4.1 IgG1, LC (VH:	EIVLTQSPGTLSLSPGESATLSCRV
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	SQSVSSSQLAWYQQKPGQAPRLLI
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	YGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT
	R18S, HC: G65Q_G66L)	LTISRLEPEDFAVYYCQQYGNPRT
		FGQGTKVEIKRTVAAPSVFIFPPSD
		EQLKSGTASVVCLLNNFYPREAK
		VQWKVDNALQSGNSQESVTEQD
		SKDSTYSLSSTLTLSKADYEKHKV

		YACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC
416	Антитело 4.2 IgG1, HCDR1 (VH:	NAWLQ
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65A_G66S)	
417	Антитело 4.2 IgG1, HCDR2 (VH:	RIKRKTDASTTDYAAPVKG
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65A_G66S)	
418	Антитело 4.2 IgG1, HCDR3 (VH:	VTRSRGIIFDY
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65A_G66S)	
419	Антитело 4.2 IgG1, LCDR1 (VH:	RVSQSVSSSQLA
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65A_G66S)	
420	Антитело 4.2 IgG1, LCDR2 (VH:	GASSRAT
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65A_G66S)	
421	Антитело 4.2 IgG1, LCDR3 (VH:	QQYGNPRT
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	
	R18S, HC: G65A_G66S)	
422	Антитело 4.2 IgG1, HCVR (VH:	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	ASGFIFSNAWLQWVRQAPGKGLE
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	WVGRIKRKTDASTTDYAAPVKGR
	R18S, HC: G65A_G66S)	FTISRDDSKNTLYLLMNSLKIEDT
		AVYYCTVVTRSRGIIFDYWGQGT
		LVTVSS
423	Антитело 4.2 IgG1, LCVR (VH:	EIVLTQSPGTLSLSPGESATLSCRV
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	SQSVSSSQLAWYQQKPGQAPRLLI
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	YGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT

	R18S, HC: G65A_G66S)	LTISRLEPEDFAVYYCQQYGNPRT
		FGQGTKVEIKR
424	Антитело 4.2 IgG1, HC (VH:	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCA
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	ASGFIFSNAWLQWVRQAPGKGLE
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	WVGRIKRKTDASTTDYAAPVKGR
	R18S, HC: G65A_G66S)	FTISRDDSKNTLYLLMNSLKIEDT
		AVYYCTVVTRSRGIIFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
425	Антитело 4.2 IgG1, LC (VH:	EIVLTQSPGTLSLSPGESATLSCRV
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	SQSVSSSQLAWYQQKPGQAPRLLI
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	YGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFT
	R18S, HC: G65A_G66S)	LTISRLEPEDFAVYYCQQYGNPRT
		FGQGTKVEIKRTVAAPSVFIFPPSD
		EQLKSGTASVVCLLNNFYPREAK
		VQWKVDNALQSGNSQESVTEQD
		SKDSTYSLSSTLTLSKADYEKHKV
		YACEVTHQGLSSPVTKSFNRGEC
426	Антитело 5.0 IgG1, HCDR1	SYGMH
427	Антитело 5.0 IgG1, HCDR2	VISYDGSNKYYADSVKG
428	Антитело 5.0 IgG1, HCDR3	GRYFDWFLFDY
429	Антитело 5.0 IgG1, LCDR1	KSSQSLLHSDGKTYLF

430	Антитело 5.0 IgG1, LCDR2	EVSNRFS
431	Антитело 5.0 IgG1, LCDR3	MQSLRLPLT
432	Антитело 5.0 IgG1, HCVR	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
		ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
		WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
		ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSS
433	Антитело 5.0 IgG1, LCVR	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
		SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
		PPQLLISEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGFYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
434	Антитело 5.0 IgG1, HC	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
		ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
		WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
		ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
435	Антитело 5.0 IgG1, LC	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
		SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ

		PPQLLISEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGFYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
436	Антитело 5.1 IgG1, HCDR1 (VH:	SYGMH
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
437	Антитело 5.1 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYADSVKG
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
438	Антитело 5.1 IgG1, HCDR3 (VH:	GRYFDWTLFDY
	F134T,	
	VL:S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
439	Антитело 5.1 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHRDGKTYLF
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
440	Антитело 5.1 IgG1, LCDR2 (VH:	EVSNRFS
	F134T,	
	VL:S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
441	Антитело 5.1 IgG1, LCDR3 (VH:	MQSLRLPLT
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
442	Антитело 5.1 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	F134T, VL:	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
		ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSS

443	Антитело 5.1 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	F134T, VL:	SSQSLLHRDGKTYLFWYLQKPGQ
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	PPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
444	Антитело 5.1 IgG1, HC (VH: F134T,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
	mAb	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
		ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
445	Антитело 5.1 IgG1, LC (VH: F134T,	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	SSQSLLHRDGKTYLFWYLQKPGQ
	mAb	PPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC

446	Антитело 5.2 IgG1, HCDR1 (VH:	SYPMH
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
447	Антитело 5.2 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYADSVKG
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
448	Антитело 5.2 IgG1, HCDR3 (VH:	GRYFDWTLFDY
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
449	Антитело 5.2 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHSDGKTYLF
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
450	Антитело 5.2 IgG1, LCDR2 (VH:	LRSNRFS
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
451	Антитело 5.2 IgG1, LCDR3 (VH:	MQSLRLPLT
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
452	Антитело 5.2 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40P_F134T, VL:	ASGFTFSSYPMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSS
453	Антитело 5.2 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40P_F134T, VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLRSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ

		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
454	Антитело 5.2 IgG1, HC (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40P_F134T, VL:	ASGFTFSSYPMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
455	Антитело 5.2 IgG1, LC (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40P_F134T, VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_hulgG1z	PPQLLIYLRSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
456	Антитело 5.3 IgG1, HCDR1 (VH:	SYGMH
	A71S_D72R, VL:	
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	
	mAb	

A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb	457	Антитело 5.3 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYSRSVKG
S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb			
458 Антигело 5.3 IgG1, HCDR3 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb GRYFDWFLFDY 459 Антигело 5.3 IgG1, LCDR1 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb KSSQSLLHSDGKTYLF 460 Антигело 5.3 IgG1, LCDR2 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb LSSNRFS 461 Антигело 5.3 IgG1, LCDR3 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb MQSLRLPLT 462 Антигело 5.3 IgG1, HCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Антигело 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK SQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антигело 5.3 IgG1, HC (VH: A71S_D72R, VL: SGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			
AHTHTEAD 5.3 IgG1, HCDR3 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb			
A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb	458		GRYFDWFLFDY
S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb	.00		
459 Антитело 5.3 IgG1, LCDR1 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V678_F103V)_huIgG1z mAb KSSQSLLHSDGKTYLF 460 Антитело 5.3 IgG1, LCDR2 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb LSSNRFS 461 Антитело 5.3 IgG1, LCDR3 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb MQSLRLPLT 462 Антитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLI WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK SQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: A71S_D72R, VL: A71			
Ahtutedo 5.3 IgG1, LCDR1 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb			
A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb	459		KSSOSLLHSDGKTYLF
S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb	,		1100 40 22110 2 0111 1 21
460 Антитело 5.3 IgG1, LCDR2 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb LSSNRFS 461 Антитело 5.3 IgG1, LCDR3 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb MQSLRLPLT 462 Антитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK SQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ PQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			
460 Антитело 5.3 IgG1, LCDR2 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb 461 Антитело 5.3 IgG1, LCDR3 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb 462 Антитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z wAb 463 Антитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z wAb 464 Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z wAb 465 GTDFTLKISRVEAEDVGYYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 466 AHTИТЕЛО 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLI			
A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z mAb	460		LSSNRFS
S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb			
461 Антитело 5.3 IgG1, LCDR3 (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb MQSLRLPLT 462 Антитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			
A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb 462 Aнтитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 AHTИТЕЛО 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 AHTИТЕЛО 5.3 IgG1, HC (VH: A71S_D72R, VL: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			
A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb 462 Aнтитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 AHTИТЕЛО 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 AHTИТЕЛО 5.3 IgG1, HC (VH: A71S_D72R, VL: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE	461	Антитело 5.3 IgG1, LCDR3 (VH:	MOSLRLPLT
S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb 462 Ahtutejo 5.3 IgG1, HCVR (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT mAb 1SRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Ahtutejo 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Ahtutejo 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			
462 Антитело 5.3 IgG1, HCVR (VH: A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			
A71S_D72R, VL: S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 AHTUTEJIO 5.3 IgG1, LCVR (VH: DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 AHTUTEJIO 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			
S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE	462	Антитело 5.3 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
mAb ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Aнтитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 AHTИТЕЛО 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE		A71S_D72R, VL:	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT LVTVSS 463 Aнтитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Aнтитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLF		S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT
LVTVSS 463 Aнтитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Aнтитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLF		mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
463 Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH: DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
A71S_D72R, VL: SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Aнтитело 5.3 IgG1, HC (VH: A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			LVTVSS
S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE	463	Антитело 5.3 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
mAb GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Aнтитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE		A71S_D72R, VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
SLRLPLTFGGGTKVEIKR 464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE		S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS
464 Антитело 5.3 IgG1, HC (VH: QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE		mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
A71S_D72R, VL: ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE			SLRLPLTFGGGTKVEIKR
	464	Антитело 5.3 IgG1, HC (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
		A71S_D72R, VL:	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
S57Y_E58L_V67S_F103V)_hulgG1z WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT		S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT

	mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
465	Антитело 5.3 IgG1, LC (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	A71S_D72R, VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
466	Антитело 5.4 IgG1, HCDR1 (VH:	SYAMH
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
467	Антитело 5.4 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYADSVKG
	G40A, VL:	
	GETY DEGI MATERIALISM 1 1 C1	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	

468	Антитело 5.4 IgG1, HCDR3 (VH:	GRYFDWFLFDY
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
469	Антитело 5.4 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHSDGKTYLF
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
470	Антитело 5.4 IgG1, LCDR2 (VH:	LTSNRFS
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
471	Антитело 5.4 IgG1 LCDR3 (VH:	MQSLRLPLT
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
472	Антитело 5.4 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40A, VL:	ASGFTFSSYAMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSS
473	Антитело 5.4 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40A, VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLTSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
474	Антитело 5.4 IgG1, HC (VH: G40A,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	VL:	ASGFTFSSYAMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
L		

		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
475	Антитело 5.4 IgG1, LC (VH: G40A,	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLTSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
476	Антитело 5.5 IgG1, HCDR1 (VH:	SYPVH
	G40P_M41V, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
477	Антитело 5.5 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYADSVKG
	G40P_M41V, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
478	Антитело 5.5 IgG1 HCDR3 (VH:	GRYFDWFLFDY
	G40P_M41V, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
479	Антитело 5.5 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHSDGKTYLF

	G40P_M41V, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
480	Антитело 5.5 IgG1, LCDR2 (VH:	LTSNRFS
	G40P_M41V, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
481	Антитело 5.5 IgG1 LCDR3 (VH:	MQSLRLPLT
	G40P_M41V, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb	
482	Антитело 5.5 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40P_M41V, VL:	ASGFTFSSYPVHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSS
483	Антитело 5.5 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40P_M41V, VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLTSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
484	Антитело 5.5 IgG1, HC (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40P_M41V, VL:	ASGFTFSSYPVHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR

		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
485	Антитело 5.5 IgG1, LC (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40P_M41V, VL:	SSQSLLHSDGKTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLTSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
486	Антитело 5.6 IgG1, HCDR1 (VH:	SYGMH
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
	(LC: G37A_K38R_M107L)	
487	Антитело 5.6 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYADSVKG
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
	(LC: G37A_K38R_M107L)	
488	Антитело 5.6 IgG1 HCDR3 (VH:	GRYFDWTLFDY
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
	(LC: G37A_K38R_M107L)	
489	Антитело 5.6 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHRDARTYLF
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
	(LC: G37A_K38R_M107L)	
490	Антитело 5.6 IgG1, LCDR2 (VH:	EVSNRFS
	F134T, VL:	
		i

	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
	(LC: G37A_K38R_M107L)	
491	Антитело 5.6 IgG1 LCDR3 (VH:	LQSLRLPLT
	F134T, VL:	
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	
	(LC: G37A_K38R_M107L)	
492	Антитело 5.6 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	F134T, VL:	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	(LC: G37A_K38R_M107L)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSS
493	Антитело 5.6 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	F134T, VL:	SSQSLLHRDARTYLFWYLQKPGQ
	S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z mAb	PPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
	(LC: G37A_K38R_M107L)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
494	Антитело 5.6 IgG1, HC (VH: F134T,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
		ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW

		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
495	Антитело 5.6 IgG1, LC (VH: F134T,	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	SSQSLLHRDARTYLFWYLQKPGQ
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	PPQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
496	Антитело 5.7 IgG1, HCDR1 (VH:	SYGMH
	A71S_D72R, VL:	
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
497	Антитело 5.7 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYSRSVKG
	A71S_D72R, VL:	
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
498	Антитело 5.7 IgG1, HCDR3 (VH:	GRYFDWFLFDY
	A71S_D72R, VL:	
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
499	Антитело 5.7 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHSDARTYLF
	A71S_D72R, VL:	
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
500	Антитело 5.7 IgG1, LCDR2 (VH:	LSSNRFS
	A71S_D72R, VL:	
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
501	Антитело 5.7 IgG1, LCDR3 (VH:	LQSLRLPLT
	A71S_D72R, VL:	
		<u> </u>

	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
502	Антитело 5.7 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	A71S_D72R, VL:	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSS
503	Антитело 5.7 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	A71S_D72R, VL:	SSQSLLHSDARTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
504	Антитело 5.7 IgG1, HC (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	A71S_D72R, VL:	ASGFTFSSYGMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYSRSVKGRFT
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
505	Антитело 5.7 IgG1, LC (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	A71S_D72R, VL:	SSQSLLHSDARTYLFWYLQKPGQ

	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLSSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
506	Антитело 5.8 IgG1, HCDR1 (VH:	SYPMH
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
507	Антитело 5.8 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYADSVKG
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
508	Антитело 5.8 IgG1, HCDR3 (VH:	GRYFDWTLFDY
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_hulgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
509	Антитело 5.8 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHSDARTYLF
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
510	Антитело 5.8 IgG1, LCDR2 (VH:	LRSNRFS
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
511	Антитело 5.8 IgG1, LCDR3 (VH:	LQSLRLPLT
	G40P_F134T, VL:	
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
512	Антитело 5.8 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40P_F134T, VL:	ASGFTFSSYPMHWVRQAPGKGLE

	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSS
513	Антитело 5.8 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40P_F134T, VL:	SSQSLLHSDARTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLRSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
514	Антитело 5.8 IgG1, HC (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40P_F134T, VL:	ASGFTFSSYPMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWTLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
515	Антитело 5.8 IgG1, LC (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40P_F134T, VL:	SSQSLLHSDARTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLRSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN

		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC
516	Антитело 5.9 IgG1, HCDR1 (VH:	SYAMH
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
517	Антитело 5.9 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSNKYYADSVKG
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
518	Антитело 5.9 IgG1, HCDR3 (VH:	GRYFDWFLFDY
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
519	Антитело 5.9 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLHSDARTYLF
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
520	Антитело 5.9 IgG1, LCDR2 (VH:	LTSNRFS
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
521	Антитело 5.9 IgG1, LCDR3 (VH:	LQSLRLPLT
	G40A, VL:	
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	
522	Антитело 5.9 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	G40A, VL:	ASGFTFSSYAMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSS

523	Антитело 5.9 IgG1, LCVR (VH:	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	G40A, VL:	SSQSLLHSDARTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLTSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKR
524	Антитело 5.9 IgG1, HC (VH: G40A,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCA
	VL:	ASGFTFSSYAMHWVRQAPGKGLE
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	WVAVISYDGSNKYYADSVKGRFT
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	ISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTA
		VYYCARGRYFDWFLFDYWGQGT
		LVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLS
		SVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPS
		NTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISR
		TPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
525	Антитело 5.9 IgG1, LC (VH: G40A,	DTVMTQTPLSLSVTPGQPASISCK
	VL:	SSQSLLHSDARTYLFWYLQKPGQ
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	PPQLLIYLTSNRFSGVPDRFSGSGS
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L)	GTDFTLKISRVEAEDVGVYYCLQ
		SLRLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPS
		VFIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNN
		FYPREAKVQWKVDNALQSGNSQ
		ESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
		DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK
		SFNRGEC

526	Антитело 6.0 IgG1, HCDR1	SYVMH
527	Антитело 6.0 IgG1, HCDR2	VISYDGSSQYYTDSVKG
528	Антитело 6.0 IgG1, HCDR2	GRLATAILFDY
529	Антитело 6.0 IgG1, LCDR1	KSSQSLLYSDGKTYLF
530	Антитело 6.0 IgG1, LCDR2	EVSNRFS
531	Антитело 6.0 IgG1, LCDR3	MQSIKLPLT
532	Антитело 6.0 IgG1, HCVR	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCE
		ASGFTFSSYVMHWVRQAPGKGLE
		WVSVISYDGSSQYYTDSVKGRFTI
		SRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV
		YYCVRGRLATAILFDYWGQGTLV
		TVSS
533	Антитело 6.0 IgG1, LCVR	DILMTQTPLSLSVTPGQPASISCKS
		SQSLLYSDGKTYLFWYLQRPGQP
		PQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGIYYCMQS
		IKLPLTFGGGTKVEIKR
534	Антитело 6.0 IgG1, HC	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCE
		ASGFTFSSYVMHWVRQAPGKGLE
		WVSVISYDGSSQYYTDSVKGRFTI
		SRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV
		YYCVRGRLATAILFDYWGQGTLV
		TVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGG
		TAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSV
		VTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNT
		KVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAP
		ELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTP
		EVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
		DGVEVHNAKTKPREEQYNSTYRV
		VSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKG
		FYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTP

		PVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSL
		SLSPGK
535	Антитело 6.0 IgG1, LC	DILMTQTPLSLSVTPGQPASISCKS
		SQSLLYSDGKTYLFWYLQRPGQP
		PQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGIYYCMQS
		IKLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPSV
		FIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNF
		YPREAKVQWKVDNALQSGNSQE
		SVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKAD
		YEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKS
		FNRGEC
536	Антитело 6.1 IgG1, HCDR1 (VH:	SYVMH
	S67R_A114S_I134P, VL:	
	F71L)_huIgG1z mAb	
537	Антитело 6.1 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSRQYYTDSVKG
	S67R_A114S_I134P, VL:	
	F71L)_huIgG1z mAb	
538	Антитело 6.1 IgG1, HCDR3 (VH:	GRLATSPLFDY
	S67R_A114S_I134P, VL:	
	F71L)_huIgG1z mAb	
539	Антитело 6.1 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLYSDGKTYLF
	S67R_A114S_I134P, VL:	
	F71L)_huIgG1z mAb	
540	Антитело 6.1 IgG1, LCDR2 (VH:	EVSNRLS
	S67R_A114S_I134P, VL:	
	F71L)_huIgG1z mAb	
541	Антитело 6.1 IgG1, LCDR3 (VH:	MQSIKLPLT
	S67R_A114S_I134P, VL:	
	F71L)_huIgG1z mAb	
542	Антитело 6.1 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCE
	S67R_A114S_I134P, VL:	ASGFTFSSYVMHWVRQAPGKGLE
	F71L)_huIgG1z mAb	WVSVISYDGSRQYYTDSVKGRFTI

		SRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV
		YYCVRGRLATSPLFDYWGQGTLV
		TVSS
543	Антитело 6.1 IgG1, LCVR (VH:	DILMTQTPLSLSVTPGQPASISCKS
	S67R_A114S_I134P, VL:	SQSLLYSDGKTYLFWYLQRPGQP
	F71L)_huIgG1z mAb	PQLLIYEVSNRLSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGIYYCMQS
		IKLPLTFGGGTKVEIKR
544	Антитело 6.1 IgG1, HC (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCE
	S67R_A114S_I134P, VL:	ASGFTFSSYVMHWVRQAPGKGLE
	F71L)_huIgG1z mAb	WVSVISYDGSRQYYTDSVKGRFTI
		SRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV
		YYCVRGRLATSPLFDYWGQGTLV
		TVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGG
		TAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSV
		VTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNT
		KVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAP
		ELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTP
		EVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYV
		DGVEVHNAKTKPREEQYNSTYRV
		VSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQV
		YTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKG
		FYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTP
		PVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQ
		QGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSL
		SLSPGK
545	Антитело 6.1 IgG1, LC (VH:	DILMTQTPLSLSVTPGQPASISCKS
	S67R_A114S_I134P, VL:	SQSLLYSDGKTYLFWYLQRPGQP
	F71L)_huIgG1z mAb	PQLLIYEVSNRLSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGIYYCMQS
		IKLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPSV
		FIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNF
		YPREAKVQWKVDNALQSGNSQE

		SVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKAD
		YEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKS
		FNRGEC
546	Антитело 6.2 IgG1, HCDR1 (VH:	SYVMH
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	
547	Антитело 6.2 IgG1, HCDR2 (VH:	VISYDGSRAYYTDSVKG
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	
548	Антитело 6.2 IgG1, HCDR3 (VH:	GRLATAIKLDY
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	
549	Антитело 6.2 IgG1, LCDR1 (VH:	KSSQSLLYSDGKTYLF
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	
550	Антитело 6.2 IgG1, LCDR2 (VH:	EVSNRFS
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	
551	Антитело 6.2 IgG1, LCDR3 (VH:	MQTLKLPLT
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	
552	Антитело 6.2 IgG1, HCVR (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCE
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	ASGFTFSSYVMHWVRQAPGKGLE
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	WVSVISYDGSRAYYTDSVKGRFTI
		SRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV
		YYCVRGRLATAIKLDYWGQGTL
		VTVSS
553	Антитело 6.2 IgG1, LCVR (VH:	DILMTQTPLSLSVTPGQPASISCKS
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	SQSLLYSDGKTYLFWYLQRPGQP
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	PQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGIYYCMQT
		LKLPLTFGGGTKVEIKR
554	Антитело 6.2 IgG1, HC (VH:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCE
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	ASGFTFSSYVMHWVRQAPGKGLE

	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	WVSVISYDGSRAYYTDSVKGRFTI
	7_ 3	SRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV
		YYCVRGRLATAIKLDYWGQGTL
		VTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSS
		VVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSN
		TKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPA
		PELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRT
		PEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWY
		VDGVEVHNAKTKPREEQYNSTYR
		VVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKV
		SNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQ
		VYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVK
		GFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRW
		QQGNVFSCSVMHEALHNHYTQK
		SLSLSPGK
555	Антитело 6.2 IgG1, LC (VH:	DILMTQTPLSLSVTPGQPASISCKS
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	SQSLLYSDGKTYLFWYLQRPGQP
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb	PQLLIYEVSNRFSGVPDRFSGSGS
		GTDFTLKISRVEAEDVGIYYCMQT
		LKLPLTFGGGTKVEIKRTVAAPSV
		FIFPPSDEQLKSGTASVVCLLNNF
		YPREAKVQWKVDNALQSGNSQE
		SVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKAD
		YEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKS
		FNRGEC

CCR8-T4R яванского макака маврикийского происхождения (SEQ ID NO: 556)

MDYRLDPSMTTMTDYYYPDSLSSPCDGELIQRNDKLLLAVFYCLLFVFSLLGNSL VILVLVVCKKLRNITDIYLLNLALSDLLFVFSFPFQTYYQLDQWVFGTVMCKVVSGFYYI GFYSSMFFITLMSVDRYLAVVHAVYAIKVRTIRMGTTLSLVVWLTAIMATIPLLVFYQV ASEDGVLQCYSFYNQQTLKWKIFTNFEMNILGLLIPFTIFMFCYIKILHQLKRCQNHNKT KAIRLVLIVVIASLLFWVPFNVVLFLTSLHSMHILDGCSISQQLNYATHVTEIISFTHCCVN PVIYAFVGEKFKKHLSEIFQKSCSHIFIYLGRQMPRESCEKSSSCQQHSFRSSSIDYIL

Лидерная последовательность (SEQ ID NO: 557)

MDMRVPAQLLGLLLLWLRGARC

ДНК, кодирующая лидерную последовательность под SEQ ID NO: 557 (SEQ ID NO: 558)

atggacatgagagtgcctgcacagctgctgggcctgctgctgctgctgagagggcgccagatgc

Лидерная последовательность (SEQ ID NO: 559)

MAWALLLTLLTQGTGSWA

ДНК, кодирующая лидерную последовательность под SEQ ID NO: 559 (SEQ ID NO: 560)

atggcctgggctctgctgctcctcaccctcctcactcagggcacagggtcctgggcc

HCDR1 TCE1 CCR8 (SEQ ID NO: 561)

NARMG

HCDR2 TCE1 CCR8 (SEQ ID NO: 562)

RIKSKTEGGTRDYAAPVKG

HCDR3 TCE1 CCR8 (SEQ ID NO: 563)

YSGV

LCDR1 TCE1 CCR8 (SEQ ID NO: 564)

KSSQSVLYSSNNKNYLA

LCDR2 TCE1 CCR8 (SEQ ID NO: 565)

WASTRES

LCDR3 TCE1 CCR8 (SEQ ID NO: 566)

QQYYSIPIT

HCDR1 TCE2 CCR8 (SEQ ID NO: 567)

NYGMH

HCDR2 TCE2 CCR8 (SEQ ID NO: 568)

VISYDGSNKFYADSVKG

HCDR3 TCE2 CCR8 (SEQ ID NO: 569)

AGGIGRFDY

LCDR1 TCE2 CCR8 (SEQ ID NO: 570)

KYSQSLLHSDGKTYLF

LCDR2 TCE2 CCR8 (SEQ ID NO: 571)

EVSNRFS

LCDR3 TCE2 CCR8 (SEQ ID NO: 572)

MQTLKLPLT

Таблица 17. Иллюстративные последовательности НС антител по настоящему

изобретению без С-концевого лизина.

SEQ ID	Обозначение	Последовательность
NO:		
573	Антитело 1 IgG1, HC	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSNAR

		MGWVRQAPGKGLEWVGRIKSKTEGGTRDYAA
		PVKGRFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYY
		CTSYSGVWGQGTMVTVSSASTKGPSVFPLAPSS
		KSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTS
		GVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYI
		CNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAP
		ELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDV
		SHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNS
		TYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPA
		PIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVS
		LTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPV
		LDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMH
		EALHNHYTQKSLSLSPG
574	Антитело 1.1 IgG1	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFTFSNAR
	(LC: H45Q_S51P), HC	MGWVRQAPGKGLEWVGRIKSKTEGGTRDYAA
		PVKGRFTISRDDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYY
		CTSYSGVWGQGTMVTVSSASTKGPSVFPLAPSS
		KSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTS
		GVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYI
		CNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCPAP
		ELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDV
		SHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQYNS
		TYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPA
		PIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVS
		LTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPV
		LDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMH
		EALHNHYTQKSLSLSPG
575	Антитело 2.1 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNYG
	HC (LC:	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKFYIRSVK
	F2I_P51S_H53Q_L103	GRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAR
	V_N148K, HC:	AGGIGRFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFPLAP
	K87N_S94N_V98A)	SSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGAL
	(LC: Y25A_S26A, HC:	TSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQT
	A71I_D72R)	YICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPCP
		APELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV

		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQY
		NSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKAL
		PAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTP
		PVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVM
		HEALHNHYTQKSLSLSPG
576	A 2.2 I-C1	_
576	Антитело 2.2 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSNYG
	HC (LC:	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKFYLKSV
	F2I_P51S_H53Q_L103	KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
	V_N148K, HC:	RAGGIGRFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFPLA
	K87N_S94N_V98A)	PSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGA
	(LC: Y25A, HC:	LTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQ
	A71L_D72K)	TYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCPPC
		PAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVV
		VDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREEQ
		YNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNK
		ALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMTK
		NQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKT
		TPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCS
		VMHEALHNHYTQKSLSLSPG
577	Антитело 3.0 IgG1,	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFIFSNAW
	НС	MSWVRQAPGKGLEWVARIKRRTDGGTTDYAA
		PVKDRFTISRDDSKNTLFLQMNSLKTEDTAVYY
		CTTVTMVRGVIADYWGQGTLVTVSSASTKGPS
		VFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS
		WNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSS
		SLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTH
		TCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEV
		TCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTK
		PREEQYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCK
		VSNKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREE
		MTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENN
		YKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVF
		SCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
578	Антитело 4.0 IgG1,	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFIFSNAW
	1	-

		MSWVRQAPGKGLEWVGRIKRKTDGGTTDYAA
		PVKGRFTISRDDSKNTLYLLMNSLKIEDTAVYY
		CTVVTLVRGIIFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVF
		PLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWN
		SGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSL
		GTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTC
		PPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTC
		VVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR
		EEQYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEM
		TKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNY
		KTTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFS
		CSVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
579 Антиг	гело 4.1 IgG1,	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFIFSNAW
HC (V	/H:	LQWVRQAPGKGLEWVGRIKRKTDQLTTDYAAP
M41L	_S42Q_L111R_	VKGRFTISRDDSKNTLYLLMNSLKIEDTAVYYC
V112	S, VL:	TVVTRSRGIIFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
S18R	_S136P)_huIgG1	LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
z mAl	b (LC: R18S, HC:	GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
G65Q	<u>_</u> G66L)	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
580 Антиг	гело 4.2 IgG1,	EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAASGFIFSNAW
HC (V	/H:	LQWVRQAPGKGLEWVGRIKRKTDASTTDYAAP
M41L	_S42Q_L111R_	VKGRFTISRDDSKNTLYLLMNSLKIEDTAVYYC
V112	S, VL:	TVVTRSRGIIFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
S18R	_S136P)_huIgG1	LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
z mAl	b (LC: R18S, HC:	GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
G65A	_G66S)	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV

		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
581	Антитело 5.0 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYG
	НС	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
		KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		RGRYFDWFLFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
		LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
582	Антитело 5.1 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYG
	HC (VH: F134T, VL:	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
	S34R_S57Y_F103V)_	KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
	huIgG1z mAb	RGRYFDWTLFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
		LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
583	Антитело 5.2 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYP

	HC (VH:	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
	G40P_F134T, VL:	KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
	S57Y_E58L_V67R_F1	RGRYFDWTLFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
	03V)_huIgG1z mAb	LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
584	Антитело 5.3 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYG
	HC (VH: A71S_D72R,	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKYYSRSV
	VL:	KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
	S57Y_E58L_V67S_F1	RGRYFDWFLFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
	03V)_huIgG1z mAb	LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
585	Антитело 5.4 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYA
	HC (VH: G40A, VL:	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
	S57Y_E58L_V67T_F1	KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
	03V)_huIgG1z mAb	RGRYFDWFLFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
		LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV

		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
586	Антитело 5.5 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYP
	HC (VH:	VHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
	G40P_M41V, VL:	KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
	S57Y_E58L_V67T_F1	RGRYFDWFLFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
	03V)_huIgG1z mAb	LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
587	Антитело 5.6 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYG
	HC (VH: F134T, VL:	MHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
	S34R_S57Y_F103V)_	KGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
	huIgG1z mAb (LC:	RGRYFDWTLFDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
	G37A_K38R_M107L)	LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
588	Антитело 5.7 IgG1,	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYG

	KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
S57Y_E58L_V67S_F1 RGRYFDWFLF1	DYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
03V)_huIgG1z mAb LAPSSKSTSGG	TAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
(LC: GALTSGVHTFE	PAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
G37A_K38R_M107L) TQTYICNVNHE	KPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
PCPAPELLGGP	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
VVDVSHEDPE	VKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
QYNSTYRVVS	VLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
KALPAPIEKTIS	SKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
KNQVSLTCLVI	KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
TTPPVLDSDGS	FFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
SVMHEALHNH	IYTQKSLSLSPG
589 Антитело 5.8 IgG1, QVQLVESGGG	VVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYP
HC (VH: MHWVRQAPG)	KGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
G40P_F134T, VL: KGRFTISRDNS	KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
S57Y_E58L_V67R_F1 RGRYFDWTLF	DYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
03V)_huIgG1z mAb	TAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
(LC: GALTSGVHTFE	PAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
G37A_K38R_M107L) TQTYICNVNH	KPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
PCPAPELLGGP	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
VVDVSHEDPE	VKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
QYNSTYRVVS	VLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
KALPAPIEKTIS	SKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
KNQVSLTCLVI	KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
TTPPVLDSDGS	FFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
SVMHEALHNH	IYTQKSLSLSPG
590 Антитело 5.9 IgG1, QVQLVESGGG	VVQPGRSLRLSCAASGFTFSSYA
HC (VH: G40A, VL: MHWVRQAPG)	KGLEWVAVISYDGSNKYYADSV
S57Y_E58L_V67T_F1 KGRFTISRDNS	KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
03V)_huIgG1z mAb RGRYFDWFLF	DYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
(LC: LAPSSKSTSGG	TAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
G37A_K38R_M107L) GALTSGVHTFF	PAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
TQTYICNVNHI	KPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
PCPAPELLGGP	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV

QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 591 AHTIITEJO 6.0 IgG1, HC MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSSQYY GRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGP: APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTIITEJO 6.1 IgG1, HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTA' VL: F71L)_hulgG1z mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	KPREE
KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 591 AHTIITEJO 6.0 IgG1, HC MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSSQYY GRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGP: APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP: TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTIITEJO 6.1 IgG1, HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	KVSN
TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 591 AHTUTEJO 6.0 IgG1, HC MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSSQYY GRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGP: APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSK KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP: TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTUTEJO 6.1 IgG1, HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	EEMT
SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 591 AHTUTEJJO 6.0 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSSQYY GRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGP: APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTI QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTUTEJJO 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_hulgG1z mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	ENNYK
591 Антитело 6.0 IgG1, HC MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSSQYY GRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGP: APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSF KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Антитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFT MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_1134P, VC: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVF TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	NVFSC
HC MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSSQYY GRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGPS APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTHTEJJO 6.1 IgG1, HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, VL: F71L)_hulgG1z mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	
GRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAV GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGPS APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPS TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGS SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTUTEJO 6.1 IgG1, HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	SSYV
GRLATAILFDYWGQGTLVTVSSASTKGPS APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSE KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTUTEJO 6.1 IgG1, HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, VL: F71L)_hulgG1z mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	ГDSVК
APSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVS ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTUTEJIO 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFT HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTA' NU: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG MAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	YCVR
ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPS QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTUTEJO 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTA' VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	VFPL
QTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKT CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIA VEWESNGQP. TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 AHTUTEJO 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTT HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	WNSG
CPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPE VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Антитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	SSLGT
VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Антитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFT HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	HTCPP
QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Антитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFT HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_huIgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	VTCV
KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Антитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	KPREE
KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Антитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_huIgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	KVSN
TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Aнтитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_huIgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	EEMT
SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG 592 Антитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFTI HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_huIgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	ENNYK
592 Aнтитело 6.1 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFT HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_huIgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	1VFSC
HC (VH: MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRQYY S67R_A114S_I134P, KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAY VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVF TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	
S67R_A114S_I134P, VL: F71L)_hulgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	SSYV
VL: F71L)_huIgG1z RGRLATSPLFDYWGQGTLVTVSSASTKG mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	TDSV
mAb LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTV GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVP TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	/YYCV
GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVF TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	PSVFP
TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDK	SWNS
	SSSLG
	ГНТСР
PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTP	EVTCV
VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKT	KPREE
QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKC	KVSN
KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSR	EEMT
KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP.	ENNYK
TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGI	VFSC
SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG	
593 Антитело 6.2 IgG1, QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCEASGFT	

Н	HC (VH:	MHWVRQAPGKGLEWVSVISYDGSRAYYTDSV
S	S67R_Q68A_L135K_F	KGRFTISRDNSKNTLNLQMNSLRAEDTAVYYCV
1	36L, VL:	RGRLATAIKLDYWGQGTLVTVSSASTKGPSVFP
S	S109T_I110L)_huIgG1	LAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
z	z mAb	GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP
		PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCV
		VVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSN
		KALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYTLPPSREEMT
		KNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK
		TTPPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG

Таблица 18. Иллюстративные последовательности нуклеиновой кислоты, которые

кодируют ант	итела по настоящему изобретению.	
SEQ ID	Обозначение	Последовательность
NO:		
594	Антитело 1 IgG1, HC, ДНК	GAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
		GGGGAGGCTTGGTAAAGCCTGG
		GGGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
		CAGCCTCTGGATTTACTTTCAGT
		AACGCCCGGATGGGCTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGGAAGGGGCT
		GGAGTGGGTTGGCCGTATTAAA
		AGCAAAACTGAAGGTGGGACAA
		GAGACTACGCTGCACCCGTGAA
		AGGCAGATTCACCATCTCAAGA
		GATGATTCAAAAAACACGCTGT
		ATCTGCAAATGAACAGCCTGAA
		AACCGAGGACACAGCCGTGTAT
		TATTGTACCTCGTATAGTGGGGT
		CTGGGGCCAAGGGACAATGGTC
		ACCGTCTCTTCAGCCTCCACCAA
		GGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG
		CACCCTCCTAAGAGCACCTCT

GGGGCACAGCGGCCCTGGGCT GCCTGGTCAAGGACTACTTCCCC GAACCGGTGACGGTGTCGTGGA ACTCAGGCGCCCTGACCAGCGG CGTGCACACCTTCCCGGCTGTCC TACAGTCCTCAGGACTCTACTCC CTCAGCAGCGTGGTGACCGTGC CCTCCAGCAGCTTGGGCACCCA GACCTACATCTGCAACGTGAAT CACAAGCCCAGCAACACCAAGG TGGACAAGAAAGTTGAGCCCAA ATCTTGTGACAAAACTCACACAT GCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGACCGTCAGTC TTCCTCTTCCCCCAAAACCCAA GGACACCCTCATGATCTCCCGG ACCCCTGAGGTCACATGCGTGG TGGTGGACGTGAGCCACGAAGA CCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGT ACGTGGACGCGTGGAGGTGCA TAATGCCAAGACAAAGCCGCGG GAGGAGCAGTACAACAGCACGT ACCGTGTGGTCAGCGTCCTCACC GTCCTGCACCAGGACTGGCTGA ATGGCAAGGAGTACAAGTGCAA **GGTGTCCAACAAAGCCCTCCCA** GCCCCCATCGAGAAAACCATCT CCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCG AGAACCACAGGTGTACACCCTG CCCCCATCCCGGGAGGAGATGA CCAAGAACCAGGTCAGCCTGAC CTGCCTGGTCAAAGGCTTCTATC CCAGCGACATCGCCGTGGAGTG GGAGAGCAATGGGCAGCCGGAG AACAACTACAAGACCACGCCTC

		CCGTGCTGGACTCCGACGGCTCC
		TTCTTCCTCTATAGCAAGCTCAC
		CGTGGACAAGAGCAGGTGGCAG
		CAGGGGAACGTCTTCTCATGCTC
		CGTGATGCATGAGGCTCTGCAC
		AACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
595	Антитело 1 IgG1, LC, ДНК	GACATCGTGATGACCCAGTCTCC
		AGACTCCCTGGCTGTGTCTCTGG
		GCGAGAGGGCCACCATCAACTG
		CAAGTCCAGCCAGAGTGTTTTAT
		ACAGTTCCAACAATAAGAACTA
		CTTAGCTTGGTACCATCAGAAAC
		CAGGACAGTCTCCTAAGCTGCTC
		ATTTCCTGGGCATCTACCCGGGA
		ATCCGGGGTCCCTGACCGATTCA
		GTGGCAGCGGGTCTGGGACAGA
		TTTCACTCTCACCATCAACAGCC
		TGCAGGCTGAAGATGTGGCAGT
		TTATTACTGTCAACAATATTATA
		GTATTCCGATCACTTTCGGCGGA
		GGGACCAAGGTGGAGATCAAAC
		GAACGGTGGCTGCACCATCTGT
		CTTCATCTTCCCGCCATCTGATG
		AGCAGTTGAAATCTGGAACTGC
		CTCTGTTGTGTGCCTGCAATA
		ACTTCTATCCCAGAGAGGCCAA
		AGTACAGTGGAAGGTGGATAAC
		GCCCTCCAATCGGGTAACTCCCA
		GGAGAGTGTCACAGAGCAGGAC
		AGCAAGGACAGCACCTACAGCC
		TCAGCAGCACCCTGACGCTGAG
		CAAAGCAGACTACGAGAAACAC
		AAAGTCTACGCCTGCGAAGTCA
		CCCATCAGGGCCTGAGCTCGCC

		CGTCACAAAGAGCTTCAACAGG
		GGAGAGTGTTAG
596	Антитело 1.1 IgG1 (LC:	GAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	H45Q_S51P), НС, ДНК	GGGGAGGCTTGGTAAAGCCTGG
		GGGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
		CAGCCTCTGGATTTACTTTCAGT
		AACGCCCGGATGGGCTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGGAAGGGGCT
		GGAGTGGGTTGGCCGTATTAAA
		AGCAAAACTGAAGGTGGGACAA
		GAGACTACGCTGCACCCGTGAA
		AGGCAGATTCACCATCTCAAGA
		GATGATTCAAAAAACACGCTGT
		ATCTGCAAATGAACAGCCTGAA
		AACCGAGGACACAGCCGTGTAT
		TATTGTACCTCGTATAGTGGGGT
		CTGGGGCCAAGGGACAATGGTC
		ACCGTCTCTTCAGCCTCCACCAA
		GGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG
		CACCCTCCTCCAAGAGCACCTCT
		GGGGCACAGCGGCCCTGGGCT
		GCCTGGTCAAGGACTACTTCCCC
		GAACCGGTGACGGTGTCGTGGA
		ACTCAGGCGCCCTGACCAGCGG
		CGTGCACACCTTCCCGGCTGTCC
		TACAGTCCTCAGGACTCTACTCC
		CTCAGCAGCGTGGTGACCGTGC
		CCTCCAGCAGCTTGGGCACCCA
		GACCTACATCTGCAACGTGAAT
		CACAAGCCCAGCAACACCAAGG
		TGGACAAGAAAGTTGAGCCCAA
		ATCTTGTGACAAAACTCACACAT
		GCCCACCGTGCCCAGCACCTGA
		ACTCCTGGGGGGACCGTCAGTC
		TTCCTCTTCCCCCAAAACCCAA

ACCCCTGAGGTCACATG TGGTGGACGTGAGCCAC CCCTGAGGTCAAGTTCA ACGTGGACGCGTGGAC TAATGCCAAGACAAAAGC GAGGAGCAGTACAACAC ACCGTGTGGTCAGCGTC GTCCTGCACCAGGACTG ATGGCAAGAGAGAAAAGCCC GCCCCCATCGAGAAAAAC CCAAAGCCAAAGGGCAC AGAACCACAGGTGTACAC CCCCCATCCCGGGAGGAGAAACC	
CCCTGAGGTCAAGTTCA ACGTGGACGGCGTGGAC TAATGCCAAGACAAAGC GAGGAGCAGTACAACAC ACCGTGTGGTCAGCGTC GTCCTGCACCAGGACTC ATGGCAAGAGAGACAAAGCCC GCCCCCATCGAGAAAAC CCAAAGCCAAAGGGCAC AGAACCACAGGTGTACA	10 A A O A
ACGTGGACGCGTGGAC TAATGCCAAGACAAAGC GAGGAGCAGTACAACAC ACCGTGTGGTCAGCGTC GTCCTGCACCAGGACTG ATGGCAAGGAGTACAAC GGTGTCCAACAAAAGCCC GCCCCCATCGAGAAAAAC CCAAAGCCAAAGGGCAC AGAACCACAGGTGTACA	JGAAGA
TAATGCCAAGACAAAGG GAGGAGCAGTACAACAG ACCGTGTGGTCAGCGTC GTCCTGCACCAGGACTG ATGGCAAGGAGTACAAG GGTGTCCAACAAAGCCG GCCCCCATCGAGAAAAG CCAAAGCCAAAGGGCAG AGAACCACAGGTGTACA	ACTGGT
GAGGAGCAGTACAACAG ACCGTGTGGTCAGCGTC GTCCTGCACCAGGACTG ATGGCAAGGAGTACAAG GGTGTCCAACAAAGCCG GCCCCATCGAGAAAAAG CCAAAGCCAAAGGGCAG AGAACCACAGGTGTACA	GGTGCA
ACCGTGTGGTCAGCGTC GTCCTGCACCAGGACTG ATGGCAAGGAGTACAAG GGTGTCCAACAAAGCCG GCCCCCATCGAGAAAAAG CCAAAGCCAAAGGGCAG AGAACCACAGGTGTACA	CCGCGG
GTCCTGCACCAGGACTG ATGGCAAGGAGTACAAG GGTGTCCAACAAAGCCG GCCCCCATCGAGAAAAAG CCAAAGCCAAAGGGCAG AGAACCACAGGTGTACA	GCACGT
ATGGCAAGGAGTACAAG GGTGTCCAACAAAGCCC GCCCCATCGAGAAAAA CCAAAGCCAAAGGGCAG AGAACCACAGGTGTACA	CTCACC
GGTGTCCAACAAAGCCC GCCCCATCGAGAAAAA CCAAAGCCAAAGGGCAG AGAACCACAGGTGTACA	GCTGA
GCCCCATCGAGAAAAA CCAAAGCCAAAGGGCAG AGAACCACAGGTGTACA	GTGCAA
CCAAAGCCAAAGGGCAGAAGGGCAGAAGGGCAGAAGGGCAGAAGGGCAGAAGGGCAAAGGGCAGAAGGGCAGAAGGGCAGAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAGAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAGGGCAAAAGGAAAAAA	CTCCCA
AGAACCACAGGTGTACA	CCATCT
	GCCCCG
CCCCCATCCCGGGAGGA	ACCCTG
	AGATGA
CCAAGAACCAGGTCAGG	CCTGAC
CTGCCTGGTCAAAGGCT	TCTATC
CCAGCGACATCGCCGTC	GAGTG
GGAGAGCAATGGGCAG	CCGGAG
AACAACTACAAGACCAG	CGCCTC
CCGTGCTGGACTCCGAC	GGCTCC
TTCTTCCTCTATAGCAAG	GCTCAC
CGTGGACAAGAGCAGG	ГGGCAG
CAGGGGAACGTCTTCTC	'ATGCTC
CGTGATGCATGAGGCTC	CTGCAC
AACCACTACACGCAGAA	AGAGCC
TCTCCCTGTCTCCGGGC	AAATAG
597 Антитело 1.1 IgG1 (LC: GACATCGTGATGACCCA	GTCTCC
H45Q_S51P), LC, ДНК AGACTCCCTGGCTGTGT	CTCTGG
GCGAGAGGCCACCATO	CAACTG
CAAGTCCAGCCAGAGTC	GTTTTAT
ACAGTTCCAACAATAAC	
CTTAGCTTGGTACCAGC	GAACTA
CCAGGACAGCCCCCTAA	
TCATTTCCTGGGCATCTA	AGAAA

		GAATCCGGGGTCCCTGACCGAT
		TCAGTGGCAGCGGGTCTGGGAC
		AGATTTCACTCTCACCATCAACA
		GCCTGCAGGCTGAAGATGTGGC
		AGTTTATTACTGTCAACAATATT
		ATAGTATTCCGATCACTTTCGGC
		GGAGGGACCAAGGTGGAGATCA
		AACGAACGGTGGCTGCACCATC
		TGTCTTCATCTTCCCGCCATCTG
		ATGAGCAGTTGAAATCTGGAAC
		TGCCTCTGTTGTGTGCCTGCTGA
		ATAACTTCTATCCCAGAGAGGC
		CAAAGTACAGTGGAAGGTGGAT
		AACGCCCTCCAATCGGGTAACT
		CCCAGGAGAGTGTCACAGAGCA
		GGACAGCAAGGACAGCACCTAC
		AGCCTCAGCAGCACCCTGACGC
		TGAGCAAAGCAGACTACGAGAA
		ACACAAAGTCTACGCCTGCGAA
		GTCACCCATCAGGGCCTGAGCT
		CGCCCGTCACAAAGAGCTTCAA
		CAGGGGAGAGTGTTAG
598	Антитело 2.1 IgG1, HC (LC:	CAGGTGCAGTTGGTGGAGTCTG
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R), ДНК	CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AACTATGGCATGCACTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT
		GGAGTGGGTGGCAGTCATATCA
		TATGATGGAAGTAATAAATTCT
		ATATCAGATCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATT
		CCAAGAACACTCTGTATCTTCAA
		ATGAACAGCCTGAGAGCCGAGG
		ACACGGCTGTATATTATTGTGCG

AGAGCCGGGGGTATAGGGCGTT TTGACTACTGGGGCCAGGGAAC CCTGGTCACCGTCTCCTCAGCCT CCACCAAGGGCCCATCGGTCTTC CCCCTGGCACCCTCCTCCAAGAG CACCTCTGGGGGCACAGCGGCC CTGGGCTGCCTGGTCAAGGACT ACTTCCCCGAACCGGTGACGGT GTCGTGGAACTCAGGCGCCCTG ACCAGCGGCGTGCACACCTTCC CGGCTGTCCTACAGTCCTCAGGA CTCTACTCCCTCAGCAGCGTGGT GACCGTGCCCTCCAGCAGCTTG **GGCACCCAGACCTACATCTGCA** ACGTGAATCACAAGCCCAGCAA CACCAAGGTGGACAAGAAAGTT GAGCCCAAATCTTGTGACAAAA CTCACACATGCCCACCGTGCCCA GCACCTGAACTCCTGGGGGGAC CGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCCA AAACCCAAGGACACCCTCATGA TCTCCCGGACCCCTGAGGTCACA TGCGTGGTGGTGACCTGAGCC ACGAAGACCCTGAGGTCAAGTT CAACTGGTACGTGGACGCCGTG GAGGTGCATAATGCCAAGACAA AGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGC GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGA CTGGCTGAATGGCAAGGAGTAC AAGTGCAAGGTGTCCAACAAAG CCCTCCCAGCCCCCATCGAGAA AACCATCTCCAAAGCCAAAGGG CAGCCCGAGAACCACAGGTGT ACACCCTGCCCCCATCCCGGGA

		GGAGATGACCAAGAACCAGGTC
		AGCCTGACCTGCCTGGTCAAAG
		GCTTCTATCCCAGCGACATCGCC
		GTGGAGTGGGAGAGCAATGGGC
		AGCCGGAGAACAACTACAAGAC
		CACGCCTCCCGTGCTGGACTCCG
		ACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGC
		AAGCTCACCGTGGACAAGAGCA
		GGTGGCAGCAGGGGAACGTCTT
		CTCATGCTCCGTGATGCATGAGG
		CTCTGCACAACCACTACACGCA
		GAAGAGCCTCTCCCTGTCTCCGG
		GCAAATAG
599	Антитело 2.1 IgG1, LC (LC:	GATATCGTAATGACCCAGACTC
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	CACTCTCTGTCCGTCACCCCT
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC:	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
	Y25A_S26A, HC: A71I_D72R), ДНК	CAAGGCCGCCCAGAGCCTCCTG
		CACAGTGATGGAAAGACCTATT
		TGTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA
		GGCCAGAGCCCACAGCTCCTGA
		TCTATGAAGTTTCCAACCGGTTC
		TCTGGAGTGCCAGATAGGTTCA
		GTGGCAGCGGGTCAGGGACAGA
		TTTCACACTGAAGATCAGCCGG
		GTGGAGGCTGAGGATGTTGGGG
		TGTATTACTGCATGCAAACTTTA
		AAGCTTCCGCTCACTTTCGGCGG
		AGGGACCAAGGTGGAGATCAAG
		CGAACGGTGGCTGCACCATCTG
		TCTTCATCTTCCCGCCATCTGAT
		GAGCAGTTGAAATCTGGAACTG
		CCTCTGTTGTGTGCCTGCTGAAT
		AACTTCTATCCCAGAGAGGCCA
		AAGTACAGTGGAAGGTGGATAA
		CGCCCTCCAATCGGGTAACTCCC

		AGGAGAGTGTCACAGAGCAGGA
		CAGCAAGGACAGCACCTACAGC
		CTCAGCAGCACCCTGACGCTGA
		GCAAAGCAGACTACGAGAAACA
		CAAAGTCTACGCCTGCGAAGTC
		ACCCATCAGGGCCTGAGCTCGC
		CCGTCACAAAGAGCTTCAACAG
		GGGAGAGTGTTAG
600	Антитело 2.2 IgG1, HC (LC:	CAGGTGCAGTTGGTGGAGTCTG
	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
	HC: A71L_D72K), ДНК	CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AACTATGGCATGCACTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT
		GGAGTGGGTGGCAGTCATATCA
		TATGATGGAAGTAATAAATTCT
		ATCTGAAGTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATT
		CCAAGAACACTCTGTATCTTCAA
		ATGAACAGCCTGAGAGCCGAGG
		ACACGGCTGTATATTATTGTGCG
		AGAGCCGGGGGTATAGGGCGTT
		TTGACTACTGGGGCCAGGGAAC
		CCTGGTCACCGTCTCCTCAGCCT
		CCACCAAGGGCCCATCGGTCTTC
		CCCCTGGCACCCTCCTCCAAGAG
		CACCTCTGGGGGCACAGCGGCC
		CTGGGCTGCCTGGTCAAGGACT
		ACTTCCCCGAACCGGTGACGGT
		GTCGTGGAACTCAGGCGCCCTG
		ACCAGCGGCGTGCACACCTTCC
		CGGCTGTCCTACAGTCCTCAGGA
		CTCTACTCCCTCAGCAGCGTGGT
		GACCGTGCCCTCCAGCAGCTTG
		GGCACCCAGACCTACATCTGCA

ACGTGAATCACAAGCCCAGCAA CACCAAGGTGGACAAGAAAGTT GAGCCCAAATCTTGTGACAAAA CTCACACATGCCCACCGTGCCCA GCACCTGAACTCCTGGGGGGAC CGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCCA AAACCCAAGGACACCCTCATGA TCTCCCGGACCCCTGAGGTCACA TGCGTGGTGGTGGACGTGAGCC ACGAAGACCCTGAGGTCAAGTT CAACTGGTACGTGGACGCCGTG GAGGTGCATAATGCCAAGACAA AGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGC GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGA CTGGCTGAATGGCAAGGAGTAC AAGTGCAAGGTGTCCAACAAAG CCCTCCCAGCCCCCATCGAGAA AACCATCTCCAAAGCCAAAGGG CAGCCCGAGAACCACAGGTGT ACACCCTGCCCCCATCCCGGGA GGAGATGACCAAGAACCAGGTC AGCCTGACCTGCCTGGTCAAAG GCTTCTATCCCAGCGACATCGCC GTGGAGTGGGAGAGCAATGGGC AGCCGGAGAACAACTACAAGAC CACGCCTCCCGTGCTGGACTCCG ACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGC AAGCTCACCGTGGACAAGAGCA GGTGGCAGCAGGGGAACGTCTT CTCATGCTCCGTGATGCATGAGG CTCTGCACAACCACTACACGCA GAAGAGCCTCTCCCTGTCTCCGG **GCAAATAG** Антитело 2.2 IgG1, LC (LC: GATATCGTAATGACCCAGACTC 601

	F2I_P51S_H53Q_L103V_N148K,	CACTCTCTCTGTCCGTCACCCCT
	HC: K87N_S94N_V98A) (LC: Y25A,	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
	HC: A71L_D72K), ДНК	CAAGGCCAGTCAGAGCCTCCTG
		CACAGTGATGGAAAGACCTATT
		TGTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA
		GGCCAGAGCCCACAGCTCCTGA
		TCTATGAAGTTTCCAACCGGTTC
		TCTGGAGTGCCAGATAGGTTCA
		GTGGCAGCGGGTCAGGGACAGA
		TTTCACACTGAAGATCAGCCGG
		GTGGAGGCTGAGGATGTTGGGG
		TGTATTACTGCATGCAAACTTTA
		AAGCTTCCGCTCACTTTCGGCGG
		AGGGACCAAGGTGGAGATCAAG
		CGAACGGTGGCTGCACCATCTG
		TCTTCATCTTCCCGCCATCTGAT
		GAGCAGTTGAAATCTGGAACTG
		CCTCTGTTGTGTGCCTGCTGAAT
		AACTTCTATCCCAGAGAGGCCA
		AAGTACAGTGGAAGGTGGATAA
		CGCCCTCCAATCGGGTAACTCCC
		AGGAGAGTGTCACAGAGCAGGA
		CAGCAAGGACAGCACCTACAGC
		CTCAGCAGCACCCTGACGCTGA
		GCAAAGCAGACTACGAGAAACA
		CAAAGTCTACGCCTGCGAAGTC
		ACCCATCAGGGCCTGAGCTCGC
		CCGTCACAAAGAGCTTCAACAG
		GGGAGAGTGTTAG
602	Антитело 3.0 IgG1, HC, ДНК	GAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
		GGGGAGGCTTGGTAAAGCCTGG
		GGGGTCCCTTAGACTCTCCTGTG
		CAGCCTCTGGATTCATTTTTAGT
		AATGCCTGGATGAGCTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGGAAGGGGCT

GGAGTGGGTTGCCCGTATTAAA AGGAGAACTGATGGTGGGACAA CTGACTACGCTGCACCCGTGAA AGACAGATTCACCATCTCAAGA GATGATTCAAAAAACACGCTGT TTCTGCAAATGAACAGCCTGAA AACCGAGGACACAGCCGTGTAT TACTGTACCACAGTTACTATGGT TCGGGGAGTTATTGCTGATTACT GGGGCCAGGGAACCCTGGTCAC CGTCTCCTCAGCCTCCACCAAGG GCCCATCGGTCTTCCCCCTGGCA CCCTCCTCCAAGAGCACCTCTGG GGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGA ACCGGTGACGGTGTCGTGGAAC TCAGGCGCCCTGACCAGCGGCG TGCACACCTTCCCGGCTGTCCTA CAGTCCTCAGGACTCTACTCCCT CAGCAGCGTGGTGACCGTGCCC TCCAGCAGCTTGGGCACCCAGA CCTACATCTGCAACGTGAATCAC AAGCCCAGCAACACCAAGGTGG ACAAGAAAGTTGAGCCCAAATC TTGTGACAAAACTCACACATGC CCACCGTGCCCAGCACCTGAAC TCCTGGGGGGACCGTCAGTCTTC CTCTTCCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACC CCTGAGGTCACATGCGTGGTGG TGGACGTGAGCCACGAAGACCC TGAGGTCAAGTTCAACTGGTAC GTGGACGCCGTGGAGGTGCATA ATGCCAAGACAAAGCCGCGGGA GGAGCAGTACAACAGCACGTAC

		CGTGTGGTCAGCGTCCTCACCGT
		CCTGCACCAGGACTGGCTGAAT
		GGCAAGGAGTACAAGTGCAAGG
		TGTCCAACAAAGCCCTCCCAGC
		CCCCATCGAGAAAACCATCTCC
		AAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG
		AACCACAGGTGTACACCCTGCC
		CCCATCCCGGGAGGAGATGACC
		AAGAACCAGGTCAGCCTGACCT
		GCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCC
		AGCGACATCGCCGTGGAGTGGG
		AGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA
		CAACTACAAGACCACGCCTCCC
		GTGCTGGACTCCGACGGCTCCTT
		CTTCCTCTATAGCAAGCTCACCG
		TGGACAAGAGCAGGTGGCAGCA
		GGGGAACGTCTTCTCATGCTCCG
		TGATGCATGAGGCTCTGCACAA
		CCACTACACGCAGAAGAGCCTC
		TCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
603	Антитело 3.0 IgG1, LC, ДНК	GAAATTGTGTTGACGCAGTCTCC
		AGGCACCCTGTCTTTGTCTCCAG
		GGGAAAGAGCCACCCTCTCCTG
		CAGGGCCAGTCAGAGTGTTAGC
		AGCGGCTCCTTAGCCTGGTACCA
		GCAGAAACTTGGCCAGGCTCCC
		AGGCTCCTCATCTATGGTGCATC
		CAGCAGGCCACTGGCATCCCA
		GACAGGTTCAGTGGCAGTGGGT
		CTGGGACAGACTTCACTCTCACC
		ATCAGCAGCCTGGAGCCTGAAG
		ATTTTGCAGTGTATTACTGTCAA
		CAGTATGGTAGCTCACGGACGT
		TCGGCCAAGGGACCAAGGTGGA
		GCTCAAACGAACGGTGGCTGCA

		CCATCTGTCTTCATCTTCCCGCC
		ATCTGATGAGCAGTTGAAATCT
		GGAACTGCCTCTGTTGTGTGCCT
		GCTGAATAACTTCTATCCCAGAG
		AGGCCAAAGTACAGTGGAAGGT
		GGATAACGCCCTCCAATCGGGT
		AACTCCCAGGAGAGTGTCACAG
		AGCAGGACAGCAAGGACAGCAC
		CTACAGCCTCAGCAGCACCCTG
		ACGCTGAGCAAAGCAGACTACG
		AGAAACACAAAGTCTACGCCTG
		CGAAGTCACCCATCAGGGCCTG
		AGCTCGCCCGTCACAAAGAGCT
		TCAACAGGGGAGAGTGTTAG
604	Антитело 4.0 IgG1, HC, ДНК	GAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
		GGGGAGGCTTGGTAAAGCCTGG
		GGGGTCCCTTAGACTCTCCTGTG
		CAGCCTCTGGATTCATTTTCAGT
		AACGCCTGGATGAGCTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGGAAGGGGCT
		GGAGTGGGTTGGCCGTATAAAA
		AGGAAAACTGATGGTGGTACAA
		CAGACTACGCTGCACCCGTGAA
		AGGCAGATTCACCATCTCAAGA
		GATGATTCAAAAAACACGTTGT
		ATCTGCTAATGAACAGCCTGAA
		AATCGAGGACACAGCCGTGTAT
		TATTGTACCGTCGTAACTTTGGT
		TCGGGGAATTATCTTTGACTACT
		GGGGCCAGGGAACCCTGGTCAC
		CGTCTCCTCAGCCTCCACCAAGG
		GCCCATCGGTCTTCCCCCTGGCA
		CCCTCCTCCAAGAGCACCTCTGG
		GGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC
		CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGA

ACCGGTGACGGTGTCGTGGAAC TCAGGCGCCCTGACCAGCGGCG TGCACACCTTCCCGGCTGTCCTA CAGTCCTCAGGACTCTACTCCCT CAGCAGCGTGGTGACCGTGCCC TCCAGCAGCTTGGGCACCCAGA CCTACATCTGCAACGTGAATCAC AAGCCCAGCAACACCAAGGTGG ACAAGAAAGTTGAGCCCAAATC TTGTGACAAAACTCACACATGC CCACCGTGCCCAGCACCTGAAC TCCTGGGGGGACCGTCAGTCTTC CTCTTCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACC CCTGAGGTCACATGCGTGGTGG TGGACGTGAGCCACGAAGACCC TGAGGTCAAGTTCAACTGGTAC GTGGACGCGTGGAGGTGCATA ATGCCAAGACAAAGCCGCGGGA GGAGCAGTACAACAGCACGTAC CGTGTGGTCAGCGTCCTCACCGT CCTGCACCAGGACTGGCTGAAT GGCAAGGAGTACAAGTGCAAGG TGTCCAACAAAGCCCTCCCAGC CCCCATCGAGAAAACCATCTCC AAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCC CCCATCCCGGGAGGAGATGACC AAGAACCAGGTCAGCCTGACCT GCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCC AGCGACATCGCCGTGGAGTGGG AGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA CAACTACAAGACCACGCCTCCC GTGCTGGACTCCGACGGCTCCTT CTTCCTCTATAGCAAGCTCACCG

		TGGACAAGAGCAGGTGGCAGCA
		GGGGAACGTCTTCTCATGCTCCG
		TGATGCATGAGGCTCTGCACAA
		CCACTACACGCAGAAGAGCCTC
		TCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
605	Антитело 4.0 IgG1, LC, ДНК	GAAATTGTGTTGACGCAGTCTCC
		GGGCACCCTGTCTTTGTCTCCAG
		GGGAAAGCGCCACCCTCTCCTG
		TAGGGTCAGTCAGAGTGTCAGC
		AGCAGCCAGTTAGCCTGGTACC
		AGCAGAAACCTGGCCAGGCTCC
		CAGGCTCCTCATCTATGGTGCAT
		CCAGCAGGGCCACTGGCATCCC
		AGACAGGTTCAGTGGCAGTGGG
		TCTGGGACAGACTTCACTCTCAC
		CATCAGCAGACTGGAGCCTGAA
		GATTTTGCAGTGTATTACTGTCA
		GCAGTATGGTAACTCACGGACG
		TTCGGCCAAGGGACCAAGGTGG
		AAATCAAACGAACGGTGGCTGC
		ACCATCTGTCTTCATCTTCCCGC
		CATCTGATGAGCAGTTGAAATCT
		GGAACTGCCTCTGTTGTGTGCCT
		GCTGAATAACTTCTATCCCAGAG
		AGGCCAAAGTACAGTGGAAGGT
		GGATAACGCCCTCCAATCGGGT
		AACTCCCAGGAGAGTGTCACAG
		AGCAGGACAGCAAGGACAGCAC
		CTACAGCCTCAGCAGCACCCTG
		ACGCTGAGCAAAGCAGACTACG
		AGAAACACAAAGTCTACGCCTG
		CGAAGTCACCCATCAGGGCCTG
		AGCTCGCCCGTCACAAAGAGCT
		TCAACAGGGGAGAGTGTTAG
606	Антитело 4.1 IgG1, HC (VH:	GAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG

M41L_S42Q_L111R_V112S, VL: S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC: R18S, HC: G65Q_G66L), ДНК

GGGGAGGCTTGGTAAAGCCTGG GGGGTCCCTTAGACTCTCCTGTG CAGCCTCTGGATTCATTTTCAGT AACGCCTGGCTGCAGTGGGTCC GCCAGGCTCCAGGGAAGGGGCT GGAGTGGGTTGGCCGTATCAAA AGGAAAACTGATCAGCTGACAA CAGACTACGCTGCACCCGTGAA AGGCAGATTCACCATCTCAAGA GATGATTCAAAAAACACGTTGT ATCTGCTAATGAACAGCCTGAA AATCGAGGACACAGCCGTGTAT TATTGTACCGTCGTAACTAGAAG CCGGGGAATTATCTTTGACTACT GGGGCCAGGGAACCCTGGTCAC CGTGTCCTCAGCCTCCACCAAGG GCCCATCGGTCTTCCCCCTGGCA CCCTCCTCCAAGAGCACCTCTGG GGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGA ACCGGTGACGGTGTCGTGGAAC TCAGGCGCCCTGACCAGCGGCG TGCACACCTTCCCGGCTGTCCTA CAGTCCTCAGGACTCTACTCCCT CAGCAGCGTGGTGACCGTGCCC TCCAGCAGCTTGGGCACCCAGA CCTACATCTGCAACGTGAATCAC AAGCCCAGCAACACCAAGGTGG ACAAGAAAGTTGAGCCCAAATC TTGTGACAAAACTCACACATGC CCACCGTGCCCAGCACCTGAAC TCCTGGGGGGACCGTCAGTCTTC CTCTTCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACC CCTGAGGTCACATGCGTGGTGG

		TGGACGTGAGCCACGAAGACCC
		TGAGGTCAAGTTCAACTGGTAC
		GTGGACGCCGTGGAGGTGCATA
		ATGCCAAGACAAAGCCGCGGGA
		GGAGCAGTACAACAGCACGTAC
		CGTGTGGTCAGCGTCCTCACCGT
		CCTGCACCAGGACTGGCTGAAT
		GGCAAGGAGTACAAGTGCAAGG
		TGTCCAACAAAGCCCTCCCAGC
		CCCCATCGAGAAAACCATCTCC
		AAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG
		AACCACAGGTGTACACCCTGCC
		CCCATCCCGGGAGGAGATGACC
		AAGAACCAGGTCAGCCTGACCT
		GCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCC
		AGCGACATCGCCGTGGAGTGGG
		AGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA
		CAACTACAAGACCACGCCTCCC
		GTGCTGGACTCCGACGGCTCCTT
		CTTCCTCTATAGCAAGCTCACCG
		TGGACAAGAGCAGGTGGCAGCA
		GGGGAACGTCTTCTCATGCTCCG
		TGATGCATGAGGCTCTGCACAA
		CCACTACACGCAGAAGAGCCTC
		TCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
607	Антитело 4.1 IgG1, LC (VH:	GAAATTGTGTTGACGCAGTCTCC
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	GGGCACCCTGTCTTTGTCTCCAG
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	GGGAAAGCGCCACCCTCTCCTG
	R18S, HC: G65Q_G66L), ДНК	TAGGGTCAGTCAGAGTGTCAGC
		AGCAGCCAGTTAGCCTGGTACC
		AGCAGAAACCTGGCCAGGCTCC
		CAGGCTCCTCATCTATGGTGCAT
		CCAGCAGGGCCACTGGCATCCC
		AGACAGGTTCAGTGGCAGTGGG
		TCTGGGACAGACTTCACTCTCAC

		CATCAGCAGACTGGAGCCTGAA
		GATTTTGCAGTGTATTACTGTCA
		GCAGTATGGTAACCCCCGGACG
		TTCGGCCAAGGGACCAAGGTGG
		AAATCAAACGAACGGTGGCTGC
		ACCATCTGTCTTCATCTTCCCGC
		CATCTGATGAGCAGTTGAAATCT
		GGAACTGCCTCTGTTGTGTGCCT
		GCTGAATAACTTCTATCCCAGAG
		AGGCCAAAGTACAGTGGAAGGT
		GGATAACGCCCTCCAATCGGGT
		AACTCCCAGGAGAGTGTCACAG
		AGCAGGACAGCAAGGACAGCAC
		CTACAGCCTCAGCAGCACCCTG
		ACGCTGAGCAAAGCAGACTACG
		AGAAACACAAAGTCTACGCCTG
		CGAAGTCACCCATCAGGGCCTG
		AGCTCGCCCGTCACAAAGAGCT
		TCAACAGGGAGAGTGTTAG
608	Антитело 4.2 IgG1, HC (VH:	GAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	GGGGAGGCTTGGTAAAGCCTGG
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	GGGGTCCCTTAGACTCTCCTGTG
	R18S, HC: G65A_G66S), ДНК	CAGCCTCTGGATTCATTTTCAGT
		AACGCCTGGCTGCAGTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGGAAGGGGCT
		GGAGTGGGTTGGCCGTATCAAA
		AGGAAAACTGATGCCAGCACAA
		CAGACTACGCTGCACCCGTGAA
		AGGCAGATTCACCATCTCAAGA
		GATGATTCAAAAAACACGTTGT
		ATCTGCTAATGAACAGCCTGAA
		AATCGAGGACACAGCCGTGTAT
		TATTGTACCGTCGTAACTAGAAG
		CCGGGGAATTATCTTTGACTACT
		GGGGCCAGGGAACCCTGGTCAC

CGTGTCCTCAGCCTCCACCAAGG GCCCATCGGTCTTCCCCCTGGCA CCCTCCTCCAAGAGCACCTCTGG GGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGA ACCGGTGACGGTGTCGTGGAAC TCAGGCGCCCTGACCAGCGGCG TGCACACCTTCCCGGCTGTCCTA CAGTCCTCAGGACTCTACTCCCT CAGCAGCGTGGTGACCGTGCCC TCCAGCAGCTTGGGCACCCAGA CCTACATCTGCAACGTGAATCAC AAGCCCAGCAACACCAAGGTGG ACAAGAAAGTTGAGCCCAAATC TTGTGACAAAACTCACACATGC CCACCGTGCCCAGCACCTGAAC TCCTGGGGGGACCGTCAGTCTTC CTCTTCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACC CCTGAGGTCACATGCGTGGTGG TGGACGTGAGCCACGAAGACCC TGAGGTCAAGTTCAACTGGTAC GTGGACGCGTGGAGGTGCATA ATGCCAAGACAAAGCCGCGGGA **GGAGCAGTACAACAGCACGTAC** CGTGTGGTCAGCGTCCTCACCGT CCTGCACCAGGACTGGCTGAAT GGCAAGGAGTACAAGTGCAAGG TGTCCAACAAGCCCTCCCAGC CCCCATCGAGAAAACCATCTCC AAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCC CCCATCCCGGGAGGAGATGACC AAGAACCAGGTCAGCCTGACCT GCCTGGTCAAAGGCTTCTATCCC

		AGCGACATCGCCGTGGAGTGGG
		AGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA
		CAACTACAAGACCACGCCTCCC
		GTGCTGGACTCCGACGGCTCCTT
		CTTCCTCTATAGCAAGCTCACCG
		TGGACAAGAGCAGGTGGCAGCA
		GGGGAACGTCTTCTCATGCTCCG
		TGATGCATGAGGCTCTGCACAA
		CCACTACACGCAGAAGAGCCTC
		TCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
609	Антитело 4.2 IgG1, LC (VH:	GAAATTGTGTTGACGCAGTCTCC
	M41L_S42Q_L111R_V112S, VL:	GGGCACCCTGTCTTTGTCTCCAG
	S18R_S136P)_huIgG1z mAb (LC:	GGGAAAGCGCCACCCTCTCCTG
	R18S, HC: G65A_G66S), ДНК	TAGGGTCAGTCAGAGTGTCAGC
		AGCAGCCAGTTAGCCTGGTACC
		AGCAGAAACCTGGCCAGGCTCC
		CAGGCTCCTCATCTATGGTGCAT
		CCAGCAGGGCCACTGGCATCCC
		AGACAGGTTCAGTGGCAGTGGG
		TCTGGGACAGACTTCACTCTCAC
		CATCAGCAGACTGGAGCCTGAA
		GATTTTGCAGTGTATTACTGTCA
		GCAGTATGGTAACCCCCGGACG
		TTCGGCCAAGGGACCAAGGTGG
		AAATCAAACGAACGGTGGCTGC
		ACCATCTGTCTTCATCTTCCCGC
		CATCTGATGAGCAGTTGAAATCT
		GGAACTGCCTCTGTTGTGTGCCT
		GCTGAATAACTTCTATCCCAGAG
		AGGCCAAAGTACAGTGGAAGGT
		GGATAACGCCCTCCAATCGGGT
		AACTCCCAGGAGAGTGTCACAG
		AGCAGGACAGCAAGGACAGCAC
1		CTACAGCCTCAGCAGCACCCTG

		AGAAACACAAAGTCTACGCCTG
		CGAAGTCACCCATCAGGGCCTG
		AGCTCGCCCGTCACAAAGAGCT
		TCAACAGGGGAGAGTGTTAG
610	Антитело 5.0 IgG1, HC, ДНК	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
		GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
		GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
		CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATGGCATGCACTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT
		GGAGTGGGTGGCAGTTATATCA
		TATGATGGAAGTAATAAATACT
		ATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATT
		CCAAGAACACGCTGTATCTGCA
		AATGAACAGCCTGAGAGCTGAG
		GACACGGCTGTGTATTACTGTGC
		GAGGGGCGATATTTTGACTGG
		TTCCTCTTTGACTACTGGGGCCA
		GGGAACCCTGGTCACCGTCTCCT
		CAGCCTCCACCAAGGGCCCATC
		GGTCTTCCCCCTGGCACCCTCCT
		CCAAGAGCACCTCTGGGGGCAC
		AGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTC
		AAGGACTACTTCCCCGAACCGG
		TGACGGTGTCGTGGAACTCAGG
		CGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC
		ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTC
		CTCAGGACTCTACTCCCTCAGCA
		GCGTGGTGACCGTGCCCTCCAG
		CAGCTTGGGCACCCAGACCTAC
		ATCTGCAACGTGAATCACAAGC
		CCAGCAACACCAAGGTGGACAA
		GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGT
		GACAAAACTCACACATGCCCAC

		CGTGCCCAGCACCTGAACTCCTG
		GGGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT
		CCCCCAAAACCCAAGGACACC
		CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA
		GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC
		GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG
		TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA
		CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC
		AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC
		AGTACAACAGCACGTACCGTGT
		GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC
		ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA
		GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC
		AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA
		TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC
		CAAAGGGCAGCCCCGAGAACCA
		CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC
		CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC
		CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT
		CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC
		ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA
		ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA
		CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG
		GACTCCGACGCCTCCTTCTTCCT
		CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA
		ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG
		CATGAGGCTCTGCACAACCACT
		ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT
		GTCTCCGGGCAAATAG
611	Антитело 5.0 IgG1, LC, ДНК	GATACTGTGATGACCCAGACTC
		CACTCTCTCTGTCCGTCACCCCT
		GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
		CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC
		ATAGTGATGGAAAGACCTATTT

		GTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA
		GGCCAGCCTCCACAGCTCCTGAT
		CAGTGAAGTTTCCAACCGGTTCT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGTGT
		GGAGGCTGAGGATGTTGGGTTT
		TATTACTGCATGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGCCTGCTGAATAACT
		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA
		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
612	Антитело 5.1 IgG1, HC (VH: F134T,	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	mAb, ДНК	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
		CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATGGCATGCACTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT
		GGAGTGGGTGGCAGTTATCTCA
		TATGATGGAAGTAATAAATACT
		ATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATT

CCAAGAACACGCTGTATCTGCA AATGAACAGCCTGAGAGCTGAG GACACGGCTGTGTATTACTGTGC GAGGGGCGATATTTTGACTGG ACCCTCTTTGACTACTGGGGCCA GGGAACCCTGGTCACCGTGTCCT CAGCCTCCACCAAGGGCCCATC **GGTCTTCCCCCTGGCACCCTCCT** CCAAGAGCACCTCTGGGGGCAC AGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTC AAGGACTACTTCCCCGAACCGG TGACGGTGTCGTGGAACTCAGG CGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTC CTCAGGACTCTACTCCCTCAGCA GCGTGGTGACCGTGCCCTCCAG CAGCTTGGGCACCCAGACCTAC ATCTGCAACGTGAATCACAAGC CCAGCAACACCAAGGTGGACAA GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGT GACAAAACTCACACATGCCCAC CGTGCCCAGCACCTGAACTCCTG GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA

		TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC
		CAAAGGGCAGCCCCGAGAACCA
		CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC
		CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC
		CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT
		CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC
		ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA
		ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA
		CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG
		GACTCCGACGGCTCCTTCTTCCT
		CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA
		ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG
		CATGAGGCTCTGCACAACCACT
		ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT
		GTCTCCGGGCAAATAG
613	Антитело 5.1 IgG1, LC (VH: F134T,	GATACTGTGATGACCCAGACTC
	VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	CACTCTCTGTCCGTCACCCCT
	mAb, ДНК	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
		CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC
		ATAGAGATGGAAAGACCTATTT
		GTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA
		GGCCAGCCTCCACAGCTCCTGAT
		CTACGAAGTTTCCAACCGGTTCT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGTGT
		GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG
		TATTACTGCATGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT

		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA
		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
614	Антитело 5.2 IgG1, HC (VH:	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	G40P_F134T, VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
	mAb, ДНК	CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATCCCATGCACTGGGTCCG
		CCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTG
		GAGTGGGTGGCAGTTATCTCAT
		ATGATGGAAGTAATAAATACTA
		TGCAGACTCCGTGAAGGGCCGA
		TTCACCATCTCCAGAGACAATTC
		CAAGAACACGCTGTATCTGCAA
		ATGAACAGCCTGAGAGCTGAGG
		ACACGGCTGTGTATTACTGTGCG
		AGGGGGCGATATTTTGACTGGA
		CCCTCTTTGACTACTGGGGCCAG
		GGAACCCTGGTCACCGTGTCCTC
		AGCCTCCACCAAGGGCCCATCG
		GTCTTCCCCCTGGCACCCTCCTC
		CAAGAGCACCTCTGGGGGCACA
		GCGGCCCTGGGCTGCCTGGTCA
		AGGACTACTTCCCCGAACCGGT
		GACGGTGTCGTGGAACTCAGGC
		GCCCTGACCAGCGGCGTGCACA
		CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCC

TCAGGACTCTACTCCCTCAGCAG CGTGGTGACCGTGCCCTCCAGC AGCTTGGGCACCCAGACCTACA TCTGCAACGTGAATCACAAGCC CAGCAACACCAAGGTGGACAAG AAAGTTGAGCCCAAATCTTGTG ACAAAACTCACACATGCCCACC **GTGCCCAGCACCTGAACTCCTG** GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC CAAAGGCAGCCCCGAGAACCA CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG GACTCCGACGCTCCTTCTTCCT CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG CATGAGGCTCTGCACAACCACT

		ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT
		GTCTCCGGGCAAATAG
615	Антитело 5.2 IgG1, LC (VH:	GATACTGTGATGACCCAGACTC
	G40P_F134T, VL:	CACTCTCTCTGTCCGTCACCCCT
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
	mAb, ДНК	CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC
		ATAGTGATGGAAAGACCTATTT
		GTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA
		GGCCAGCCTCCACAGCTCCTGAT
		CTACCTGAGATCCAACCGGTTCT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGTGT
		GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG
		TATTACTGCATGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT
		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA
		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
616	Антитело 5.3 IgG1, HC (VH:	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	A71S_D72R, VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG

CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT mAb, ДНК AGCTATGGCATGCACTGGGTCC GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT **GGAGTGGGTGGCAGTTATCTCA** TATGATGGAAGTAATAAATACT ATAGCAGATCCGTGAAGGGCCG ATTCACCATCTCCAGAGACAATT CCAAGAACACGCTGTATCTGCA AATGAACAGCCTGAGAGCTGAG GACACGGCTGTGTATTACTGTGC GAGGGGCGATATTTTGACTGG TTCCTCTTTGACTACTGGGGCCA GGGAACCCTGGTCACCGTGTCCT CAGCCTCCACCAAGGGCCCATC GGTCTTCCCCCTGGCACCCTCCT CCAAGAGCACCTCTGGGGGCAC AGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTC AAGGACTACTTCCCCGAACCGG TGACGGTGTCGTGGAACTCAGG CGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTC CTCAGGACTCTACTCCCTCAGCA GCGTGGTGACCGTGCCCTCCAG CAGCTTGGGCACCCAGACCTAC ATCTGCAACGTGAATCACAAGC CCAGCAACACCAAGGTGGACAA GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGT GACAAAACTCACACATGCCCAC CGTGCCCAGCACCTGAACTCCTG GGGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA

CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC CAAAGGCAGCCCCGAGAACCA CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG GACTCCGACGCTCCTTCTTCCT CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG CATGAGGCTCTGCACAACCACT ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT **GTCTCCGGGCAAATAG** 617 Антитело 5.3 IgG1, LC (VH: GATACTGTGATGACCCAGACTC A71S_D72R, VL: CACTCTCTCTGTCCGTCACCCCT S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG mAb, ДНК CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC ATAGTGATGGAAAGACCTATTT **GTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA** GGCCAGCCTCCACAGCTCCTGAT CTACCTGAGCTCCAACCGGTTCT CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT TTCACACTGAAAATCAGCCGTGT GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG

		TATTACTGCATGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT
		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA
		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
618	Антитело 5.4 IgG1, HC (VH: G40A,	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
	mAb, ДНК	CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATGCCATGCACTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT
		GGAGTGGGTGGCAGTTATCTCA
		TATGATGGAAGTAATAAATACT
		ATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATT
		CCAAGAACACGCTGTATCTGCA
		AATGAACAGCCTGAGAGCTGAG
		GACACGGCTGTGTATTACTGTGC
		GAGGGGGCGATATTTTGACTGG
		TTCCTCTTTGACTACTGGGGCCA
		GGGAACCCTGGTCACCGTGTCCT

GGTCTTCCCCCTGGCACCCTCCT CCAAGAGCACCTCTGGGGGCAC AGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTC AAGGACTACTTCCCCGAACCGG TGACGGTGTCGTGGAACTCAGG CGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTC CTCAGGACTCTACTCCCTCAGCA GCGTGGTGACCGTGCCCTCCAG CAGCTTGGGCACCCAGACCTAC ATCTGCAACGTGAATCACAAGC CCAGCAACACCAAGGTGGACAA GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGT GACAAAACTCACACATGCCCAC CGTGCCCAGCACCTGAACTCCTG GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA **GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC** AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC CAAAGGCAGCCCCGAGAACCA CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA

		ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA
		CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG
		GACTCCGACGGCTCCTTCTTCCT
		CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA
		ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG
		CATGAGGCTCTGCACAACCACT
		ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT
		GTCTCCGGGCAAATAG
619	Антитело 5.4 IgG1, LC (VH: G40A,	GATACTGTGATGACCCAGACTC
	VL:	CACTCTCTGTCCGTCACCCCT
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_hulgG1z	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
	mAb, ДНК	CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC
		ATAGTGATGGAAAGACCTATTT
		GTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA
		GGCCAGCCTCCACAGCTCCTGAT
		CTACCTGACCTCCAACCGGTTCT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGTGT
		GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG
		TATTACTGCATGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT
		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA

		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
620	Антитело 5.5 IgG1, HC (VH:	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	G40P_M41V, VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_hulgG1z	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
	mAb, ДНК	CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATCCCGTGCACTGGGTCCG
		CCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTG
		GAGTGGGTGGCAGTTATCTCAT
		ATGATGGAAGTAATAAATACTA
		TGCAGACTCCGTGAAGGGCCGA
		TTCACCATCTCCAGAGACAATTC
		CAAGAACACGCTGTATCTGCAA
		ATGAACAGCCTGAGAGCTGAGG
		ACACGGCTGTGTATTACTGTGCG
		AGGGGCGATATTTTGACTGGTT
		CCTCTTTGACTACTGGGGCCAGG
		GAACCCTGGTCACCGTGTCCTCA
		GCCTCCACCAAGGGCCCATCGG
		TCTTCCCCCTGGCACCCTCCTCC
		AAGAGCACCTCTGGGGGCACAG
		CGGCCCTGGGCTGCCTGGTCAA
		GGACTACTTCCCCGAACCGGTG
		ACGGTGTCGTGGAACTCAGGCG
		CCCTGACCAGCGGCGTGCACAC
		CTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCT
		CAGGACTCTACTCCCTCAGCAGC
		GTGGTGACCGTGCCCTCCAGCA
		GCTTGGGCACCCAGACCTACAT
		CTGCAACGTGAATCACAAGCCC
		AGCAACACCAAGGTGGACAAGA
		AAGTTGAGCCCAAATCTTGTGA
		CAAAACTCACACATGCCCACCG

TGCCCAGCACCTGAACTCCTGG GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTTC CCCCCAAAACCCAAGGACACCC **TCATGATCTCCCGGACCCCTGAG** GTCACATGCGTGGTGGTGGACG TGAGCCACGAAGACCCTGAGGT CAAGTTCAACTGGTACGTGGAC GGCGTGGAGGTGCATAATGCCA AGACAAAGCCGCGGGAGGAGCA GTACAACAGCACGTACCGTGTG GTCAGCGTCCTCACCGTCCTGCA CCAGGACTGGCTGAATGGCAAG GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCA ACAAAGCCCTCCCAGCCCCCAT CGAGAAAACCATCTCCAAAGCC AAAGGCAGCCCCGAGAACCAC AGGTGTACACCCTGCCCCCATCC CGGGAGGAGATGACCAAGAACC AGGTCAGCCTGACCTGCCTGGTC AAAGGCTTCTATCCCAGCGACA TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAA TGGGCAGCCGGAGAACAACTAC AAGACCACGCCTCCCGTGCTGG ACTCCGACGCTCCTTCTTCCTC TATAGCAAGCTCACCGTGGACA AGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAA CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGC ATGAGGCTCTGCACAACCACTA CACGCAGAAGAGCCTCTCCCTG **TCTCCGGGCAAATAG** GATACTGTGATGACCCAGACTC Антитело 5.5 IgG1, LC (VH: 621 CACTCTCTCTGTCCGTCACCCCT G40P M41V, VL: S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z **GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG** CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC mAb, ДНК ATAGTGATGGAAAGACCTATTT

GTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA GGCCAGCCTCCACAGCTCCTGAT CTACCTGACCTCCAACCGGTTCT CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT TTCACACTGAAAATCAGCCGTGT GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG TATTACTGCATGCAAAGTTTACG GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG GGACCAAGGTGGAGATCAAACG AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC TGTTGTGCCTGCTGAATAACT TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG CAAGGACAGCACCTACAGCCTC AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA AAGCAGACTACGAGAAACACAA AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG **AGAGTGTTAG** 622 Антитело 5.6 IgG1, HC (VH: F134T, CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG mAb (LC: G37A_K38R_M107L), CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT ДНК AGCTATGGCATGCACTGGGTCC GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT GGAGTGGGTGGCAGTTATCTCA TATGATGGAAGTAATAAATACT ATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG ATTCACCATCTCCAGAGACAATT

CCAAGAACACGCTGTATCTGCA AATGAACAGCCTGAGAGCTGAG GACACGGCTGTGTATTACTGTGC GAGGGGCGATATTTTGACTGG ACCCTCTTTGACTACTGGGGCCA GGGAACCCTGGTCACCGTGTCCT CAGCCTCCACCAAGGGCCCATC **GGTCTTCCCCCTGGCACCCTCCT** CCAAGAGCACCTCTGGGGGCAC AGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTC AAGGACTACTTCCCCGAACCGG TGACGGTGTCGTGGAACTCAGG CGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTC CTCAGGACTCTACTCCCTCAGCA GCGTGGTGACCGTGCCCTCCAG CAGCTTGGGCACCCAGACCTAC ATCTGCAACGTGAATCACAAGC CCAGCAACACCAAGGTGGACAA GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGT GACAAAACTCACACATGCCCAC CGTGCCCAGCACCTGAACTCCTG GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA

		TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC
		CAAAGGGCAGCCCCGAGAACCA
		CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC
		CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC
		CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT
		CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC
		ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA
		ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA
		CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG
		GACTCCGACGGCTCCTTCTTCCT
		CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA
		ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG
		CATGAGGCTCTGCACAACCACT
		ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT
		GTCTCCGGGCAAATAG
623	Антитело 5.6 IgG1, LC (VH: F134T,	GATACTGTGATGACCCAGACTC
	VL: S34R_S57Y_F103V)_huIgG1z	CACTCTCTGTCCGTCACCCCT
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L),	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
	днк	CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC
		ATAGAGATGCCAGAACCTATTT
		GTTTTGGTACCTGCAGAAGCCA
		GGCCAGCCTCCACAGCTCCTGAT
		CTACGAAGTTTCCAACCGGTTCT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGTGT
		GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG
		TATTACTGCCTGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT

		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA
		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
624	Антитело 5.7 IgG1, HC (VH:	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	A71S_D72R,	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	VL:S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIg	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
	G1z mAb (LC:	CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
	G37A_K38R_M107L), ДНК	AGCTATGGCATGCACTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT
		GGAGTGGGTGGCAGTTATCTCA
		TATGATGGAAGTAATAAATACT
		ATAGCAGATCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATT
		CCAAGAACACGCTGTATCTGCA
		AATGAACAGCCTGAGAGCTGAG
		GACACGGCTGTGTATTACTGTGC
		GAGGGGCGATATTTTGACTGG
		TTCCTCTTTGACTACTGGGGCCA
		GGGAACCCTGGTCACCGTGTCCT
		CAGCCTCCACCAAGGGCCCATC
		GGTCTTCCCCCTGGCACCCTCCT
		CCAAGAGCACCTCTGGGGGCAC
		AGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTC
		AAGGACTACTTCCCCGAACCGG
		TGACGGTGTCGTGGAACTCAGG
		CGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC
		ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTC

CTCAGGACTCTACTCCCTCAGCA GCGTGGTGACCGTGCCCTCCAG CAGCTTGGGCACCCAGACCTAC ATCTGCAACGTGAATCACAAGC CCAGCAACACCAAGGTGGACAA GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGT GACAAAACTCACACATGCCCAC CGTGCCCAGCACCTGAACTCCTG GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC CAAAGGCAGCCCCGAGAACCA CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG GACTCCGACGCTCCTTCTTCCT CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG CATGAGGCTCTGCACAACCACT

		ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT
		GTCTCCGGGCAAATAG
625	Антитело 5.7 IgG1, LC (VH:	GATACTGTGATGACCCAGACTC
	A71S_D72R, VL:	CACTCTCTCTGTCCGTCACCCCT
	S57Y_E58L_V67S_F103V)_huIgG1z	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L),	CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC
	днк	ATAGTGATGCCAGAACCTATTTG
		TTTTGGTACCTGCAGAAGCCAG
		GCCAGCCTCCACAGCTCCTGATC
		TACCTGAGCTCCAACCGGTTCTC
		TGGAGTGCCAGATAGGTTCAGT
		GGCAGCGGGTCAGGGACAGATT
		TCACACTGAAAATCAGCCGTGT
		GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG
		TATTACTGCCTGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT
		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA
		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
626	Антитело 5.8 IgG1, HC (VH:	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	G40P_F134T, VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG

mAb (LC: G37A_K38R_M107L), ДНК

CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT AGCTATCCCATGCACTGGGTCCG CCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTG GAGTGGGTGGCAGTTATCTCAT ATGATGGAAGTAATAAATACTA TGCAGACTCCGTGAAGGGCCGA TTCACCATCTCCAGAGACAATTC CAAGAACACGCTGTATCTGCAA ATGAACAGCCTGAGAGCTGAGG ACACGGCTGTGTATTACTGTGCG AGGGGGCGATATTTTGACTGGA CCCTCTTTGACTACTGGGGCCAG GGAACCCTGGTCACCGTGTCCTC AGCCTCCACCAAGGGCCCATCG GTCTTCCCCCTGGCACCCTCCTC CAAGAGCACCTCTGGGGGCACA GCGGCCCTGGGCTGCCTGGTCA AGGACTACTTCCCCGAACCGGT GACGGTGTCGTGGAACTCAGGC GCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCC TCAGGACTCTACTCCCTCAGCAG CGTGGTGACCGTGCCCTCCAGC AGCTTGGGCACCCAGACCTACA TCTGCAACGTGAATCACAAGCC CAGCAACACCAAGGTGGACAAG AAAGTTGAGCCCAAATCTTGTG ACAAAACTCACACATGCCCACC GTGCCCAGCACCTGAACTCCTG GGGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA

CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC CAAAGGCAGCCCCGAGAACCA CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG GACTCCGACGCTCCTTCTTCCT CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG CATGAGGCTCTGCACAACCACT ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT **GTCTCCGGGCAAATAG** 627 Антитело 5.8 IgG1, LC (VH: GATACTGTGATGACCCAGACTC G40P_F134T, VL: CACTCTCTCTGTCCGTCACCCCT GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG S57Y_E58L_V67R_F103V)_huIgG1z CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC mAb (LC: G37A_K38R_M107L), ATAGTGATGCCAGAACCTATTTG ДНК TTTTGGTACCTGCAGAAGCCAG GCCAGCCTCCACAGCTCCTGATC TACCTGAGATCCAACCGGTTCTC TGGAGTGCCAGATAGGTTCAGT GGCAGCGGGTCAGGGACAGATT TCACACTGAAAATCAGCCGTGT GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG

		TATTACTGCCTGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT
		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA
		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
628	Антитело 5.9 IgG1, HC (VH: G40A,	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L),	CAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
	днк	AGCTATGCCATGCACTGGGTCC
		GCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCT
		GGAGTGGGTGGCAGTTATCTCA
		TATGATGGAAGTAATAAATACT
		ATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATT
		CCAAGAACACGCTGTATCTGCA
		AATGAACAGCCTGAGAGCTGAG
		GACACGGCTGTGTATTACTGTGC
		GAGGGGCGATATTTTGACTGG
		TTCCTCTTTGACTACTGGGGCCA
		GGGAACCCTGGTCACCGTGTCCT
		CAGCCTCCACCAAGGGCCCATC

GGTCTTCCCCCTGGCACCCTCCT CCAAGAGCACCTCTGGGGGCAC AGCGGCCCTGGGCTGCCTGGTC AAGGACTACTTCCCCGAACCGG TGACGGTGTCGTGGAACTCAGG CGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTC CTCAGGACTCTACTCCCTCAGCA GCGTGGTGACCGTGCCCTCCAG CAGCTTGGGCACCCAGACCTAC ATCTGCAACGTGAATCACAAGC CCAGCAACACCAAGGTGGACAA GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGT GACAAAACTCACACATGCCCAC CGTGCCCAGCACCTGAACTCCTG GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTT CCCCCAAAACCCAAGGACACC CTCATGATCTCCCGGACCCCTGA GGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGA CGGCGTGGAGGTGCATAATGCC AAGACAAAGCCGCGGGAGGAGC AGTACAACAGCACGTACCGTGT **GGTCAGCGTCCTCACCGTCCTGC** ACCAGGACTGGCTGAATGGCAA **GGAGTACAAGTGCAAGGTGTCC** AACAAAGCCCTCCCAGCCCCCA TCGAGAAAACCATCTCCAAAGC CAAAGGCAGCCCCGAGAACCA CAGGTGTACACCCTGCCCCCATC CCGGGAGGAGATGACCAAGAAC CAGGTCAGCCTGACCTGCCTGGT CAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCA

		ATGGGCAGCCGGAGAACAACTA
		CAAGACCACGCCTCCCGTGCTG
		GACTCCGACGGCTCCTTCTTCCT
		CTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGA
		ACGTCTTCTCATGCTCCGTGATG
		CATGAGGCTCTGCACAACCACT
		ACACGCAGAAGAGCCTCTCCCT
		GTCTCCGGGCAAATAG
629	Антитело 5.9 IgG1, LC (VH: G40A,	GATACTGTGATGACCCAGACTC
	VL:	CACTCTCTGTCCGTCACCCCT
	S57Y_E58L_V67T_F103V)_huIgG1z	GGACAGCCGGCCTCCATCTCCTG
	mAb (LC: G37A_K38R_M107L),	CAAGTCTAGTCAGAGCCTCCTAC
	днк	ATAGTGATGCCAGAACCTATTTG
		TTTTGGTACCTGCAGAAGCCAG
		GCCAGCCTCCACAGCTCCTGATC
		TACCTGACCTCCAACCGGTTCTC
		TGGAGTGCCAGATAGGTTCAGT
		GGCAGCGGGTCAGGGACAGATT
		TCACACTGAAAATCAGCCGTGT
		GGAGGCTGAGGATGTTGGGGTG
		TATTACTGCCTGCAAAGTTTACG
		GCTTCCGCTCACTTTCGGCGGAG
		GGACCAAGGTGGAGATCAAACG
		AACGGTGGCTGCACCATCTGTCT
		TCATCTTCCCGCCATCTGATGAG
		CAGTTGAAATCTGGAACTGCCTC
		TGTTGTGTGCCTGCTGAATAACT
		TCTATCCCAGAGAGGCCAAAGT
		ACAGTGGAAGGTGGATAACGCC
		CTCCAATCGGGTAACTCCCAGG
		AGAGTGTCACAGAGCAGGACAG
		CAAGGACAGCACCTACAGCCTC
		AGCAGCACCCTGACGCTGAGCA
		AAGCAGACTACGAGAAACACAA

		AGTCTACGCCTGCGAAGTCACC
		CATCAGGGCCTGAGCTCGCCCG
		TCACAAAGAGCTTCAACAGGGG
		AGAGTGTTAG
630	Антитело 6.0 IgG1, HC, ДНК	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
		GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
		GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
		AAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATGTCATGCACTGGGTCCG
		CCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTG
		GAGTGGGTGTCAGTTATATCATA
		TGATGGAAGTAGTCAATACTAT
		ACAGACTCCGTGAAGGGCCGAT
		TCACCATCTCCAGAGACAATTCC
		AAGAATACGCTGAATCTGCAAA
		TGAACAGCCTGAGAGCTGAGGA
		CACGGCTGTGTATTACTGTGTGA
		GAGGCCGTTTGGCCACTGCTATC
		CTCTTTGACTACTGGGGCCAGGG
		AACCCTGGTCACCGTCTCCTCAG
		CCTCCACCAAGGGCCCATCGGT
		CTTCCCCCTGGCACCCTCCTCCA
		AGAGCACCTCTGGGGGCACAGC
		GGCCCTGGGCTGCCTGGTCAAG
		GACTACTTCCCCGAACCGGTGA
		CGGTGTCGTGGAACTCAGGCGC
		CCTGACCAGCGGCGTGCACACC
		TTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC
		AGGACTCTACTCCCTCAGCAGC
		GTGGTGACCGTGCCCTCCAGCA
		GCTTGGGCACCCAGACCTACAT
		CTGCAACGTGAATCACAAGCCC
		AGCAACACCAAGGTGGACAAGA
		AAGTTGAGCCCAAATCTTGTGA
		CAAAACTCACACATGCCCACCG

		TGCCCAGCACCTGAACTCCTGG
		GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTTC
		CCCCAAAACCCAAGGACACCC
		TCATGATCTCCCGGACCCCTGAG
		GTCACATGCGTGGTGGTGGACG
		TGAGCCACGAAGACCCTGAGGT
		CAAGTTCAACTGGTACGTGGAC
		GGCGTGGAGGTGCATAATGCCA
		AGACAAAGCCGCGGGAGGAGCA
		GTACAACAGCACGTACCGTGTG
		GTCAGCGTCCTCACCGTCCTGCA
		CCAGGACTGGCTGAATGGCAAG
		GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCA
		ACAAAGCCCTCCCAGCCCCCAT
		CGAGAAAACCATCTCCAAAGCC
		AAAGGGCAGCCCCGAGAACCAC
		AGGTGTACACCCTGCCCCCATCC
		CGGGAGGAGATGACCAAGAACC
		AGGTCAGCCTGACCTGCCTGGTC
		AAAGGCTTCTATCCCAGCGACA
		TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAA
		TGGGCAGCCGGAGAACAACTAC
		AAGACCACGCCTCCCGTGCTGG
		ACTCCGACGGCTCCTTCTTCCTC
		TATAGCAAGCTCACCGTGGACA
		AGAGCAGGTGGCAGCAGGGAA
		CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGC
		ATGAGGCTCTGCACAACCACTA
		CACGCAGAAGAGCCTCTCCCTG
		TCTCCGGGCAAATAG
631	Антитело 6.0 IgG1, LC, ДНК	GATATTTTGATGACCCAGACTCC
		ACTCTCTCTGTCCGTCACCCCTG
		GACAGCCGGCCTCCATCTCCTGC
		AAGTCTAGCCAGAGCCTCCTAT
		ATAGTGATGGAAAGACCTATTT

		ATTTTGGTACCTGCAGAGGCCA
		GGCCAACCTCCACAGCTCCTGAT
		CTATGAAGTTTCCAACCGGTTCT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGGG
		TGGAGGCTGAGGATGTTGGGAT
		TTATTACTGCATGCAAAGTATAA
		AACTTCCTCTCACTTTCGGCGGA
		GGGACCAAGGTGGAGATCAAAC
		GAACGGTGGCTGCACCATCTGT
		CTTCATCTTCCCGCCATCTGATG
		AGCAGTTGAAATCTGGAACTGC
		CTCTGTTGTGTGCCTGCTGAATA
		ACTTCTATCCCAGAGAGGCCAA
		AGTACAGTGGAAGGTGGATAAC
		GCCCTCCAATCGGGTAACTCCCA
		GGAGAGTGTCACAGAGCAGGAC
		AGCAAGGACAGCACCTACAGCC
		TCAGCAGCACCCTGACGCTGAG
		CAAAGCAGACTACGAGAAACAC
		AAAGTCTACGCCTGCGAAGTCA
		CCCATCAGGGCCTGAGCTCGCC
		CGTCACAAAGAGCTTCAACAGG
		GGAGAGTGTTAG
632	Антитело 6.1 IgG1, HC (VH:	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	S67R_A114S_I134P, VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	F71L)_huIgG1z mAb, ДНК	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
		AAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATGTCATGCACTGGGTCCG
		CCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTG
		GAGTGGGTGTCAGTTATCTCATA
		TGATGGAAGTAGACAATACTAT
		ACAGACTCCGTGAAGGGCCGAT
		TCACCATCTCCAGAGACAATTCC

AAGAATACGCTGAATCTGCAAA TGAACAGCCTGAGAGCTGAGGA CACGGCTGTGTATTACTGTGTGA GAGGCCGTTTGGCCACTAGCCC CCTCTTTGACTACTGGGGCCAGG GAACCCTGGTCACCGTGTCCTCA GCCTCCACCAAGGGCCCATCGG TCTTCCCCCTGGCACCCTCCTCC AAGAGCACCTCTGGGGGCACAG CGGCCCTGGGCTGCCTGGTCAA **GGACTACTTCCCCGAACCGGTG** ACGGTGTCGTGGAACTCAGGCG CCCTGACCAGCGGCGTGCACAC CTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCT CAGGACTCTACTCCCTCAGCAGC GTGGTGACCGTGCCCTCCAGCA GCTTGGGCACCCAGACCTACAT CTGCAACGTGAATCACAAGCCC AGCAACACCAAGGTGGACAAGA AAGTTGAGCCCAAATCTTGTGA CAAAACTCACACATGCCCACCG TGCCCAGCACCTGAACTCCTGG GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTTC CCCCCAAAACCCAAGGACACCC **TCATGATCTCCCGGACCCCTGAG** GTCACATGCGTGGTGGTGGACG TGAGCCACGAAGACCCTGAGGT CAAGTTCAACTGGTACGTGGAC GGCGTGGAGGTGCATAATGCCA AGACAAAGCCGCGGGAGGAGCA GTACAACAGCACGTACCGTGTG GTCAGCGTCCTCACCGTCCTGCA CCAGGACTGGCTGAATGGCAAG GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCA ACAAAGCCCTCCCAGCCCCCAT

		CGAGAAAACCATCTCCAAAGCC
		AAAGGGCAGCCCGAGAACCAC
		AGGTGTACACCCTGCCCCCATCC
		CGGGAGGAGATGACCAAGAACC
		AGGTCAGCCTGACCTGCCTGGTC
		AAAGGCTTCTATCCCAGCGACA
		TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAA
		TGGGCAGCCGGAGAACAACTAC
		AAGACCACGCCTCCCGTGCTGG
		ACTCCGACGGCTCCTTCTTCCTC
		TATAGCAAGCTCACCGTGGACA
		AGAGCAGGTGGCAGCAGGGAA
		CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGC
		ATGAGGCTCTGCACAACCACTA
		CACGCAGAAGAGCCTCTCCCTG
		TCTCCGGGCAAATAG
633	Антитело 6.1 IgG1, LC (VH:	GATATTTTGATGACCCAGACTCC
	S67R_A114S_I134P, VL:	ACTCTCTGTCCGTCACCCCTG
	F71L)_hulgG1z mAb, ДНК	GACAGCCGGCCTCCATCTCCTGC
		AAGTCTAGCCAGAGCCTCCTAT
		ATAGTGATGGAAAGACCTATTT
		ATTTTGGTACCTGCAGAGGCCA
		GGCCAACCTCCACAGCTCCTGAT
		CTATGAAGTTTCCAACCGGCTGT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGGG
		TGGAGGCTGAGGATGTTGGGAT
		TTATTACTGCATGCAAAGTATCA
		AACTTCCTCTCACTTTCGGCGGA
		GGGACCAAGGTGGAGATCAAAC
		GAACGGTGGCTGCACCATCTGT
		CTTCATCTTCCCGCCATCTGATG
		AGCAGTTGAAATCTGGAACTGC
		CTCTGTTGTGTGCCTGCAATA

		ACTTCTATCCCAGAGAGGCCAA
		AGTACAGTGGAAGGTGGATAAC
		GCCCTCCAATCGGGTAACTCCCA
		GGAGAGTGTCACAGAGCAGGAC
		AGCAAGGACAGCACCTACAGCC
		TCAGCAGCACCCTGACGCTGAG
		CAAAGCAGACTACGAGAAACAC
		AAAGTCTACGCCTGCGAAGTCA
		CCCATCAGGGCCTGAGCTCGCC
		CGTCACAAAGAGCTTCAACAGG
		GGAGAGTGTTAG
634	Антитело 6.2 IgG1, HC (VH:	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTG
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	GGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGG
	S109T_I110L)_huIgG1z mAb, ДНК	GAGGTCCCTGAGACTCTCCTGTG
		AAGCCTCTGGATTCACCTTCAGT
		AGCTATGTCATGCACTGGGTCCG
		CCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTG
		GAGTGGGTGTCAGTTATCTCATA
		TGATGGAAGTAGAGCCTACTAT
		ACAGACTCCGTGAAGGGCCGAT
		TCACCATCTCCAGAGACAATTCC
		AAGAATACGCTGAATCTGCAAA
		TGAACAGCCTGAGAGCTGAGGA
		CACGGCTGTGTATTACTGTGTGA
		GAGGCCGTTTGGCCACTGCTATC
		AAGCTGGACTACTGGGGCCAGG
		GAACCCTGGTCACCGTGTCCTCA
		GCCTCCACCAAGGGCCCATCGG
		TCTTCCCCCTGGCACCCTCCTCC
		AAGAGCACCTCTGGGGGCACAG
		CGGCCCTGGGCTGCCTGGTCAA
		GGACTACTTCCCCGAACCGGTG
		ACGGTGTCGTGGAACTCAGGCG
		CCCTGACCAGCGGCGTGCACAC
		CTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCT

CAGGACTCTACTCCCTCAGCAGC GTGGTGACCGTGCCCTCCAGCA **GCTTGGGCACCCAGACCTACAT** CTGCAACGTGAATCACAAGCCC AGCAACACCAAGGTGGACAAGA AAGTTGAGCCCAAATCTTGTGA CAAAACTCACACATGCCCACCG TGCCCAGCACCTGAACTCCTGG **GGGGACCGTCAGTCTTCCTCTTC** CCCCCAAAACCCAAGGACACCC **TCATGATCTCCCGGACCCCTGAG** GTCACATGCGTGGTGGTGGACG TGAGCCACGAAGACCCTGAGGT CAAGTTCAACTGGTACGTGGAC GGCGTGGAGGTGCATAATGCCA AGACAAAGCCGCGGGAGGAGCA **GTACAACAGCACGTACCGTGTG** GTCAGCGTCCTCACCGTCCTGCA CCAGGACTGGCTGAATGGCAAG GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCA ACAAAGCCCTCCCAGCCCCCAT CGAGAAAACCATCTCCAAAGCC AAAGGCCAGCCCCGAGAACCAC AGGTGTACACCCTGCCCCCATCC CGGGAGGAGATGACCAAGAACC AGGTCAGCCTGACCTGCCTGGTC AAAGGCTTCTATCCCAGCGACA TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAA TGGGCAGCCGGAGAACAACTAC AAGACCACGCCTCCCGTGCTGG ACTCCGACGCTCCTTCTTCCTC TATAGCAAGCTCACCGTGGACA AGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAA CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGC ATGAGGCTCTGCACAACCACTA

		CACGCAGAAGAGCCTCTCCCTG
		TCTCCGGGCAAATAG
635	Антитело 6.2 IgG1, LC (VH:	GATATTTTGATGACCCAGACTCC
	S67R_Q68A_L135K_F136L, VL:	ACTCTCTCTGTCCGTCACCCCTG
	S109T I110L) huIgG1z mAb, ДНК	GACAGCCGGCCTCCATCTCCTGC
		AAGTCTAGCCAGAGCCTCCTAT
		ATAGTGATGGAAAGACCTATTT
		ATTTTGGTACCTGCAGAGGCCA
		GGCCAACCTCCACAGCTCCTGAT
		CTATGAAGTTTCCAACCGGTTCT
		CTGGAGTGCCAGATAGGTTCAG
		TGGCAGCGGGTCAGGGACAGAT
		TTCACACTGAAAATCAGCCGGG
		TGGAGGCTGAGGATGTTGGGAT
		TTATTACTGCATGCAAACCCTGA
		AACTTCCTCTCACTTTCGGCGGA
		GGGACCAAGGTGGAGATCAAAC
		GAACGGTGGCTGCACCATCTGT
		CTTCATCTTCCCGCCATCTGATG
		AGCAGTTGAAATCTGGAACTGC
		CTCTGTTGTGTGCCTGCTGAATA
		ACTTCTATCCCAGAGAGGCCAA
		AGTACAGTGGAAGGTGGATAAC
		GCCCTCCAATCGGGTAACTCCCA
		GGAGAGTGTCACAGAGCAGGAC
		AGCAAGGACAGCACCTACAGCC
		TCAGCAGCACCCTGACGCTGAG
		CAAAGCAGACTACGAGAAACAC
		AAAGTCTACGCCTGCGAAGTCA
		CCCATCAGGGCCTGAGCTCGCC
		CGTCACAAAGAGCTTCAACAGG
		GGAGAGTGTTAG

HC зелувалимаба без С-концевого лизина (SEQ ID NO: 636)

 $EVQLLESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFTFSSYDMSWVRQAPGKGLEWVSLISGG\\GSQTYYAESVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCASPSGHYFYAMDVWG$

QGTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGV HTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTHTCP PCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHN AKTKPCEEQYGSTYRCVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDSDGS FFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLSPG

<u>Таблица 19. Аминокислотные последовательности афукозилированного антитела</u> mIgG2a к CCR8.

SEQ ID NO:	Обозначение	Последовательность
637	LCDR1 mIgG2a к	KYSQSLLHSDGKTYLF
	CCR8	
638	LCDR2 mIgG2a к	EVSNRFS
	CCR8	
639	LCDR3 mIgG2a к	MQTLKLPLT
	CCR8	
640	HCDR1 mIgG2a к	NYGMH
	CCR8	
641	HCDR2 mIgG2a к	VISYDGSRNFYADSVKG
	CCR8	
642	HCDR3 mIgG2a к	AGGNGRFDY
	CCR8	
643	LCVR1 mIgG2a к	DIVMTQTPLSLSVTPGQPASISCKYSQSLLHS
	CCR8	DGKTYLFWYLQKPGQSPQLLIYEVSNRFSGV
		PDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCM
		QTLKLPLTFGGGTKVEIKR
644	HCVR mIgG2a к CCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSN
		YGMHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSRNFY
		ADSVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDT
		AVYYCARAGGNGRFDYWGQGTLVTVSS
645	LC mIgG2a к CCR8	DIVMTQTPLSLSVTPGQPASISCKYSQSLLHS
		DGKTYLFWYLQKPGQSPQLLIYEVSNRFSGV
		PDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCM
		QTLKLPLTFGGGTKVEIKRADAAPTVSIFPPS
		SEQLTSGGASVVCFLNNFYPKDINVKWKIDG
		SERQNGVLNSWTDQDSKDSTYSMSSTLTLT

		KDEYERHNSYTCEATHKTSTSPIVKSFNRNE
		C
646	HC mIgG2a к CCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGFTFSN
		YGMHWVRQAPGKGLEWVAVISYDGSRNFY
		ADSVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDT
		AVYYCARAGGNGRFDYWGQGTLVTVSSAK
		TTAPSVYPLAPVCGDTTGSSVTLGCLVKGYF
		PEPVTLTWNSGSLSSGVHTFPAVLQSDLYTL
		SSSVTVTSSTWPSQSITCNVAHPASSTKVDKK
		IEPRGPTIKPCPPCKCPAPNLLGGPSVFIFPPKI
		KDVLMISLSPIVTCVVVDVSEDDPDVQISWF
		VNNVEVHTAQTQTHREDYNSTLRVVSALPIQ
		HQDWMSGKEFKCKVNNKDLPAPIERTISKPK
		GSVRAPQVYVLPPPEEEMTKKQVTLTCMVT
		DFMPEDIYVEWTNNGKTELNYKNTEPVLDS
		DGSYFMYSKLRVEKKNWVERNSYSCSVVHE
		GLHNHHTTKSFSRTPGK

Таблица 20. Аминокислотные последовательности.

SEQ ID NO:	Обозначение	Последовательность
647	MPK20298-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NNGMH
648	MPK20298-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISNDGSNKYYADSVKG
649	MPK20298-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKNRNYYGMDV
650	MPK20298-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSQNVH
651	MPK20298-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDSNRPS
652	MPK20298-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
653	MPK20299-D2_SCFV huCCR8 HV	NYGMH

	hv_cdr1	
654	MPK20299-D2_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
031	hv_cdr2	VISTOONKTTADSVIKO
655	MPK20299-D2_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
	hv_cdr3	
656	MPK20299-D2_SCFV huCCR8 LV	GGHNIGSKGVH
	lv_cdr1	
657	MPK20299-D2_SCFV huCCR8 LV	RNSNRPS
	lv_cdr2	
658	MPK20299-D2_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSTVV
	lv_cdr3	-
659	MPK20299-F11_SCFV huCCR8 HV	NYGMH
	hv_cdr1	
660	MPK20299-F11_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
661	MPK20299-F11_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGSYYKKRYYYGMDV
	hv_cdr3	
662	MPK20299-F11_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGSQNVH
	MPK20299-F11 SCFV huCCR8 LV	
663	lv_cdr2	RDSNRPS
	MPK20299-F11_SCFV huCCR8 LV	
664	lv_cdr3	QVWDSSTVV
	MPK20298-H6_SCFV huCCR8 HV	
665	hv_cdr1	SSGMH
	MPK20298-H6_SCFV huCCR8 HV	
666	hv_cdr2	VISYDGTNKYYADSVKG
	MPK20298-H6_SCFV huCCR8 HV	
667	hv_cdr3	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
((0	MPK20298-H6_SCFV huCCR8 LV	CCHMICCKCMA
668	lv_cdr1	GGHNIGSKGVH
660	MPK20298-H6_SCFV huCCR8 LV	DNCNDDC
669	lv_cdr2	RNSNRPS
670	MPK20298-H6_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSTVV

	lv_cdr3	
671	MPK20297-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NYGMH
672	MPK20297-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISNDGSNKYYADSVKG
673	MPK20297-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
674	MPK20297-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGHNIGSQNVH
675	MPK20297-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDSNRPS
676	MPK20297-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
677	MPK20299-H8_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NYGMH
678	MPK20299-H8_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNKYYADSVKG
679	MPK20299-H8_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
680	MPK20299-H8_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSKNVH
681	MPK20299-H8_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RNSNRPS
682	MPK20299-H8_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
683	MPK20300-C11_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	SYGMH
684	MPK20300-C11_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNKYYADSVKG
685	MPK20300-C11_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGSYYKNRYYYGMDV
686	MPK20300-C11_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSKNVH
687	MPK20300-C11_SCFV huCCR8 LV	RDINRPS

	lv_cdr2	
688	MPK20300-C11_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSVV
	lv_cdr3	Q 1 11 2 2 2 1 1
689	MPK20298-B1_SCFV huCCR8 HV	NYGMH
	hv_cdr1	
690	MPK20298-B1_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
691	MPK20298-B1_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
	hv_cdr3	
692	MPK20298-B1_SCFV huCCR8 LV	EGNNIGSKNVH
	lv_cdr1 MPK20298-B1_SCFV huCCR8 LV	
693	lv_cdr2	RNSNRPS
	MPK20298-B1_SCFV huCCR8 LV	
694	lv_cdr3	QAWDSSTVV
	MPK20297-E5_SCFV huCCR8 HV	
695	hv_cdr1	NNGMH
(0)(MPK20297-E5_SCFV huCCR8 HV	MICADOCHIANALDONIAC
696	hv_cdr2	VISYDGSNKYYTDSVKG
697	MPK20297-E5_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
	hv_cdr3	VII TOSOII TRRRETTI TONID V
698	MPK20297-E5_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGSKNVH
	lv_cdr1	
699	MPK20297-E5_SCFV huCCR8 LV	RDSNRPS
	lv_cdr2	
700	MPK20297-E5_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSSDHVV
	lv_cdr3	
701	MPK20299-A3_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NYGMH
	MPK20299-A3_SCFV huCCR8 HV	
702	hv_cdr2	VISYDGSNKYYADSVKG
	MPK20299-A3_SCFV huCCR8 HV	
703	hv_cdr3	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
704	MPK20299-A3_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGSKNVH

	lv_cdr1	
705	MPK20299-A3_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RNSNRPS
706	MPK20299-A3_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QAWDSSNVV
707	MPK20297-B4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	RNGMH
708	MPK20297-B4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISNDGSNKYYADSVKG
709	MPK20297-B4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKNNYYYGMDV
710	MPK20297-B4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSQNVH
711	MPK20297-B4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDSNRPS
712	MPK20297-B4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
713	MPK20298-F6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	RNGMH
714	MPK20298-F6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISNDGSNKYYADSVKG
715	MPK20298-F6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
716	MPK20298-F6_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSKNVH
717	MPK20298-F6_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDSNRPS
718	MPK20298-F6_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
719	MPK20299-H3_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NYGMH
720	MPK20299-H3_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNKYYADSVKG
721	MPK20299-H3_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV

MPK20299-H3_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr1 GGNNIGSKNVH Iv_cdr1 MPK20299-H3_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr2 MPK20299-H3_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr3 QIWDSSTVV MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr2 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr3 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr3 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Ir_cdr1 GGNNIGSKNVH MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Ir_cdr2 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Ir_cdr2 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Ir_cdr3 QVWDSSTVV MPK20299-B9_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr3 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr3 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr3 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Ir_cdr3 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr3 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Ir_cdr3 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Ir_cdr3 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 SYGMH Mry_cdr1 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 SYGMH Mry_cdr1 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 SYGMH Mry_cdr1 MRY_20299-D6_SCFV huCCR8 HV Mry_cdr1 WISYDGSNKYYADSVKG MRY_20299-D6_SCFV huCCR8 HV WISYDGSNKYYADSVKG MRY_2029-D6_SCFV huCC		hv_cdr3	
Iv_cdr1	722	MPK20299-H3_SCFV huCCR8 LV	CCNNICCENIVII
V_cdr2 NPK20299-H3_SCFV huCCR8 LV V_cdr3 QIWDSSTVV V_cdr3 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 RNGMH	122	lv_cdr1	GONNIGSKINVII
V_cdr2	722	MPK20299-H3_SCFV huCCR8 LV	DNSNDDS
1724	123	lv_cdr2	KINSINKI S
Iv_cdr3	724	MPK20299-H3_SCFV huCCR8 LV	OIWDSSTVV
725	/24	lv_cdr3	QIWD331 V V
hv_cdr1	725	MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV	RNGMH
726	723	hv_cdr1	NI VOIVIII
hv_cdr2	726	MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV	VISNDGSNKYYADSVKG
727		hv_cdr2	
MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr1 GGNNIGSKNVH	727	MPK20298-B9_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKNYYYGMDV
728 Iv_cdr1 GGNNIGSKNVH 729 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr2 RDSNRPS 730 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr3 QVWDSSTVV 731 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 NNGMH 732 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2 VISYDGSNKYYTDSVKG 733 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3 VYYGSGIYYKKRYYYGMDV 734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr1 EGNNIGSQNVH 735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr2 RDSNRPS 736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 SYGMH		_	
MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	728	_	GGNNIGSKNVH
729 Iv_cdr2 RDSNRPS 730 MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr3 QVWDSSTVV 731 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 NNGMH 732 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2 VISYDGSNKYYTDSVKG 733 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3 VYYGSGIYYKKRYYYGMDV 734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr1 EGNNIGSQNVH 735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr2 RDSNRPS 736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV Iv_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 SYGMH			
MPK20298-B9_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDSSTVV	729		RDSNRPS
730			
731 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 NNGMH 732 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2 VISYDGSNKYYTDSVKG 733 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3 VYYGSGIYYKKRYYYGMDV 734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1 EGNNIGSQNVH 735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2 RDSNRPS 736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 SYGMH	730		QVWDSSTVV
731 hv_cdr1 NNGMH 732 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2 VISYDGSNKYYTDSVKG 733 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3 VYYGSGIYYKKRYYYGMDV 734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1 EGNNIGSQNVH 735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2 RDSNRPS 736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 SYGMH			
732 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2 VISYDGSNKYYTDSVKG 733 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3 VYYGSGIYYKKRYYYGMDV 734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1 EGNNIGSQNVH 735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2 RDSNRPS 736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 SYGMH	731		NNGMH
732 hv_cdr2 VISYDGSNKYYTDSVKG 733 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3 VYYGSGIYYKKRYYYGMDV 734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1 EGNNIGSQNVH 735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2 RDSNRPS 736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 SYGMH			
733 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3 VYYGSGIYYKKRYYYGMDV 734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1 EGNNIGSQNVH 735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2 RDSNRPS 736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1 SYGMH	732	_	VISYDGSNKYYTDSVKG
T33		_	
734 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV	733		VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
T34		_	
735 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV	734		EGNNIGSQNVH
735			
736 MPK20299-E2_SCFV huCCR8 LV QVWDGSAVV 1v_cdr3 QVWDGSAVV 737 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV SYGMH	735	_	RDSNRPS
736			
737 hv_cdr1 SYGMH	736		QVWDGSAVV
hv_cdr1	727	MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV	
738 MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV VISYDGSNKYYADSVKG	737	hv_cdr1	SYGMH
i	738	MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG

	hv_cdr2	
739	MPK20299-D6_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
740	MPK20299-D6_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	EGNNIGSQNVH
741	MPK20299-D6_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDSNRPS
742	MPK20299-D6_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDGSAVV
743	MPK20299-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NYGFH
744	MPK20299-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNRYYADSVKG
745	MPK20299-A4_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGTYYKNRYYYGMDV
746	MPK20299-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGHNIGSKGVH
747	MPK20299-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RNSNRPS
748	MPK20299-A4_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QAWDSGTVV
749	MPK20300-G5_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NYGFH
750	MPK20300-G5_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNRYYADSVKG
751	MPK20300-G5_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGTYYKNRYYYGMDV
752	MPK20300-G5_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GANNIGSKNVH
753	MPK20300-G5_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDFNRPS
754	MPK20300-G5_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTGNVV
755	MPK20299-C3_SCFV huCCR8 HV	NYGFH

	hv_cdr1	
756	MPK20299-C3_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNKYYADSVKG
757	MPK20299-C3_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGSYYKNRYYYGMDV
758	MPK20299-C3_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSKNVH
759	MPK20299-C3_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDSNRPS
760	MPK20299-C3_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
761	MPK20299-B7_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	NYGMH
762	MPK20299-B7_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNKYYADSVKG
763	MPK20299-B7_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
764	MPK20299-B7_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSKNVH
765	MPK20299-B7_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RDSNRPS
766	MPK20299-B7_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSSAHVI
767	MPK20299-A5_SCFV huCCR8 HV hv_cdr1	GYGMH
768	MPK20299-A5_SCFV huCCR8 HV hv_cdr2	VISYDGSNKYYADSVKG
769	MPK20299-A5_SCFV huCCR8 HV hv_cdr3	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
770	MPK20299-A5_SCFV huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNLGSKNVH
771	MPK20299-A5_SCFV huCCR8 LV lv_cdr2	RNSNRPS
772	MPK20299-A5_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSTVV

	lv_cdr3	
772	MPK20299-D1_SCFV huCCR8 HV	ND CO W
773	hv_cdr1	NNGMH
774	MPK20299-D1_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
//4	hv_cdr2	VISTOGSINKTTADSVNG
775	MPK20299-D1_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
773	hv_cdr3	V I I OSOIT I KINKI I I OMD V
776	MPK20299-D1_SCFV huCCR8 LV	GGNRIGSKNVH
	lv_cdr1	
777	MPK20299-D1_SCFV huCCR8 LV	RDSNRPS
	lv_cdr2	
778	MPK20299-D1_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSTVV
	lv_cdr3	
779	MPK20299-C5_SCFV huCCR8 HV	NYGFH
	hv_cdr1	
780	MPK20299-C5_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNRYYADSVKG
	hv_cdr2 MPK20299-C5_SCFV huCCR8 HV	
781	hv_cdr3	VYYGSGTYYKNRYYYGMDV
	MPK20299-C5 SCFV huCCR8 LV	
782	lv_cdr1	GGHNIGSKGVH
	MPK20299-C5_SCFV huCCR8 LV	
783	lv_cdr2	RNSNRPS
	MPK20299-C5_SCFV huCCR8 LV	
784	lv_cdr3	QVWDSSTVV
705	MPK20299-B5_SCFV huCCR8 HV	NXCMII
785	hv_cdr1	NYGMH
786	MPK20299-B5_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
/ 00	hv_cdr2	VIST DOSINKT I ADS VICO
787	MPK20299-B5_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	. I I OSOIT TIME TITO MID
788	MPK20299-B5_SCFV huCCR8 LV	GGHNIGSKGVH
	lv_cdr1	
789	MPK20299-B5_SCFV huCCR8 LV	RNSNRPS

	lv_cdr2	
790	MPK20299-B5_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSTVV
	lv_cdr3	Q 1 11 D D D T 1 1
791	MPK20299-G9_SCFV huCCR8 HV	NNGMH
,,,,	hv_cdr1	
792	MPK20299-G9_SCFV huCCR8 HV	VISNDGSNKYYADSVRG
	hv_cdr2	
793	MPK20299-G9_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	
794	MPK20299-G9_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGSKNVH
	lv_cdr1	
795	MPK20299-G9_SCFV huCCR8 LV	RNSNRPS
	lv_cdr2	
796	MPK20299-G9_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSTVV
	lv_cdr3 MPK20299-G5_SCFV huCCR8 HV	
797	hv cdr1	NNGMH
	MPK20299-G5_SCFV huCCR8 HV	
798	hv cdr2	VISNDGSNKYYADSVRG
	MPK20299-G5_SCFV huCCR8 HV	
799	hv_cdr3	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	MPK20299-G5_SCFV huCCR8 LV	
800	lv_cdr1	EGNNIGSKNVH
	MPK20299-G5_SCFV huCCR8 LV	
801	lv_cdr2	RDSNRPS
902	MPK20299-G5_SCFV huCCR8 LV	OVINDCCAVIV
802	lv_cdr3	QVWDSSAVV
803	MPK20298-C10_SCFV huCCR8 HV	SSGMH
003	hv_cdr1	SOCIVITI
804	MPK20298-C10_SCFV huCCR8 HV	VISNDGSNKYYADSVKG
	hv_cdr2	, and obtain the oracle
805	MPK20298-C10_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNNYYYGMDV
	hv_cdr3	
806	MPK20298-C10_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGSKNVH

	lv_cdr1	
807	MPK20298-C10_SCFV huCCR8 LV	RNSNRPS
807	lv_cdr2	KNSINKES
808	MPK20298-C10_SCFV huCCR8 LV	QAWDSSTVV
000	lv_cdr3	QAWDSSTVV
809	MPK20298-B5_SCFV huCCR8 HV	NYGMH
007	hv_cdr1	
810	MPK20298-B5_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
811	MPK20298-B5_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV
	hv_cdr3	
812	MPK20298-B5_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGSQNVH
	lv_cdr1	
813	MPK20298-B5_SCFV huCCR8 LV	RDSNRPS
	lv_cdr2	
814	MPK20298-B5_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSAVV
	lv_cdr3 MPK20299-F2_SCFV huCCR8 HV	
815	hv_cdr1	SSGMH
	MPK20299-F2 SCFV huCCR8 HV	
816	hv_cdr2	VISNDGSNKYYADSVKG
	MPK20299-F2_SCFV huCCR8 HV	
817	hv_cdr3	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	MPK20299-F2_SCFV huCCR8 LV	
818	lv_cdr1	GGNNIGSKNVH
010	MPK20299-F2_SCFV huCCR8 LV	DD GMD DG
819	lv_cdr2	RDSNRPS
920	MPK20299-F2_SCFV huCCR8 LV	OAWDCCTVV
820	lv_cdr3	QAWDSGTVV
821	MPK20298-D4_SCFV huCCR8 HV	NYGMH
021	hv_cdr1	IN I OWILI
822	MPK20298-D4_SCFV huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
022	hv_cdr2	TIDIDODINET TADDYING
823	MPK20298-D4_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKRYYYGMDV

	hv_cdr3	
824	MPK20298-D4_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGGKNVH
	lv_cdr1	CONTROCKIVII
825	MPK20298-D4_SCFV huCCR8 LV	RDSNRPS
023	lv_cdr2	RESTANCE.
826	MPK20298-D4_SCFV huCCR8 LV	QVWDSSTVV
	lv_cdr3	2.1.200111
827	MPK20297-F5_SCFV huCCR8 HV	RNGMH
	hv_cdr1	
828	MPK20297-F5_SCFV huCCR8 HV	VISNDGSNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
829	MPK20297-F5_SCFV huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNNYYYGMDV
	hv_cdr3	
830	MPK20297-F5_SCFV huCCR8 LV	GGNNIGSKNVH
	lv_cdr1	
831	MPK20297-F5_SCFV huCCR8 LV	RNSNRPS
	lv_cdr2	
832	MPK20297-F5_SCFV huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
	MPK20299-D9_SCFV huCCR8 HV	
833	hv_cdr1	RNGMH
	MPK20299-D9_SCFV huCCR8 HV	
834	hv_cdr2	VISNDGSNKYYADSVKG
	MPK20299-D9_SCFV huCCR8 HV	
835	hv_cdr3	VYYGSGIYYKNNYYYGMDV
	MPK20299-D9_SCFV huCCR8 LV	
836	lv_cdr1	GGNNIESKNVH
007	MPK20299-D9_SCFV huCCR8 LV	DDCNDDC
837	lv_cdr2	RDSNRPS
838	MPK20299-D9_SCFV huCCR8 LV	OVWDCCTVV
030	lv_cdr3	QVWDSSTVV
830	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	NARMG
839	K38R)_HC huCCR8 HV hv_cdr1	IVANIVO
840	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	RIKSKTEGGTRDYAAPVKG

	K38R)_HC huCCR8 HV hv_cdr2	
0.41	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	VOCN
841	K38R)_HC huCCR8 HV hv_cdr3	YSGV
842	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	Vecocyi vechindniyi a
042	K38R)_LC huCCR8 LV lv_cdr1	KSSQSVLYSSNNRNYLA
843	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	WASTRES
043	K38R)_LC huCCR8 LV lv_cdr2	WASTRES
844	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	QQYYSIPIT
044	K38R)_LC huCCR8 LV lv_cdr3	Q 1 13 II 11
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	
845	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	NYGFH
	uIgG1z (mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr1	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	
846	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	VISYDGSNRYYASSVKG
	uIgG1z (mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr2	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	
847	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	VYYGSGTYYKNRYYYGMDV
	uIgG1z (mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr3	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	
848	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	GGHNIGSKGVH
	uIgG1z (mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr1	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	
849	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	RAANRPS
	uIgG1z (mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr2	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	
850	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	QAFDAGTVV
	uIgG1z (mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr3	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A,	
851	VL:	NYGFH
031	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	
	(mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr1	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A,	
852	VL:	VISYAGSNRYYAASVKG
	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	

	(mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr2	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A,	
0.72	VL:	
853	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	VYYGSGTYYKNRYYYGMDV
	(mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr3	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A,	
854	VL:	GGHNIGSKGVH
034	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	GGHNGSKGVH
	(mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr1	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A,	
855	VL:	DOCNIDE
833	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	RQSNRPS
	(mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr2	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A,	
056	VL:	OAEDACTVV
856	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	QAFDAGTVV
	(mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr3	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	
857	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	NYGFH
	(mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr1	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	
858	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	VISYSGSNRYYADSVKG
	(mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr2	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	
859	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	VYYGSGTYYKNRYYYGMDV
	(mAb)_HC huCCR8 HV hv_cdr3	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	
860	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	GGHNIGSKGVH
	(mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr1	
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	
861	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	RQSNRPS
	(mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr2	
963	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	OAEDACTVV
862	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	QAFDAGTVV
L		<u> </u>

	(mAb)_LC huCCR8 LV lv_cdr3	
863	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	CCHNICSVCVII
	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GGHNIGSKGVH
864	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	DNICNIDDO
804	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	RNSNRPS
865	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	OVWDICTVV
803	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDISTVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	
866	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	NCGMH
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	
867	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGGNKYHADSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	
868	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	
869	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	GGHNIGSKGVH
009	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GOUNGSKOAU
870	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	RNSNRPS
870	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	KNSINKI S
871	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	QVWDSSTVV
0/1	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	Q V W D S S I V V
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	
872	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	NCGMH
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	
873	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGGNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	
874	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	
875	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	GGNNIGSKNVH
0/3	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	COMMINICORINAL
876	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	RDSNRPS

	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	
877	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	OVAMIDONITYA
	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSNTVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	
878	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	NNGMH
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	
879	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISNDGSNKYYADSVRG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	
880	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNNYYYGMDV
	hv_cdr3	
881	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	GGNNIGSKNVH
881	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GGNNIGSKNVH
000	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	RNSNRPS
882	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	RINSINRES
883	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	OVWDCCTVV
003	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	
884	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	TYGMH
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	
885	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	
886	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGSYYKKNYYYGMDV
	hv_cdr3	
887	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	GGNNIGGKNVH
007	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GONNIGORINVII
888	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	RDSNRPS
	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	INDOINE 9
889	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	QVWDSSTVV
	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	ζ 1 1 1 C C C C C C C C C C C C C C C C
890	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	SYGFH

	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	
891	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	
892	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGTYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	
893	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	GGNNIGSKNVH
093	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GGINNGSKINVII
894	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	RDSNRPS
094	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	RDSINKES
895	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	QVWDSSTVV
893	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	
896	HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV	NNGMH
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	
897	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISNDGSNKYYPDSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	
898	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGNYYKNNYYYGMDV
	hv_cdr3	
899	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	EGNNIGSQNVH
077	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	LOMMOSQMVII
900	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	RDSNRPS
900	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	RDSINKI S
901	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	QVWDGSAVV
901	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDGSAVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	
902	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	SSGMH
	hv_cdr1	
003	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	VICHDCCNKVVADCVVC
903	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISHDGSNKYYADSVKG
	1	I .

	hv_cdr2	
904	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	
	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	
905	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	GGHNIGSKGVH
903	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GGIINGSKGVII
906	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	RNSNRPS
700	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	RIGITAL
907	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	QVWDSSTVV
707	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	Q V W DSS1 V V
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	
908	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	DCGMH
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	
909	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGGNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	
910	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	
911	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	GGNNIGSKNVH
	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GGIANGSIAVII
912	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	RSSNRPS
712	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	RODINI S
913	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	QIWDSSTVV
	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	QIVIDSSIV V
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	
914	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	SYGMH
	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	
915	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISFDGNNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	
916	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGSYYKNRYYYGMDV
	hv_cdr3	

HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	917	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	GGNNIGSKNVH
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	917	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GOMMOSKIVII
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	Q18	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	RDSNRPS
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	710	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	RDSIANI S
HulgGlz mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	919	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	OVWDSSTVV
920		HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	Q () (D D D T) ()
hv_cdr1		Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1 Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 HulgG1z mAb_HC huCCR8 LV lv_cdr1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	920	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	SNGMH
921 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2		hv_cdr1	
hv_cdr2		Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	921	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISNDGSNKYYGDSVKG
922 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 923 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 924 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 925 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 926 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 927 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGSKNVH VYYGSGIYYRNNYYYGMDV VISYDGSNKYYADSVKG VYYGSGIYYKNRYYYGMDV VYYGSGIYYKNRYYYGMDV RONNIGSKNVH GGNNIGSKNVH RNTNRPS		hv_cdr2	
hv_cdr3		Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 RNTNRPS Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV GYGMH hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGSKNVH Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 RNTNRPS RNTNRPS	922	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYRNNYYYGMDV
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1		hv_cdr3	
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 HV GYGMH hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV VISYDGSNKYYADSVKG hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV VYYGSGIYYKNRYYYGMDV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	923	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	GGNNIGSKNVH
924 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 925 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 926 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 927 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	723	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	GGWWGSWWWII
HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	924	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	PNTNRPS
925	724	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	MVIIM 5
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 926 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 927 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 930 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	925	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	OVWDSSTVV
926 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 927 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	723	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	Q 1 11 D D D T 1 1 1
hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 927 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS		Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 927 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	926	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	GYGMH
927 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV VISYDGSNKYYADSVKG hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV VYYGSGIYYKNRYYYGMDV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGSKNVH 930 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS		hv_cdr1	
hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS		Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 928 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	927	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
928 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV VYYGSGIYYKNRYYYGMDV hv_cdr3 929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 930 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS		hv_cdr2	
hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS		Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	
929 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	928	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
929 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGSKNVH 930 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS		hv_cdr3	
HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 RNTNRPS	020	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	CCNNICSKNVH
930 RNTNRPS	727	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	COMMISSION VII
	930	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	RNTNRPS
HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	930	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	MATINIT 5

HulgGIz mAb_LC huCCR8 LV Iv_cdr3		Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	
932 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 1	931	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	QVWDSSTVV
hv_cdr1		Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGSKNVH HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cd	932	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	GYGMH
HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2		hv_cdr1	
hv_cdr2		Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 GGNNIGDKNVH 935	933	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGSNKYYADSVKG
HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGDKNVH Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		hv_cdr2	
hv_cdr3		Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 RNNVRPS Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 QVWDSSTVV Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu lgG1z mAb_HC huCCR8 HV NFGMH hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 Hu lgG1z mAb_HC huCCR8 HV VISYDGGNKYYADSVKG hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 Hu lgG1z mAb_HC huCCR8 HV NYYGSGSYYKKRYYYGMDV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGSKNVH 942 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 RDSNRPS Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDSSTVV Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDSSTVV Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDSSTVV Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu lgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDSSTVV Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	934	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKNRYYYGMDV
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 GGNNIGDKNVH 936		hv_cdr3	
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 936	035	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	CCNNICDKNVH
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	933	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	OOMMODKIVII
HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	036	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	DNINVDDS
937 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 938 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 939 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 940 HulgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 941 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 942 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 943 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 944 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 945 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 946 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 947 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 948 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	930	HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	KINIVKI S
HulgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	937	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	OVWDSSTVV
938 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 941 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 942 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 943 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 944 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 944 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	Q V W D D D T V V
hv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 Hu IgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 VYYYGSGSYYKKRYYYGMDV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	938	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	NFGMH
939 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 940 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 941 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 942 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 943 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 944 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 945 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 946 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		hv_cdr1	
hv_cdr2		Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	939	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGGNKYYADSVKG
940 HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV hv_cdr3 941 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 942 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 943 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 944 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		hv_cdr2	
hv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	
Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu anti-huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 Hu IgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	940	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGSYYKKRYYYGMDV
941 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 942 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 943 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 944 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		hv_cdr3	
HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	941	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	GGNNIGSKNVH
942 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr1	
HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	942	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	RDSNRPS
943 HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 QVWDSSTVV 944 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH		HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr2	
HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3 Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 SCGMH	943	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	OVWDSSTVV
944 SCGMH		HuIgG1z mAb_LC huCCR8 LV lv_cdr3	Q. 11200177
HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	944	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	SCGMH
		HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	

	hv_cdr1	
	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	
945	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VISYDGTNKYYADSVKG
	hv_cdr2	
	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	
946	HuIgG1z mAb_HC huCCR8 HV	VYYGSGIYYKKNYYYGMDV
	hv_cdr3	
947	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_HC	NADMC
947	huCCR8 HV hv_cdr1	NARMG
0.40	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_HC	DIVENTECCTODY
948	huCCR8 HV hv_cdr2	RIKSKTEGGTRDYAAPVKG
949	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_HC	YSGV
949	huCCR8 HV hv_cdr3	1307
950	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_LC	KSSQSVLYSSNNKNYLA
950	huCCR8 LV lv_cdr1	K55Q5 VL 155ININKIV1LA
951	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_LC	WASTRES
931	huCCR8 LV lv_cdr2	WASTRES
952	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_LC	QQYYSIPIT
752	huCCR8 LV lv_cdr3	QQ115H11
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
953	MPK20298-A4 SCFV HV huCCR8	AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
)33	WFK20296-A4_SCFV HV HUCCKS	NSKNTLYLQMNSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRNYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGNN
		IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
954	MPK20298-A4_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPDRFSGSKSGNTATLTISRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTK
		LTVL
955		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
	MPK20299-D2_SCFV HV huCCR8	GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA

		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
		IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRNS
956	MPK20299-D2_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTITRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTK
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAPS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
957	MDV20200 E11 CCEV IV by CCD9	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
957	MPK20299-F11_SCFV HV huCCR8	NSKNTLFLQMNSLRAEDTAVYFCAR
		VYYGSGSYYKKRYYYGMDVWGQG
		TTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGNN
		IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
958	MPK20299-F11_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQ
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSSGMHWVRQAPGKGLEWVA
959	MDE 20208 H6 SCEV HV by CCD8	VISYDGTNKYYADSVKGRFTISRDN
939	MPK20298-H6_SCFV HV huCCR8	SKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAK
		VYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQG
		TTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
	MPK20298-H6_SCFV LV huCCR8	IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRNS
960		NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQ
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
961	MPK20297-A4_SCFV HV huCCR8	GFNFSNYGMHWVRQVPGRGLDWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS

		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
962	MPK20297-A4 SCFV LV huCCR8	IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
		NRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQ
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
963	MPK20299-H8_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVAPGQTARITCGGNN
		IGSKNVHWYQQKAGQAPVQVIYRN
964	MPK20299-H8_SCFV LV huCCR8	SNRPSGIPARFSGSNSGNTATLTISRA
		QAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGT
		KLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEWVA
065	MDV20200 C11 CCCV/HV1-CCD0	VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
965	MPK20300-C11_SCFV HV huCCR8	KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGSYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPPSVSVAPGQTARIPCGGNN
	MPK20300-C11_SCFV LV huCCR8	IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDI
966		NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
967	MPK20298-B1_SCFV HV huCCR8	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
707	MPK20298-B1_SCFV HV nuCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
968	MDK20208_R1_SCEVIVbuCCD8	SYELTQPPSVSVALGQTARLTCEGN
900	MPK20298-B1_SCFV LV huCCR8	NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR

		NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
		VQAGDEADYYCQAWDSSTVVFGGG
		TQLTVL
		QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
060	MDV20207 E5 CCEV HV by CCD9	AVISYDGSNKYYTDSVKGRFTISRD
969	MPK20297-E5_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSEALGQTARITCGGNN
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
970	MPK20297-E5_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSNSGNAATLTISRVE
		AGDEADYYCQVWDSSSDHVVFGGG
		TQLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
971	MPK20299-A3_SCFV HV huCCR8	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
9/1	WFK20299-A3_SCFV HV HUCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVAPGQTARITCGGNN
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRNS
972	MPK20299-A3_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQ
		AMDEADYYCQAWDSSNVVFGGGT
		QLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
973	MDV20207 D4 SCEVIIV byCCD8	AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
9/3	MPK20297-B4_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
974	MPK20297-B4_SCFV LV huCCR8	NIGSQNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
		DSNRPSGIPDRFSGSKSGNTATLTISR
		AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG

		TQLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
975	MDV20209 E4 SCEV HV byCCD9	AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
9/3	MPK20298-F6_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVAPGQTARITCGGNN
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
976	MPK20298-F6_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQ
		AGDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTE
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
977	MPK20299-H3_SCFV HV huCCR8	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
911	WFK20299-H3_SCFV HV Huccko	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
		NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLAIYR
978	MPK20299-H3_SCFV LV huCCR8	NSNRPSGIPERFTGSNSGNTATLTISR
		AQAGDESDYYCQIWDSSTVVFGGG
		TKLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
979	MPK20298-B9_SCFV HV huCCR8	AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
919	WFK20296-B9_SCFV HV HUCCK6	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKKNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
980		SYELTQPPSVSVALGQTARISCGGNN
	MPK20298-B9_SCFV LV huCCR8	IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
		NRPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQ
		AGDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTQ
		LTVL

981	MPK20299-E2_SCFV HV huCCR8 MPK20299-E2_SCFV LV huCCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYTDSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRTEDTAVYYCA KVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ GTTVTVSS SYELTQPPSVSVALGQTARITCEGNN IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVMYRD SNRPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRA QAGDESDYYCQVWDGSAVVFGGGT
983	MPK20299-D6_SCFV HV huCCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS GFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEWVA VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS KNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCARV YYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQGT TVTVSS
984	MPK20299-D6_SCFV LV huCCR8	SYELTQPLSVSVALGQTARITCEGNN IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVMYRD SNRPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRA QAGDESDYYCQVWDGSAVVFGGGT QLTVL
985	MPK20299-A4_SCFV HV huCCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA VISYDGSNRYYADSVKGRFTISRDNS KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT TVTVSS
986	MPK20299-A4_SCFV LV huCCR8	SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRNS NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQ AMDEADYYCQAWDSGTVVFGGGT QLTVL
987	MPK20300-G5_SCFV HV huCCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA

		VISYDGSNRYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGANN
000	MDW20200 G5 GGEVLVI GGD0	IGSKNVHWYQQKPGQPPVLVIYRDF
988	MPK20300-G5_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSASNSGNTATLTISRGQ
		AGDEADYYCQVWDSSTGNVVFGGG
		TKLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFIFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
989	MPK20299-C3 SCFV HV huCCR8	VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
707	MI RECESS CO_SCI VII VII INCCERC	KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGSYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPPSVSVAPGQTARITCGGNN
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
990	MPK20299-C3_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTE
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
001	MDWAGAGO DE GCENVINAL GCDG	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
991	MPK20299-B7_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQSSSVSVAPGQTARITCGGNN
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
992	MPK20299-B7_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRVE
		AGDEADYYCQVWDSSSAHVIFGGG
		TKLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
		GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
993	MPK20299-A5_SCFV HV huCCR8	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
		INSKINIL I LQIVINSLKUEDIAVI ICA

		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSGSVALGQTARITCGGNN
		LGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRN
994	MPK20299-A5_SCFV LV huCCR8	SNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRA
		QAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGT
		KLTVL
		QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
		GFTFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
00.		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
995	MPK20299-D1_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGNR
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
996	MPK20299-D1_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQ
		AGDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTK
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
997	MDV20200 C5 SCEVIIV byCCD8	VISYDGSNRYYADSVKGRFTISRDNS
997	MPK20299-C5_SCFV HV huCCR8	KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQLPSVSVALGQTARITCGGH
	MPK20299-C5_SCFV LV huCCR8	NIGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYR
998		NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
		AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TELTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
999	MPK20299-B5_SCFV HV huCCR8	GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS

		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
1000	MPK20299-B5_SCFV LV huCCR8	IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRNS
		NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQ
1000		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQ
		LTVL
		QVQLVESGGDLVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISNDGSNKYYADSVRGRFTISRD
1001	MPK20299-G9_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
		NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
1002	MPK20299-G9_SCFV LV huCCR8	NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTLSR
1002	WI K20255-G5_SCI V E V IIdeCKG	VQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TKLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISNDGSNKYYADSVRGRFTISRD
1003	MPK20299-G5_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARLTCEGN
	MPK20299-G5_SCFV LV huCCR8	NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
1004		DSNRPSGIPERFSGSKSGNTATLAISR
1004		AQAGDESDYYCQVWDSSAVVFGGG
		TKLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSSGMHWVRQAPGKGLEWVA
	MPK20298-C10_SCFV HV huCCR8	VISNDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
1005		KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKV
		YYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGNN
1006	MPK20298-C10_SCFV LV huCCR8	IGSKNVHWYQQKPGQAPVLAIYRNS
		105M11M1 1QQM 0QAF VLAITKINS

		NRPSGIPERFTGSNSGNTATLTISGTQ
		AMDEADYYCQAWDSSTVVFGGGT
		KLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
1007	MPK20298-B5_SCFV HV huCCR8	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
	_	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGNN
		IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
1008	MPK20298-B5_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRAQ
		AGDESDYYCQVWDSSAVVFGGGTQ
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTLSSSGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISNDGSNKYYADSVKGRFTISRDDS
1009	MPK20299-F2_SCFV HV huCCR8	KNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCAKV
		YYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARISCGGNN
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVMYRD
1010	MPK20299-F2_SCFV LV huCCR8	SNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGT
1010	WI K20299-I 2_SCI V L V IIUCEKO	QAMDEADYYCQAWDSGTVVFGGG
		TKLTVL
		OVOLVESGGGVVOPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
	MPK20298-D4_SCFV HV huCCR8	
1011		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGNN
1012	MPK20298-D4_SCFV LV huCCR8	IGGKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRD
		SNRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRA
		QAGDESDYYCQVWDSSTVVFGGGT
	1	

		QLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
1012	MDV20207 F5 GGEV HV1 GGD0	AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
1013	MPK20297-F5_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
		NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
1014	MPK20297-F5_SCFV LV huCCR8	NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
		AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TKLTVL
		QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
1015	MDW20200 DO SCEW HW by CCD8	AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
1013	MPK20299-D9_SCFV HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARISCGGNN
		IESKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
1016	MPK20299-D9_SCFV LV huCCR8	NRPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQ
		AGDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTQ
		LTVL
		EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC: K38R)_HC HV huCCR8	GFTFSNARMGWVRQAPGKGLEWV
1017		GRIKSKTEGGTRDYAAPVKGRFTISR
	K36K)_HC HV HuCCK6	DDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYYC
		TSYSGVWGQGTMVTVSS
		DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSS
1018	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC: K38R)_LC LV huCCR8	QSVLYSSNNRNYLAWYHQKPGQSP
		KLLISWASTRESGVPDRFSGSGSGTD
		FTLTINSLQAEDVAVYYCQQYYSIPI
		TFGGGTKVEIKR
1019	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS

	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
	uIgG1z (mAb)_HC HV huCCR8	VISYDGSNRYYASSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRA
1020	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	ANRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGT
	uIgG1z (mAb)_LC LV huCCR8	QAGDEADYYCQAFDAGTVVFGGGT
		QLTVLG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A,	GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
1001	VL:	VISYAGSNRYYAASVKGRFTISRDNS
1021	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
	(mAb)_HC HV huCCR8	YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
	: 1. GGD0 44270 (W. D.C.) 1. D704	SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A, VL: N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z (mAb)_LC LV huCCR8	IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRQS
1022		NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQ
		AEDEADYYCQAFDAGTVVFGGGTQ
		LTVLG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL: N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z (mAb)_HC HV huCCR8	GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
1022		VISYSGSNRYYADSVKGRFTISRDNS
1023		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRQS
1024	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQ
	(mAb)_LC LV huCCR8	AGDEADYYCQAFDAGTVVFGGGTQ
		LTVLG
	Hu anti huCCD0 I IDC215615 1	SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGH
1025	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	NIGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYR
	HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
		1

		AQAGDEADYYCQVWDISTVVFGGG
		TELTVLG
		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNCGMHWVRQAPGKGLEWV
1026	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	AVISYDGGNKYHADSVKGRFTISRD
1026	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	DSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGH
	Hy out by CCD9 I IDC217152 1	NIGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYR
1027	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	NSNRPSGIPERFSGSNSGKTATLTISR
	HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TELTVLG
		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNCGMHWVRQAPGKGLEWV
1028	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	AVISYDGGNKYYADSVKGRFTISRD
1020	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	DSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1 HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	NIGSKNVHWYQKRPGQAPVLVIYRD
1029		SNRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRA
		QAGDEADYYCQVWDSNTVVFGGG
		TNLTVLG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
1030	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	AVISNDGSNKYYADSVRGRFTISRD
1000	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYSCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
1031	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1 HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	NIGSKNVHWYQQKAGQAPVQVIYR
		NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
		AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TKLTVLG

1032	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1 HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS GFNFNTYGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKSTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA RVYYGSGSYYKKNYYYGMDVWGQ GTTVTVSS SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
1033	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1 HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	NIGGKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR DSNRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISR AQAGDESDYYCQVWDSSTVVFGGG TTLTVLG
1034	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1 HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS GFTLSSYGFHWVRQTPGKGLEWVA VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT TVTVSS
1035	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1 HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	SYELTQPLSVSEALGQTARITCGGNN IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS NRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRAQ AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTK VTVLG
1036	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1 HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS GFNFINNGMHWVRQAPGKGLDWV AVISNDGSNKYYPDSVKGRFTISRDN SKNTLYLQMNSLRAEDSAVYYCAK VYYGSGNYYKNNYYYGMDVWGQ GTTVTVSS
1037	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1 HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	SYELTQPLSVSVALGQTARITCEGNN IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVMYRD SNRPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRA QAGDESDYYCQVWDGSAVVFGGGT TLTVLG
1038	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1 HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	QMQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAA SGFTFSSSGMHWVRQAPGKGLEWV

		AVISHDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLGGEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVIVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGH
	He and he CODS I IDC220284 1	NIGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYR
1039	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
	HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TELTVLG
		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSDCGMHWVRQAPGKGLEWV
1040	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	AVISYDGGNKYYADSVKGRFTISRD
1040	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	DSKNTLYLQTDSLRTEDTAVYYCAK
		VYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQG
		TTVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTGRITCGGN
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRS
1041	HulgG1z mAb_LC LV huCCR8	SNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRA
		QAGDESDYYCQIWDSSTVVFGGGT
		KLTVLG
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEWVA
1042	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	VISFDGNNKYYADSVKGRFTISRDNS
1042	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGSYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVST
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	NIGSKNVHWYQQRPGQAPVLVIYRD
1043	HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	SNRPSGIPERLSGSKAGNTATLTISRA
		HAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGT
		ELTVQG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
1044	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	GFTFSSNGMHWVRQAPGKGLEWVA
1077	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	VISNDGSNKYYGDSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKV

		YYGSGIYYRNNYYYGMDVWGQGT
		TVTVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
	H	NIGSKNVHWYQQKPGQAPILVIYRN
1045	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	TNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRA
	HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	QVGDESDYFCQVWDSSTVVFGGGT
		KLTVLG
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
		GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
1046	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	AVISYDGSNKYYADSVKGRFPISRD
1046	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVAVSS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
	H	NIGSKNVHWYQQKPGQAPILVIYRN
1047	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	TNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRA
	HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	QVGDESDYFCQVWDSSTVVFGGGT
		KLTVLG
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
		GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
1048	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
1040	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVAVSS
		SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN
	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
1049		NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
	mangorz mad_be by naceko	AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TKLTVLG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GLNFSNFGMHWVRQAPGKGLDWV
1050	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	AVISYDGGNKYYADSVKGRFTVSRD
1030	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	NSKNTLFLQMNSLRAEDTALYYCA
		KVYYGSGSYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSS

		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
1051	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
		DSNRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISR
	HuIgG1z mAb_LC LV huCCR8	AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		AKLTVLG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSSCGMHWVRQAPGKGLEWVA
	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	VISYDGTNKYYADSVKGRFTISRDN
1052	HuIgG1z mAb_HC HV huCCR8	SKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAK
		VYYGSGIYYKKNYYYGMDVWGQG
		TTVTVSS
		EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
		GFTFSNARMGWVRQAPGKGLEWV
1053	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_HC HV	GRIKSKTEGGTRDYAAPVKGRFTISR
	huCCR8	DDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYYC
		TSYSGVWGQGTMVTVSS
	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_LC LV	DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSS
		QSVLYSSNNKNYLAWYHQKPGQSP
1054		KLLISWASTRESGVPDRFSGSGSGTD
	huCCR8	FTLTINSLQAEDVAVYYCQQYYSIPI
		TFGGGTKVEIKR
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1055	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1033	K38R)_HC, константная область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
L	<u>I</u>	1

huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC: K38R)_LC, константная область DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK NRGEC ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAA CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSI TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF Anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	CA SF LG VH
I 1056 K38R)_LC, константная область SQESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSI DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK NRGEC ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAA CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSI TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	SF LG VH
DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTK NRGEC ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAA CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSI TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	LG VH .G
ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAA CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSI TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	VH .G
CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSI TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	VH .G
TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSI TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	.G
TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	
anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHI N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	XS
anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL: KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHI N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	
N67A S68A M99G W109F S111A) h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	PP
N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	ED
1 103 / 1	EE
uIgG1z (mAb)_HC, константная QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNG	KE
область YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQ	PR
EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCI	v
KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK	$\Gamma \Gamma$
PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWG	QQ
GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLS	LS
PGK	
anti-huCCR8_44379(VH:D72S, QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKAT	LV
VL:N67A_S68A_M99G_W109F_S111A CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVK	4G
1058 VE.NO/A_S08A_W199G_W1091_S111A VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTF	EQ
у_nuigG12 (mAb)_EC, константная область WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVA	PT
ECS	
ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAA	G
CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSG	VH
TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSI	.G
TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEP	XS
anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A, CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLF)	PP
1059 KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHI	ED
N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPR	EE
(mAb)_HC, константная область QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNG	KE
YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQ	PR
EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCI	N
KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYK	$\Gamma \Gamma \mid$

		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	anti-huCCR8_44379(VH:D61A_D72A,	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1060	VL:N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIg	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	G1z (mAb)_LC, константная область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	ont: huCCD9 44270 (VIII. DC1C, VII.	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1061	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1001	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	(mAb)_HC, константная область	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	anti-huCCR8_44379(VH:D61S,	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1062	VL:N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIg	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	G1z (mAb)_LC, константная область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1063	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
1064	HuIgG1z mAb_HC, константная	CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
	область	TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG

		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1065	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1066	HuIgG1z mAb_HC, константная	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1000	область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	COMMOTE	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1067	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS

T	A CONTROL OF THE A PROSTOR OF THE A
	ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
	CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
	TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
	CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
HuIgG1z mAb HC, константная	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
	EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
	KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
	PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
	GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
	PGK
	QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
	ECS
	ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
	CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
	TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
	CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
HuIgG1z mAb_HC, константная область	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
	EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
	KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
	PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
	GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
	PGK
Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	HuIgG1z mAb_HC, константная область Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1 HuIgG1z mAb_LC, константная область Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1 HuIgG1z mAb_HC, константная область

	область	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
		WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1072	Hu anu-nuccks Libcs18/74-1 HuIgG1z mAb HC, константная	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1072	пиідоти ії модеть, константная	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	ООЛАСТЬ	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1073	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1074	HuIgG1z mAb_HC, константная	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
	область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS

		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1075	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1076	Hu Ind-nuccko Libc320212-1 HulgG1z mAb HC, константная	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1070	область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	ООЛАСТЬ	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1077	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
1078		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
10/8	HuIgG1z mAb_HC, константная область	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV

		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1079	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1080		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1080	HuIgG1z mAb_HC, константная область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	OOMACTE	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1081	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
1082	HuIgG1z mAb_HC, константная	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
	область	CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
<u> </u>	· ·	

		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1083	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1084		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1004	HuIgG1z mAb_HC, константная область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	COMACTE	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1085	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
1086		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
1000	HuIgG1z mAb_HC, константная область	TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
	OOMACIB	TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS

		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1087	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1088	HuIgG1z mAb HC, константная	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1000	область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
	COMACTE	YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		QPKAAPSVTLFPPSSEELQANKATLV
	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	CLISDFYPGAVTVAWKADSSPVKAG
1089	HuIgG1z mAb_LC, константная	VETTTPSKQSNNKYAASSYLSLTPEQ
	область	WKSHRSYSCQVTHEGSTVEKTVAPT
		ECS
1090	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG

	HuIgG1z mAb_HC, константная	CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
	область	TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
		PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
		QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		ASTKGPSVFPLAPSSKSTSGGTAALG
		CLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVH
		TFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLG
		TQTYICNVNHKPSNTKVDKKVEPKS
		CDKTHTCPPCPAPELLGGPSVFLFPP
		KPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHED
1091	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_HC,	PEVKFNWYVDGVEVHNAKTKPREE
1091	константная область	QYNSTYRVVSVLTVLHQDWLNGKE
		YKCKVSNKALPAPIEKTISKAKGQPR
		EPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLV
		KGFYPSDIAVEWESNGQPENNYKTT
		PPVLDSDGSFFLYSKLTVDKSRWQQ
		GNVFSCSVMHEALHNHYTQKSLSLS
		PGK
		TVAAPSVFIFPPSDEQLKSGTASVVC
	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_LC,	LLNNFYPREAKVQWKVDNALQSGN
1092	константная область	SQESVTEQDSKDSTYSLSSTLTLSKA
	Konorum may oosiacib	DYEKHKVYACEVTHQGLSSPVTKSF
		NRGEC
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
1093	MPK20298-A4_SCFV	GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD

		NSKNTLYLQMNSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRNYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCGGNNIG
		SQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPDRFSGSKSGNTATLTISRAQA
		GDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1094	MPK20299-D2_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCGGHNIG
		SKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSN
		RPSGIPERFSGSNSGNTATLTITRAQA
		GDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAPS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLFLQMNSLRAEDTAVYFCAR
		VYYGSGSYYKKRYYYGMDVWGQG
1095	MPK20299-F11_SCFV	TTVTVSSGGGGSGGGGSSYE
		LTQPPSVSVALGQTARITCGGNNIGS
		QNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSNR
		PSGIPERFSGSKSGNTATLTISRAQAG
		DEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQLT
		VL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSSGMHWVRQAPGKGLEWVA
1096	MPK20298-H6_SCFV	VISYDGTNKYYADSVKGRFTISRDN
		SKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAK
		VYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQG

		TTVTVSSGGGGSGGGGSSYE
		LTQPPSVSVALGQTARITCGGHNIGS
		KGVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSNR
		PSGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQAG
		DEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQLT
		VL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
		GFNFSNYGMHWVRQVPGRGLDWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1097	MPK20297-A4_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCGGHNIG
		SQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRAQA
		GDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1098	MPK20299-H8_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSSY
		ELTQPPSVSVAPGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKAGQAPVQVIYRNSN
		RPSGIPARFSGSNSGNTATLTISRAQA
		GDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
1099	MPK20300-C11_SCFV	KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGSYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSGGGGSGGGGSSYEL
		TQPPSVSVAPGQTARIPCGGNNIGSK

		NVHWYQQKPGQAPVLVIYRDINRPS
		GIPERFSGSNSGNTATLTISRAQAGD
		EADYYCQVWDSSVVFGGGTKLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1100	MPK20298-B1_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARLTCEGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSN
		RPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRVQA
		GDEADYYCQAWDSSTVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYTDSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1101	MPK20297-E5_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSSY
		ELTQPLSVSEALGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSNSGNAATLTISRVEA
		GDEADYYCQVWDSSSDHVVFGGGT
		QLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
1102	MPK20299-A3_SCFV	RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1102	WIF NZUZYY-A3_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVAPGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSN
		RPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQA
		MDEADYYCQAWDSSNVVFGGGTQ

		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
1103	MPK20297-B4_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPLSVSVALGQTARITCGGNNIG
		SQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPDRFSGSKSGNTATLTISRAQA
		GDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
1104	MPK20298-F6_SCFV	GTTVTVSSGGGGGGGGGGSSY
		ELTQPPSVSVAPGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQA
		GDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTEL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1105	MPK20299-H3_SCFV	GTTVTVSSGGGGGGGGGGSSY
		ELTQPLSVSVALGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLAIYRNSN
		RPSGIPERFTGSNSGNTATLTISRAQA
		GDESDYYCQIWDSSTVVFGGGTKLT
		VL
1106	MPK20298-B9_SCFV	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS

		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKKNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARISCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQA
		GDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYTDSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRTEDTAVYYCA
	MPK20299-E2_SCFV	KVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1107		GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCEGNNIG
		SQNVHWYQQKPGQAPVLVMYRDS
		NRPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRAQ
		AGDESDYYCQVWDGSAVVFGGGTK
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
	MPK20299-D6_SCFV	GFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCARV
		YYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQGT
1108		TVTVSSGGGGSGGGGSSYEL
		TQPLSVSVALGQTARITCEGNNIGSQ
		NVHWYQQKPGQAPVLVMYRDSNR
		PSGIPERFSGSKSGNTATLAISRAQA
		GDESDYYCQVWDGSAVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
1109	MPK20299-A4_SCFV	GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA

		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSGGGGSGGGGSSYEL
		TQPPSVSVALGQTARITCGGHNIGSK
		GVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSNRP
		SGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQAM
		DEADYYCQAWDSGTVVFGGGTQLT
		VL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYDGSNRYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
1110	MPK20300-G5_SCFV	TVTVSSGGGGSGGGGSSYEL
		TQPPSVSVALGQTARITCGANNIGSK
		NVHWYQQKPGQPPVLVIYRDFNRPS
		GIPERFSASNSGNTATLTISRGQAGD
		EADYYCQVWDSSTGNVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
	MPK20299-C3_SCFV	GFIFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGSYYKNRYYYGMDVWGQGT
1111		TVTVSSGGGGSGGGSSYEL
		TQPPSVSVAPGQTARITCGGNNIGSK
		NVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSNRP
		SGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQAGD
		EADYYCQVWDSSTVVFGGGTELTV
		L
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
1112	MPK20299-B7_SCFV	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ

		GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQSSSVSVAPGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRVEA
		GDEADYYCQVWDSSSAHVIFGGGT
		KLTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
		GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
1113	MPK20299-A5_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSGSVALGQTARITCGGNNL
		GSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRNS
		NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTK
		LTVL
		QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
		GFTFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
1114	MPK20299-D1_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCGGNRIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQA
		GDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYDGSNRYYADSVKGRFTISRDNS
1115	MPK20299-C5_SCFV	KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSGGGGSGGGGSSYEL
		TQLPSVSVALGQTARITCGGHNIGSK

		GVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSNRP
		SGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQAG
		DEADYYCQVWDSSTVVFGGGTELT
		VL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
1116	MPK20299-B5_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCGGHNIG
		SKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSN
		RPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQA
		GDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGDLVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISNDGSNKYYADSVRGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
1117	MPK20299-G9_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPLSVSVALGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSN
		RPSGIPERFSGSNSGNTATLTLSRVQ
		AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTK
		LTVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISNDGSNKYYADSVRGRFTISRD
		NSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
1118	MPK20299-G5_SCFV	KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARLTCEGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRAQA

		GDESDYYCQVWDSSAVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSSGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISNDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKV
		YYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQGT
1119	MPK20298-C10_SCFV	TVTVSSGGGGSGGGGSSYEL
		TQPPSVSVALGQTARITCGGNNIGSK
		NVHWYQQKPGQAPVLAIYRNSNRP
		SGIPERFTGSNSGNTATLTISGTQAM
		DEADYYCQAWDSSTVVFGGGTKLT
		VL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1120	MPK20298-B5_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCGGNNIG
		SQNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRAQA
		GDESDYYCQVWDSSAVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTLSSSGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISNDGSNKYYADSVKGRFTISRDDS
		KNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCAKV
		YYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQGT
1121	MPK20299-F2_SCFV	TVTVSSGGGGSGGGSSYEL
		TQPPSVSVALGQTARISCGGNNIGSK
		NVHWYQQKPGQAPVLVMYRDSNR
		PSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQA
		MDEADYYCQAWDSGTVVFGGGTK
		LTVL

		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYFCA
		RVYYGSGIYYKKRYYYGMDVWGQ
1122	MPK20298-D4_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPPSVSVALGQTARITCGGNNIG
		GKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
		RPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRAQA
		GDESDYYCQVWDSSTVVFGGGTQL
		TVL
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
	MPK20297-F5_SCFV	NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
1123		GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
		ELTQPLSVSVALGQTARITCGGNNIG
		SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRNSN
		RPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRAQA
		GDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTKL
		TVL
		QVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
		GFNFSRNGMHWVRQVPGRGLDWV
		AVISNDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
1124	MPK20299-D9_SCFV	KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ GTTVTVSSGGGGSGGGSGGGSSY
1124	MPK20299-D9_SCFV	
1124	MPK20299-D9_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY
1124	MPK20299-D9_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY ELTQPPSVSVALGQTARISCGGNNIE
1124	MPK20299-D9_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSSY ELTQPPSVSVALGQTARISCGGNNIE SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN
1124	MPK20299-D9_SCFV	GTTVTVSSGGGGSGGGGSGY ELTQPPSVSVALGQTARISCGGNNIE SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN RPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQA
1124	MPK20299-D9_SCFV huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	GTTVTVSSGGGGSGGGGSGGGSSY ELTQPPSVSVALGQTARISCGGNNIE SKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDSN RPSGIPERFSGSKSGTTATLTISRAQA GDEAEYYCQVWDSSTVVFGGGTQL

		GRIKSKTEGGTRDYAAPVKGRFTISR
		DDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYYC
		TSYSGVWGQGTMVTVSSASTKGPS
		VFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDY
		FPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVL
		QSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYIC
		NVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTH
		TCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTL
		MISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTY
		RVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
		LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPS
		DIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDS
		DGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
		DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSS
		QSVLYSSNNRNYLAWYHQKPGQSP
		KLLISWASTRESGVPDRFSGSGSGTD
	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	FTLTINSLQAEDVAVYYCQQYYSIPI
1126	K38R)_LC	TFGGGTKVEIKRTVAAPSVFIFPPSDE
	K36K)_LC	QLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQ
		WKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDS
		TYSLSSTLTLSKADYEKHKVYACEV
		THQGLSSPVTKSFNRGEC
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYDGSNRYYASSVKGRFTISRDNS
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
1127	M67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h uIgG1z (mAb)_HC	YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
1127		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP

		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
		IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRA
		ANRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGT
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	QAGDEADYYCQAFDAGTVVFGGGT
1128	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	QLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQA
	uIgG1z (mAb)_LC	NKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADS
		SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY
		LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV
		EKTVAPTECS
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A, VL:	VISYAGSNRYYAASVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
1129	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z	VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
	(mAb)_HC	KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
	(IIIAb)_FIC	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV

		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
		IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRQS
		NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQ
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A, VL:	AEDEADYYCQAFDAGTVVFGGGTQ
1130		LTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQAN
	N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z (mAb)_LC	KATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSS
	(mAb)_EC	PVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSYL
		SLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVE
		KTVAPTECS
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYSGSNRYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL: N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1131		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
	(mAb)_HC	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPPSVSVALGQTARITCGGHN
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	IGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYRQS
1132	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	NRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISGTQ
	(mAb)_LC	AGDEADYYCQAFDAGTVVFGGGTQ
		LTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQAN

		KATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSS
		PVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSYL
		SLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVE
		KTVAPTECS
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGH
		NIGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYR
		NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
	Hy anti-hyCCD9 I IDC215615 1	AQAGDEADYYCQVWDISTVVFGGG
1133	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	TELTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
	HuIgG1z mAb_LC	ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
		DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
		SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
		TVEKTVAPTECS
		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNCGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGGNKYHADSVKGRFTISRD
		DSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1 HuIgG1z mAb_HC	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1134		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGH
1135	HulgG1z mAb_LC	NIGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYR
	Trango 12 mi to_DC	NSNRPSGIPERFSGSNSGKTATLTISR

		AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
		TELTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
		ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
		DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
		SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
		TVEKTVAPTECS
		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNCGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGGNKYYADSVKGRFTISRD
		DSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
Hu out huCCD	8 LIBC317152-1	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1136		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
HuigG12 mAb_	HuIgG1z mAb_HC	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
		NIGSKNVHWYQKRPGQAPVLVIYRD
		SNRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRA
Hu anti-huCCP	8 LIBC317471-1	QAGDEADYYCQVWDSNTVVFGGG
HulgG1z mAb_		TNLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
	_LC	ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
		DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
		SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
		TVEKTVAPTECS
1138 Hu anti-huCCR	8 LIBC317471-1	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS

	HuIgG1z mAb_HC	GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISNDGSNKYYADSVRGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYSCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	NIGSKNVHWYQQKAGQAPVQVIYR
		NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
		AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
1139	HulgG1z mAb_LC	TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
	Thuigotz mao_LC	ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
		DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
		SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
		TVEKTVAPTECS
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFNTYGMHWVRQAPGKGLEWV
1140		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	NSKSTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
1140	HuIgG1z mAb_HC	RVYYGSGSYYKKNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV

		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
		NIGGKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
		DSNRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISR
	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	AQAGDESDYYCQVWDSSTVVFGGG
1141	HulgG1z mAb_LC	TTLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
	Thuigotz mao_cc	ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
		DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
		SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
		TVEKTVAPTECS
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTLSSYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
1142	HulgG1z mAb_HC	ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
	Transgotz in to_ine	VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ

		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSEALGQTARITCGGNN
		IGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRDS
		NRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISRAQ
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	AGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGTK
1143	HulgG1z mAb_LC	VTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQAN
	Thuigotz mad_bc	KATLVCLISDFYPGAVTVAWKADSS
		PVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSYL
		SLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTVE
		KTVAPTECS
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFINNGMHWVRQAPGKGLDWV
		AVISNDGSNKYYPDSVKGRFTISRDN
		SKNTLYLQMNSLRAEDSAVYYCAK
		VYYGSGNYYKNNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1144	HulgG1z mAb_HC	KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
	Truig G12 III XO_ITC	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	SYELTQPLSVSVALGQTARITCEGNN
1145	HuIgG1z mAb_LC	IGSQNVHWYQQKPGQAPVLVMYRD
	11015012 111110_DC	SNRPSGIPERFSGSKSGNTATLAISRA

		QAGDESDYYCQVWDGSAVVFGGGT
		TLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQA
		NKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADS
		SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY
		LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV
		EKTVAPTECS
		QMQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAA
		SGFTFSSSGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISHDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLGGEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVIVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
	Hy anti-hyCCD9 I IDC220212 1	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1146	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
	HuIgG1z mAb_HC	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGH
		NIGSKGVHWYQQKPGQAPVLVIYR
		NSNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
1147	HulgG1z mAb_LC	TELTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
	Thirgotz mau_LC	ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
		DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
		SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
		TVEKTVAPTECS
1148	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS

	HuIgG1z mAb_HC	GFNFSDCGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGGNKYYADSVKGRFTISRD
		DSKNTLYLQTDSLRTEDTAVYYCAK
		VYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQG
		TTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTGRITCGGN
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYRS
		SNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRA
		QAGDESDYYCQIWDSSTVVFGGGT
1149	HulgG1z mAb_LC	KLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQA
	HuigO12 mAb_LC	NKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADS
		SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY
		LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV
		EKTVAPTECS
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEWVA
1150		VISFDGNNKYYADSVKGRFTISRDNS
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
	HuIgG1z mAb_HC	YYGSGSYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSTASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT

		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
		NIGSKNVHWYQQRPGQAPVLVIYRD
		SNRPSGIPERLSGSKAGNTATLTISRA
	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	HAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGGT
1151	HulgG1z mAb_LC	ELTVQGQPKAAPSVTLFPPSSEELQA
	TruigO12 IIIA0_LC	NKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADS
		SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY
		LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV
		EKTVAPTECS
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
		GFTFSSNGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISNDGSNKYYGDSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKV
		YYGSGIYYRNNYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
1152	HuIgG1z mAb_HC	ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
	Transcarte	VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ

		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
		NIGSKNVHWYQQKPGQAPILVIYRN
		TNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRA
		QVGDESDYFCQVWDSSTVVFGGGT
1153	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	KLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQA
	HuIgG1z mAb_LC	NKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADS
		SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY
		LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV
		EKTVAPTECS
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
		GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFPISRD
		NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1154	HulgG1z mAb_HC	KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1	SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
1155	HulgG1z mAb_LC	NIGSKNVHWYQQKPGQAPILVIYRN
	TidigO12 iiii io_LC	TNRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISRA

RLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQA NKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADS SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV EKTVAPTECS QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS GFIFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNIHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGGTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTIISR AQAGEADYYCQVWDSSTVVPGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS 1158 Hu anti-buCCR8 LIBC322176-1 OVOLVESGGGVVOPGRSLRLSCAAS			QVGDESDYFCQVWDSSTVVFGGGT
SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV EKTVAPTECS QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			KLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQA
LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV EKTVAPTECS QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			NKATLVCLISDFYPGAVTVAWKADS
EKTVAPTECS QVQVVESGGVVQPGRSLRLSCGAS GFIFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			SPVKAGVETTTPSKQSNNKYAASSY
QVQVVESGGVVQPGRSLRLSCGAS GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			LSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGSTV
GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIA VEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			EKTVAPTECS
AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIA VEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgGlz mAb_HC GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_HC Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG2z mAb_HC Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_HC SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgGlz mAb_HC Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgGlz mAb_HC HulgGlz mAb_HC GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HulgG1z mAb_HC TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_HC KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
HulgG1z mAb_HC KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS		Hu and hucceps I IDC221945 1	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS	1156		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS		HulgG1z mAb_HC	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
TQKSLSLSPGK SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
1157 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_LC NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			TQKSLSLSPGK
1157 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_LC NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			SYDLTQPLSVSVALGQTARITCGGN
Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_LC AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			NIGDKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 HuIgG1z mAb_LC TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			NNVRPSGIPERFSGSNSGNTATLTISR
HuIgG1z mAb_LC HuIgG1z mAb_LC TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS		Hy onti hyCCD9 I IDC222176 1	AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS	1157		TKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS TVEKTVAPTECS			ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
TVEKTVAPTECS			DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
			SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
1158 Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1 OVOLVESGGGVVOPGRSLRLSCAAS			TVEKTVAPTECS
	1158	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS

	HuIgG1z mAb_HC	GLNFSNFGMHWVRQAPGKGLDWV
		AVISYDGGNKYYADSVKGRFTVSRD
		NSKNTLFLQMNSLRAEDTALYYCA
		KVYYGSGSYYKKRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		SYELTQPLSVSVALGQTARITCGGN
	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	NIGSKNVHWYQQKPGQAPVLVIYR
		DSNRPSGIPERFSGSKSGNTATLTISR
		AQAGDEADYYCQVWDSSTVVFGGG
1159	HulgG1z mAb_LC	AKLTVLGQPKAAPSVTLFPPSSEELQ
	HulgG12 IIIA0_LC	ANKATLVCLISDFYPGAVTVAWKA
		DSSPVKAGVETTTPSKQSNNKYAAS
		SYLSLTPEQWKSHRSYSCQVTHEGS
		TVEKTVAPTECS
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSSCGMHWVRQAPGKGLEWVA
1160		VISYDGTNKYYADSVKGRFTISRDN
	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	SKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAK
1100	HuIgG1z mAb_HC	VYYGSGIYYKKNYYYGMDVWGQG
		TTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV

		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPGK
		EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
		GFTFSNARMGWVRQAPGKGLEWV
		GRIKSKTEGGTRDYAAPVKGRFTISR
		DDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYYC
		TSYSGVWGQGTMVTVSSASTKGPS
		VFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDY
		FPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVL
		QSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYIC
1161	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_HC	NVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTH
1101	nuccko_32300_nuigO12 mA0_11C	TCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTL
		MISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTY
		RVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
		LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPS
		DIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDS
		DGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPGK
		DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSS
		QSVLYSSNNKNYLAWYHQKPGQSP
1162	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_LC	KLLISWASTRESGVPDRFSGSGSGTD
1102	nacero_J2J00_naigO1Z niAU_LC	FTLTINSLQAEDVAVYYCQQYYSIPI
		TFGGGTKVEIKRTVAAPSVFIFPPSDE
		QLKSGTASVVCLLNNFYPREAKVQ

		WKVDNALQSGNSQESVTEQDSKDS
		TYSLSSTLTLSKADYEKHKVYACEV
		THQGLSSPVTKSFNRGEC
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGTAGTCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGACTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATTTCAAATGATGGAAGT
		AATAAATACTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAACT
		GAGGACACGGCTGTGTATTACTGT
		GCGAAAGTTTACTATGGTTCGGGT
		ATTTATTATAAAAACAGGAACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
1163	MPK20298-A4 SCFV	GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
1100		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTCAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGACCGATTCTCTGGCTCCAAGT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGACCA
		TCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGGACCAAGCTGACCGTCC
		TA

		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
1164	MPK20299-D2_SCFV	GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA
1104	1411 K20277 B2_5C1 V	GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGACACA
		ACATTGGAAGTAAAGGTGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGACCA
		TCACCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGGACCAAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
1165	MPK20299-F11_SCFV	GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCACCCT

CAGGCAAGGGCTGAGTGGTG GCAGTTATATCATATGATGAAGA AATAAATATTATGCAGAACTCCGTG AAGGCCGATTCACCATCTCAGA GACAATTCCAAAAACACGCTGTT CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGC GAGGACACGGCTGTTACTTATGTTCGGG AGTTATTATAAAAAAGAGATACTAG TACGGTATGGACGTCTCCTCAG GGGACCACGGTCACCGTTCTCCAG GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTGTCTGGCGCCAA GGCTCCGGTGGTGGTCTCTCCAG GGTCAGTGGCCCTGGGGCCAA TGTCAGTGGCCCTGGGGCAAAAATGTGCACC GGTACCAGCAGAAACCAGCCCTCAGA GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGC GGTACCAGCAGAACCAGCCCTCAAC GGTACCAGCAGAACCAGCCCTCAAC GGTACCAGCAGAACCAGCCCTCAAC GGTACCAGCAGAACCAGCCCTCAGC ATCAGCAGAGCCCACCCTTGAC ATCAGCAGAGCCCAACCCTGACC ATCAGCAGAGCCCAACCCTGACC ATCAGCAGAGCCCAACCCTGACC ATCAGCAGAGCACCAGCTGACCTT CGGGACACCCAGCTGACCATCTATACTCTCAGGTC CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCCGC GGAGGCCTCGTGGAGTCCCGC CTA CAGGTGCAGCTGGTCCAGCCTGGAGA TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGAGTTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCAGCCTGCGACC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCCCCAGGCTCCCCCCCCCC			CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
GCAGTTATATCATATGATGGAAG AATAAATATTATGCAGACTCCGTC AAGGGCCGATTCACCATCTCCAG GACAATTCCAAAAACACGCTGTT CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGC GAGGACACGGCTGTTATTTCTGT GCGAGAGTTTACTATAGGTTCGGGC AGTTATTATAAAAAAGAGATACTAC TACGGTATGGACCGTCGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCCTCAC GGTGGTGGTGGTCTCTGGCGGCCAA GGCTCCGGTGGTCCTCCTCAG GTGAGTGCCCTGGGGCCAA ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAC TGTCAGTGGCCCTGGGGCAAC CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAAATGTGCACC GGTACCAGCAGAAACCAGGCCACCCTGAC GGTACCAGCAGAACCGGCCCTCTGGGATC CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGAC ATCAGCAGAGCCCAGCCTGACC ATCAGCAGAGCCCAGCCTGACC TGGGAACACGGCCACCCTGACC ATCAGCAGAGCCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCCGC GGAGGCCTGGTGGAGTCCCGC CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCCGC CTA CAGGTGCAGCTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGAGTTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCCCCAGGCTCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCCCCAGGCTCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCCCCAGGCTCCCCCCCCCC			GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
AATAAATTTATGCAGACTCCGTC AAGGGCCGATTCACCATCCCAG, GACAATTCCAAAAAACAGCTGTTT CTGCAAATGAACAGCTGTTTCTGT GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG AGTTATTATAAAAAGAGAGTTTTCTGT GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG AGTTATTATAAAAAGAGATACTAC TACGGTATGGACGTCTGGGGCCA, GGGACCACGGTCACCGTCTCTCCA GGTGGTGGTGTTCTGGCGGGCGA, GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAGCCGCCACCCTCAC TGTCAGTGGCCCTGGGACAACCGCCCTCAC TGTCAGTGGCCCTGGGACAACCGCCCCGAG GCCCCTGTGCTGGTCATCATAGC GGTACCAGCAGCCCCTCAAC TCGGGGAACACCGGCCCCTGGGATC CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACCGGCCACCCTGAC ATCAGCAGAGCCAAGCCGGGGAA CCTGAGCAGACCAGCCAGCCTGAC ATCAGCAGAGCCAAGCCGGGGAA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCCAGCCAGCTGACCTTACCTT			CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
AAGGCCGATTCACATCTCCAG, GACAATTCCAAAAACACGCTGTTT CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGC GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT GCGAGAGTTTACTATAGTTCGGGG AGTTATTATAAAAAGAGATACTAG TACGGTATGGACGCCACGGCCACGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTGTTCTTCCACACGCCCCCCCACACGGCCACCCTCACACGGCCCACGGCCACCCCTCACACGCCCCCTCACACGCCCCCTCACACGCCCCCTCTCGGAACCACCCCTCTCACCACCCCCCCC			GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
GACAATTCCAAAAACAGCTGTTT CTGCAAATGAACAGCTGAGAGC GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGG AGTTATTATAAAAAGAGATACTAG TACGGTATGGACCTCCTCAGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCAGGTTCGGGGCGGGG			AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGC GAGGACACGGCTGTATTTCTGT GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGC AGTTATTATAAAAAGAGATACTAG TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTGGTTCTTCAA ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAC TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGC CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAACCCTCTGGGATC CCTGAGCGATTCTCTGGCGCCAGC CCTGAGCGATTCTCTGGCGGCAAC TCGGGGAACACCGGCCCTCTGGGATC CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGACC ATCAGCAGAGCCAAGCCGGGGAA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCACCTGACCTAC CAGGTGCAGCTGGTCTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTCCAGCCCCCCCGGAGAGCCCCCCCCC			AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGC AGTTATTATAAAAAGAGATACTAC TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTGGTGCTCTCTCA GGTGGTGGTGGTGGTGCTCCTCAC TGTCAGTGGCCCTCGGGACAGCCG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAA ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGCACCCTCTAGGATCCCTGGGATCACCTCTAGCACCACCCTCTAGACAAAACCAGCCACCCTCAGACAAAACCAGCCACCCTCAGACAAAACCAGCCAG			GACAATTCCAAAAACACGCTGTTT
GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG AGTTATTATAAAAAGAGATACTAG TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTGGTTCTTCAA ATGAGCTGACTCAGCACCCTCCAC TGTCAGTGGCCCTGGGACAAAACGG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAAAAAAAA			CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGCT
AGTTATTATAAAAAGAGATACTAG TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTTCTTGGCGGCGCGG GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCCA ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAC TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG			GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTTCTTCGCGGGCGGG GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAA ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAC TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGCAGCAGCAG GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCTGACC ATCAGCAGAGCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCAGCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGCCAGCCGGGAG GCCCTGGGAGCCCCCTGGGAG TCCCTGAGCCACCCTGGCACCCT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGCCCCCGGGGAG TCCCTGAGACTCCTCTGTGCAGCCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCCC CATGCACTGGGTCCCCCAGGCTCCCCCCAGGCTCCCCCCCC			GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA GGTGGTGGTGGTTCTTGACGGCGCGG GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCA ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAC TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACG CCAGGATTACCTGTGGGGGACAG ACATTGGAAGTCAAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGAAGCCAGCCAG GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG GATAGCAACCGGCCCTCTGGGAT CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACCGGCCACCTGAC ATCAGCAGAGCCCAGCCAGCGGAA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCACTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGG GGAGGCGTGGTCCAGCCT CTA MPK20298-H6_SCFV MPK20298-H6_SCFV CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCCC CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			AGTTATTATAAAAAGAGATACTAC
GGTGGTGGTGGTCGCGGGGGGGGGGGCTCCGGTGGTGGTCTTCA ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGCAGCAGCAG GCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGAC ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCAGCAGCAGCCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGTCCAGC CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGG GGAGGCGTGCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGAGTTCACCTTCAGTAGCC CTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCC CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCA ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGCAGAGCCAG GCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATG CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGAC ATCAGCAGAGCCCAGCCAGCCGGGAA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCACCTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTCCAGCCGGGAG TCCCTGAGACTCCCTGGAGAG CCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGAGTTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTTCCAGCCTGGAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG			GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACG CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG			GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
CCAGGATTACCTGTGGGGGAAAC ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG			ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
ACATTGGAAGTCAAAATGTGCAC GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG			TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATG CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGACG ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTG TGGGACAGCAGCACCTGACGTG GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCG CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCGC CATGCACTGGGTCCAGCCTGG			CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
GCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATG CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGACG ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTG TGGGACAGCAGCAGCAGCTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCAGCCTCG			ACATTGGAAGTCAAAATGTGCACT
GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATG CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGACC ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCACCTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAC TCGGGGAACACGGCCACCCTGAC ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCACCTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG GGAGGCGTCCAGCCTGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCG CATGCACTGGGTCCAGCTCCC			GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG
TCGGGGAACACGGCCACCCTGACC ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCACTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGG GGAGGCGTGTCCAGCCTGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGA GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCACTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAG
GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTC TGGGACAGCAGCAGCACTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCG CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCG			TCGGGGAACACGGCCACCCTGACC
TGGGACAGCAGCACTGTGGTTTTC GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCAGCCTCG			ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGAT
GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGT CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCG CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCG			GAGGCTGACTATTACTGTCAGGTG
CTA CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCG CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			TGGGACAGCAGCACTGTGGTTTTC
CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGGGGGGGGGGGGGGGGG			GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGTC
GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAG TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCC CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC			СТА
1166 MPK20298-H6_SCFV TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCGCCCCCCCCCCCCCCC			CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
1166 MPK20298-H6_SCFV CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC		MPK20298-H6_SCFV	GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTG CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCG	1166		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCGT
	1100		CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTGG
A CCCA A CCCCCTCCA CTCCCTCC			CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC
AUUCAAUUUUCTUUAUTUUGIUC			AGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGG

		CAGTTATATCATATGATGGAACTA
		ATAAATACTATGCGGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
		ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGCTG
		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGTA
		TTTATTATAAAAACAGGTACTACT
		ACGGTATGGACGTCTGGGGCCAAG
		GGACCACGGTCACCGTCTCCTCAG
		GTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCG
		GCTCCGGTGGTGGTTCTTCATA
		TGAGCTGACTCAGCCACCCTCAGT
		GTCAGTGGCCCTGGGACAGACGGC
		CAGGATTACCTGTGGGGGACACAA
		CATTGGAAGTAAAGGTGTGCACTG
		GTACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGC
		CCCTGTGCTGGTCATCTATAGAAA
		TAGCAACCGGCCCTCTGGGATCCC
		TGAGCGATTCTCTGGCTCCAACTC
		GGGGAACACGGCCACCCTGACCAT
		CAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGTCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
1167	MPK20297-A4_SCFV	GCATGCACTGGGTCCGCCAGGTTC
		CAGGCAGGGGGCTAGATTGGGTGG
		CAGTTATATCAAATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCAGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATTTCCAGAG
	L	

		ACAATTCCAAGAACACACTGTATC
		TGCAAATGGACAGCCTGAGAACTG
		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGTA
		TTTATTATAAAAAGAGATACTACT
		ACGGTATGGACGTCTGGGGCCAAG
		GGACCACGGTCACCGTCTCCTCAG
		GTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCG
		GCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATA
		TGAGCTGACTCAGCCACCCTCAGT
		GTCAGTGGCCCTGGGACAGACGGC
		CAGGATTACCTGTGGGGGACACAA
		CATTGGAAGTCAAAATGTGCACTG
		GTACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGC
		CCCTGTGCTGGTCATCTATAGGGA
		TAGCAACCGGCCCTCTGGGATCCC
		TGAGCGATTCTCTGGCTCCAAGTC
		GGGGAACACGGCCACCCTGACCAT
		CAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
1168	MDV20200 HS SCEV	CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
1108	MPK20299-H8_SCFV	GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		I

		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGGATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCGG
		TGTCAGTGGCCCCAGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGGCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCAGGTCATCTATAGA
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGCGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGACCA
		TCAGCAGAGCCCAGGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGTGGGACCAAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCACCTTCAGTAGCTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
1169	MPK20300-C11_SCFV	AATAAATACTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGGT
		GAGGACACGGCGGTGTATTACTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		AGTTATTATAAAAACCGCTACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA

		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCGG
		TGTCAGTGGCCCCAGGACAGACGG
		CCAGGATTCCCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTACTGGTCATCTATAGG
		GATATCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGACCA
		TCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCGTGGTATTCGGCG
		GAGGGACCAAGCTGACCGTCCTC
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
	MPK20298-B1_SCFV	CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
1170		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG

		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGCTTACCTGTGAGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGACTA
		TTAGCAGAGTCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGCGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTATTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCCTGGTCAAGCCTGGGGGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGTCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTCATATCGTATGATGGAAGT
		AATAAATACTATACAGACTCCGTG
	MPK20297-E5_SCFV	AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
1171		CTGCAAATGAACAGCCTGAGAACT
1171		GAGGACACGGCTGTGTATTACTGT
		GCGAAAGTTTACTATGGTTCGGGT
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACTCTCAG
		TGTCAGAGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT

		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTACTGGTCATCTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCAGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CTGGGAACGCGGCCACCCTGACCA
		TCAGTAGGGTCGAAGCCGGGGATG
		AGGCCGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGATAGTAGCAGTGATCATGTGG
		TATTCGGCGGAGGCACCCAGCTGA
		CCGTCCTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
1172	MPK20299-A3_SCFV	GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCGG
		TGTCAGTGGCCCCAGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTACTGGTCATCTATAGA
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC

		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CTGGGAACACAGCCACTCTGACCA
		TCAGCGGGACCCAGGCTATGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGCGT
		GGGACAGCAGCAATGTGGTATTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGTAGTCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAGGAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGTTC
		CAGGCAGGGGCTAGATTGGGTGG
	MPK20297-B4_SCFV	CAGTTATATCAAATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCAGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
		ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGCTG
		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGGA
1173		TTTATTATAAAAATAACTACTATTA
1170		CGGTATGGACGTCTGGGGCCAAGG
		GACCACGGTCACCGTCTCCTCAGG
		TGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCGG
		CTCCGGTGGTGGTTCTTCATAT
		GAGCTGACTCAGCCACTCTCAGTG
		TCAGTGGCCCTGGGACAGACGGCC
		AGGATTACCTGTGGGGGAAACAAC
		ATTGGAAGTCAAAATGTGCACTGG
		TACCAGCAGAAGCCAGGCC
		CCTGTGCTGGTCATCTATAGGGAT
		AGCAACCGGCCCTCTGGGATCCCT
		GACCGATTCTCTGGCTCCAAGTCG
		GGGAACACGGCCACCCTGACCATC
		AGCAGAGCCCAAGCCGGGGATGA

		GGCTGACTATTACTGTCAGGTGTG
		GGACAGCAGCACTGTGGTTTTCGG
		CGGAGGCACCCAGCTGACCGTCCT
		A
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGTAGTCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAGGAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGTTC
		CAGGCAGGGGGCTAGATTGGGTGG
		CAGTTATATCAAATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCAGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
		ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGCTG
		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGGA
		TTTATTATAAAAACCGCTATTACTA
		CGGTATGGACGTCTGGGGCCAAGG
1174	MPK20298-F6_SCFV	GACCACGGTCACCGTCTCCTCAGG
		TGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCGG
		CTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATAT
		GAGCTGACTCAGCCACCCTCGGTG
		TCAGTGGCCCCAGGACAGACGGCC
		AGGATTACCTGTGGGGGAAACAAC
		ATTGGAAGTAAAAATGTGCACTGG
		TACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGCC
		CCTGTGCTGGTCATCTATAGGGAT
		AGCAACCGGCCCTCTGGGATCCCT
		GAGCGATTCTCTGGCTCCAAGTCG
		GGGACCACGGCCACCCTGACCATC
		AGCAGAGCCCAAGCCGGGGATGA
		GGCTGAGTATTACTGTCAGGTGTG
		GGACAGCAGCACTGTGGTTTTCGG
		CGGAGGACCGAGCTGACCGTCCT

		A
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
1175	MDE 20200 H2 SCEV	GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA
1173	MPK20299-H3_SCFV	GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACACAGCCACTCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGCCATCTATAGG
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCACTGGCTCCAAC
		TCGGGGAACACGGCCACCCTGACC
		ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGAT
		GAGTCTGACTATTACTGTCAAATA
		TGGGACAGCAGCACTGTGGTATTC
		GGCGGAGGCACCAAGCTGACCGTC
		CTA
1176	MDE 20200 DO CCEVI	CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
1176	MPK20298-B9_SCFV	GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG

		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAGGAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGTTC
		CAGGCAGGGGGCTAGATTGGGTGG
		CAGTTATATCAAATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCGGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
		ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGCTG
		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGTA
		TTTATTATAAAAAGAACTACTACT
		ACGGTATGGACGTCTGGGGCCAAG
		GGACCACGGTCACCGTCTCCTCAG
		GTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCG
		GCTCCGGTGGTGGTTCTTCATA
		TGAGCTGACTCAGCCACCCTCGGT
		GTCAGTGGCCCTGGGACAGACGGC
		CAGGATTTCCTGTGGGGGAAACAA
		CATTGGAAGTAAAAATGTGCACTG
		GTACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGC
		CCCTGTGCTGGTCATCTATAGGGA
		TAGCAACCGGCCCTCTGGGATCCC
		TGAGCGATTCTCTGGCTCCAAGTC
		GGGGACCACGGCCACCCTGACCAT
		CAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGAGTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
1177	MPK20299-E2_SCFV	TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGTCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC

		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTCATATCGTATGATGGAAGT
		AATAAATACTATACAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTGCAAATGAACAGCCTGAGAACT
		GAGGACACGGCTGTGTATTACTGT
		GCGAAAGTTTACTATGGTTCGGGT
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGAGGGAAACA
		ACATTGGAAGTCAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGTCATGTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAACGATTCTCTGGCTCCAAG
		TCGGGGAACACGGCCACCCTGGCC
		ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGAT
		GAGTCTGACTATTACTGTCAGGTG
		TGGGACGCAGTGCCGTGGTATTC
		GGCGGAGGGACCAAGCTGACCGTC
		CTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
	MPK20299-D6_SCFV	GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCGT
1170		CTGGATTCACCTTCAGTAGCTATG
1178		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		1

		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACTCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGAGGGAAACA
		ACATTGGAAGTCAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGTCATGTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAACGATTCTCTGGCTCCAAG
		TCGGGGAACACGGCCACCCTGGCC
		ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGAT
		GAGTCTGACTATTACTGTCAGGTG
		TGGGACGCAGTGCCGTGGTATTC
		GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGTC
		CTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
	MPK20299-A4_SCFV	TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCACCTTCAGTAACTATG
		GCTTTCACTGGGTCCGCCAGACTC
1179		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAGATACTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTCCAAATGAACAGCCTGAGAGGT

		GAGGACACGGCGCTATATTACTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ACTTATTATAAAAACCGCTACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGACACA
		ACATTGGAAGTAAAGGTGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTACTGGTCATCTATAGA
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CTGGGAACACAGCCACTCTGACCA
		TCAGCGGGACCCAGGCTATGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGCGT
		GGGACAGCGGCACTGTGGTATTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCACCTTCAGTAACTATG
		GCTTTCACTGGGTCCGCCAGACTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
1180	MPK20300-G5_SCFV	GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
1100		AATAGATACTATGCAGACTCCGTG
		AAGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTCCAAATGAACAGCCTGAGAGGT
		GAGGACACGGCGCTATATTACTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ACTTATTATAAAAACCGCTACTAC

		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGCAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTTCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAGC
		CCCCTGTGCTGGTCATCTATAGAG
		ATTTCAACCGGCCCTCTGGGATCC
		CTGAGCGATTCTCTGCCTCCAACTC
		GGGGAACACGGCCACCCTGACCAT
		CAGCAGAGGCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGGGAATGTGG
		TATTCGGCGGAGGGACCAAGCTGA
		CCGTCCTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
	MPK20299-C3_SCFV	GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCATCTTCAGTAACTATGG
		CTTTCACTGGGTCCGCCAGACTCC
		AGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGG
		CAGTTATATCATATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCAGACTCCGTGA
1181		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
		ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGGTG
		AGGACACGGCGGTGTATTACTGTG
		CGAGAGTTTACTATGGTTCGGGGA
		GTTATTATAAAAACCGCTACTACT
		ACGGTATGGACGTCTGGGGCCAAG
		GGACCACGGTCACCGTCTCCTCAG
		GTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCG

		GCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATA
		TGAGCTGACTCAGCCACCCTCGGT
		GTCAGTGGCCCCAGGACAGACGGC
		CAGGATTACCTGTGGGGGAAACAA
		CATTGGAAGTAAAAATGTGCACTG
		GTACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGC
		CCCTGTGCTGGTCATCTATAGGGA
		TAGCAACCGGCCCTCTGGGATCCC
		TGAGCGATTCTCTGGCTCCAAGTC
		GGGGACCACGGCCACCCTGACCAT
		CAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGGACCGAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
	MPK20299-B7_SCFV	CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
1182		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
1102		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGTCATCCTCGG
		TGTCAGTGGCCCCAGGACAGACGG

		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGTTGGTCATCTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGAAC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAG
		TCGGGGACCACGGCCACCCTGACC
		ATCAGCAGGGTCGAAGCCGGGGAT
		GAGGCCGACTATTACTGTCAGGTG
		TGGGATAGTAGTAGTGCTCATGTG
		ATATTCGGCGGAGGGACCAAGCTG
		ACCGTCCTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGGAGCCT
		CTGGATTCACCTTCAGTGGCTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATACTATGCAGACTCCGTG
		AAGGGCCGATTCACCATCTCAAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGGT
1183	MPK20299-A5_SCFV	GAGGACACGGCGGTGTATTACTGT
		GCGAGAGTTTATTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAACCGCTACTACT
		ACGGTATGGACGTCTGGGGCCAAG
		GGACCACGGTCACCGTCTCCTCAG
		GTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCG
		GCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATA
		TGAGCTGACTCAGCCACCCTCAGG
		GTCAGTGGCCCTGGGACAGACGGC
		CAGGATCACCTGTGGGGGAAACAA
		CCTTGGAAGTAAAAATGTGCACTG
		GTACCAACAGAAGCCAGGCCAGGC

		CCCTGTGCTGGTCATCTATAGAAA
		TAGCAACCGGCCCTCTGGGATCCC
		TGAGCGATTCTCTGGCTCCAACTC
		GGGGAACACGGCCACCCTGACCAT
		CAGCAGAGCCCAGGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTATTCG
		GCGGTGGGACCAAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCCTGGTCAAGCCTGGGGGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCACCTTCAGTAACAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTCATATCGTATGATGGAAGT
		AATAAATACTATGCGGACTCCGTG
		AAGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTACTGT
1184	MPK20299-D1_SCFV	GCGAAAGTTTATTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAACAGGTATTAC
		TACGGGATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		GAATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGTTGGTCATCTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAG

		TCGGGGACCACGGCCACCCTGACC
		ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGAT
		GAGGCTGAGTATTACTGTCAGGTG
		TGGGACAGCAGCACTGTGGTTTTC
		GGCGGAGGGACCAAGCTGACCGTC
		CTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCACCTTCAGTAACTATG
		GCTTTCACTGGGTCCGCCAGACTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAGATACTATGCAGACTCCGTG
		AAGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTCCAAATGAACAGCCTGAGAGGT
	MPK20299-C5_SCFV	GAGGACACGGCGCTATATTACTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ACTTATTATAAAAACCGCTACTAC
1185		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACACAGCTACCTTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGACACA
		ACATTGGAAGTAAAGGTGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGA
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGACCA
		TCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT

		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGGACCGAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAACCGCTATTACT
	MPK20299-B5_SCFV	ACGGTATGGACGTCTGGGGCCAAG
1186		GGACCACGGTCACCGTCTCCTCAG
		GTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCG
		GCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATA
		TGAGCTGACTCAGCCACCCTCAGT
		GTCAGTGGCCCTGGGACAGACGGC
		CAGGATTACCTGTGGGGGACACAA
		CATTGGAAGTAAAGGTGTGCACTG
		GTACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGC
		CCCTGTGCTGGTCATCTATAGAAA
		TAGCAACCGGCCCTCTGGGATCCC
		TGAGCGATTCTCTGGCTCCAACTC
		GGGGAACACGGCCACCCTGACCAT
		CAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGTAGTACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA

		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGACTTGGTACAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCGT
		CTGGATTCACCTTCAGTAACAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGACTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATTTCAAATGATGGCAGT
		AATAAATATTATGCAGATTCCGTG
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTGCAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTATTGT
		GCGAAAGTTTACTATGGTTCGGGT
		ATTTATTATAAAAACAGGTACTAC
		TACGGGATGGACGTCTGGGGCCAA
1187	MPK20299-G9 SCFV	GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
1107	WH R20277 67_561 V	GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACTCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG
		AATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGACTC
		TTAGCAGAGTCCAAGCCGGGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGCACTGTGGTTTTCG
		GCGGAGGGACCAAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
1188	MPK20299-G5_SCFV	GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGTCT

		CTGGATTCAACTTCAGTAACAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGACTGGAGTGGGTG
		GCAGTTATTTCAAATGATGGCAGT
		AATAAATATTATGCAGATTCCGTG
		AGGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACACTGTAT
		CTGCAAATGGACAGCCTGAGAACT
		GAGGACACGGCTGTGTATTACTGT
		GCGAAAGTTTACTATGGTTCGGGT
		ATTTATTATAAAAACAGGTACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGCTTACCTGTGAGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGTTGGTCATCTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGCTTCTCTGGCTCCAAGT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGGCCA
		TCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGTCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGTGCCGTGGTATTCG
		GCGGAGGCACCAAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
1100	MPK20298-C10_SCFV	TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
1189		CTGGATTCACCTTCAGTAGCTCTGG
		CATGCACTGGGTCCGCCAGGCTCC
		AGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGG
	I.	

		CAGTTATATCAAATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCAGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
		ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGCTG
		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGGA
		ТТТАТТАТАААААТААСТАСТАТТА
		CGGTATGGACGTCTGGGGCCAAGG
		GACCACGGTCACCGTCTCCTCAGG
		TGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCGG
		CTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATAT
		GAGCTGACTCAGCCACCCTCAGTG
		TCAGTGGCCCTGGGACAGACGGCC
		AGGATTACCTGTGGGGGAAACAAC
		ATTGGAAGTAAAAATGTGCACTGG
		TACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGCC
		CCTGTGCTGGCCATCTATAGGAAT
		AGCAACCGGCCCTCTGGGATCCCT
		GAGCGATTCACTGGCTCCAACTCG
		GGGAACACGGCCACCCTGACCATC
		AGCGGGACCCAGGCTATGGATGAG
		GCTGACTATTACTGTCAGGCGTGG
		GACAGCAGCACTGTGGTATTCGGC
		GGAGGGACCAAGCTGACCGTCCTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
	MPK20298-B5_SCFV	TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
1100		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
1190		CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
		AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
		AAGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
	<u> </u>	

		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTCAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGCTTCTCTGGCTCCAAGT
		CGGGGAACACGGCCACCCTGGCCA
		TCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGATG
		AGTCTGACTATTACTGTCAGGTGT
		GGGACAGCAGTGCCGTGGTATTCG
		GCGGAGGCACCCAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
	MPK20299-F2_SCFV	TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCACCCTCAGTAGCTCTG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTG
1191		GCAGTTATATCAAATGATGGAAGT
		AATAAATACTATGCGGACTCCGTG
		AAGGCCGGTTCACCATCTCCAGA
		GACGATTCCAAGAACACACTGTAT
		CTGCAAATGGACAGCCTGAGAACT
		GAGGACACGGCTGTGTATTACTGT
		GCGAAAGTTTACTATGGTTCGGGT
	<u> </u>	

		ATTTATTATAAAAACAGGTACTAC
		TACGGGATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA
		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGGATTTCCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAAGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGTCATGTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCAGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAACT
		CTGGGAACACAGCCACTCTGACCA
		TCAGCGGGACCCAGGCTATGGATG
		AGGCTGACTATTACTGTCAGGCGT
		GGGACAGCGGCACTGTGGTATTCG
		GCGGAGGGACCAAGCTGACCGTCC
		TA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAACTATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGCTC
		CAGGCAAGGGGCTGGAATGGGTG
		GCAGTTATATCATATGATGGAAGT
1192	MPK20298-D4_SCFV	AATAAATATTATGCAGACTCCGTG
	WI K20270-D4_GCI V	AAGGGCCGATTCACCATCTCCAGA
		GACAATTCCAAGAACACGCTGTAT
		CTACAAATGAACAGCCTGAGAGCT
		GAGGACACGGCTGTGTATTTCTGT
		GCGAGAGTTTACTATGGTTCGGGG
		ATTTATTATAAAAAGAGATACTAC
		TACGGTATGGACGTCTGGGGCCAA
		GGGACCACGGTCACCGTCTCCA

		GGTGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGC
		GGCTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCAT
		ATGAGCTGACTCAGCCACCCTCAG
		TGTCAGTGGCCCTGGGACAGACGG
		CCAGAATTACCTGTGGGGGAAACA
		ACATTGGAGGTAAAAATGTGCACT
		GGTACCAGCAGAAGCCAGGCCAG
		GCCCCTGTGCTGGTCATCTATAGG
		GATAGCAACCGGCCCTCTGGGATC
		CCTGAGCGATTCTCTGGCTCCAAG
		TCGGGGAACACGGCCACCCTGACC
		ATCAGCAGAGCCCAAGCCGGGGAT
		GAGTCTGACTATTACTGTCAGGTG
		TGGGACAGCAGCACTGTGGTATTC
		GGCGGAGGCACCCAGCTGACCGTC
		CTA
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGG
		GGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGTAGTCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAGGAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGTTC
		CAGGCAGGGGGCTAGATTGGGTGG
		CAGTTATATCAAATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCAGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
1193	MPK20297-F5_SCFV	ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGCTG
		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGGA
		TTTATTATAAAAATAACTACTATTA
		CGGTATGGACGTCTGGGGCCAAGG
		GACCACGGTCACCGTCTCCTCAGG
		TGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCGG
		CTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATAT
		GAGCTGACTCAGCCACTCTCAGTG

		TCAGTGGCCCTGGGACAGACGGCC
		AGGATTACCTGTGGGGGAAACAAC
		ATTGGAAGTAAAAATGTGCACTGG
		TACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGCC
		CCTGTGCTGGTCATCTATAGAAAT
		AGCAACCGGCCCTCTGGGATCCCT
		GAGCGATTCTCTGGCTCCAACTCG
		GGGAACACGGCCACCCTGACCATC
		AGCAGAGCCCAGGCCGGGGATGA
		GGCTGACTATTACTGTCAGGTGTG
		GGACAGCAGCACTGTGGTTTTCGG
		CGGTGGGACCAAGCTGACCGTCCT
		A
		CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCCGGG
		GGAGGCTTGGTCAAGCCTGGAGGG
		TCCCTGAGACTCTCCTGTGCAGCCT
		CTGGATTCAACTTCAGTAGGAATG
		GCATGCACTGGGTCCGCCAGGTTC
	MPK20299-D9_SCFV	CAGGCAGGGGGCTAGATTGGGTGG
		CAGTTATATCAAATGATGGAAGTA
		ATAAATACTATGCAGACTCCGTGA
		AGGGCCGATTCACCATCTCCAGAG
		ACAATTCCAAGAACACGCTGTATC
1194		TGCAAATGAACAGCCTGAGAGCTG
1174		AGGACACGGCTGTGTATTACTGTG
		CGAAAGTTTACTATGGTTCGGGGA
		TTTATTATAAAAATAACTACTACTA
		CGGTATGGACGTCTGGGGCCAAGG
		GACCACGGTCACCGTCTCCTCAGG
		TGGTGGTGGTTCTGGCGGCGGCGG
		CTCCGGTGGTGGTGGTTCTTCATAT
		GAGCTGACTCAGCCACCCTCAGTG
		TCAGTGGCCCTGGGACAGACGGCC
		AGGATTTCCTGTGGGGGAAACAAC
		ATTGAAAGTAAAAATGTGCACTGG

		TACCAGCAGAAGCCAGGCCAGGCC
		CCTGTGTTGGTCATCTATAGGGAT
		AGCAACCGGCCCTCTGGGATCCCT
		GAGCGATTCTCTGGCTCCAAGTCG
		GGGACCACGGCCACCCTGACCATC
		AGCAGAGCCCAAGCCGGGGATGA
		GGCTGAGTATTACTGTCAGGTGTG
		GGACAGCAGCACTGTGGTTTTCGG
		CGGAGGCACCCAGCTGACCGTCCT
		A
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTGAGGTGC
		AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCT
		TGGTAAAGCCTGGGGGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
		TACTTTCAGTAACGCCCGGATGGG
		CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGGAA
		GGGGCTGGAGTGGGTTGGCCGTAT
		TAAAAGCAAAACTGAAGGTGGGA
		CAAGAGACTACGCTGCACCCGTGA
	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC: K38R)_HC	AAGGCAGATTCACCATCTCAAGAG
1195		ATGATTCAAAAAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAAAACCG
		AGGACACAGCCGTGTATTATTGTA
		CCTCGTATAGTGGGGTCTGGGGCC
		AAGGGACAATGGTCACCGTGTCTT
		CAGCCTCCACCAAGGGCCCATCGG
		TCTTCCCCCTGGCACCCTCCTAA
		GAGCACCTCTGGGGGCACAGCGGC
		CCTGGGCTGCCTGGTCAAGGACTA
		CTTCCCCGAACCGGTGACGGTGTC
		GTGGAACTCAGGCGCCCTGACCAG
		CGGCGTGCACACCTTCCCGGCTGT
		CCTACAGTCCTCAGGACTCTACTCC

CTCAGCAGCGTGGTGACCGTGCCC TCCAGCAGCTTGGGCACCCAGACC TACATCTGCAACGTGAATCACAAG CCCAGCAACACCAAGGTGGACAAG AAAGTTGAGCCCAAATCTTGTGAC AAAACTCACACATGCCCACCGTGC CCAGCACCTGAACTCCTGGGGGGA CCGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCAA AACCCAAGGACACCCTCATGATCT CCCGGACCCCTGAGGTCACATGCG TGGTGGTGGACGTGAGCCACGAAG ACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGT ACGTGGACGCGTGGAGGTGCATA ATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAG GAGCAGTACAACAGCACGTACCGT GTGGTCAGCGTCCTG CACCAGGACTGGCTGAATGGCAAG GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCAAC AAAGCCCTCCCAGCCCCCATCGAG AAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGG CAGCCCGAGAACCACAGGTGTAC ACCCTGCCCCCATCCCGGGAGGAG ATGACCAAGAACCAGGTCAGCCTG ACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTAT CCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGG GAGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA CAACTACAAGACCACGCCTCCCGT GCTGGACTCCGACGCTCCTTCTTC CTCTATAGCAAGCTCACCGTGGAC AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAA CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGCAT GAGGCTCTGCACAACCACTACACG CAGAAGACCTCTCCCTGTCTCCG **GGCAAATAG** huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC: 1196 ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG

	K38R)_LC	CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTGACATCG
		TGATGACCCAGTCTCCAGACTCCC
		TGGCTGTGTCTCTGGGCGAGAGGG
		CCACCATCAACTGCAAGTCCAGCC
		AGAGTGTTTTATACAGTTCCAACA
		ATAGAAACTACTTAGCTTGGTACC
		ATCAGAAACCAGGACAGTCTCCTA
		AGCTGCTCATTTCCTGGGCATCTAC
		CCGGGAATCCGGGGTCCCTGACCG
		ATTCAGTGGCAGCGGGTCTGGGAC
		AGATTTCACTCTCACCATCAACAG
		CCTGCAGGCTGAAGATGTGGCAGT
		TTATTACTGTCAACAATATTATAGT
		ATTCCGATCACTTTCGGCGGAGGG
		ACCAAGGTGGAGATCAAACGAAC
		GGTGGCTGCACCATCTGTCTTCATC
		TTCCCGCCATCTGATGAGCAGTTG
		AAATCTGGAACTGCCTCTGTTGTGT
		GCCTGCTGAATAACTTCTATCCCA
		GAGAGGCCAAAGTACAGTGGAAG
		GTGGATAACGCCCTCCAATCGGGT
		AACTCCCAGGAGAGTGTCACAGAG
		CAGGACAGCAAGGACAGCACCTAC
		AGCCTCAGCAGCACCCTGACGCTG
		AGCAAAGCAGACTACGAGAAACA
		CAAAGTCTACGCCTGCGAAGTCAC
		CCATCAGGGCCTGAGCTCGCCCGT
		CACAAAGAGCTTCAACAGGGGAG
		AGTGTTAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
1197	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
	uIgG1z (mAb)_HC	AGCTGGTGGAGTCCGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
	1	1

GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT CACCTTCAGTAACTATGGCTTTCAC TGGGTCCGCCAGACTCCAGGCAAG GGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATC TCATATGATGGAAGTAATAGATAC TATGCAAGCTCCGTGAAGGGCCGA TTCACCATCTCCAGAGACAATTCC AAGAACACGCTGTATCTCCAAATG AACAGCCTGAGAGGTGAGGACAC GGCGCTATATTACTGTGCGAGAGT TTACTATGGTTCGGGGACTTATTAT AAAAACCGCTACTACTACGGTATG GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG GTCACCGTGTCCTCAGCCTCCACC AAGGCCCATCGGTCTTCCCCCTG GCACCCTCCCAAGAGCACCTCT GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGAA CCGGTGACGGTGTCGTGGAACTCA GGCGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCT CAGGACTCTACTCCCTCAGCAGCG TGGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCT TGGGCACCCAGACCTACATCTGCA ACGTGAATCACAAGCCCAGCAACA CCAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGC CCAAATCTTGTGACAAAACTCACA CATGCCCACCGTGCCCAGCACCTG AACTCCTGGGGGGACCGTCAGTCT TCCTCTTCCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACCC CTGAGGTCACATGCGTGGTGGTGG ACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGACG GCGTGGAGGTGCATAATGCCAAGA

		CAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTAC
		AACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC
		GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGAC
		TGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAG
		TGCAAGGTGTCCAACAAAGCCCTC
		CCAGCCCCATCGAGAAAACCATC
		TCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA
		GAACCACAGGTGTACACCCTGCCC
		CCATCCCGGGAGGAGATGACCAAG
		AACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTG
		GTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC
		ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT
		GGGCAGCCGGAGAACAACTACAA
		GACCACGCCTCCCGTGCTGGACTC
		CGACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGC
		AAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGG
		TGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
		TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTG
		CACAACCACTACACGCAGAAGAGC
		CTCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCATATGAGCTGACTC
		AGCCACCCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGACACAACATTGGAAGTA
	anti-huCCR8_44379 (VH: D72S, VL:	AAGGTGTGCACTGGTACCAGCAGA
1198	N67A_S68A_M99G_W109F_S111A)_h	AGCCAGGCCAGGCCCCTGTACTGG
	uIgG1z (mAb)_LC	TCATCTATAGAGCCGCCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCTGGGAACACAGC
		CACTCTGACCATCAGCGGGACCCA
		GGCTGGCGATGAGGCTGACTATTA
		CTGTCAGGCGTTCGACGCCGGCAC
		TGTGGTATTCGGCGGAGGCACCCA

		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGCTGGTGGAGTCCGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A, VL: N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z (mAb)_HC	GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
		CACCTTCAGTAACTATGGCTTTCAC
		TGGGTCCGCCAGACTCCAGGCAAG
		GGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATC
		TCATATGCCGGAAGTAATAGATAC
1199		TATGCAGCCTCCGTGAAGGGCCGA
		TTCACCATCTCCAGAGACAATTCC
		AAGAACACGCTGTATCTCCAAATG
		AACAGCCTGAGAGGTGAGGACAC
		GGCGCTATATTACTGTGCGAGAGT
		TTACTATGGTTCGGGGACTTATTAT
		AAAAACCGCTACTACTACGGTATG
		GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG
		GTCACCGTGTCCTCAGCCTCCACC
		AAGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTG
		GCACCCTCCTCCAAGAGCACCTCT

GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGAA CCGGTGACGGTGTCGTGGAACTCA GGCGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCT CAGGACTCTACTCCCTCAGCAGCG TGGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCT TGGGCACCCAGACCTACATCTGCA ACGTGAATCACAAGCCCAGCAACA CCAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGC CCAAATCTTGTGACAAAACTCACA CATGCCCACCGTGCCCAGCACCTG AACTCCTGGGGGGACCGTCAGTCT TCCTCTTCCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACCC CTGAGGTCACATGCGTGGTGGTGG ACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGACG GCGTGGAGGTGCATAATGCCAAGA CAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTAC AACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGAC TGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAG TGCAAGGTGTCCAACAAAGCCCTC CCAGCCCCATCGAGAAAACCATC TCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA GAACCACAGGTGTACACCCTGCCC CCATCCCGGGAGGAGATGACCAAG AACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTG GTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT GGGCAGCCGGAGAACAACTACAA GACCACGCCTCCCGTGCTGGACTC CGACGCTCCTTCTTCTCTATAGC AAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGG

		TGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
		TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTG
		CACAACCACTACACGCAGAAGAGC
		CTCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCATATGAGCTGACTC
		AGCCACCCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGGACACAACATTGGAAGTA
		AAGGTGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTACTGG
		TCATCTATAGACAGAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCTGGGAACACAGC
		CACTCTGACCATCAGCGGGACCCA
		GGCTGAAGATGAGGCTGACTATTA
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61A_D72A, VL: N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIgG1z (mAb)_LC	CTGTCAGGCGTTCGACGCCGGCAC
1200		TGTGGTATTCGGCGGAGGCACCCA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
1201		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
1201	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC

(mAb)_HC

TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC AGCTGGTGGAGTCCGGGGGAGGCG TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT CACCTTCAGTAACTATGGCTTTCAC TGGGTCCGCCAGACTCCAGGCAAG GGGCTGGAGTGGCAGTTATC **TCATATAGCGGAAGTAATAGATAC** TATGCAGACTCCGTGAAGGGCCGA TTCACCATCTCCAGAGACAATTCC AAGAACACGCTGTATCTCCAAATG AACAGCCTGAGAGGTGAGGACAC GGCGCTATATTACTGTGCGAGAGT TTACTATGGTTCGGGGACTTATTAT AAAAACCGCTACTACTACGGTATG GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG GTCACCGTGTCCTCAGCCTCCACC AAGGCCCATCGGTCTTCCCCCTG GCACCCTCCTAAGAGCACCTCT GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGAA CCGGTGACGGTGTCGTGGAACTCA GGCGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCT CAGGACTCTACTCCCTCAGCAGCG TGGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCT TGGGCACCCAGACCTACATCTGCA ACGTGAATCACAAGCCCAGCAACA CCAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGC CCAAATCTTGTGACAAAACTCACA CATGCCCACCGTGCCCAGCACCTG AACTCCTGGGGGGACCGTCAGTCT TCCTCTTCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACCC CTGAGGTCACATGCGTGGTGGTGG

		ACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGG
		TCAAGTTCAACTGGTACGTGGACG
		GCGTGGAGGTGCATAATGCCAAGA
		CAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTAC
		AACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC
		GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGAC
		TGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAG
		TGCAAGGTGTCCAACAAAGCCCTC
		CCAGCCCCATCGAGAAAACCATC
		TCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA
		GAACCACAGGTGTACACCCTGCCC
		CCATCCCGGGAGGAGATGACCAAG
		AACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTG
		GTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC
		ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT
		GGGCAGCCGGAGAACAACTACAA
		GACCACGCCTCCCGTGCTGGACTC
		CGACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGC
		AAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGG
		TGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
		TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTG
		CACAACCACTACACGCAGAAGAGC
		CTCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCATATGAGCTGACTC
		AGCCACCCTCAGTGTCAGTGGCCC
	anti-huCCR8_44379 (VH: D61S, VL:	TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
1202	N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIgG1z	GTGGGGACACAACATTGGAAGTA
1202	(mAb)_LC	AAGGTGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTACTGG
		TCATCTATAGACAGAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCTGGGAACACAGC
		CACTCTGACCATCAGCGGGACCCA

		GGCTGGCGATGAGGCTGACTATTA
		CTGTCAGGCGTTCGACGCCGGCAC
		TGTGGTATTCGGCGGAGGCACCCA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAACTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGACACAACATTGGAAGTA
		AAGGTGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTGCTGG
1203	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	TCATCTATAGAAATAGCAACCGGC
1203	HuIgG1z mAb_LC	CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGGCTGACTATTA
		CTGTCAGGTGTGGGACATCAGCAC
		TGTGGTTTTCGGCGGAGGGACCGA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
	I .	

		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1	AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGCCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
		CAACTTCAGTAACTGTGGCATGCA
		CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
		GGGGCTGGAGTGGCAGTTAT
		ATCATATGATGGAGGTAATAAATA
		TCATGCGGACTCCGTGAAGGGCCG
1204		GTTCACCATCTCCAGAGACGATTC
1204	HuIgG1z mAb_HC	CAAGAACACACTGTATCTGCAAAT
		GGACAGCCTGAGAACTGAGGACAC
		GGCTGTGTATTACTGTGCGAAAGT
		TTACTATGGTTCGGGTATTTATTAT
		AAAAACAGGTACTACTACGGGATG
		GACGTCtGGGGCCAAGGGACCACG
		GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA
		AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG
		CACCCTCCTCCAAGAGCACCTCTG
		GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC
		TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC
		CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG

GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT GGCAGCAGGGAACGTCTTCTCAT GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC

		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGACACAACATTGGAAGTA
		AAGGTGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTGCTGG
		TCATCTATAGAAATAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCGGGGAAAACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGGCTGACTATTA
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	CTGTCAGGTGTGGGACAGCAC
1205	HulgG1z mAb_LC	TGTGGTTTTCGGCGGAGGGACCGA
	Thuigotz in to_be	GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1 HuIgG1z mAb_HC	CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
1206		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGCCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA

GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT CAACTTCAGTAACTGTGGCATGCA CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA GGGGCTGGAGTGGCAGTTAT ATCATATGATGGAGGTAATAAATA TTATGCGGACTCCGTGAAGGGCCG GTTCACCATCTCCAGAGACGATTC CAAGAACACACTGTATCTGCAAAT GGACAGCCTGAGAACTGAGGACAC GGCTGTGTATTACTGTGCGAAAGT TTACTATGGTTCGGGTATTTATTAT AAAAACAGGTATTACTACGGGATG GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG CACCCTCCTAAGAGCACCTCTG GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA

		AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA
		CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT
		CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG
		GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG
		CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC
		AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC
		CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG
		AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC
		CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA
		ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG
		TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA
		TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG
		GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG
		ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC
		GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA
		AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT
		GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT
		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGAAACAACATTGGAAGTA
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1	AAAATGTGCACTGGTACCAGAAGA
1207	HuIgG1z mAb_LC	GGCCAGGCCAGGCCCTGTGCTGG
	TruigO12 IIIA0_EC	TCATCTATAGGGATAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAAGTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGGCTGACTATTA
		CTGTCAGGTGTGGGACAGCAACAC
		TGTGGTTTTCGGCGGAGGGACCAA

		CCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGTAGTCTCTGGATT
		CAACTTCAGTAACAATGGCATGCA
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1 HuIgG1z mAb_HC	CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
		GGGACTGGAGTGGCAGTTAT
		TTCAAATGATGGCAGTAATAAATA
1208		TTATGCAGATTCCGTGAGGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATTC
		CAAGAACACGCTGTATCTGCAAAT
		GAACAGCCTGAGAGCTGAGGACAC
		GGCTGTGTATTCCTGTGCGAAAGT
		TTACTATGGTTCGGGAATTTATTAC
		AAAAATAACTACTACGGTATG
		GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG
		GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA
		AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG
		CACCCTCCTCCAAGAGCACCTCTG

GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT

		GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT
		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTcctATGAGCTGACTCA
		GCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCCT
		GGGACAGACGGCCAGGATTACCTG
		TGGGGAAACAACATTGGAAGTAA
		AAATGTGCACTGGTACCAGCAGAA
		GGCAGGCCAGGCCCCTGTGCAGGT
		CATCTATAGAAATAGCAACCGGCC
		CTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTCT
		GGCTCCAACTCGGGGAACACGGCC
		ACCCTGACCATCAGCAGAGCCCAG
		GCCGGGGATGAGGCTGACTATTAC
	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1 HuIgG1z mAb_LC	TGTCAGGTGTGGGACAGCAGCACT
1209		GTGGTTTTCGGCGGTGGGACCAAG
		CTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAAG
		GCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTCC
		CGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAAG
		CCAACAAGGCCACACTGGTGTGTC
		TCATCAGTGACTTCTACCCGGGAG
		CCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCAG
		ATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGAG
		TGGAAACCACCACACCCTCCAAAC
		AAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
1210	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
1210	HuIgG1z mAb_HC	CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC

TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT CAACTTCAATACCTATGGCATGCA CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA GGGGCTGGAGTGGCAGTTAT ATCATATGATGGAAGTAATAAATA TTATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG ATTCACCATCTCCAGAGACAATTC CAAGAGCACGCTGTATCTGCAAAT GAACAGCCTGAGAGCTGAGGACAC GGCTGTGTATTACTGTGCGAGAGT TTACTATGGTTCGGGGAGTTATTAT AAAAAGAATTACTACTACGGTATG GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG CACCCTCCTCCAAGAGCACCTCTG GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC

		GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC
		AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC
		GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA
		AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA
		CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT
		CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG
		GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG
		CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC
		AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC
		CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG
		AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC
		CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA
		ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG
		TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA
		TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG
		GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG
		ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC
		GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA
		AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT
		GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT
		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
1211	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	GTGGGGAAACAACATTGGAGGTA
1211	HuIgG1z mAb_LC	AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTGCTGG
		TCATCTATAGGGATAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAAGTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
	L	L

		AGCCGGGGATGAGTCTGACTATTA
		CTGTCAGGTTTGGGACAGCAGCAC
		TGTGGTATTCGGCGGAGGGACCAC
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGGTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
		CACCCTCAGTAGTTATGGCTTTCAC
		TGGGTCCGCCAGACTCCAGGCAAG
1212	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1	GGGCTGGAGTGGCAGTTATA
	HuIgG1z mAb_HC	TCATATGATGGAAGTAATAAATAct
		ATGCAGACTCCGTGAAGGGCCGAT
		TCACCATCTCCAGAGACAATTCCA
		AGAACACGCTGTATCTCCAAATGA
		ACAGCCTGAGAGGTGAGGACACG
		GCGGTGTATTACTGTGCGAGAGTT
		TACTATGGTTCGGGGACTTATTATA
		AAAACCGCTACTACTACGGTATGG
		ACGTCTGGGGCCAAGGGACCACGG

TCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCAA GGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGGC ACCCTCCTCCAAGAGCACCTCTGG GGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCCT GGTCAAGGACTACTTCCCCGAACC GGTGACGGTGTCGTGGAACTCAGG CGCCCTGACCAGCGGCGTGCACAC CTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTCA GGACTCTACTCCCTCAGCAGCGTG GTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTTG GGCACCCAGACCTACATCTGCAAC GTGAATCACAAGCCCAGCAACACC AAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCCC AAATCTTGTGACAAAACTCACACA TGCCCACCGTGCCCAGCACCTGAA CTCCTGGGGGGACCGTCAGTCTTC CTCTTCCCCCAAAACCCAAGGAC ACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG

		ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC
		GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA
		AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT
		GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT
		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGAGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGAAACAACATTGGAAGTA
		AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTACTGG
		TCATCTATAGGGATAGCAACCGGC
	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAAGTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGGCTGACTATTA
1213		CTGTCAGGTGTGGGACAGCAC
1213	HuIgG1z mAb_LC	TGTGGTTTTCGGCGGAGGGACCAA
		GGTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT

		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGTAGTCTCTGGATT
		CAACTTCATTAACAATGGCATGCA
		CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
		GGGGCTGGACTGGGTGGCAGTTAT
		ATCAAATGATGGAAGTAATAAATA
		CTATCCAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATTC
		CAAGAACACGCTGTATCTGCAAAT
		GAACAGCCTGAGAGCTGAGGACTC
		GGCTGTGTATTACTGTGCGAAAGT
		TTACTATGGTTCGGGAAATTATTAT
1214	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1	AAAAACAACTACTACGGTATG
	HuIgG1z mAb_HC	GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG
		GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA
		AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG
		CACCCTCCTCCAAGAGCACCTCTG
		GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC
		TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC
		CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG
		GCGCCTGACCAGCGGCGTGCACA
		CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC
		AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT
		GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT
		GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA
		CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC
		CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC
		CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC
		ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA
		ACTCCTGGGGGGACCGTCAGTCTT

		CCTCTTCCCCCCAAAACCCAAGGA
		CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT
		GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC
		GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC
		AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC
		GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA
		AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA
		CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT
		CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG
		GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG
		CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC
		AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC
		CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG
		AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC
		CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA
		ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG
		TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA
		TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG
		GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG
		ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC
		GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA
		AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT
		GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT
		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
1215	H CGD0 L IDG000010 1	AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1 HuIgG1z mAb_LC	TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGAGGGAAACAACATTGGAAGTC
		AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTGCTGG
		TCATGTATAGGGATAGCAACCGGC
	<u> </u>]

		CCTCTGGGATCCCTGAACGATTCTC
		TGGCTCCAAGTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGGCCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGTCTGACTATTA
		CTGTCAGGTGTGGGACGGCAGTGC
		CGTGGTATTCGGCGGAGGGACCAC
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGATGC
		AGGTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1	CACCTTCAGTAGCTCTGGCATGCA
1216	HuIgG1z mAb_HC	CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
	1101g 0 12 mm 10_110	GGGCCTGGAGTGGCTGGCAGTTAT
		ATCACATGATGGAAGTAATAAATA
		CTATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATTC
		CAAGAACACGCTGTATCTGCAAAT
		GAATAGCCTGGGAGGTGAGGACAC
		GGCGGTGTATTACTGTGCGAAAGT

TTACTATGGTTCGGGGATTTATTAT AAAAACCGCTATTACTACGGTATG GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG **GTCATCGTCTCGTCAGCCTCCACCA** AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG CACCCTCCCAAGAGCACCTCTG GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG

		TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA
		TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG
		GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG
		ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC
		GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA
		AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT
		GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT
		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGACACAACATTGGAAGTA
		AAGGTGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTGCTGG
		TCATCTATAGAAATAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCGGGGAACACGGC
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1 HuIgG1z mAb_LC	CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
1217		AGCCGGGGATGAGGCTGACTATTA
		CTGTCAGGTGTGGGACAGCAC
		TGTGGTTTTCGGCGGAGGGACCGA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT

		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGctGGTGGAGtctGGGGGAGGCGTG
		GCCCAGCCTGGGAGGTCCCTGAGA
		CTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATTCA
		ACTTCAGTGattGTGGCATGCACTGG
		GTCCGCCaggCTCCAGGCAAGGGGC
		TGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
		ATGATGGAGGTAATAAATATTATG
		CGGACTCCGTGAAGGGCCGGTTCA
		CCATCTCCAGAGacgATTCCAAGAA
		CACACTGTAtcTGCAAacggacAGCCT
		GAGAACTGAGGACACGGCTGTGTA
	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	TTACTGTGCGAAAGTTTACTATGGT
1218	HuIgG1z mAb_HC	TCGGGTATTTATTATAAAAACAGG
		TACTACTACGGGATGGACGTctgggg
		CCAAGGGACCACGGTcaccgTCTCCT
		CAGCCTCCACCAAGGGCCCATCGG
		TCTTCCCCTGGCACCCTCCTAA
		GAGCACCTCTGGGGGCACAGCGGC
		CCTGGGCTGCCTGGTCAAGGACTA
		CTTCCCGAACCGGTGACGGTGTC
		GTGGAACTCAGGCGCCCTGACCAG
		CGGCGTGCACACCTTCCCGGCTGT
		CCTACAGTCCTCAGGACTCTACTCC
		CTCAGCAGCGTGGTGACCGTGCCC
		TCCAGCAGCTTGGGCACCCAGACC
		TACATCTGCAACGTGAATCACAAG
		CCCAGCAACACCAAGGTGGACAAG
		AAAGTTGAGCCCAAATCTTGTGAC

		AAAACTCACACATGCCCACCGTGC
		CCAGCACCTGAACTCCTGGGGGGA
		CCGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCAA
		AACCCAAGGACACCCTCATGATCT
		CCCGGACCCCTGAGGTCACATGCG
		TGGTGGTGGACGTGAGCCACGAAG
		ACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGT
		ACGTGGACGCGTGGAGGTGCATA
		ATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAG
		GAGCAGTACAACAGCACGTACCGT
		GTGGTCAGCGTCCTCACCGTCCTG
		CACCAGGACTGGCTGAATGGCAAG
		GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCAAC
		AAAGCCCTCCCAGCCCCCATCGAG
		AAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGG
		CAGCCCGAGAACCACAGGTGTAC
		ACCCTGCCCCCATCCCGGGAGGAG
		ATGACCAAGAACCAGGTCAGCCTG
		ACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTAT
		CCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGG
		GAGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA
		CAACTACAAGACCACGCCTCCCGT
		GCTGGACTCCGACGGCTCCTTCTTC
		CTCTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGAA
		CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGCAT
		GAGGCTCTGCACAACCACTACACG
		CAGAAGAGCCTCTCCCTGTCTCCG
		GGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
1010	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
1219	HuIgG1z mAb_LC	AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGGCAGGATTACCT
		GTGGGGAAACAACATTGGAAGTA
	<u>L</u>	

		AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTGTGCTGG
		TCATCTATAGGAGTAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGTCTGACTATTA
		CTGTCAAATATGGGACAGCAGCAC
		TGTGGTATTCGGCGGAGGGACCAA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGGTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
1220	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1	GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
1220	HuIgG1z mAb_HC	CACCTTCAGTAGCTATGGCATGCA
		CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
		GGGGCTGGAGTGGCAGTTAT
		ATCATTTGATGGAAATAATAAATA
		CTATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATTC
	<u>L</u>	

CAAGAACACGCTATATCTGCAAAT GAACAGCCTGAGAGGTGAGGACA CGGCGGTGTATTACTGTGCGAGAG TTTATTATGGTTCGGGGAGTTATTA TAAAAACCGCTACTACTACGGTAT GGACGTCTGGGGCCAAGGGACCAC GGTCACCGTCTCCACAGCCTCCAC CAAGGCCCATCGGTCTTCCCCCT GGCACCCTCCCAAGAGCACCTC TGGGGCACAGCGGCCCTGGGCTG CCTGGTCAAGGACTACTTCCCCGA ACCGGTGACGGTGTCGTGGAACTC AGGCGCCCTGACCAGCGGCGTGCA CACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCC TCAGGACTCTACTCCCTCAGCAGC GTGGTGACCGTGCCCTCCAGCAGC TTGGGCACCCAGACCTACATCTGC AACGTGAATCACAAGCCCAGCAAC ACCAAGGTGGACAAGAAAGTTGA GCCCAAATCTTGTGACAAAACTCA CACATGCCCACCGTGCCCAGCACC TGAACTCCTGGGGGGACCGTCAGT CTTCCTCTTCCCCCAAAACCCAAG GACACCCTCATGATCTCCCGGACC CCTGAGGTCACATGCGTGGTGGTG GACGTGAGCCACGAAGACCCTGAG GTCAAGTTCAACTGGTACGTGGAC GGCGTGGAGGTGCATAATGCCAAG ACAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTA CAACAGCACGTACCGTGTGGTCAG CGTCCTCACCGTCCTGCACCAGGA CTGGCTGAATGGCAAGGAGTACAA GTGCAAGGTGTCCAACAAGCCCT CCCAGCCCCATCGAGAAAACCAT CTCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCG

		AGAACCACAGGAGACATCACCAA
		CCCATCCCGGGAGGAGATGACCAA
		GAACCAGGTCAGCCTGACCTGCCT
		GGTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGA
		CATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAA
		TGGGCAGCCGGAGAACAACTACAA
		GACCACGCCTCCCGTGCTGGACTC
		CGACGCTCCTTCTTCCTCTATAGC
		AAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGG
		TGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA
		TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTG
		CACAACCACTACACGCAGAAGAGC
		CTCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAACTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGAAACAACATTGGAAGTA
		AAAATGTACACTGGTACCAGCAGA
		GGCCAGGCCAGGCCCCTGTGTTGG
		TCATCTACAGGGATAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTAT
1221	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	CTGGCTCCAAAGCGGGGAACACGG
1221	HuIgG1z mAb_LC	CCACCCTGACCATCAGCAGAGCCC
		ACGCCGGGGATGAGGCTGACTATT
		ACTGTCAGGTGTGGGACAGCAGCA
		CTGTGGTTTTCGGCGGAGGGACCG
		AGCTGACCGTCCAAGGTCAGCCCA
		AGGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTT
		CCCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCA
		AGCCAACAAGGCCACACTGGTGTG
		TCTCATCAGTGACTTCTACCCGGG
		AGCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGC
		AGATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGG

		AGTGGAAACCACCACACCCTCCAA
		ACAAAGCAACAACAAGTACGCGG
		CCAGCAGCTATCTGAGCCTGACGC
		CTGAGCAGTGGAAGTCCCACAGAA
		GCTACAGCTGCCAGGTCACGCATG
		AAGGGAGCACCGTGGAGAAGACA
		GTGGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AATTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCTCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGTCTCTGGATT
		CACGTTCAGTAGCAATGGCATGCA
	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
		GGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTAT
		ATCAAATGATGGAAGTAATAAATA
		TTATGGAGACTCCGTGAAGGGCCG
		ATTCACCATCTCCAGAGACAATTC
		CAAGAACACGCTGTATCTGCAAAT
1222		GAACAGCCTGAGAGCTGAGGACAC
1222	HuIgG1z mAb_HC	GGCTGTGTATTACTGTGCGAAAGT
		TTACTATGGTTCGGGAATTTATTAC
		AGAAACAACTACTACGGTATG
		GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG
		GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA
		AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG
		CACCCTCCTCCAAGAGCACCTCTG
		GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC
		TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC
		CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG
		GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA
		CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC
		AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT
		GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT

GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 1223 CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT HuIgG1z mAb_LC CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC

		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGGAAACAACATTGGAAGTA
		AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTATACTGG
		TCATCTATAGGAATACCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGTCGGGGATGAGTCTGACTATTT
		CTGTCAGGTGTGGGACAGCAC
		TGTGGTATTCGGCGGAGGGACCAA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1 HuIgG1z mAb_HC	AGGTGGTGGAGtctGGGGGAGGCGT
1224		GGTCCAGccTGGGAGGTCcCTGAGA
		CTCTCCTGTGGAGCCTCTGGATTCA
		CcttCAGtggcTATGGCATgcACTGGGT
		CcgcCAggcTCCAGGCAAGGGGCTGG
		AGTGGGTGGCAGTTATATCATATG
	L	1

ATGGAAGTAATAAATACTATGCAG ACTCCGTgAAGGGCCGATTCCCCAT CTCAAGAgaCAATTCCAAGAACAC GCTGTATCTGCAAATGAACAGcCT GAGAGGTGAGGACACGGCGGTGT ATTACTGTgcGAGAGTTTATTATGG TTCGGGGATTTATTATAAAAACCG CTacTaCTACGGTAtgGACGtctGGGG CCAAGGACCACGGTcgcCGTCTCC TCAGCCTCCACCAAGGGCCCATCG GTCTTCCCCCTGGCACCCTCCTCCA AGAGCACCTCTGGGGGCACAGCGG CCCTGGGCTGCCTGGTCAAGGACT ACTTCCCCGAACCGGTGACGGTGT CGTGGAACTCAGGCGCCCTGACCA GCGGCGTGCACACCTTCCCGGCTG TCCTACAGTCCTCAGGACTCTACTC CCTCAGCAGCGTGGTGACCGTGCC CTCCAGCAGCTTGGGCACCCAGAC CTACATCTGCAACGTGAATCACAA GCCCAGCAACACCAAGGTGGACAA GAAAGTTGAGCCCAAATCTTGTGA CAAAACTCACACATGCCCACCGTG CCCAGCACCTGAACTCCTGGGGGG ACCGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCCA AAACCCAAGGACACCCTCATGATC TCCCGGACCCCTGAGGTCACATGC GTGGTGGACGTGAGCCACGAA GACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGG TACGTGGACGCGTGGAGGTGCAT AATGCCAAGACAAAGCCGCGGGA GGAGCAGTACAACAGCACGTACCG TGTGGTCAGCGTCCTG CACCAGGACTGGCTGAATGGCAAG GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCAAC

		AAAGCCCTCCCAGCCCCCATCGAG
		AAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGG
		CAGCCCCGAGAACCACAGGTGTAC
		ACCCTGCCCCCATCCCGGGAGGAG
		ATGACCAAGAACCAGGTCAGCCTG
		ACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTAT
		CCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGG
		GAGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA
		CAACTACAAGACCACGCCTCCCGT
		GCTGGACTCCGACGGCTCCTTCTTC
		CTCTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAA
		CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGCAT
		GAGGCTCTGCACAACCACTACACG
		CAGAAGAGCCTCTCCCTGTCTCCG
		GGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_LC	CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGAAACAACATTGGAAGTA
		AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCCTATACTGG
		TCATCTATAGGAATACCAACCGGC
1225		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGTCGGGGATGAGTCTGACTATTT
		CTGTCAGGTGTGGGACAGCAC
		TGTGGTATTCGGCGGAGGGACCAA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT

		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGGTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGGAGCCTCTGGATT
		CACCTTCAGTGGCTATGGCATGCA
		CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
		GGGGCTGGAGTGGCAGTTAT
		ATCATATGATGGAAGTAATAAATA
		CTATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG
	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_HC	ATTCACCATCTCAAGAGACAATTC
1226		CAAGAACACGCTGTATCTGCAAAT
		GAACAGCCTGAGAGGTGAGGACA
		CGGCGGTGTATTACTGTGCGAGAG
		TTTATTATGGTTCGGGGATTTATTA
		TAAAAACCGCTACTACTACGGTAT
		GGACGTCTGGGGCCAAGGGACCAC
		GGTCGCCGTCTCCTCAGCCTCCACC
		AAGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTG
		GCACCCTCCTCCAAGAGCACCTCT
		GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGC
		CTGGTCAAGGACTACTTCCCCGAA
		CCGGTGACGGTGTCGTGGAACTCA
		GGCGCCCTGACCAGCGGCGTGCAC

ACCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCT CAGGACTCTACTCCCTCAGCAGCG TGGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCT TGGGCACCCAGACCTACATCTGCA ACGTGAATCACAAGCCCAGCAACA CCAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGC CCAAATCTTGTGACAAAACTCACA CATGCCCACCGTGCCCAGCACCTG AACTCCTGGGGGGACCGTCAGTCT TCCTCTTCCCCCAAAACCCAAGG ACACCCTCATGATCTCCCGGACCC CTGAGGTCACATGCGTGGTGGTGG ACGTGAGCCACGAAGACCCTGAGG TCAAGTTCAACTGGTACGTGGACG GCGTGGAGGTGCATAATGCCAAGA CAAAGCCGCGGGAGGAGCAGTAC AACAGCACGTACCGTGTGGTCAGC GTCCTCACCGTCCTGCACCAGGAC TGGCTGAATGGCAAGGAGTACAAG TGCAAGGTGTCCAACAAAGCCCTC CCAGCCCCATCGAGAAAACCATC TCCAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGA GAACCACAGGTGTACACCCTGCCC CCATCCCGGGAGGAGATGACCAAG AACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTG GTCAAAGGCTTCTATCCCAGCGAC ATCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAAT GGGCAGCCGGAGAACAACTACAA GACCACGCCTCCCGTGCTGGACTC CGACGCTCCTTCTTCCTCTATAGC AAGCTCACCGTGGACAAGAGCAGG TGGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCA TGCTCCGTGATGCATGAGGCTCTG CACAACCACTACACGCAGAAGAGC CTCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG

		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGACCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGAAACAACATTGGAGATA
		AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
		AGCCAGGCCAGGCCCTGTGCTGG
		TCATCTATAGGAATAACGTCCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAACTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGGCTGACTATTA
	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	CTGTCAGGTGTGGGACAGCAC
1227	HulgG1z mAb_LC	TGTGGTTTTCGGCGGAGGGACCAA
	Truigotz in to_be	GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA
		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
1228	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
1220	HuIgG1z mAb_HC	AGCTGGTGGAATCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGGCT

CAACTTCAGTAACTTTGGCATGCA CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA GGGGCTGGACTGGGTGGCAGTTAT ATCATATGATGGAGGTAATAAATA CTATGCAGACTCCGTGAAGGGCCG ATTCACCGTCTCCAGAGACAATTC CAAGAACACGCTCTTTCTGCAAAT GAACAGCCTGAGAGCTGAGGACAC GGCTCTGTATTACTGTGCGAAAGT TTACTATGGCTCGGGCAGTTATTAT AAAAAGAGGTACTACTACGGTATG GACGTCTGGGGCCAGGGGACCACG GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG CACCCTCCCAAGAGCACCTCTG GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA

		CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT
		CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG
		GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG
		CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC
		AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC
		CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG
		AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC
		CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA
		ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG
		TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA
		TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG
		GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG
		ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC
		GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA
		AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT
		GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT
		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGCCTGGGCTCTGCTCCTCA
		CCCTCCTCACTCAGGGCACAGGGT
		CCTGGGCCTCCTATGAGCTGACTC
		AGCCACTCTCAGTGTCAGTGGCCC
		TGGGACAGACGGCCAGGATTACCT
		GTGGGGAAACAACATTGGAAGTA
		AAAATGTGCACTGGTACCAGCAGA
1229	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	AGCCAGGCCAGGCCCTGTGCTGG
	HuIgG1z mAb_LC	TCATCTATAGGGATAGCAACCGGC
		CCTCTGGGATCCCTGAGCGATTCTC
		TGGCTCCAAGTCGGGGAACACGGC
		CACCCTGACCATCAGCAGAGCCCA
		AGCCGGGGATGAGGCTGACTATTA
		CTGTCAGGTGTGGGACAGCAGCAC
		TGTGGTTTTCGGCGGAGGGGCCAA
		GCTGACCGTCCTAGGTCAGCCCAA

		GGCTGCACCCTCGGTCACTCTGTTC
		CCGCCCTCCTCTGAGGAGCTTCAA
		GCCAACAAGGCCACACTGGTGTGT
		CTCATCAGTGACTTCTACCCGGGA
		GCCGTGACAGTGGCCTGGAAGGCA
		GATAGCAGCCCCGTCAAGGCGGGA
		GTGGAAACCACCACACCCTCCAAA
		CAAAGCAACAACAAGTACGCGGCC
		AGCAGCTATCTGAGCCTGACGCCT
		GAGCAGTGGAAGTCCCACAGAAGC
		TACAGCTGCCAGGTCACGCATGAA
		GGGAGCACCGTGGAGAAGACAGT
		GGCCCCTACAGAATGTTCATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTCAGGTGC
		AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCG
		TGGTCCAGCCTGGGAGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
		CAACTTCAGTAGCTGTGGCATGCA
		CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAA
		GGGGCTGGAGTGGCTGGCAGTTAT
		ATCATATGATGGAACTAATAAATA
1230	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1	CTATGCGGACTCCGTGAAGGGCCG
1230	HulgG1z mAb_HC	ATTCACCATCTCCAGAGACAATTC
		CAAGAACACGCTGTATCTGCAAAT
		GAACAGCCTGAGAGCTGAGGACAC
		GGCTGTGTATTACTGTGCGAAAGT
		TTACTATGGTTCGGGTATTTATTAT
		AAAAAGAACTACTACGGTATG
		GACGTCTGGGGCCAAGGGACCACG
		GTCACCGTCTCCTCAGCCTCCACCA
		AGGGCCCATCGGTCTTCCCCCTGG
		CACCCTCCTCCAAGAGCACCTCTG
		GGGGCACAGCGGCCCTGGGCTGCC

TGGTCAAGGACTACTTCCCCGAAC CGGTGACGGTGTCGTGGAACTCAG GCGCCCTGACCAGCGGCGTGCACA CCTTCCCGGCTGTCCTACAGTCCTC AGGACTCTACTCCCTCAGCAGCGT GGTGACCGTGCCCTCCAGCAGCTT GGGCACCCAGACCTACATCTGCAA CGTGAATCACAAGCCCAGCAACAC CAAGGTGGACAAGAAAGTTGAGCC CAAATCTTGTGACAAAACTCACAC ATGCCCACCGTGCCCAGCACCTGA ACTCCTGGGGGGGACCGTCAGTCTT CCTCTTCCCCCAAAACCCAAGGA CACCCTCATGATCTCCCGGACCCCT GAGGTCACATGCGTGGTGGTGGAC GTGAGCCACGAAGACCCTGAGGTC AAGTTCAACTGGTACGTGGACGGC GTGGAGGTGCATAATGCCAAGACA AAGCCGCGGGAGGAGCAGTACAA CAGCACGTACCGTGTGGTCAGCGT CCTCACCGTCCTGCACCAGGACTG GCTGAATGGCAAGGAGTACAAGTG CAAGGTGTCCAACAAAGCCCTCCC AGCCCCCATCGAGAAAACCATCTC CAAAGCCAAAGGGCAGCCCCGAG AACCACAGGTGTACACCCTGCCCC CATCCCGGGAGGAGATGACCAAGA ACCAGGTCAGCCTGACCTGCCTGG TCAAAGGCTTCTATCCCAGCGACA TCGCCGTGGAGTGGGAGAGCAATG GGCAGCCGGAGAACAACTACAAG ACCACGCCTCCCGTGCTGGACTCC GACGGCTCCTTCTTCCTCTATAGCA AGCTCACCGTGGACAAGAGCAGGT GGCAGCAGGGGAACGTCTTCTCAT

		GCTCCGTGATGCATGAGGCTCTGC
		ACAACCACTACACGCAGAAGAGCC
		TCTCCCTGTCTCCGGGCAAATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTGAGGTGC
		AGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCT
		TGGTAAAGCCTGGGGGGTCCCTGA
		GACTCTCCTGTGCAGCCTCTGGATT
		TACTTTCAGTAACGCCCGGATGGG
		CTGGGTCCGCCAGGCTCCAGGGAA
		GGGGCTGGAGTGGGTTGGCCGTAT
		TAAAAGCAAAACTGAAGGTGGGA
		CAAGAGACTACGCTGCACCCGTGA
		AAGGCAGATTCACCATCTCAAGAG
		ATGATTCAAAAAACACGCTGTATC
		TGCAAATGAACAGCCTGAAAACCG
		AGGACACAGCCGTGTATTATTGTA
1231	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_HC	CCTCGTATAGTGGGGTCTGGGGCC
1231	nucero_52500_nuig012 in to_fre	AAGGGACAATGGTCACCGTCTCTT
		CAGCCTCCACCAAGGGCCCATCGG
		TCTTCCCCCTGGCACCCTCCTCAA
		GAGCACCTCTGGGGGCACAGCGGC
		CCTGGGCTGCCTGGTCAAGGACTA
		CTTCCCCGAACCGGTGACGGTGTC
		GTGGAACTCAGGCGCCCTGACCAG
		CGGCGTGCACACCTTCCCGGCTGT
		CCTACAGTCCTCAGGACTCTACTCC
		CTCAGCAGCGTGGTGACCGTGCCC
		TCCAGCAGCTTGGGCACCCAGACC
		TACATCTGCAACGTGAATCACAAG
		CCCAGCAACACCAAGGTGGACAAG
		AAAGTTGAGCCCAAATCTTGTGAC
		AAAACTCACACATGCCCACCGTGC
		CCAGCACCTGAACTCCTGGGGGGA

		CCGTCAGTCTTCCTCTTCCCCCAA
		AACCCAAGGACACCCTCATGATCT
		CCCGGACCCCTGAGGTCACATGCG
		TGGTGGTGGACGTGAGCCACGAAG
		ACCCTGAGGTCAAGTTCAACTGGT
		ACGTGGACGCGTGGAGGTGCATA
		ATGCCAAGACAAAGCCGCGGGAG
		GAGCAGTACAACAGCACGTACCGT
		GTGGTCAGCGTCCTCACCGTCCTG
		CACCAGGACTGGCTGAATGGCAAG
		GAGTACAAGTGCAAGGTGTCCAAC
		AAAGCCCTCCCAGCCCCCATCGAG
		AAAACCATCTCCAAAGCCAAAGGG
		CAGCCCGAGAACCACAGGTGTAC
		ACCCTGCCCCCATCCCGGGAGGAG
		ATGACCAAGAACCAGGTCAGCCTG
		ACCTGCCTGGTCAAAGGCTTCTAT
		CCCAGCGACATCGCCGTGGAGTGG
		GAGAGCAATGGGCAGCCGGAGAA
		CAACTACAAGACCACGCCTCCCGT
		GCTGGACTCCGACGGCTCCTTCTTC
		CTCTATAGCAAGCTCACCGTGGAC
		AAGAGCAGGTGGCAGCAGGGGAA
		CGTCTTCTCATGCTCCGTGATGCAT
		GAGGCTCTGCACAACCACTACACG
		CAGAAGAGCCTCTCCCTGTCTCCG
		GGCAAATAG
		ATGGACATGAGGGTGCCCGCTCAG
		CTCCTGGGGCTCCTGCTGTGGC
		TGAGAGGTGCGCGCTGTGACATCG
1222	huCCR8_32360_huIgG1z mAb_LC	TGATGACCCAGTCTCCAGACTCCC
1232		TGGCTGTGTCTCTGGGCGAGAGGG
		CCACCATCAACTGCAAGTCCAGCC
		AGAGTGTTTTATACAGTTCCAACA
		ATAAGAACTACTTAGCTTGGTACC
	L	

		ATCAGAAACCAGGACAGTCTCCTA
		AGCTGCTCATTTCCTGGGCATCTAC
		CCGGGAATCCGGGGTCCCTGACCG
		ATTCAGTGGCAGCGGGTCTGGGAC
		AGATTTCACTCTCACCATCAACAG
		CCTGCAGGCTGAAGATGTGGCAGT
		TTATTACTGTCAACAATATTATAGT
		ATTCCGATCACTTTCGGCGGAGGG
		ACCAAGGTGGAGATCAAACGAAC
		GGTGGCTGCACCATCTGTCTTCATC
		TTCCCGCCATCTGATGAGCAGTTG
		AAATCTGGAACTGCCTCTGTTGTGT
		GCCTGCTGAATAACTTCTATCCCA
		GAGAGGCCAAAGTACAGTGGAAG
		GTGGATAACGCCCTCCAATCGGGT
		AACTCCCAGGAGAGTGTCACAGAG
		CAGGACAGCAAGGACAGCACCTAC
		AGCCTCAGCAGCACCCTGACGCTG
		AGCAAAGCAGACTACGAGAAACA
		CAAAGTCTACGCCTGCGAAGTCAC
		CCATCAGGGCCTGAGCTCGCCCGT
		CACAAAGAGCTTCAACAGGGGAG
		AGTGTTAG
1233	Консенсусная последовательность	$X_1X_2GX_4HX_1=N, S, D, G, T,$ или $R,$
1200	HCDR1	X ₂ =C, N, Y, S, или F, X ₄ =М или F
1234	Консенсусная последовательность	$RX_2X_3X_4RPS\ X_2=A,\ N,\ D,\ S,\ или\ Q,$
	LCDR2	X ₃ =S, T, N, I, F, или A, и X ₄ =N или V
1235	Консенсусная последовательность	$KSSQSVLYSSNNX_1NYLA; X_1$
	LCDR1	представляет собой К или R
	Консенсусная последовательность	DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSS
1236	LCVR	QSVLYSSNNX ₁ NYLA
		WYX ₂ QKPGQX3PKLLISWASTRESG
		VPDRFSGSGSGTDFTLTINSLQAEDV
		AVYYCQQYYSIPITFGGGTKVEIKR,
		где X_1 представляет собой K или R, X_2

		представляет собой H или Q, и/или X_3
		представляет собой S или P
		EVQLVESGGGLVKPGGSLRLSCAAS
		GFTFSNARMGWVRQAPGKGLEWV
		GRIKSKTEGGTRDYAAPVKGRFTISR
		DDSKNTLYLQMNSLKTEDTAVYYC
		TSYSGVWGQGTMVTVSSASTKGPS
		VFPLAPSSKSTSGGTAALGCLVKDY
		FPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVL
		QSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYIC
1237	huCCR8_32360_huIgG1z mAb (LC:	NVNHKPSNTKVDKKVEPKSCDKTH
1237	K38R)_HC_без С-концевого К	TCPPCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTL
		MISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVKFN
		WYVDGVEVHNAKTKPREEQYNSTY
		RVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVS
		NKALPAPIEKTISKAKGQPREPQVYT
		LPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPS
		DIAVEWESNGQPENNYKTTPPVLDS
		DGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNVFSC
		SVMHEALHNHYTQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
	anti-huCCR8_44379(VH:D72S,	GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYDGSNRYYASSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
	VL:N67A_S68A_M99G_W109F_S111A	GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
1238)_huIgG1z (mAb)_HC_без С-концевого	ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ

		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYAGSNRYYAASVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
	anti-huCCR8_44379(VH:D61A_D72A,	VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1239	VL:N67Q_M99E_W109F_S111A)_huIg	KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
	G1z (mAb)_HC_без С-концевого К	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSNYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYSGSNRYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTALYYCARV
	anti-huCCR8_44379(VH:D61S,	YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
1240	anu-nucck8_44379(vH:D61S, VL:N67Q_M99G_W109F_S111A)_huIg G1z (mAb)_HC_без С-концевого К	TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
1240		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK

		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNCGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGGNKYHADSVKGRFTISRD
		DSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
	Hu anti-huCCR8 LIBC315615-1 HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1241		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSNCGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGGNKYYADSVKGRFTISRD
	Hu anti-huCCR8 LIBC317152-1	DSKNTLYLQMDSLRTEDTAVYYCA
1242	Hu anti-nuccks Libc31/152-1 HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD

		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
		GFNFSNNGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISNDGSNKYYADSVRGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYSCA
		KVYYGSGIYYKNNYYYGMDVWGQ
	Hu anti-huCCR8 LIBC317471-1 HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1243		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
1244		GFNFNTYGMHWVRQAPGKGLEWV
	Hu anti-huCCR8 LIBC317977-1	AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
	HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	NSKSTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA
		RVYYGSGSYYKKNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST

		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
	Hu anti-huCCR8 LIBC318774-1 HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	GFTLSSYGFHWVRQTPGKGLEWVA
		VISYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGTYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1245		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
	H	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCVVS
1246	Hu anti-huCCR8 LIBC319840-1 HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого K	GFNFINNGMHWVRQAPGKGLDWV
		AVISNDGSNKYYPDSVKGRFTISRDN

		SKNTLYLQMNSLRAEDSAVYYCAK
		VYYGSGNYYKNNYYYGMDVWGQ
		GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QMQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAA
	Hu anti-huCCR8 LIBC320212-1 HuIgG1z mAb HC без С-концевого К	SGFTFSSSGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISHDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLGGEDTAVYYCA
		KVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVIVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1247		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG

		QVQLVESGGGVAQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSDCGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGGNKYYADSVKGRFTISRD
		DSKNTLYLQTDSLRTEDTAVYYCAK
		VYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQG
		TTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
	Harver back back on a possible of the control of th	TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1248	Hu anti-huCCR8 LIBC320384-1	KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
	HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
	Hu anti-huCCR8 LIBC320689-1 HuIgG1z mAb_HC_без C-концевого K	QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFTFSSYGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISFDGNNKYYADSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCARV
		YYGSGSYYKNRYYYGMDVWGQGT
		TVTVSTASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
1249		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
		VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP

		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAVS
		GFTFSSNGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISNDGSNKYYGDSVKGRFTISRDNS
		KNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAKV
		YYGSGIYYRNNYYYGMDVWGQGT
		TVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTSG
		GTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSG
		ALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVT
	Hu anti-huCCR8 LIBC321408-1	VPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1250	HuIgG1z mAb HC без C-концевого K	KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
	Thuigotz mad_fre_ocs e-kondeboro k	SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
		QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
		GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFPISRD
		NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
	Hu anti-huCCR8 LIBC321824-1	GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
1251	HulgG1z mAb HC без C-концевого K	SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
	Thuigotz mad_tre_des e-kongeboro k	GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD

		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
	Hu anti-huCCR8 LIBC321845-1 HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	QVQVVESGGGVVQPGRSLRLSCGAS
		GFTFSGYGMHWVRQAPGKGLEWV
		AVISYDGSNKYYADSVKGRFTISRD
		NSKNTLYLQMNSLRGEDTAVYYCA
		RVYYGSGIYYKNRYYYGMDVWGQ
		GTTVAVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
1252		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
1253		QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GLNFSNFGMHWVRQAPGKGLDWV
		AVISYDGGNKYYADSVKGRFTVSRD
		NSKNTLFLQMNSLRAEDTALYYCA
	Hu anti-huCCR8 LIBC322176-1	KVYYGSGSYYKKRYYYGMDVWGQ
	HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	GTTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKST
		SGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP

		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
	Hu anti-huCCR8 LIBC323412-1 HuIgG1z mAb_HC_без С-концевого К	QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAAS
		GFNFSSCGMHWVRQAPGKGLEWVA
		VISYDGTNKYYADSVKGRFTISRDN
		SKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAK
		VYYGSGIYYKKNYYYGMDVWGQG
		TTVTVSSASTKGPSVFPLAPSSKSTS
		GGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNS
		GALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVV
		TVPSSSLGTQTYICNVNHKPSNTKVD
1254		KKVEPKSCDKTHTCPPCPAPELLGGP
		SVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVV
		DVSHEDPEVKFNWYVDGVEVHNAK
		TKPREEQYNSTYRVVSVLTVLHQD
		WLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTIS
		KAKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQ
		VSLTCLVKGFYPSDIAVEWESNGQP
		ENNYKTTPPVLDSDGSFFLYSKLTV
		DKSRWQQGNVFSCSVMHEALHNHY
		TQKSLSLSPG
1	I	1

ФОРМУЛА ИЗОБРЕТЕНИЯ

- 1. Антитело, которое связывается с рецептором C-C-хемокинов человека 8 типа (CCR8), или его антигенсвязывающий фрагмент, где указанное антитело или его антигенсвязывающий фрагмент содержат:
- (a) аминокислотную последовательность определяющей комплементарность области тяжелой цепи (HCDR) 1 под SEQ ID NO: 1;
 - (b) аминокислотную последовательность HCDR2 под SEQ ID NO: 2,
 - (c) аминокислотную последовательность HCDR3 под SEQ ID NO: 3,
- (d) аминокислотную последовательность определяющей комплементарность области легкой цепи (LCDR) 1 KSSQSVLYSSNNX₁NYLA (SEQ ID NO: 1235), где X_1 представляет собой K или R,
 - (e) аминокислотную последовательность LCDR2 под SEQ ID NO: 5 и
 - (f) аминокислотную последовательность LCDR3 под SEQ ID NO: 6.
- 2. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 1, которые содержат аминокислотную последовательность LCDR1 под SEQ ID NO: 4.
- 3. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 1 или п. 2, которые содержат аминокислотную последовательность вариабельной области тяжелой цепи (HCVR) под SEQ ID NO: 13 и вариабельную область легкой цепи (LCVR), содержащую аминокислотную последовательность: DIVMTQSPDSLAVSLGERATINCKSSQSVLYSSNNX1NYLAWYX2QKPGQX3PKLLISWA STRESGVPDRFSGSGSGTDFTLTINSLQAEDVAVYYCQQYYSIPITFGGGTKVEIKR (SEQ ID NO: 1236), где X_1 представляет собой K или K_2 представляет собой K или K_3 представляет собой K или K_4 представляет собой K или K_5 представляет собой K или K_6 представляет собой K или K_7 представляет собой K или K_8 представляет собой K или K_9 представляет собой K_9 представляет собой K
- 4. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-3, которые содержат аминокислотную последовательность вариабельной области тяжелой цепи (HCVR) под SEQ ID NO: 13 и аминокислотную последовательность вариабельной области легкой цепи (LCVR) под SEQ ID NO: 14 или SEQ ID NO: 363.
- 5. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-4, которые содержат аминокислотную последовательность тяжелой цепи (HC) под SEQ ID NO: 15 или SEQ ID NO: 573 и аминокислотную последовательность легкой цепи (LC) под SEQ ID NO: 16 или SEQ ID NO: 365.
- 6. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-5, которые содержат две HC и две LC, где обе HC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15 или SEQ ID NO: 573, и обе LC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16.
- 7. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-5, которые содержат две HC и две LC, и где обе HC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15 или SEQ ID NO: 573, и обе LC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 365.
 - 8. Антитело, которое связывается с CCR8 человека, или его антигенсвязывающий

фрагмент, где антитело или его антигенсвязывающий фрагмент содержат аминокислотную последовательность HCDR1 под SEQ ID NO: 839, (b) аминокислотную последовательность HCDR2 под SEQ IDNO: 840, (c) аминокислотную HCDR3 SEQ IDNO: 841, (d) аминокислотную последовательность под последовательность LCDR1 под SEQ ID NO: 842, (e) аминокислотную последовательность LCDR2 под SEQ ID NO: 843 и (f) аминокислотную последовательность LCDR3 под SEQ ID NO: 844.

- 9. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 8, которые содержат аминокислотную последовательность HCVR под SEQ ID NO: 1017 и аминокислотную последовательность LCVR под SEQ ID NO: 1018.
- 10. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 8 или п. 9, которые содержат аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1125 или SEQ ID NO: 1237 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1126.
- 11. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 8-10, которые содержат две HC и две LC, где обе HC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1125 или SEQ ID NO: 1227, и обе LC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1126.
- 12. Антитело, которое связывается с CCR8 человека, или его антигенсвязывающий фрагмент, где антитело содержит:
- (а) аминокислотную последовательность HCDR1 $X_1X_2GX_4H$ (SEQ ID NO: 1233), где (i) X_1 представляет собой N, S, D, G, T или R, (ii) X_2 представляет собой C, N, Y, S или F, и (iii) X_4 представляет собой M или F;
- (b) аминокислотную последовательность HCDR2 под SEQ ID NO: 648, 654, 660, 666, 672, 678, 684, 690, 696, 702, 708, 714, 720, 726, 732, 738, 744, 750, 756, 762, 768, 774, 780, 786, 792, 798, 804, 810, 816, 822, 828, 834, 840, 846, 852, 858, 867, 873, 879, 885, 891, 897, 903, 909, 915, 921, 927, 933, 939, или 945 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей HCDR2;
- (c) аминокислотную последовательность HCDR3 под SEQ ID NO: 649, 655, 661, 667, 673, 679, 685, 691, 697, 703, 709, 715, 721, 727, 733, 739, 745, 751, 757, 763, 769, 775, 781, 787, 793, 799, 805, 811, 817, 823, 829, 835, 847, 853, 859, 868, 874, 880, 886, 892, 898, 904, 910, 916, 922, 928, 934, 940, или 946 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей HCDR3;
- (d) аминокислотную последовательность LCDR1 под SEQ ID NO: 650, 656, 662, 668, 674, 680, 686, 692, 698, 704, 710, 716, 722, 728, 734, 740, 746, 752, 758, 764, 770, 776, 782, 788, 794, 800, 806, 812, 818, 824, 830, 836, 848, 854, 860, 863, 869, 875, 881, 887, 893, 899, 905, 911, 917, 923, 929, 935, или 941 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LCDR1;

- (е) аминокислотную последовательность LCDR2 RX $_2$ X $_3$ X $_4$ RPS (SEQ ID NO: 1234), где (i) Х $_2$ представляет собой A, N, D, S или Q, (ii) Х $_3$ представляет собой S, T, N, I, F или A, и (iii) Х $_4$ представляет собой N или V; и
- (f) аминокислотную последовательность LCDR3 под SEQ ID NO: 652, 658, 664, 670, 676, 682, 688, 694, 700, 706, 712, 718, 724, 730, 736, 742, 748, 754, 760, 766, 772, 778, 784, 790, 796, 802, 808, 814, 820, 826, 832, 838, 850, 856, 862, 865, 871, 877, 883, 889, 895, 901, 907, 913, 919, 925, 931, 937, или 943 или ее вариант, который содержит 1-4 аминокислотные замены или на по меньшей мере 90% идентичен любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LCDR3.
- 13. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 12, которые содержат аминокислотную последовательность HCDR1 под SEQ ID NO: 647, 653, 659, 665, 671, 677, 683, 689, 695, 701, 707, 713, 719, 725, 731, 737, 743, 749, 755, 761, 767, 773, 779, 785, 791, 797, 803, 809, 815, 821, 827, 833, 845, 851, 857, 866, 872, 878, 884, 890, 896, 902, 908, 914, 920, 926, 932, 938, или 944.
- 14. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 12 или п. 13, которые содержат аминокислотную последовательность LCDR2 под SEQ ID NO: 651, 657, 663, 669, 675, 681, 687, 693, 699, 705, 711, 717, 723, 729, 735, 741, 747, 753, 759, 765, 771, 777, 783, 789, 795, 801, 807, 813, 819, 825, 831, 837 849, 855, 861, 864, 870, 876, 882, 888, 894, 900, 906, 912, 918, 924, 930, 936, или 942.
- 15. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 12-14, которые содержат аминокислотную последовательность HCVR, содержащую любую из SEQ ID NO: 953, 955, 957, 959, 961, 963, 965, 967, 969, 971, 973, 975, 977, 979, 981, 983, 985, 987, 989, 991, 993, 995, 997, 999, 1001, 1003, 1005, 1007, 1009, 1011, 1013, 1015, 1019, 1021, 1023, 1026, 1028, 1030, 1032, 1034, 1036, 1038, 1040, 1042, 1044, 1046, 1048, 1050, или 1052, или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей HCVR.
- 16. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 12-15, которые содержат аминокислотную последовательность LCVR, содержащую любую из SEQ ID NO: 964, 966, 968, 970, 972, 974, 976, 978, 980, 982, 984, 986, 988, 990, 992, 994, 996, 998, 1000, 1002, 1004, 1006, 1008, 1010, 1012, 1014, 1016, 1020, 1022, 1024, 1025, 1027, 1029, 1031, 1033, 1035, 1037, 1039, 1041, 1043, 1045, 1047, 1049, или 1051, или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LCVR.
- 17. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 15 или п. 16, которые содержат:
- (a) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1019, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1020;
- (b) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1021, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1022;
 - (c) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO:

- 1023, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1024;
- (d) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1026, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1025;
- (e) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1028, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1027;
- (f) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1030, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1029;
- (g) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1032, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1031;
- (h) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1034, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1033;
- (i) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1036, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1035;
- (j) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1038, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1037;
- (k) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1040, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1039;
- (1) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1042, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1041;
- (m) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1044, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1043;
- (n) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1046, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1045;
- (о) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1048, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1047;
- (р) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1050, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1049; или
- (q) HCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1052, и LCVR, содержащую аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 1051.
- 18. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 12-17, которые содержат аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1127, 1129, 1131, 1134, 1136, 1138, 1140, 1142, 1144, 1146, 1148, 1150, 1152, 1154, 1156, 1158, 1160, 1238-1254 или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей HC.
- 19. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 12-18, которые содержат аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1128, 1130, 1132, 1133, 1135, 1137, 1139, 1141, 1143, 1145, 1147, 1149, 1151, 1153, 1155, 1157 или 1159 или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LC.

- 20. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 18 или п. 19, которые содержат:
- (a) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1127 или SEQ ID NO: 1238 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1128;
- (b) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1129 или SEQ ID NO: 1239 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1130;
- (c) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1131 или SEQ ID NO: 1240 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1132;
- (d) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1134 или SEQ ID NO: 1241 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1133;
- (e) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1136 или SEQ ID NO: 1242 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1135;
- (f) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1138 или SEQ ID NO: 1243 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1137;
- (g) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1140 или SEQ ID NO: 1244 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1139;
- (h) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1142 или SEQ ID NO: 1245 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1141;
- (i) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1144 или SEQ ID NO: 1246 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1143;
- (j) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1146 или SEQ ID NO: 1247 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1145;
- (k) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1148 или SEQ ID NO: 1248 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1147;
- (1) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1150 или SEQ ID NO: 1249 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1149;
- (m) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1152 или SEQ ID NO: 1250 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1151;
- (n) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1154 или SEQ ID NO: 1251 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1153;
- (о) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1156 или SEQ ID NO: 1252 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1155;
- (р) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1158 или SEQ ID NO: 1253 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1157; или
- (q) аминокислотную последовательность HC под SEQ ID NO: 1160 или SEQ ID NO: 1254 и аминокислотную последовательность LC под SEQ ID NO: 1159.
- 21. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по п. 15 или п. 16, которые представляют собой одноцепочечный вариабельный фрагмент (scFv), содержащий аминокислотную последовательность под любым из SEQ ID NO: 1093-1124.
 - 22. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-21, которые

представляют собой антитело.

- 23. Антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-21, которые представляют собой антигенсвязывающий фрагмент антитела.
- 24. Последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-23.
- 25. Последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая аминокислотную последовательность тяжелой цепи под SEQ ID NO: 1127, 1129, 1131, 1134, 1136, 1138, 1140, 1142, 1144, 1146, 1148, 1150, 1152, 1154, 1156, 1158, 1160, или 1238-1254.
- 26. Последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующая аминокислотную последовательность легкой цепи под SEQ ID NO: 1128, 1130, 1132, 1133, 1135, 1137, 1139, 1141, 1143, 1145, 1147, 1149, 1151, 1153, 1155, 1157, или 1159.
- 27. Вектор, содержащий последовательность нуклеиновой кислоты по любому из пп. 24-26.
- 28. Клетка млекопитающего, содержащая последовательность нуклеиновой кислоты по любому из пп. 24-26 или вектор по п. 27.
- 29. Фармацевтическая композиция, содержащая антитело или антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 1-23 и фармацевтически приемлемый носитель.
- 30. Способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела по любому из пп. 1-23 или композиции по п. 29.
 - 31. Способ по п. 30, где рак представляет собой солидную опухоль.
- 32. Способ по п. 30, где рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному, трижды негативный рак молочной железы, колоректальный рак, рак поджелудочной железы или метастатический кастрационно-резистентный рак предстательной железы.
- 33. Способ по любому из пп. 30-32, который дополнительно включает введение пациенту эффективного количества антитела-антагониста PD-1.
- 34. Способ по п. 33, где антитело-антагонист PD-1 представляет собой моноклональное антитело.
- 35. Способ по п. 33 или п. 34, где антитело-антагонист PD-1 представляет собой пембролизумаб, ниволумаб или зелувалимаб.
- 36. Способ получения антитела, содержащего две НС и две LC, где способ предусматривает культивирование клетки млекопитающего по п. 28 в условиях, при которых экспрессируется антитело, и выделение экспрессированного антитела, и где:
- (а) обе HC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 15, 573, 1125, 1127, 1129, 1131, 1134, 1136, 1138, 1140, 1142, 1144, 1146, 1148, 1150, 1152, 1154, 1156, 1158, 1160, 1238-1254, или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей HC; и
 - (b) обе LC содержат аминокислотную последовательность под SEQ ID NO: 16, 365,

- 1126, 1128, 1130, 1132, 1133, 1135, 1137, 1139, 1141, 1143, 1145, 1147, 1149, 1151, 1153, 1155, 1157, или 1159 или аминокислотную последовательность, которая на по меньшей мере 90% идентична любой из вышеуказанных аминокислотных последовательностей LC.
 - 37. Антитело, получаемое с применением способа по п. 36.
- 38. Антитело по любому из пп. 1-23 или п. 37, которое является афукозилированным.
 - 39. Антитело по любому из пп. 1-23 или п. 37 для применения в терапии.
 - 40. Антитело по любому из пп. 1-23 или п. 37 для применения в лечении рака.
 - 41. Антитело по п. 40, где рак представляет собой солидную опухоль.
- 42. Антитело по п. 40 или п. 41, где рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному, трижды негативный рак молочной железы, колоректальный рак, рак поджелудочной железы или метастатический кастрационно-резистентный рак предстательной железы.
- 43. Антитело по п. 41, где рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному или трижды негативный рак молочной железы.
- 44. Применение антитела по любому из пп. 1-23 или п. 37 для изготовления лекарственного препарата для лечения рака.
 - 45. Применение по п. 44, где рак представляет собой солидную опухоль.
- 46. Применение по п. 44, где рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному, трижды негативный рак молочной железы, колоректальный рак, рак поджелудочной железы или метастатический кастрационно-резистентный рак предстательной железы.
- 47. Применение по п. 44, где рак представляет собой немелкоклеточный рак легкого, рак желудка, плоскоклеточную карциному головы и шеи, гепатоцеллюлярную карциному или трижды негативный рак молочной железы.
- 48. Способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, и одного или нескольких из биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки, агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора и антагониста пути PD-1/PD-L1.
- 49. Способ по п. 48, включающий введение эффективного количества антитела, обеспечивающего истощение количества Treg, и биспецифической молекулы, привлекающей Т-клетки.
- 50. Способ по п. 49, дополнительно включающий введение антагониста пути PD-1/PD-L1.
- 51. Способ по п. 49 или п. 50, дополнительно включающий введение агониста Т-клеточного костимулирующего рецептора.
 - 52. Способ по любому из пп. 48-51, где антитело, обеспечивающее истощение

количества Treg, представляет собой антитело к CCR8.

- 53. Способ по любому из пп. 48-51, где антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, представляет собой антитело к CCR8 по любому из пп. 1-23 или п. 37.
- 54. Способ по любому из пп. 48-51, где антитело, обеспечивающее истощение количества Treg, представляет собой антитело к CTLA-4.
- 55. Способ по любому из п. 48 или пп. 50-54, где антагонист пути PD-1/PD-L1 представляет собой антитело-антагонист PD-1.
- 56. Способ по п. 55, где антитело-антагонист PD-1 представляет собой пембролизумаб, ниволумаб или зелувалимаб.
- 57. Способ по любому из п. 48 или пп. 51-56, где агонист костимулирующего рецептора иммунных клеток представляет собой антитело-агонист 4-1ВВ.
- 58. Способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела или его антигенсвязывающего фрагмента, которые связываются с CCR8 человека по эпитопу, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток из SEQ ID NO: 82.
- 59. Способ по п. 58, где эпитоп содержит по меньшей мере два остатка из SEQ ID NO: 82.
- 60. Способ по п. 58 или п. 59, где эпитоп содержит по меньшей мере три остатка из SEQ ID NO: 82.
- 61. Способ по любому из пп. 58-60, где эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка из SEQ ID NO: 82.
- 62. Способ по любому из пп. 58-61, где эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 82.
- 63. Способ по любому из пп. 58-62, где антитело не блокирует связывание лиганда с CCR8.
- 64. Способ лечения рака у пациента, включающий введение пациенту эффективного количества антитела или его антигенсвязывающего фрагмента, которые связываются с CCR8 человека по эпитопу, где эпитоп состоит из треонина в положении 4 из SEQ ID NO: 82.
- 65. Способ по любому из пп. 58-64, где эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 или его антигенсвязывающего фрагмента с мутацией T4R в CCR8 яванского макака.
- 66. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по п. 65, где эпитоп определен с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, сравнено со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа.
- 67. Способ по любому из пп. 58-64, где эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки, связывания с комплексами пептид ССR8-нанотело и/или с помощью скрининга связывания с ССR8 с применением фагового дисплея.

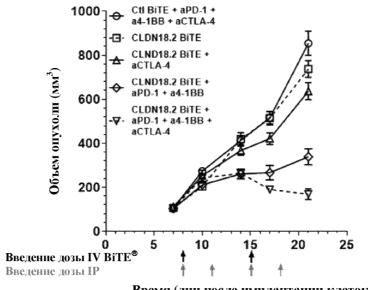
- 68. Способ по любому из пп. 64-68, где антитело не блокирует связывание лиганда с ССR8.
- 69. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент, которые связываются с CCR8 человека по эпитопу, где эпитоп содержит по меньшей мере один остаток из SEQ ID NO: 82.
- 70. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по п. 69, где эпитоп содержит по меньшей мере два остатка из SEQ ID NO: 82.
- 71. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по п. 69 или п. 70, где эпитоп содержит по меньшей мере три остатка из SEQ ID NO: 82.
- 72. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-71, где эпитоп содержит по меньшей мере четыре остатка из SEQ ID NO: 82.
- 73. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-72, где эпитоп содержит по меньшей мере пять остатков из SEQ ID NO: 82.
- 74. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-73, где эпитоп содержит по меньшей мере шесть остатков из SEQ ID NO: 82.
- 75. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-74, где эпитоп содержит по меньшей мере семь остатков из SEQ ID NO: 82.
- 76. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-75, где эпитоп содержит по меньшей мере восемь остатков из SEQ ID NO: 82.
- 77. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-76, где эпитоп содержит по меньшей мере девять остатков из SEQ ID NO: 82.
- 78. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-77, где эпитоп содержит по меньшей мере десять остатков из SEQ ID NO: 82.
- 79. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-78, где эпитоп содержит по меньшей мере одиннадцать остатков из SEQ ID NO: 82.
- 80. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-79, где эпитоп содержит двенадцать остатков из SEQ ID NO: 82.
- 81. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-80, где эпитоп содержит треонин в положении 4 из SEQ ID NO: 82.
- 82. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-81, где антитело к CCR8 не блокирует связывание CCL1 с CCR8.
- 83. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-82, где эпитоп определен с помощью эпитопспецифической сортировки.
- 84. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-82, где эпитоп определен с помощью связывания с комплексами пептид CCR8-нанотело.
- 85. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-82, где эпитоп определен с помощью скрининга связывания антитела с CCR8 с применением фагового дисплея.
- 86. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-81, где эпитоп определен с помощью связывания антитела к CCR8 или его

антигенсвязывающего фрагмента с мутацией T4R в CCR8 яванского макака.

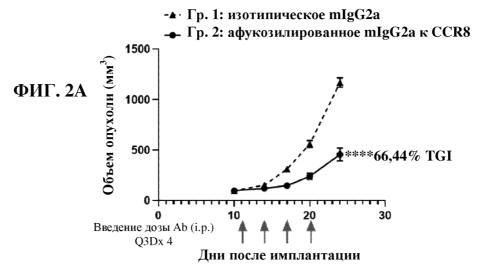
- 87. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по п. 86, где эпитоп определен с помощью клеточного анализа аффинности, где связывание антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака, содержащий мутацию T4R, сравнено со связыванием антитела с клетками, экспрессирующими CCR8 яванского макака дикого типа.
- 88. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по п. 86 или п. 87, где антитело или антигенсвязывающий фрагмент демонстрируют пониженное или невыявляемое связывание с CCR8, содержащим мутацию T4R.
- 89. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по любому из пп. 69-85, где антитело или его антигенсвязывающий фрагмент не блокируют связывание лиганда с CCR8.
- 90. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент по п. 89, где лиганд представляет собой CCL1.
- 91. Антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент или способ по любому из пп. 58-90, где антитело к CCR8 или его антигенсвязывающий фрагмент представляют собой антитело.

По доверенности

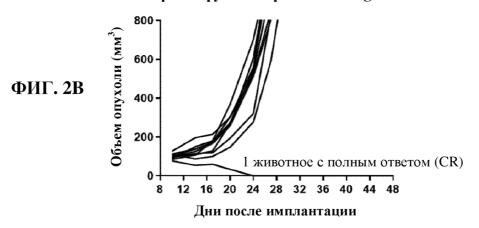
ФИГ. 1



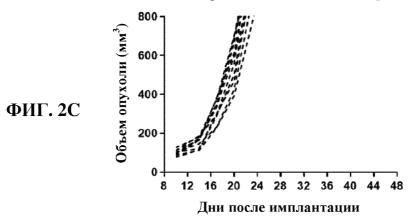
Время (дни после имплантации клеток)



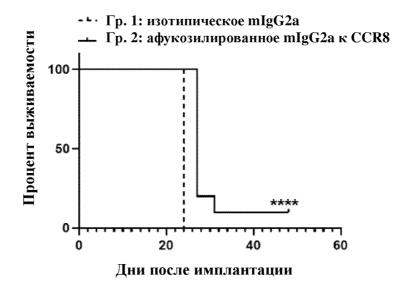
Гр. 2: афукозилированное mIgG2a к ССR8

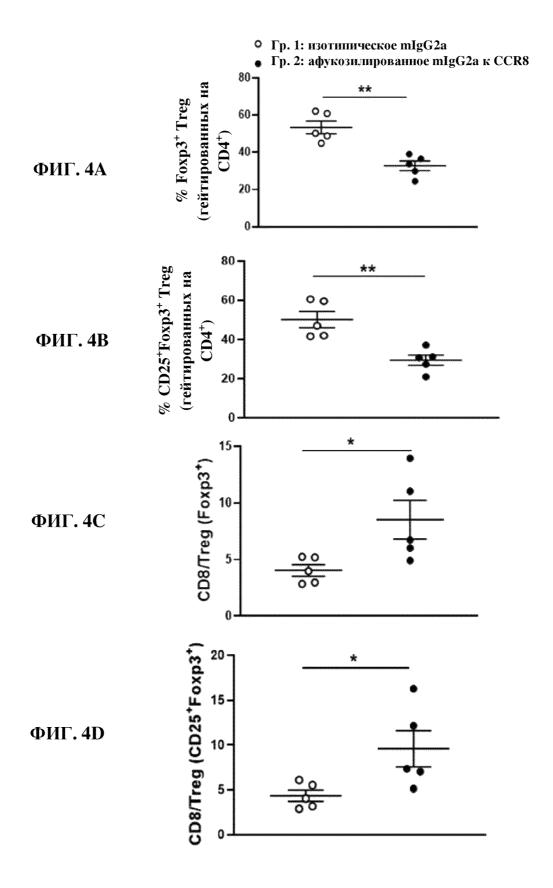


Гр. 1: изотипическое mIgG2a

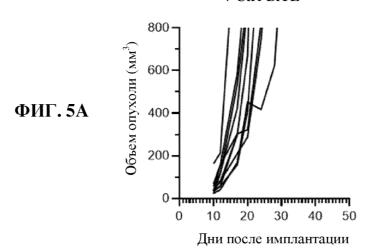


ФИГ. 3

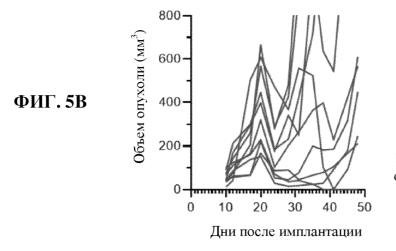




Гр. 1: изотипическое mIgG2a + Ctrl-BiTE

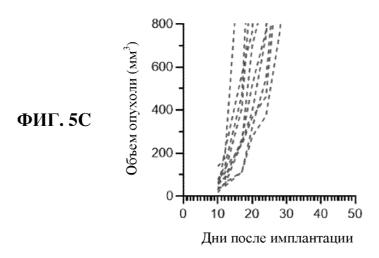


Гр. 2: TAA-BiTE + изотипическое mIgG2a



1 животное с полным ответом (CR)

Гр. 3: Афукозилированное mIgG2a к CCR8 + Ctrl-BiTE



Гр. 4: Афукозилированное mIgG2a к ССR8 + TAA-BiTE

